

08-530,11a

PCT/JP94/01916

日 本 国 特 許 庁 11.11.94
PATENT OFFICE
JAPANESE GOVERNMENT

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application: 1993年11月12日

出 願 番 号
Application Number: 平成 5年特許願第355504号

出 願 人
Applicant (s): 松原 謙一
大久保 公策

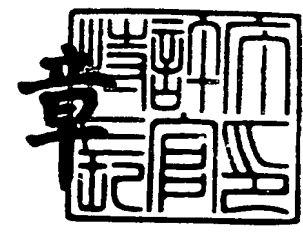
REC'D 27 JAN 1995
WIPO PCT

PRIORITY DOCUMENT

1995年 1月 6日

特 許 庁 長 官
Commissioner,
Patent Office

高 島



出証番号 出証特平06-3068714

【書類名】 特許願

【整理番号】 MB1-0001

【提出日】 平成 5年11月12日

【あて先】 特許庁長官殿

【国際特許分類】 C07H 21/00

【発明の名称】 ジーン・シグニチャー

【請求項の数】 3

【発明者】

 【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804

 【氏名】 松原 謙一

【発明者】

 【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26

 【氏名】 大久保 公策

【特許出願人】

 【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804

 【氏名又は名称】 松原 謙一

【特許出願人】

 【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26

 【氏名又は名称】 大久保 公策

【代理人】

 【識別番号】 100075258

 【弁理士】

 【氏名又は名称】 吉田 研二

 【電話番号】 03-3361-3699

【代理人】

 【識別番号】 100081503

 【弁理士】

 【氏名又は名称】 金山 敏彦

 【電話番号】 03-3361-3699

【付 人】

【識別番号】 100096976

【弁理士】

【氏名又は名称】 石田 純

【電話番号】 03-3361-3699

【手数料の表示】

【納付方法】 予納

【予納台帳番号】 001753

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【書類名】 明細書

【発明の名称】 ジーン・シグニチャー

【特許請求の範囲】

【請求項1】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA、または、その相補鎖、または、該一本鎖DNAとその相補鎖とからなる二本鎖DNA。

【請求項2】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプローブ。

【請求項3】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプライマー。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【産業上の利用分野】

本願発明は、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とハイブリダイズするDNAからなり、特に、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするためなどに必要なプローブならびにプライマーなどとして利用できるDNAに関するものである。

【0002】

【従来の技術】

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、環境

等によって異なる。

【0003】

ところで、タンパク質は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質」と「細胞に固有の機能を担うタンパク質」とに分類される。この内、「細胞の生存に必須なタンパク質」は、あらゆる種類の細胞で共通して発現しており、細胞の生存に必須なものと考えられ、「ハウスキーパー (house-keeper)」とも呼ばれている。一方、「細胞に固有の機能を担うタンパク質」は、特定の種類の細胞あるいは特定のグループに属する細胞において特異的に発現している。これを逆にいえば、「細胞の生存に必須なタンパク質」が発現することによって細胞が生存し、「細胞に固有の機能を担うタンパク質」が発現することによって細胞固有の機能が現出されているといえる。

【0004】

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内のタンパク質の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルス感染時には、ウイルス固有のタンパク質が大量に発現する。これを逆に言えば、細胞のタンパク質の発現の状態の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

【0005】

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内のタンパク質の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで、生体内の各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内のタンパク質の発現の状態を把握することが必要となる。

【0006】

このための1つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

【0007】

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内のm

RNA濃度を測定することが考えられる。しかし、特定のmRNAについては、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のmRNAが合成されているため、これらのmRNAを完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

【0008】

【発明が解決しようとする課題】

本願発明は、細胞内の種々のmRNAの合成の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染等による細胞の異常を検出または診断するために必要なプローブ、プライマー等として使用できるDNAを提供することを目的とする。

【0009】

また、本願発明は、細胞内の種々のmRNAの合成の状態を総合的または個別的に検出し、細胞の識別・同定をするために必要なプローブ、プライマー等として使用できるDNAを提供することを目的とする。

【0010】

【本願発明の原理】

一般に、遺伝情報の流れはDNA→mRNA→タンパク質の順である（セントラルドグマ、1958年、F. H. C. クリックが提唱）。即ち、DNA上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、mRNAに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

【0011】

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のmRNAの存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各mRNAの存在割合を検出することによって、細胞内の各タンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている（DNA sequence 2 p. 137-144 (1991)、Nature genetics 2 p. 173-179 (1992)）。

【0012】

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素（reverse

ranscriptase)を用いて、特定の細胞から抽出したmRNAに相補的なcDNAを合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちmRNAの存在割合が対応するcDNAの存在割合に反映するようにcDNAを合成し、cDNAライブラリーを作成することによって、全mRNAに対応したcDNA群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

【0013】

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得したcDNAライブラリーのクローニングが挙げられる。

【0014】

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来のcDNAライブラリー（米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号936206、936205又は935）から、ランダムにcDNAをクローニングし、塩基配列を決定している（Science 252 p. 1651-1656 (1991)、Nature 355 p. 632-634 (1992)）。

【0015】

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られたcDNAを無作為に配列決定しているが、この方法によれば、

- ① 1本のmRNAの様々な領域をランダムにクローニングするので、1本のmRNAから重複する部分がない多くのcDNA断片が生じ、これらのcDNA断片が同一のmRNAに由来するのか、異なるmRNAに由来するのか区別できない。
- ② mRNAが長いほどそのmRNA由来のcDNAが合成される確率が上がる。
- ③ ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、cDNAの合成頻度にばらつきが生じる。

【0016】

等の理由から、各cDNAの出現頻度は、各mRNAの存在割合に対応しないものになってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクロ

ーニングの際の各cDNAの出現頻度をとったとしても細胞内の各mRNAの存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることとは不可能である。

【0017】

しかし、本願発明者らの開発した方法によりDNAライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、mRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成している。cDNAの3'末端には「ポリAテイル (poly A tail)」と呼ばれる、Aが連続した構造が存在するので、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成すれば、必ず3'末端からcDNAの合成が開始され、3'末端側のcDNAが合成される。また、mRNAの3'末端の大半がそのmRNA独自のものであり、他の種類のmRNAには存在しないものであるので、(Brinsteil et al., Cell. 41. 349-359 (1985))、3'末端側のcDNAはほとんどが特定のmRNAのみにハイブリダイズするものとなる。cDNAを合成後、制限酵素Mbo I (4塩基を認識し切断する)でcDNAを切断すれば、3'側から最初のMbo I部位までのcDNAが作成される。なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリー」に含まれる各々のcDNAを「ジーンシグニチャー (gene signature) (以下GSと略称する) と称する。ただし、GSには二本鎖DNAばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

【0018】

【課題を解決するための手段及び作用】

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質の発現の状態を検出できるDNAであって、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA、または、その相補鎖、または、該一本鎖DNAとその相補鎖とからなる二本鎖DNAに関する。

【0019】

また、本願発明は、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプローブに関する。

【0020】

更に、本願発明は、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプライマーに関する。

【0021】

以下、本願発明をより詳細に説明する。

【0022】

本願発明のDNAは、配列番号1から6204に記載された塩基配列ばかりでなく、そのいずれかの塩基配列の一部であってもよいし、またヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA又はヒトmRNAとハイブリダイズすればその一部の塩基配列が置換、欠除もしくは、付加したものも含まれる。さらに、それらのDNAは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、該一本鎖DNAとその相補鎖からなる二本鎖DNAも含まれる。

【0023】

なお、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる（例えば、Molecular Cloning: A Laboratory Manual、Sambrookら、Cold Spring Harbor Laboratory Press、1989）。

【0024】

次に、各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映するcDNAライブラリーの作成方法および全mRNAに対応したcDNA群のクローニング方法、ならびに各cDNAの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

【0025】

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓由来細胞（HepG2）を培養し、常法に従って、全mRNAを単離する。次いで、得られたmRNAをcDNAライブラリー作成のためのベクターに挿入する。

【0026】

例えばpUC19（クローニング部位側にM13の配列を有する）には、下記の方法で挿入する。

【0027】

すなわち、pUC19をHincIIおよびPstIで開裂し、PstI切断末端に20bpから30のbp程度のポリTを付加し、そこにmRNAの3'側のポリAをハイブリダイズさせる（図1a）。そして、常法により逆転写酵素を用いてDNA鎖を伸長させた後、例えばDNAポリメラーゼにより二本鎖DNAを合成する（図1b）。得られた二本鎖DNAを4塩基を認識する制限酵素MboIで切断する（図1c）。

【0028】

MboIは4塩基認識の制限酵素であるから、挿入cDNAのポリAテールから数百塩基程度離れた位置でDNAを切断すると考えられる。そしてMboIは、本願発明者らがGenBankのデータベースから無作為に抽出した約300のヒトcDNAを例外無く切断することを確認したことから、MboIはクローニングされるcDNAのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、pUC19はdam⁺の大腸菌、例えばE. coli JM109から調製するので、MboI認識部位のアデニンがメチル化されており（G^mATCとなっており）、MboIによっては切断されない。

【0029】

次に、pUC19に導入されたMboI切断部位を有する二本鎖DNAをベクター内に組み込むために、ベクター側にMboIと同じ粘着末端を生ずるBamHIを作用させる。この場合に、BamHI（GGATCC）は、MboI（GATC）の認識塩基配列を含むため（GGATCC）、伸長された二本鎖DNAが、更に当該BamHIによって切断されることはない。

【0030】

その後、常法により上記二本鎖DNAをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばE. coli DH5へ導入してcDNAライブラリーを作成する。

【0031】

この方法によれば、mRNAの3'側ポリA上流の配列のみを含むクローンを取得することができる。

【0032】

また、得られるcDNA断片の長さが平均270bpと短いため、cDNA断片が長すぎることから生ずるcDNA合成効率の差や形質転換時の効率の差から生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本cDNAライブラリーは各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映できることとなる。

【0033】

さらに、ベクターに挿入されるcDNAが短い場合、cDNA断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることでcDNA断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、PCR法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている3'側のポリAに妨げられずに、cDNAの5'側末端から配列決定することが可能となる。

【0034】

ベクターに含まれるcDNA断片すなわち前に説明したGSの増幅は次のようにして行うことができる。

【0035】

cDNAライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターDNAを含む上清を回収し、得られたベクターDNAを鋳型DNAとしてPCR法による増幅反応に供することができる（図1d, PCR primer 1及びPCR primer 2による増幅）。

【0036】

一方、プライマーとしては、GSに接する両端のベクター配列を適宜選択し、通常の条件下でPCR法を行う。得られたPCR産物をGSの5'側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシーケンサーにかけ、塩基配列決定を行う（図1d, dye primerによるシーケンス）。

【0037】

次いで、各GSの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのGSの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

【0038】

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞（ガン由来細胞、ウイルス感染細胞など）を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞（胎児、新生児、成人由来など）、各造血球系細胞（好中球、単球など）、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞（Hep G2など）、前骨髄性白血病由来細胞（HL60など）を対象とすることができる。各細胞ごとの各GSの出現頻度について、それを図27から図297に記述した。なお図中、patent numberは各GSの対応する配列番号を、sizeは各GSの長さを、Fは各細胞における出現頻度を合計した値を表す。また、hep G2は「hep G2（肝臓細胞癌株）」、HL60は「HL60 promyelocytic cell line（前骨髄球性白血病細胞株）」、granuloは「granulocytoid（顆粒球様細胞、HL60をPMSOで刺激したもの）」、monoは「monocytoids（単球様細胞、HL60をTPAで刺激）」、40w liverは「40w liver（新生児肝臓）」、19w liverは「19w liver（胎生10週胎児肝臓）」、adult liverは「adult liver（成人肝臓）」、lungは「lung（成人肺）」、adiposeは「subcutaneous adipose tissue（皮下脂肪）」、endothelは「primary cultured aortic endothel（大動脈内皮初代培養）」、osteoblastは「osteoblast（骨芽細胞初代培養）」、colon mucosaは「co

lon mucosa (大腸粘膜組織)」、small cell carci
 . は「small cell carcinoma of lung (肺小細胞
 癌)」、retinaは「retina (網膜)」、cerebral cor
 texは「cerebral cortex (大脳皮質)」、adenoca
 rci (lung)は「adenocarcinoma of lung (肺腺
 癌)」、squamous cell ca (lung)は「squamous
 cell carcinoma of lung (肺扁平上皮癌)」、ke
 ratinocyteは「primary cultured keratin
 ocyte (皮膚角化上皮初代培養細胞)」、fibroblastは「pr
 imary cultured fibroblast (繊維芽細胞初代培養
)」、Alzheimerは「Alzheimer temporal l
 obe (アルツハイマー病側頭葉)」を表す。

【0039】

また、「Accession number of target mRNA
 」は配列を含むGenBank Release 79内の各GSとホモロジーを
 有するエントリーのアクセッション番号を、「match%」は該ホモロジーを
 有する配列とGSとのホモロジーの値を、「match size」はホモロジ
 ーを計算した領域の長さを、「match starts at (GS)」はG
 S内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5' 側からの位置を、「mat
 ch starts at (GenBank)」は、GenBankのGSに対
 応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5' 側からの位置を、
 「GenBank target size」はGenBankのGSに対応す
 る配列の全長を示す。なお、図28～図297のカラムは、図27の対応カラム
 と同一の項目で分類されている。

【0040】

また、図27から図297より、各GSを種々分類することが可能である。す
 なわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群（例えば「前骨髄
 性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群）で出現頻度が高く、そして他の細
 胞（群）では全く出現しないか、あるいはごくわずかしき出現しないGSは、「

特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0001553, GS0002047, GS0004895等）。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するGSは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0000019, GS0000155, GS0000861等）。更に、発現頻度が低いGSも見出すことができる（例えばGS0000013, GS0002399, GS0003155等）。

【0041】

上記のように配列決定したGSは、特定の細胞で発現されるmRNAの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のcDNAライブラリー中の各GSの出現頻度を調べれば、各細胞のmRNAの存在割合を知ることができるはずである。

【0042】

そこで、cDNAライブラリー中の各GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することを確認するために、取得したGSを常法により³²P標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプロープとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したmRNAに対し、上記³²P標識プロープを通常の下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、cDNAライブラリーで出現する頻度が高いGSのプロープを用いると、特定の細胞から単離したmRNAに対し濃いバンドを形成し、GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することが確認した（実施例5参照）。

【0043】

また、同様に、上記で作成した³²P標識プロープを用いて通常の下で前述のごとく作成したcDNAライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、GSの出現頻度と該GSにハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること（実施例6参照）から、各GSの出現頻度とcDNAライブラリー中のGSの存在割合が対応することを確認した。

【0044】

以上のことから、本願発明のDNAをプロープまたはPCRプライマーとして

用いれば、細胞内のmRNAの状態、ひいてはタンパク質の発現の状態を検出することが可能であることは明白である。

【0045】

具体的には、本願発明のDNAは、疾病を検出・診断するためのプローブ・プライマー、疾病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニングするためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

【0046】

本願発明のGSを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。図27～図297に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSも識別することができる。これらのGSを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。1枚のフィルターに多数のGSを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、1枚のフィルターに多数の変性したDNAを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックDNAのコスミドコンティグを1枚のナイロンフィルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane 宝酒造 Code No. 9035」などが知られている。特定の組織に特異的なGSを組織毎にまとめたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSをまとめたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターなどを作成することができる。これらのフィルターに固定した一本鎖GSに対して、被験組織から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズ

することも可能である。) また、別に、正常組織から抽出した mRNA を鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNA を直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) 予め、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンとを比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどのような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾病の検出と同様に検出することができる。

【0047】

次に、本願発明の GS を用いて、疾病の原因遺伝子もしくは関連遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、GS を変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、その GS が病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的な GS のみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違している GS が見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応する GS をまとめたフィルターを用いれば、本来はこれらの GS に対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応する GS を容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応する GS を見出せば、該 GS をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該 GS をプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

【0048】

次に、本願発明の GS を用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。図 27～図 297 に示すように、前述の方法により、各組織における GS

の出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。これらの「組織特異的GS」をフィルターに固定する。各組織に特異的なGSをまとめてブロック化して固定すれば便利である。（例えば、肝細胞特異的なGSのブロック、大脳皮質細胞特異的なGSのブロックなど。）このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。（mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なGS群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的GS」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5'上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

【0049】

ここで得られる組織特異的プロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

【0050】

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で（大半は強い強度が要求される）発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。GSが提供する組織特異的プロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

【0051】

次に上記のごとく得たGSに基づくプローブを利用して、本願発明のGSに対応するDNAを染色体にマップする方法について説明する。

【0052】

初めに、サザンブロッティングによる方法について説明する。

【0053】

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞（例えばG M 0 1 3 0 b）から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル（monochromosomal hybrid cell）を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからDNAを抽出し、これらのDNAを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかけ、次に上述のごとく作成した³²Pで標識したGSをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動したDNAとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのDNAにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のGSに対応するDNAが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のGSをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムDNAを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

【0054】

また、同様に、PCR法を用いることにより、本願発明のGSがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

【0055】

すなわち、GSの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア OLIGO4.0（National Biosciences社製）により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド（20～24mer）を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてPCR法で増幅される部分の長さは50merから100mer程度が望ましい。

【0056】

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体DNAを抽出したDNAをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のPCR法により増幅する。PCR産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該PCR産物の長さの確認を行う。

【0057】

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムDNAを鋳型として正しい長さを有するPCR産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するGSがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

【0058】

以上の操作から、本願発明の各GSに対応するDNAが、どの染色体に存在するかを確認できることが判明した。各々のGSを増幅するプライマーを用いたPCR法をヒト全ゲノムDNAを対象に行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

【0059】

【実施例】

以下、本発明の好適な実施例について説明する。なお、本発明は、この実施例に拘束されるものではない。

[実施例1]

mRNAの標品調製

標準的な手法 (Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed. (New York: Cold Spring Harbor Laboratory), vol 1. pp. 7. 3-7. 36, 1989) により、肝臓癌細胞系 HepG2 (Aden et al., Nature 282, 615-617, 1979) から、細胞質RNAを抽出した。

すなわち、10%のFCSを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したHepG2細胞を、RNA抽出緩衝液[0.14MNaCl、1.5mMMgCl₂、10mMTris-HCl(pH8.6)、0.5%NP-40、1mM DTT、1000単位/mlRNase阻害剤(Pharmacia)]中で、ボルテックスミキサーを30秒間使用して溶解させ、その後5分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、90秒間、12,000gの遠心分離により沈殿させ、上清をプロテイナーゼKで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでRNAは、イソプロパノールを使用して沈殿させ、70%のエタノールで洗浄した。最後にオリゴdTカラム分別法(Aviv et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 69, 1408-1412, 1972)を用いてポリA⁺画分を収集した。

[実施例2]

ベクタープライマーDNAの調製とcDNAライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、JM109細胞(Yanisch-Perron et al., Gene 33, 103-119, 1985)内で増幅したpUC19DNAをPst Iで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ(Pharmacia)によってポリTテールを添加して、その平均の長さを26にした。このプロセスは、³Hデオキシチミジン三リン酸(Okayama et al., Methods in Enzymology (San Diego: Academic Press), vol. 154, pp. 3-28, 1987)の取り込みにより調べられた。生成物はHinc IIによって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファローゼS-300のクロマトグラフィーによって除去した。次に、Tテールを有するプラスミドをオリゴdAカラムによって精製し、1μg/μlの濃度で、50%エタノール中に保存した。

[0060]

図1は、cDNAライブラリーの作成の概要を示している。各2μgの細胞質ポリA⁺RNA及びベクタープライマーDNAを、0.3M酢酸ナトリウムを含有する70%エタノール中で共沈させ、沈殿物を12μlの蒸留水中で溶解した。第1鎖合成のため10分間76℃で加熱変性した後、5×反応緩衝液を4μl

[250mM Tris-HCl (pH 8.3), 375mM KCl, 15mM $MgCl_2$], 0.1M DTTを2 μ l、並びに、それぞれ10mMのdATP、dCTP、dGTP及びdTTPを1 μ lずつ、37℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、200単位の逆転写酵素MMLV-H-RT (BRL) を添加し、37℃で30分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第2鎖の合成では、この反応液に92 μ lの蒸留水、32 μ lの5×E. coli反応緩衝液 [100mM Tris-HCl (pH 7.5)、20mM $MgCl_2$ 、50mM $(NH_4)_2SO_4$ 、500mM KCl、250 μ g/ml BSA、750 μ M β NAD] に、それぞれ10mMで3 μ lのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、15単位のE. coliリガーゼ (Pharmacia)、40単位のE. coliポリメラーゼ (Pharmacia) 並びに1.5単位のE. coli RNase H (Pharmacia) を添加し、これを16℃で2時間インキュベートした。反応混合物を、65℃で15分間加熱後、それぞれ20単位のBamHI及びMboIを添加し、37℃で1時間インキュベートした。再度65℃で30分間加熱した後、1×E. coli反応緩衝液で1mlに希釈し、100単位のE. coliリガーゼを添加した。得られた混合物は、16℃で一晩インキュベートし、この反応物を用いて、E. coli DH5のコンピテント細胞 (Toyobo) を形質転換した。形質転換細胞は、アンピシリン耐性に従って選択した。その結果、「3' MboI cDNAライブラリー」が作成された。

[実施例3]

cDNAインサートのPCRによる増幅

プラスミドを有するE. coliコロニーを、125 μ lのLB培地 (Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York: Laboratory), 1980) が入った96穴のプレートに接種し、37℃のチャンバー内で24時間培養した。96穴用ピン式レプリカ培養装置 (Sigma) を使用して各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを作製し-80℃で保存した。一晩37℃で培養した後、これらレプリカの

各ウエルから50 μ lの培養菌液を、ポリカーボネート96穴プレート (Technique) に移した。細菌は、Omni spin H4211ローター (Sorvall) により、1500 rpmの回転速度で5分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を50 μ lの水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、95℃、30分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを3600 rpmの回転速度で30分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。

【0061】

5 μ lの上清を20 μ lの蒸留水に添加し、ミネラルオイル層下で10分間、95℃で保温した。次に、変性された分離物は、70℃で各プライマー5 pmol、それぞれ5 nmolのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、並びに1.25単位のTaq DNAポリメラーゼ (Cetus) を含む、25 μ lの2×反応混合物 [40 mM Tris-HCl (23℃でpH 8.9)、3 mM MgCl₂、50 mM KCl、200 μ gゼラチン/ml] を70℃で加えて、PCRに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ (PJ1000、Perkin Elmer Cetus) か96穴プレート (PHC-3、Technique) のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ96℃で30秒、55℃で1分間、72℃で2分間を35サイクル繰り返した。

【0062】

なお、この方法では、PCR反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測T_mが60℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

【0063】

即ち、市販されている24量体プライマーと同じプライマーであるFW (-47) 及びRV (-48) のプライマーの組；塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー (21量体) であるFW (-40) とRV (-29) のプライマーの組；さらに3' 末端におけるトリプレットの配列がFW (-40) の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーであるRV (-71) 及びRV (-14

) プライマーが試験された (図 2 A)。

【0064】

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した (図 2 B, アーティファクト生成物は矢印で示した)。これらのアーティファクトは、プライマー濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

【0065】

しかし、SW (-40) 及びRV (-14) の組からは、アーティファクトが生成されなかった (図 3)。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可能な結果が得られることが判明した。任意に抽出した cDNA クローンでも同様の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全て SW (-40) 及びRV (-14) の組を用いた。

【実施例 4】

DNA 塩基配列決定

PCR 反応生成物を、攪拌しながら、リポアフィルター (VS0.025 μ m) により、TE (10 mM Tris · HCl (pH 8.0)、1 mM EDTA) に対して 90 分間滴下透析した。直径 150 mm のフィルター 1 個で、48 個のサンプルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマーを使用して、サイクルシーケンスプロトコール (Applied Biosystems, 1991) に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシシチジン塩基配列決定反応では、2 μ l の透析後の PCR 反応生成物 (約 0.2 pmol の鋳型 DNA) を、0.4 pmol の FAM M13 (-21) プライマー (Applied Biosystems) Tris-HCl (160 mM, pH 8.9) 溶液に、40 mM (NH₄)₂SO₄、10 mM MgCl₂、50 μ M dATP、12.5 μ M dCTP、75 μ M 7-deaza-dGTP (Boehringer Mannheim Biochemicals)、50 mM dTTP 及び 0.8 単位の Taq ポリメラーゼ (Perkin Elm

er Cetus)を含む $3\mu\text{l}$ の反応混合物に加え、サーモサイクラー (PHC-3、Techne 英国) を使用して、 $15+15$ (95°C 30秒、 60°C 1秒、 70°C 1分及び 95°C 30秒、 70°C 1分) の反応サイクルを行った。他の3種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオキシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、同じやり方で並行して行った (TMRA、JOEおよびROXの各プライマーは、それぞれApplied Biosystemsによって提供された)。4サンプルのセットを 4°C まで冷却し、プールした後に、エタノールで沈澱させ、ホルムアミド/50mMEDTA (V/Vで5/1) の溶液 $6\mu\text{l}$ 中に懸濁させ、シークエンスゲルにロードし、DNAオートシーケンサー (モデル373A ver 1.0.1, Applied Biosystems) で解析した。

[実施例5]

cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映

3' 領域cDNAライブラリーが、HepG2細胞中のmRNA集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされたクラスから4つのcDNAクローン (EP-1 α 、 α -1-アンチトリプシン、hnRNPコアタンパク質A1及びインター α -トリプシンインヒビター) のインサートを放射標識し、これらをHepG2細胞からのポリA⁺mRNAのノザン解析におけるプローブとして使用した。

(結果は、図4A-Dに示され、Fに要約されている。) 4つのmRNA種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々52、24、1及び1.2 (Fのレーンiii) であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、8,800クローンから成る同じcDNAライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した (図4e)。

[0066]

クローンの頻度は、307、128、7及び9で、即ち、相対比率は、それぞれ、44、17、1及び1.3であった (f内のレーンiv)。これら2種類の推定値は一致し、このcDNAライブラリーがmRNA集団の分布に偏りのない

標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したmRNAの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

【0067】

なお図4は、3' 指向cDNAライブラリー中のcDNAクローンの出現頻度とmRNAの組成の一致を示す図である。そのうち図4AはHepG2細胞から得られた2 μ gのポリA⁺RNAを、エチジウムブロマイド(5 μ g/ml)を含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン1-4で電気泳動にかけたものにUV照射し写真撮影した図である。レーン5は、サイズマーカー(Kb)として使用したRNAラダー(BRL)を示したものである。図4Bは以下の³²P標識の3' 特異的cDNAプローブを使用して、ノザンプロットを行った結果である。各レーンにはEF-1 α (レーン1)、 α 1-アンチトリプシン(レーン2)、HnRNPコアプロテインA1(レーン3)、インター- α -トリプシン・インヒビター(レーン4)がロードされている。また図4Cは2%アガロースゲル中で、非標識のcDNA断片、即ち、延長因子-1 α (レーン1)、 α 1-アンチトリプシン(レーン2)、HnRNPコアプロテインA1(レーン3)、インター- α -トリプシンインヒビター(レーン4)をそれぞれ1pmolずつ電気泳動させ、写真撮影した図である。図4Dは同じ放射活性プローブセットを使用した、図4Cからプロットしたフィルターのサザン解析である。レーン5は、基準1kbラダー(BRL)の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普通記録を、Bに関しては8時間、Dに関しては1時間の時点で作成した。各バンドにおける放射能は、シンチスキャナー(β -603; Betagen)で直接測定し、Fの第1行と第2行に記載した。観察されたバンドの強度は、図4Dのバンドの強度(Fの第2行の値)を基準として補正し、さらにプローブ3(HnRNPコアA1, レーン3)の値を1としてノーマライズした(Fの第3行の値)。これらの値は、mRNAの元の標品の各mRNA種の相対的含有量を表している。図4Eは4つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、3' 指向cDNAライブラリーの8,800コロニーが含まれている膜を用いたコロニーハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がFの第4行に記載され、その値はプローブ3(HnRNPコアA1, レーン3)の値を1としてノーマラ

イズした（Fの第5行の値）。なお図4のB、D及びE中の各数字は、（F）内の各プローブ番号を表している。図4 Fにおいて、第3行の値と第5行の値すなわち（i i i）と（v）の間に顕著な一致が見られることがわかる。

〔実施例6〕

cDNAライブラリーの構成比

cDNAライブラリーの組成を更に解析するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされた配列グループ（グループI）と1回だけクローニングされた配列グループ（グループII）から、それぞれ7個と10個のクローンを選択し、これらのインサートをコロニー・ハイブリダイゼーション用の放射標識プローブとして使用した（図6）。各々のグループIプローブとハイブリダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プローブを含むcDNAがクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約3.5%～約0.1%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ52%が173種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されていると推定された。一方、グループIIの中からの8プローブを試験した結果、スクリーニングされた26,400中に18のポジティブ・コロニーが識別され、ハイブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は0.007%であった。2つのプローブは、26,400個のコロニー中のいずれに対してもハイブリダイズせず、平均頻度は0.004%未満となった。従って、グループIIの10プローブとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループIの最低頻度より数桁低い結果となった。

【0068】

結果を図5にまとめた。3'領域HepG2 cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の出現頻度を示すものである。この図5において、7個のcDNAプローブ（a15からtb042）は重複してクローニングされたグループ（グループI）中の162のcDNAから、また、10個のcDNAプローブ（S155からs632）は一回だけクローニングされたグループ（グループII）中のcDNAから無作為に選ばれた。カラムA、BまたはCについて、各cDNAは放射標識し、982個（A）、8,800個（B）あるいは26,400個

(C) のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプロープとして用いた。なお、NTは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている17個のクローンのDDBJエントリー名は、HUM000A15、HUM000C321、HUM00TB038、HUMHM01B02、HUM0C13A04、HUMHM02D02、HUM00TB042、HUM000S155、HUM000S159、HUM000S639、HUM0005170、HUM000S154、HUM000S167、HUM000Sb45、HUM000S647、HUM000S632である。

【実施例7】

塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをPCR法により増幅し、次いでTaqポリメラーゼを使用してサイクルシーケンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち60のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から1～100bpにおける確度は98.7%であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほとんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

【実施例8】

PCRを用いた各GSのマッピング

<cDNA配列>

cDNAライブラリーは、DMSO処理されたHL60細胞のmRNAから作製された。3'領域cDNAライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例1～4に示した方法と同じである。

<PCRプライマー>

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアOLIGO4.0(ナショナルバイオサイエンス)で行われ、分子間もしくは分子内の2次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列

のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。DNAオリゴマーは、40 nmolスケールで自動DNA合成機（モデル394、Applied Biosystems）によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでPCRプライマーとして使用した。

<ゲノムDNAの調整>

ヒトゲノムDNAは正常な核型を有するリンバ芽球様細胞系GM0130bから採取した。

【0069】

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムDNAは、Clontechから購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常使用されている公知のものを用いた。即ち、第3, 4, 9, 11, 12, 13, 15及び22染色体並びにY染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体ハイブリッド細胞に含まれていて、第1, 2, 5, 6, 7, 8, 10, 11, 12, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20及び21染色体並びにX染色体はヒト・マウス単一染色体ハイブリッド細胞A9シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、in situハイブリダイゼーションによって行った。

<PCRによる増幅>

PCRは、標準的なプロトコール (Saiki et al., Science 230, 1350-1354, 1985) に従って行った。全量を20 μ lとし各10 pmolのプライマーを用い、Perkin-Elmer 9600サーマルサイクラーにより、94℃で30秒、アニーリング温度で60秒、72℃で90秒、を35サイクル行った。アニーリング温度はプログラムOLIGOによって算出された“optional annealing temperature”によって決定した。

<PCR産物の分析>

PCR産物は300Vで1時間、非変性8%ポリアクリルアミドゲル（アクリルアミド：ビス-アクリルアミド=19：1，厚さ1mm）で泳動し、続いて、

0. 25 μ g/ml エチジウムブロマイドを含んだ90mM Tris-ホウ酸、2mM EDTA緩衝液に1.5分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、10bpのDNAラダー(BRL)と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機(FM-BIO, HITACHI Software Engineering)を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

<PCR産物の分析結果>

顆粒球様細胞から得られた3'領域DNA中のGSのうち、GenBank Release 76にエントリーされている配列とマッチしなかったGS 195個を選び、次いでPCR用のプライマーを設計した。

【0070】

この195セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムDNAを鋳型としてPCR増幅を行った。195個のプライマーセットの中で、191個(98%)は、予想したサイズと5ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図6～図10にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

GS ; ジーン・シグニチャー

CN ; クローン名

Chromosomal position ; 各GSがマップされた染色体番号

Sequence of primers ; プライマーの配列 (Sense ; センス鎖, Anti-sense ; アンチセンス鎖)

AT ; アニール温度

HO ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の実際の塩基長

HE ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の予想塩基長

MO ; マウスゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

CO ; チャイニーズハムスター・ゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

G ; 顆粒細胞様細胞(DMSO処理HL60)のcDNAライブラリーにおける1000個のクローン分析後のGSのヒット数

T ; DMSOあるいはTPAによる誘導の有る無しのHL60細胞の3つの
cDNAライブラリーから得られた全3000個のクローン分析後のG
Sの総ヒット数

疑問符号（“？”）は、PCR産物が明白なバンドを生じないことを表す。

【0071】

“M”及び“C”は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのDNAを
鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

【0072】

cDNA配列から無差別にPCRの鋳型となるサンプルを選んでも、PCRの
全般的成功率は191/195（98%）であったことから、この実験で使用し
たcDNAライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及
びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、cDNA配列中
のイントロンの存在によって生じるPCR失敗の可能性は、GSを用いて実験す
る場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のpolyA
に近い3'領域にはほとんど存在しないからである（wilcox et al.
., Nucleic Acids Res. 19, 1837-1843, 1991）。このことは、ランダムプライマーによるcDNAライブラリー（Adam
s et al., Science, 252, 1651-1656, 1991）
あるいは5'領域cDNAライブラリーから得られた断片的なcDNA塩基配列
の利用と比較しても、非常に有利である。

【0073】

<GSの染色体へのマッピング>

ヒトの全DNAからのPCR産物を生成した191個のプライマー対は、単一
染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってcDNAの部分配列がいずれの染色体に
存在するかを知るために用いられた。少なくとも119個は1つの染色体にマッ
プされることが判明した。一例として、図11に示されているGS001418
は第3番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が
得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割
り当てられた。一例としてGS001457のパターンが図12に示されている

。62個(33%)のクローンが2つ以上の異なった染色体で期待通りのPCR産物を生成した。35例(18%)では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムDNAと区別がつかない大きさのPCR産物を生成した。これらのうち21のクローンは、マウスやチャイニーズハムスターのDNAと区別のつかない産物を生成した。10のGSは、ヒトの全ゲノムDNAからの予期されたPCR産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルDNAによる期待のPCR産物は生成しなかった。この10のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。HepG2cDNAライブラリーから得られた5つのクローンについては、サザンブロット分析でも解析された。5つのクローンのうち4つはPCRの結果と一致した(GS000053, GS000120, GS000271, GS000279)。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらY染色体に割り当てられた1つのクローン(GS000228)は、PCRによって第11染色体にマップされた。

【0074】

[実施例9]

サザンブロッティング法を用いた各GSのマッピング

<細胞株>

全ヒトゲノムDNAはヒトの正常の核型のリンバ芽球状細胞株GM0130bより単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図15に示した。Koiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-yは鳥取大医学部のM. Oshimura博士により名付けられ、3世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS)の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞細胞をビオチン化したヒト全DNAをプローブにしたin situハイブリダイゼーション(Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Genet. 11, 57

1-577, 1985) により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11, 12, 15染色体は各細胞株 $\Lambda 9$ (neo-11)-1, $\Lambda 9$ (neo-12)-4, $\Lambda 9$ (neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927 Λ , GM10868, GM11418によるものもある。

【0075】

＜ゲノムDNAの単離とサザンブロッティング＞

高分子量DNAは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム (SDS) とプロテネース Kを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。DNAは制限酵素EcoRI, BamHI, BglIIの内の2つを組み合わせて一晚切断し、そのうちの約5マイクログラムを0.8%アガロースゲル中で電気泳動し、ハイボンドN+メンブレン (Amersham) に0.4N水酸化ナトリウムでトランスファーした。メンブレンは2xSSC中で濯ぎ、4℃で保存した。

【0076】

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。それらのクローンのcDNAの挿入部分をPCRで増幅した。PCR産物は2%低融点アガロース (ヌーシブ: シーブラーク、3:1) 中の電気泳動により分離した後切り出した。アガロースはゲルを65℃で溶かして、ベーターアガラゼ I (Bio-Labs) を用い40℃1時間で消化して除いた。プローブは市販のキット (Amersham) を用いたランダムプライミングにより [α - 32 P] dCTPで標識した。ハイブリダイゼーションは65℃で6xSSC, 1xデンハルト溶液、0.5% SDS, 超音波破碎をかけて変性させた0.1mg/mlのサケ精子DNAを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは2xSSC, 0.1% SDS中で65℃で30分間洗った後、0.1xSSC, 0.1% SDS中で65℃で30分間洗い、フジBAS-2000イメージアナライザーを用いて解析した。

【0077】

<ゲノムDNAを用いた解析>

実施例1、実施例2に記載した3'末端を持つHepG2由来のcDNAライブラリーから公知でないGS160クローンを選別しサザンプロットのプローブとして用いた。

【0078】

ヒトの全ゲノムDNAは正常の核型を持つGM0130b細胞株より単離し、制限酵素EcoRI, BamHI, BglII単独あるいはその組合せで切断した。プローブとして用いたGSクローンは3'末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ(A)と最も近いMboI部位(GATC)の領域を含み(Okubo, K. et al., Nature Genetics, 2, 173-179, 1992)、BamHI, BglII部位を持たない。加えて、平均の長さは270塩基対なのでcDNA部分にEcoRI部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160クローンのうち7クローンしかEcoRI部位を持っていなかった。

【0079】

切断したヒトのゲノムDNAをトランスファーしたメンブレンを、放射標識したGSプローブでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコードする領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3'末端領域は一般に固有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションはそのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイブリダイゼーションの結果の例は図13から図14に示してある。クローンs503とs632(図13のa, b; junk)は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67クローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、GS配列の制限酵素部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311(図13のc; GS000092)はEcoRI単独およびEcoRI+BamHIの切断DNAに対して単一のバンドを示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては2本の異なった大きさのバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するGSの解析が可能になった。同様の結果はクローンc13a08(図13のd; GS000055)で得られた。このクロー

ンではEcoRI単独およびEcoRI+BamHIの切断DNAでは2本のバンド、EcoRI+BglII, BamHI+BglIIでは4本のバンドがみられた。一方、クローンs479ではEcoRI単独では4本のバンドがみられたが、EcoRI+BglII, BamHI+BglIIではバンドの数が減少した(図14のe; GS000180)。これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数明らかにするためには、いろいろな方法でDNAを切断すべきであることを示している。我々の解析から41, 10, 7, 19個のクローンが各々2, 3, 4, 5本以上のバンドを含むことが示された。クローンs14f01とtw1-46(図14のf, g; GS000407とjunk)は各レーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI部位は2つのGS配列に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存在することを表していると考えられる。クローンkmb07は厳しい条件でよく洗った後でもスメアのパターンを示しており(図14のh; junk)、このプローブはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。

【0080】

<染色体へのマッピング>

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた(図15)。13の細胞株はKoiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)によって確立されたマイクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMSより得た。ビオチン化した全ヒトDNAを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図15に示してある。

【0081】

GSはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。3種類のメンブレンを調製した。各々のメンブレンはハイブリッド細胞より調製したDNAを持っており、EcoRI単独、EcoRI+BamHI, BamHI+BglIIで切断してある。これら3種類のメンブレンの中で、全ゲノムのサザ

ンプロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各GSプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図16から図22に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02 (GS000152; 図16) はEcoRIで切断した全ヒトDNAで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(lane H)、それに対応するバンドはヒトの第4染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのGSは第4染色体上に位置する。

【0082】

クローンs650 (GS000041; 図17) は、EcoRI+BamHIで切断したメンブレン上で特有の7.5kbのバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI単独で切断したDNAではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3, 4, 9, 13, 22にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb)は、チャイニーズハムスター中の相同なDNA配列を表し、他のレーンの3.3kbのバンドはマウス中の相同なDNAを表す。

【0083】

クローンhm01e01 (GS000181; 図18) はEcoRI単独で切断した全ヒトDNAで2本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン1と2で見られた。従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの2本の染色体上に位置している。

【0084】

図19はクローンc13a08 (GS000055) がBamHI+BglIIあるいはEcoRI+BglIIで切断した全DNAに対して4本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRI単独あるいはEcoRI+BamHIで切断したヒトDNAでは2本しかバンドはみられない。従って、BamHIとBglIIとで切断したDNAのパネルをこのクローンに用いた。2本のバンド(12.3kb, 7.5kb)がレーン7に見られ、5.2kbのバンドはレーン2、3.2kbのバンドはレーン17に見られた。チャイニーズハムスター

DNAとクロスハイブリダイズする2本のバンド(6.0 kb, 3.8 kb)はレーン3, 4, 9, 13, 22にみられ、マウスのDNAとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5 kb)は他のレーンに見られた。

【0085】

クローンs479 (GS000180; 図20)はEcoRIで切断した全ヒトDNAに対し4本のバンドを示した。EcoRIで切断したDNAのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5 kbのバンドがレーン7, 19に、8.5 kbのバンドがレーン8に、7.8 kbのバンドがレーン11, 12に、3.5 kbのバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7, 8, 11, 12, 19染色体中に分散している。この中で、10.5 kbと7.8 kbのバンドは2つの大きさの重なったDNA断片よりなる。レーンHにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常のバンドよりも濃い。レーンH中及びレーン11中の3.5 kbのバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

【0086】

クローンs173 (GS000094)はEcoRIで切断した全DNAで5本のバンドを示す(図21)。4本のそれに対応した断片は4.5 kbのバンドの一つをレーン1に含んでいた。もう一つの4.5 kbのバンドはレーン4でみられ、レーンH中のバンドが重複していることを示している。さらに、濃い3.1 kbのバンドがレーン17でみられた。

【0087】

クローンhm01g02 (junk; 図22)は全DNAと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表しているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマッピングはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

【0088】

160種類のGSについての全ゲノムDNA解析及び染色体へのマッピングの

結果を図23～26に要約した。4種類の異なった切断を行ったヒトDNAを用いた全ゲノムDNA解析から、67クローンが1本のバンドのグループに、41クローンが2本のバンドのグループに、10クローンが3本のバンドのグループに、7クローンが4本のバンドのグループに、19クローンは5本以上のバンドのグループに分類された。9クローンは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

【0089】

2本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて2つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンs317を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。3本のバンドのグループのクローンs308(GS000412)とs401(GS000224)は、2本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02(GS000209)とs17a10(GS000294)は異なった染色体上に位置することを示した。4本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。

【0090】

以下、本願発明に係るGSの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「HUMGS.」は、GSナンバーを表わす。

【0091】

【配列表1】

配列番号： 1
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00001
 配列：
 GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTCCAG GGCTTCCCAG AAGTCTGTGC GACTAGCCCC 60
 TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT 100

配列番号： 2
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00002
 配列：
 GATCTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGT ACCTTTNTTC CCAAATTTCA 60
 TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN 100

配列番号： 3
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00003
 配列：
 GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60
 CAGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA 100

配列番号： 4
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00004
 配列：
 GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTGGGTATC TGCTGTTTAC AGCTCTCCAC TGTAATCCGA 60
 ATACTTTGCC AGTGCCTAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC 100

配列番号： 5
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00005
 配列：
 GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60
 CACCGAGGGA ACAACTCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAAT 100

配列番号： 6
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00006
 配列：
 GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTTAAGGTTG GTTACNNATA 60
 ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATTAATT TCTGGGCAGT 100

【0092】

【配列表2】

配列番号： 7
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00007
 配列：
 GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60
 TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA 100

配列番号： 8
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00008
 配列：
 GATCGCTTCC TAGAAATAAG CAACACCTCT CCCAAAAAGC AGCCCACAAG GCAGGGGCCA 60
 GCAGCCCAGC CATCACTCAT CTTNAGGAA ATNAGTTGGT 100

配列番号： 9
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00009
 配列：
 GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAATAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTAA 60
 GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA 100

配列番号： 10
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00010
 配列：
 GATCAGGGGA GACCCCAACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60
 ATAATGTCTT GTCACGTGAA ATATTTAAGT ATATAGTATA 100

配列番号： 11
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00011
 配列：
 GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
 GAAATAGAAG TAAAAAAGAA ACAACTCCA AACCTAGAAG 100

【0093】

【配列表3】

配列の長さ:12
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00012
 配列:
 GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTTGCCA GAGATGTTTG GTTTATATGG 60
 TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAAGTG 100

配列番号: 13
 配列の長さ:100
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00013
 配列:
 GATCTAATGG AAGCAAGCCA ACTGTGTAGC ATGGACTCGA AAGCAAATAT TGTACATGGT 60
 CTATCAGTCT TGGAAATCTG TCTTATAATA GCAATGAAAC 100

配列番号: 14
 配列の長さ:100
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00014
 配列:
 GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAAATA CTTTTCTAAA TGTAGTGCCT TTAAGGAAA 60
 AATGAACACA GGAAGTGAC TTTGCTACAA ATAATGTTGC 100

配列番号: 15
 配列の長さ:100
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00015
 配列:
 GATCGTNCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AAAGTCTGGAG 60
 CCTAGAGCAG CAGCTCAGCG CTTCTATGGG AAGCGGTCTC 100

配列番号: 16
 配列の長さ:100
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00016
 配列:
 GATCAGCCCA GAGGAATGCT GAGAAATCAC CTGGAGGAGG GAGCAGAAAG AGAAGGTTTT 60
 TAAGGAGGGG CTTCTGAATA CTTGGGAGAT ACGGAACGGA 100

配列番号: 17
 配列の長さ:100
 配列の型:核酸
 トポロジー:直鎖状
 クローン名:HUMGS00017
 配列:
 GATCAAAACA GTCTCACCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAAGAAA 60
 AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTTAA GGAAGTGACA 100

【0094】

【配列表4】

配列番号： 18
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00018
 配列：
 GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60
 CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC 100

配列番号： 19
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00019
 配列：
 GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGCTGATGCT 60
 GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG 100

配列番号： 20
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00020
 配列：
 GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
 AATGTATTTT AAACACATAT CGTTTCTTTT TCTTGAAAAA 100

配列番号： 21
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00021
 配列：
 GATCTGGTAC GAGTGTGTGA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
 AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCCACC 100

配列番号： 22
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00023
 配列：
 GATCGATACA TGCAAATTTA ATGTAGTAAC TCACITTTCC ATATATTTT AATGTATATT 60
 TCTATTTATG AATACCAATT TATAAAAAAT AATTACACAG 100

配列番号： 23
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00025
 配列：
 GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAAATA CTTTNCATAA TGTAGTGCCT TTAAAGGAAA 60
 AATNAACACA GGAAGTGAC TTTNCTACAA ATAATGTTGC 100

【0095】

【配列表5】

配列番号： 24

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00026

配列：

GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTTAC 60
TGGTATATTT GGTCACTCTT AGAACCTGTC CTTACATAT 100

配列番号： 25

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00028

配列：

GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA 100

配列番号： 26

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00029

配列：

GATCTACACT TGGATGGATG CAACTTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60
CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNC 100

配列番号： 27

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00030

配列：

GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATTATN GTTTTCAAAT 60
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA 100

配列番号： 28

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00031

配列：

GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATC CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA 100

【0096】

【配列表6】

配列番号： 29
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00033
 配列：
 GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTCTGT TGCCAAACTT TCCATTGAGA 60
 GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT 100

配列番号： 30
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00034
 配列：
 GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
 GGACGCCAAC ACCTTGGCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC 100

配列番号： 31
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00036
 配列：
 GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAC ATTTGCATAT 60
 TCAGGAATGC ATGAGATTTC AAGAGAGCCT ACAGTATGAA 100

配列番号： 32
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00037
 配列：
 GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTTCA TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60
 GATTTAGTTT TCATATCCTA TACATAGCTG TATAGATTTT 100

配列番号： 33
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00038
 配列：
 GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60
 AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAAGTG TCTAAGTCT 100

配列番号： 34
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00039
 配列：
 GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CCCAGGCTCT 60
 TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GCCTCAGCTC 100

【0097】

【配列表7】

配列番号：35

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00040

配列：

GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTINGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC 100

配列番号：36

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00041

配列：

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAATAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTAA AAGNNAGGTT 100

配列番号：37

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00042

配列：

GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAT GTAAAAACCC TGCTAAATGA 60
CTTATTGATT AAGTATATCT ATCTATATAT ACATATACAC 100

配列番号：38

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00043

配列：

GATCGAAAGG CACTCCATGA GCTAAACTG GAAGAGTGA AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60
GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG 100

配列番号：39

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00044

配列：

GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60
GAAAATGGAA GCAATAAAGG CTAAACAAGC AGAAGCCATC 100

【0098】

【配列表8】

配列番号： 40
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00045
 配列：
 GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTCTGCAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60
 TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA 100

配列番号： 41
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00046
 配列：
 GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60
 TTCTAAGTGG TAAGAATGAC CTGTCACAT AATATACTGT 100

配列番号： 42
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00047
 配列：
 GATCATTGAC ATGGCATTAA ACTGTAATAA ACTTGCCCTG GGGGCCCTTT TTTAAAAAAC 60
 AAAAACCACA AAAATTCCCA AACCATACTT GCTAAAAATT 100

配列番号： 43
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00048
 配列：
 GATCACTGTA AANNACCTCC CTNTGGCCG CTCTGTGGAT GAGACTTTGA GACTAGTTCA 60
 GGCCTTCCAG TTCACTGACA AACATGGGGA AGTGTGCCCA 100

配列番号： 44
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00049
 配列：
 GATCAGTTTT CHTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60
 TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTCC TGTCTGTNCT 100

配列番号： 45
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00050
 配列：
 GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGCGGGGGC TGAGTAAATN 60
 CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA 100

【0099】

【配列表9】

配列番号： 46
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00051
 配列：
 GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTTT TAATTAAAG CTTACTCTGT 60
 CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT 100

配列番号： 47
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00053
 配列：
 GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
 TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTT TTTCTTATAG 100

配列番号： 48
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00055
 配列：
 GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60
 CATCTAAGAG AGAGGTTAAT CACACTATAG AGGCATAAGT 100

配列番号： 49
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00056
 配列：
 GATCAAATCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60
 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT 100

配列番号： 50
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00057
 配列：
 GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60
 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT 100

【0100】

【配列表10】

配列番号： 51
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00060
 配列：
 GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60
 CGGCTGGGGC TCGGGGTGCT GGATTAGGC AGCCCCAAC 100

配列番号： 52
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00061
 配列：
 GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTAGG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTGAGAA 60
 AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC 100

配列番号： 53
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00062
 配列：
 GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60
 CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG 100

配列番号： 54
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00064
 配列：
 GATCTATCAC CCAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60
 AAACCTGGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG 100

配列番号： 55
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00065
 配列：
 GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60
 TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA 100

配列番号： 56
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00066
 配列：
 GATCAGTTNC GTGTCCGCG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60
 TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGGCAGC 100

【0101】

【配列表 1 1】

配列番号： 57

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00067

配列：

GATCGTTGGG GAACCCAGC CCCTTGAAC TTGGAAGACC CGTGTTCCT GGACCGCGAA 60
TNAGTGTGTT GGGCATCAGT GTTTTCTGCA AGGGTTGTGA 100

配列番号： 58

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00068

配列：

GATCAGAGAC TGCAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60
CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG 100

配列番号： 59

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00069

配列：

GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60
CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA 100

配列番号： 60

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00070

配列：

GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GCGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60
CCCCACTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN 100

配列番号： 61

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00071

配列：

GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60
ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT 100

【0102】

【配列表12】

配列番号： 62
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00072
 配列：
 GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60
 ACATAGCCAC CATTTTTTCC AAGCCTGGGC ATGGGTGGGG 100

配列番号： 63
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00073
 配列：
 GATCCGTCAC TCTTCCTGT GGTAACTCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTTATGTC 60
 TCTTGTATG TCTTAGCAG AGTTCTGAC ATGTGGTAGG 100

配列番号： 64
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00074
 配列：
 GATCTTTTTC CATCCAGCAG TGGAGTTAG TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60
 TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCTGGGC AAGGTGCCTG 100

配列番号： 65
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00075
 配列：
 GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60
 CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA 100

配列番号： 66
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00076
 配列：
 GATCCTGGAG GTCTTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAACAC CTTGGCTTGT 60
 TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC 100

配列番号： 67
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00077
 配列：
 GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTGAAGCT 60
 AAACCCATAT GCAAAGACCA TGGCCCGGAA CACCATTCTT 100

【0103】

【配列表13】

配列番号： 68
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00078
 配列：
 GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60
 AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGT TTGGTAA 100

配列番号： 69
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00079
 配列：
 GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60
 GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG 100

配列番号： 70
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00080
 配列：
 GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AAGACACCCC AAGTGGTTTG 60
 GNAAGNAGG AGGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG 100

配列番号： 71
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00081
 配列：
 GATCTGCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTTACAAGT GGCAC TTCAA TGAGACGGTG 60
 CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG 100

配列番号： 72
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00082
 配列：
 GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGT TTGAGAT GCTATGTGCT 60
 CTCCCCAAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA 100

【0104】

【配列表14】

配列番号： 73
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00083
 配列：
 GATCAGAATC ATTAAAAAAT ATTTTGTGTT AGTAAGTTG AAGATTTCNN GCTTTNAGGC 60
 CTTTCCTATT TTGTCCCAT TATTTTINCA GGCAATCTT 100

配列番号： 74
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00084
 配列：
 GATCTCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTTC CCCTTCCAN CTCTTCCTAC 60
 CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGT 100

配列番号： 75
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00085
 配列：
 GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAGTTA GTCTACTCTT 60
 AAGCCATCTT GGTAATTTC CCCAACAGTG TGAAGTTAGA 100

配列番号： 76
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00086
 配列：
 GATCACATTG TAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTT ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60
 AGTTATACTC TGTTCGNAC ATCATAATGC TGGTTTTCT 100

配列番号： 77
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00087
 配列：
 GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60
 TTTGGTAACT AGGTCTACAG GTTNCATTT TTCTGTGTTA 100

配列番号： 78
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00088
 配列：
 GATCTACCGA CTCACCTGTG AGAATATTT TCACAGATTA TCTTTGGGCC TTTTCATTAG 60
 AAAGCTGTTT GTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC 100

【0105】

【配列表15】

配列番号： 79
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00089
 配列：
 GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60
 ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC 100

配列番号： 80
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00090
 配列：
 GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60
 ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTTATGAT 100

配列番号： 81
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00091
 配列：
 GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTC CATAGCCATG TGCTTGTCCC 60
 TGTGCTCCCA CGGTTCCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCAC 100

配列番号： 82
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00092
 配列：
 GATCTTCCTT TTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTT 60
 TTCCCTCCAC CTCCACCCCT TTCTTTCTTT CTCTCTCTGA 100

配列番号： 83
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00093
 配列：
 GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGCAGGTG 60
 CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC 100

【0106】

【配列表 16】

配列番号 : 84
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00094
 配列 :
 GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
 GCTTTTGAAG AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG 100

配列番号 : 85
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00095
 配列 :
 GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAAH AAAAAATTGG 60
 AACCTGAGAA GGGGGTCTG GGGTCCCCGG GGGCCACCGT 100

配列番号 : 86
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00096
 配列 :
 GATCGAAAGA TTTATACCCA GACAAGCACA CCTAAGCAGC TGCTGCAGAA ATTCAAAGTT 60
 CAAGGTGAAC CTGTCTCAAA CATTACAGAA AACACACAG 100

配列番号 : 87
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00097
 配列 :
 GATCACTTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCA 60
 TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA 100

配列番号 : 88
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00098
 配列 :
 GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
 AGCGGCCCCCT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT 100

配列番号 : 89
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジ : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00099
 配列 :
 GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
 TATCCATTTA TCTTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT 100

【0107】

【配列表 17】

配列番号： 90

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00100

配列：

GATCAACCCA CAGAACAAAG CGGATTTCCA AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTGTGTCATG 100

配列番号： 91

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00101

配列：

GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA 100

配列番号： 92

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00102

配列：

GATCCGAGGA GGCAGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAACTCA TCCTCTTCCC CAGGAAGCCC 100

配列番号： 93

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00103

配列：

GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGTT TCTCATTAAC 60
CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACTTG 100

配列番号： 94

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00104

配列：

GATCTTTTCC CCTGGCCAAA GGGAAGTTGT ATTAGTCTGT GACATCTTGT GATGCTGTTT 60
ATCTTGGTTT GACATTGGAG ATACGCTAGT AACTGTGATA 100

【0108】

【配列表18】

配列番号： 95

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00105

配列：

GATCTTTGAT AGTTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60
ATAAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTITGTTTC 100

配列番号： 96

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00106

配列：

GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60
CAAAATNACTT TGTAGCCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA 100

配列番号： 97

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00107

配列：

GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60
AAGTTTTGTT TCGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA 100

配列番号： 98

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00108

配列：

GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TCGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60
GGAGTCTACT CTTTATCTTG TGTGAGACT TCGTGGTGGT 100

配列番号： 99

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00109

配列：

GATCCTCATG AATGACTATC CTAATTTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTGC TGGGTTTATT 60
CGTGCTGGTT CATCGNGAGT NAGANGCCTG CCTTGCTGTT 100

【0109】

【配列表 19】

配列番号： 100
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00110
 配列：
 GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAAC TACAGAATTTA CAAAAAAGGA TACTCAAACC 60
 AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG 100

配列番号： 101
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00111
 配列：
 GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
 CTCTCCGGG NCACAGAGCA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA 100

配列番号： 102
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00113
 配列：
 GATCTTTGAA ACCTTGCTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60
 TGCCTAGAAT TTTCAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA 100

配列番号： 103
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00114
 配列：
 GATCTGTCCA GGGTATTAAC ATGTCAGGGC TGAGTGTCTT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
 CAAGAACCAG TTGTTTTTGT CTTGCGGGTC TGTCAGGGTT 100

配列番号： 104
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00115
 配列：
 GATCTGTCTC TGCTGTTTAA CTTTATTGGA TTAATCAGCT GGTTCAACT CTACTGCGAA 60
 ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTCTT CTTTCACTGG 100

配列番号： 105
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00116
 配列：
 GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
 TGCTGTGACC ATGTTTATNA TAATCTCAAA GGAGAAAAAA 100

【0110】

【配列表20】

配列番号： 106
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00117
 配列：
 GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
 GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT 100

配列番号： 107
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00118
 配列：
 GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TCGTCTTTC CACTTGCTGT 60
 TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATGTGGATG CATACCGAAA 100

配列番号： 108
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00119
 配列：
 GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTTC ACAGAACTGG 60
 TGTGAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC 100

配列番号： 109
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00120
 配列：
 GATCAGCAGG GAGTTNATTT GAGGACATCA GTCACCTTNG GGGTTGCCAT GTACAATGAG 60
 ATTTATAATC ATGATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAAGA 100

配列番号： 110
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00121
 配列：
 GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60
 TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC 100

【0111】

【配列表21】

配列番号： 111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00122
 配列：
 GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60
 GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCCC CTCTCAANCC 100

配列番号： 112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00123
 配列：
 GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCCG TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60
 AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT 100

配列番号： 113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00124
 配列：
 GATCCTCCCT ATCAAGCACT AAAAAAGTTG AACCATTATA CTTTATATCT GTAATGATAC 60
 TGATTATGAA ATGICCCCTC AAATCATTG CAGCAGATAA 100

配列番号： 114
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00125
 配列：
 GATCTCTGTT TTGTTGTTGA AAATTCATTT GTATACITTT GTTTTNACT AGGACTTCAT 60
 GTTTTTTNAAGGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA 100

配列番号： 115
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00127
 配列：
 GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAAACT GGTTTATTGT 60
 GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA 100

配列番号： 116
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00128
 配列：
 GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNNAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60
 CTCTGTGAAC TGCAGCCTGG AGCCAAATNT GTCTGTGGCA 100

【0112】

【配列表22】

配列番号： 117

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00129

配列：

GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCGCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60
GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA 100

配列番号： 118

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00130

配列：

GATCTCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60
TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG 100

配列番号： 119

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00131

配列：

GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60
GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCTGGCA 100

配列番号： 120

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00132

配列：

GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60
AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA 100

配列番号： 121

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00133

配列：

GATCTTCCA CAACACCACA GGACTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60
GCAGTCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC 100

【0113】

【配列表23】

配列番号：122
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00134
 配列：
 GATCCCCCT CTCAGGGCG ATCAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60
 GAGTTCATAG TTGAAAACT TGTGCCCTTG TATAGTGTCC 100

配列番号：123
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00135
 配列：
 GATCTTCATG CCCTGGGTTC TGCCCGCAGC GACCCCATC TCTGTAACIT CCTGGAGACT 60
 CACITCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTATC AAGAAGATGG 100

配列番号：124
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00136
 配列：
 GATCTGAGCT GAATTGGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTAA ACTTCAATGA 60
 AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT 100

配列番号：125
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00137
 配列：
 GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA HNAAGAAGAC 60
 AGAAGAAGAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC 100

配列番号：126
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00138
 配列：
 GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAAT 60
 CCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT 100

配列番号：127
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00139
 配列：
 GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCTT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60
 ACAGAACACC TGGGCTGCG GGAACAGCCT CGGTACGGCT 100

【0114】

【配列表 24】

配列番号： 128
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00140
 配列：
 GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCTT 60
 CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGA 100

配列番号： 129
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00141
 配列：
 GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60
 CCACTTTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCCTAG 100

配列番号： 130
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00142
 配列：
 GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60
 GTTGAATGTT TATATGTTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC 100

配列番号： 131
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00143
 配列：
 GATCAAAGAA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TGTNACCCTG 60
 AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTTTCAT TTGATTTTTC 100

配列番号： 132
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00144
 配列：
 GATCTCTGTA GATATTCTGT TTTATTTTGG TCATCTTTAG AAGTTATCAG GAATGTGTTT 60
 AAAACAAGAA GAGAACTTTT CTAAGGAATG ATACATAGAA 100

【0115】

【配列表25】

配列番号: 133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00145
 配列:
 GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60
 TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTAAAA 100

配列番号: 134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00146
 配列:
 GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60
 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA 100

配列番号: 135
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00147
 配列:
 GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAAA TNAGAGTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60
 TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG 100

配列番号: 136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00148
 配列:
 GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAGA CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60
 GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATTC 100

配列番号: 137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00149
 配列:
 GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTTAAACACA 60
 CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGAAG 100

配列番号: 138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00150
 配列:
 GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTGC AAATCCACCT GTCAGGACGC 60
 CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT 100

【0116】

【配列表26】

配列番号：139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00151

配列：

GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60
AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCGG GNCAAGGTCC 100

配列番号：140

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00152

配列：

GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60
TAATGTCTGG ATTATCCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTTCA 100

配列番号：141

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00153

配列：

GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60
CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAACATA TAGATGACGG 100

配列番号：142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00154

配列：

GATCAGAGGC ACAAGTNCAG AGGCTGTGGT CATGCGGAAC ACTCTGTTAT TTAAGATGGC 60
TATCCAGATA ATCCTGAACA CTGTGTATTT ATTTAATTTA 100

配列番号：143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00155

配列：

GATCAAGTTT AAATGACTGT NCTGCCCTT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60
CGGGCCTGCC TTTCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA 100

【0117】

【配列表27】

配列番号：144
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00156
 配列：
 GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAT 60
 TTNCCGTCTT ATTTCATTTT TGTAACAGTT GATATCTGGC 100

配列番号：145
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00157
 配列：
 GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNH 60
 NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT 100

配列番号：146
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00158
 配列：
 GATCATTGAA CGACACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAAGATG 60
 TTAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT 100

配列番号：147
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00159
 配列：
 GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60
 AAGCATTTCC AATNAACCAT GGTGAACTA GTGATGAAAC 100

配列番号：148
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00160
 配列：
 GATCTTACTG CTTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTHATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60
 TTGATTTTTC AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTNCA 100

配列番号：149
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00161
 配列：
 GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTAAAC 60
 AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC 100

【0118】

【配列表28】

配列番号：150

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00162

配列：

GATCTTGGAC AGCGTGGGTA TNGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60
GCTGAATGGA AAAACATTG AAGACGTCAT TGCCCAGGGT 100

配列番号：151

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00163

配列：

GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGNGT AAATNTTGAG CCTTTTGGC CTGGCTTATT 60
TGCAAAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC 100

配列番号：152

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00164

配列：

GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GCTTTATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA 100

配列番号：153

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00165

配列：

GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCAGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA 100

配列番号：154

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00166

配列：

GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTCA AATCTTTGGC TGCCTTGGCC AGTAGGAGGC 60
GACACGAAGG ATTTNCTGCT GCCTTGGGGG ATGGGAAGGA 100

【0119】

【配列表29】

配列番号：155
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00167
 配列：
 GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCTTATG CTGGACTTTT 60
 AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT 100

配列番号：156
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00168
 配列：
 GATCACCACG GTTTTCAGCC ATGCTCAGAC AGTGGTTCTT TGTGTAGGT GTTCAACAGT 60
 GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA 100

配列番号：157
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00169
 配列：
 GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNA TGTAAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTCAA 60
 AAGTCAAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG 100

配列番号：158
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00170
 配列：
 GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
 TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC 100

配列番号：159
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00171
 配列：
 GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
 TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA 100

配列番号：160
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00172
 配列：
 GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTTATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGC TCGGCTTGTN 60
 AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAATGTGA AATGTCAACC 100

【0120】

【配列表30】

配列番号： 161
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00173
 配列：
 GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
 AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG 100

配列番号： 162
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00174
 配列：
 GATCTACTGG ACTTTTTTTTT TGCAGGAAGT GCATTCTCTG GTCCTTCCCT ATTTNCTGTC 60
 CTGGATGTCA GTGCAGTGCA CTGCTACTGT TTNATCCACT 100

配列番号： 163
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00175
 配列：
 GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTTNATG 60
 TTGCTTAACT GTTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTAA 100

配列番号： 164
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00176
 配列：
 GATCTCTCTA GCTTTGTCAAT AGTTATGTGA TTTTCCTTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
 TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC 100

配列番号： 165
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00177
 配列：
 GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60
 CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATNNATGTN AAATGCCAG 100

【0121】

【配列表31】

配列番号: 166
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00178
 配列:
 GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTTCCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60
 CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG 100

配列番号: 167
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00179
 配列:
 GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60
 CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTCAGAAG 100

配列番号: 168
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00180
 配列:
 GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTAATTCCAC TTATAATACT TGTGATTGGG CAGGTTTGTG 60
 GAAATTCAAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAAATG 100

配列番号: 169
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00181
 配列:
 GATCAAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60
 TCAACAAATC AAGCAACTG GAATCAAGGG GAGGGGGAAG 100

配列番号: 170
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00182
 配列:
 GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60
 ATGTTGAAAA AAAACCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA 100

配列番号: 171
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00183
 配列:
 GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCATCACTAT GTTTTGGGTG GATTGCCTAG 60
 GAAAGCAAGT CATATGGCCA TTGATAGTTC TCATGTAATT 100

【0122】

【配列表32】

配列番号： 172

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00184

配列：

GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNAA AAGAGAAGAN 60
AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC 100

配列番号： 173

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00185

配列：

GATCGAGCTC GCCTATGAGC AAGTGGNAAN GGCCTCAAAT AAGCCNTCC TGGGACTCCC 60
TCAACCCCT CCATTTTTTC CACAAAGGCC CTGGTGGTTT 100

配列番号： 174

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00186

配列：

GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60
AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAAGTT 100

配列番号： 175

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00187

配列：

GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTACACA 60
CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC 100

配列番号： 176

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00188

配列：

GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60
AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT 100

【0123】

【配列表33】

配列番号：177
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00189
配列：
GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60
NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT 100

配列番号：178
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00190
配列：
GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60
TTGAGCATTI TTAAGGGAGT GGCCTCATT CACTAGAGAC 100

配列番号：179
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00191
配列：
GATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTITGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTTGGT GAGTTCTGCA 60
CATTTCCCTT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG 100

配列番号：180
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00192
配列：
GATCAAAATA ACCCTCGTAA AAATATATGT ANGGGGTACA CAAAGTAAGC CTCTTTATGA 60
AACAATTGAG GATAATNATG TGAAGGTTT TAATGATGAT 100

配列番号：181
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00193
配列：
GATCAGGCCC AGGAAGGGCA CAGGGGCTGA GCACTACAGA AGTCACATGG GTTCTCAGGG 60
TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA 100

配列番号：182
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00194
配列：
GATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCGT CATTCTCAC AGGACAGAAG 60
CAGAGTGGGT GGTGCTTATG TTTGACAGAA GGCATTAGGT 100

【0124】

【配列表34】

配列番号：183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00195

配列：

GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA TTAGCAACAA TGTACATTAA TTTTGGATTT 60
TCATTTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT 100

配列番号：184

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00196

配列：

GATCAAAACN GATTTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60
GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG 100

配列番号：185

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00197

配列：

GATCCAGATG ACCGTGGTNG TTGGGGTATA TCTCCTCGAG GAGCTGGTTA CACCTTTGGG 60
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA 100

配列番号：186

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00198

配列：

GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTTGAG 100

配列番号：187

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00199

配列：

GATCGGTTTT TGTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTGTCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC 100

【0125】

【配列表35】

配列番号：188
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00200
 配列：
 GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
 TTGAGGAAAA CAGTTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCAGTGA 100

配列番号：189
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00201
 配列：
 GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTTAG TGTAATGTG ACTTNTNGAA 60
 CTGTATGAGT ATTTTAAGAT TATTGAGTA AAGTAAAGTTT 100

配列番号：190
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00202
 配列：
 GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTTTT TTGTGTTTT TAAAGGAATA 60
 TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT 100

配列番号：191
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00203
 配列：
 GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTGCTNA CGAGTATTIN ACGTTAACAT 60
 AATTGAAAAAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAATNATG 100

配列番号：192
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00204
 配列：
 GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60
 CTTGGGGACA ATTCATCGGA GCTGCCCTGA GCACTGGCTG 100

配列番号：193
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00205
 配列：
 GATCTCTGAG CTGCCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60
 TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT 100

【0126】

【配列表36】

配列番号： 194
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00206
 配列：
 GATCTACATG AGANGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60
 TTTTCTNGGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG 100

配列番号： 195
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00207
 配列：
 GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60
 GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGCTAA AGTCCTTTGT 100

配列番号： 196
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00208
 配列：
 GATCATTCTC TAGCAGTNTN CTCCTCACCT CAGCTGAGCT CCTTTGAAAA GTAATTCAAG 60
 GGACTATGTC ACTCAGCCTC ATTTGCTGGA CCAAATCTGG 100

配列番号： 197
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00209
 配列：
 GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTTN CTTTAAATCA 60
 GCCCACCTTT TGA CTCCCCG CCCGCCCAA TCCATTATNT 100

配列番号： 198
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00210
 配列：
 GATCCAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCCTA CATTGACTCC 60
 TGGCCTACAT CAGCCAAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGA 100

【0127】

【配列表37】

配列番号：199
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00211
 配列：
 GATCTAAAAA AAATTCAGAA GAAATATGAT GAAAGGAAAA AGAATGCCAA AATCAGCAGT 60
 CTCCTGGAGG AGCAGTTCCA GCAGGGCAAG CTTCTTGCGT 100

配列番号：200
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00212
 配列：
 GATCGGCGGC GCGCAGAACC GCTCCTACAG CAAGCTGCTG TCGGGCCTGC TGGCCGAGCG 60
 CCTGCGCATC AGCCCGGACA GGTCTACAT CAACTATNAC 100

配列番号：201
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00213
 配列：
 GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60
 CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA 100

配列番号：202
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00215
 配列：
 GATCTGCCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60
 TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTGTCAGT ATGCTATAAA 100

配列番号：203
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00216
 配列：
 GATCAACCTG AGCGTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGGCTCATTG ACATCTGCAT 60
 GAAGCTGGAG GAGGGCAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC 100

配列番号：204
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00217
 配列：
 GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
 ATCTAACATT ACCATTACAG TTAAATGAAG TTTCTCATA 100

【0128】

【配列表 38】

配列番号： 205
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00218
 配列：
 GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
 ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAAACC AAAGAACCAA 100

配列番号： 206
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00219
 配列：
 GATCCAAATN AGGAAAGACG GCGCCACTAC AATGGAGAAG CATATNAGGA TGATGAACAT 60
 CATCCAGAG GTGGTGTTC GTGCAGACC TCTTAATGGG 100

配列番号： 207
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00220
 配列：
 GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCT CCACAGCATT 60
 CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA 100

配列番号： 208
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00221
 配列：
 GATCTGGAAT TGGACATTTT TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60
 CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG 100

配列番号： 209
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00222
 配列：
 GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTC AGCCCTTCCT 60
 GCCGAGAAAT CTTNTAAATT TCAACCTACC TTTAAAAATA 100

【0129】

【配列表39】

配列番号: 210
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00223
配列:
GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTHCC AAGTGAACAG 60
CTCGGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC 100

配列番号: 211
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00224
配列:
GATCGATTCT TGTATATTAG ATTTTATCTC TTTCTGTATC TATAGGTAAA TCTCAAGGGT 60
AAAATGTTAG GTGTTGACAT TGAGAACCCCT GAAACCCCAT 100

配列番号: 212
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00225
配列:
GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60
TACAGCCTTT GGNHCNNTTG TTTCCATTTT TTAATATCT 100

配列番号: 213
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00226
配列:
GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 60
TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTAC ATACAATGTA 100

配列番号: 214
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00227
配列:
GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTTNCTACA TAGATACTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT 100

配列番号: 215
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00228
配列:
GATCAAAACA AACAAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTTCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAT ACAGATAAAC 100

【0130】

【配列表40】

配列番号： 216
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00229
 配列：
 GATCTGACAA GTTAGCAATC CAGATGTATA AGTACTAGGC AGAAGCCAAT TTTAAAATTT 60
 CCTTGAATAA TCCATGAAAG GAATAATTCA AATACAGATA 100

配列番号： 217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00230
 配列：
 GATCGGCAAG CCCACACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTTNATGC CATTCTAAG 60
 ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG 100

配列番号： 218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00231
 配列：
 GATCAGATTG GGTCCCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60
 CGATATGCTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC 100

配列番号： 219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00232
 配列：
 GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60
 GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA 100

配列番号： 220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00233
 配列：
 GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60
 TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAAACT GGCTAATGCT 100

【0131】

【配列表41】

配列番号： 221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00234
 配列：
 GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTACAGG TCAGTTGAGG 60
 CAAAAACTA TGGGTTTTT CAGGTGAACC TCCCCATT 100

配列番号： 222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00235
 配列：
 GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTG AAATGCCAGA ATGACTTCTN ACATTCCAAG 60
 TTTTTCACAA AATATATTT ATCTGTGATT AGCCATTG 100

配列番号： 223
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00236
 配列：
 GATCCAAAHN ATGACTTCAG AAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60
 TATGGAACAC CTCAAAACT GGTAGAATCT GAGTGTCTTC 100

配列番号： 224
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00237
 配列：
 GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60
 AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG 100

配列番号： 225
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00238
 配列：
 GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60
 GTCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC 100

配列番号： 226
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00239
 配列：
 GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTAAAAAT 60
 AACCTGTCTT TTTTTTAAT GTTAAACAGT AAATNCCAGT 100

【0132】

【配列表42】

配列番号： 227

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00240

配列：

GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60
GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT 100

配列番号： 228

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00241

配列：

GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60
ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA 100

配列番号： 229

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00242

配列：

GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60
GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT 100

配列番号： 230

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00243

配列：

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60
GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC 100

配列番号： 231

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00244

配列：

GATCAGCAAG CAGGAGTATG NCGAGTCCGG CCCCTCCATC GTCCACCGCA NAATNCTTCT 60
AGGCGGACTA TGAATTAGTT GCGTTACACC NNTTCTTGAC 100

【0133】

【配列表43】

配列番号: 232
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00245
 配列:
 GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60
 TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCTT 100

配列番号: 233
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00246
 配列:
 GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60
 TCCATCCCGC CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA 100

配列番号: 234
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00247
 配列:
 GATCTGCGAC CATTCTCTGA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60
 CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG 100

配列番号: 235
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00248
 配列:
 GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGAAGAT GAACACTTGA GGACTTCAGC 60
 TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG 100

配列番号: 236
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00249
 配列:
 GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAATTTG AACTCTAGAA 60
 TTGCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT 100

配列番号: 237
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00250
 配列:
 GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTAATGTGAA AATTTGGTAG TAAATTTNCA 60
 TTTGATATTA CATATAAATA TCTGAATATA AATAATTTNA 100

【0134】

【配列表44】

配列番号： 238
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00251
 配列：
 GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60
 TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC 100

配列番号： 239
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00252
 配列：
 GATCTCCGTT CCGCTCCCAG CGGCTCCAGT GTAAATTCCC CTTCCCCCTG GGGAAATGCA 60
 CTACCTTGTT TTGGGGGGTT TAGGGGTGTT TTTGTTTTTC 100

配列番号： 240
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00253
 配列：
 GATCAGAATT GGCAGCACAN AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60
 CGCCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA CGAAAAATA 100

配列番号： 241
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00254
 配列：
 GATCATCTTT CCTNTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
 GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAATA 100

配列番号： 242
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00255
 配列：
 GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60
 TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTAA ACCTGCCCTA 100

【0135】

【配列表45】

配列番号： 243
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00256
 配列：
 GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACACTGCT TTATTCTCCA AAGAATATTG 60
 GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG 100

配列番号： 244
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00257
 配列：
 GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACCTC TGTGGCCACC 60
 ACCTCCTGCT CTTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT 100

配列番号： 245
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00258
 配列：
 GATCTTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60
 TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAATGTA 100

配列番号： 246
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00259
 配列：
 GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60
 TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT 100

配列番号： 247
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00260
 配列：
 GATCAACTTA ATTCCTTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCCTCT 60
 TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGHNATAAT 100

配列番号： 248
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00261
 配列：
 GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60
 TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTCACATC ANATACCACT 100

【0136】

【配列表46】

配列番号： 249

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00262

配列：

GATCCATCTG CCTTGTGGC TGCTGCCCCT GTGGCTGCTG CCACCACAGC TGCTCCTGCT 60
CCTGCTGCAN CCCAGCTAAG GTTGAAGCCA AGGAAGAGTC 100

配列番号： 250

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00263

配列：

GATCCCATTG GAAGGAATGC TCTACCTCAC AGAACTCTGA ACCCTACAGA AATATGGGCC 60
TGCTGCCATT TCCTGAAGAC CGGGGCATCG GGGTGGGGTG 100

配列番号： 251

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00264

配列：

GATCCTCAAC TATTGAAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60
TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT 100

配列番号： 252

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00265

配列：

GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60
CTGCCCATGT GGTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC 100

配列番号： 253

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00266

配列：

GATCAAATAT CACTAAATAC TTTAAATTGT TTCACTTAA GAGTCTAATC TGGGCCGTTT 60
TCAATTCATA GTAGTATATG TGTAATCTAA GCTCTTCAGA 100

【0137】

【配列表47】

配列番号：254
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00267
 配列：
 GATCACCTTG GTGTTCTTG TTTGGAAGAT TATTTCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60
 CCAGTTGGCA TTTGCTGAA GTTGATTGA AACAATTTAA 100

配列番号：255
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00268
 配列：
 GATCCAAGAA AACGCCAC TGCCTTAACC TTAAGTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC 60
 TGTATTTTT AAAGTGCTGG GGCAACAAA GNANCCCCAA 100

配列番号：256
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00269
 配列：
 GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAAGTCA AATGTAGCAG 60
 ACTCTCCCG GAATAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT 100

配列番号：257
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00270
 配列：
 GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTT CTCGTTTCN GTCCAACAAC 60
 TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTACCCCT TTCCACCTT 100

配列番号：258
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00271
 配列：
 GATCTAAGAT GATTATTTG TAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60
 TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTCTTTGT TTTTACTTG 100

配列番号：259
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00272
 配列：
 GATCTGCCAG CAGTGTCTT GCAATATGAG GAAGACAGT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
 ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCA GCCGTCTTC 100

【0138】

【配列表48】

配列番号： 260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00273
 配列：
 GATCTATCAC CTGTCATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTCAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60
 AGACAAATGG GACTGATGTC ATCTTGAGCT CTTCAATTTAT 100

配列番号： 261
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00274
 配列：
 GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
 TCAATTTTCG AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG 100

配列番号： 262
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00275
 配列：
 GATCAGATTT TNCATTTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
 AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT 100

配列番号： 263
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00276
 配列：
 GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60
 GCAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT 100

配列番号： 264
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00277
 配列：
 GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTTCTGTTG AACTTGGAAC 60
 ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC 100

【0139】

【配列表49】

配列番号：265
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00278
 配列：
 GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 50
 ATACAATAAT TTTTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC 100

配列番号：266
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00279
 配列：
 GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT 50
 AAATATCCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT 100

配列番号：267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00280
 配列：
 GATCCCTGGG ACCAACCACA TCCTCAGCTT CTCCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 50
 CAGACCGACG TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA 100

配列番号：268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00281
 配列：
 GATCTGTAA AAAAGAAATC TGTTCACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGCTGAAA 50
 ATGAATTCAG ACTTATTAAA TGATGAACCT GTTAAATCTT 100

配列番号：269
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00282
 配列：
 GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 50
 GAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC 100

配列番号：270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00283
 配列：
 GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAATTTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 50
 CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT 100

【0140】

【配列表50】

配列番号：271

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00284

配列：

GATCCTGAGA ACTTGGGAAT TCCTTGTAAC TGGAGCTCGG AGCTGCACCG AGGGCAACCA 60
GGACAGCTGT GTGTNCAGAC CTCATGTNTT GGGTTCTCTC 100

配列番号：272

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00285

配列：

GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCCT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA 100

配列番号：273

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00286

配列：

GATCAAGATA TTAATAATNC GGATTTATCT TTCCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAAATCCTT 100

配列番号：274

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00287

配列：

GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTGA AGGACAGAAC AATNACTCCA 60
TGATGAATCT CCCTTTCTCT GCCTTCTGAG CACCGTCTT 100

配列番号：275

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00288

配列：

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG 100

【0141】

【配列表51】

配列番号： 276
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00289
 配列：
 GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGC AAAGTGC ACGATATATA GTGAATTNG CTCTAAAAGA 60
 GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTITTGTAC AGTGCCTGCC 100

配列番号： 277
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00290
 配列：
 GATCTGGCAC TGTGGGTTCC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60
 CCACITCCCC GTTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT 100

配列番号： 278
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00291
 配列：
 GATCTGATT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAAGATTACA CTATCTGGAT 60
 TAATAGTTTC TTCATACTCT GCATATAATT TGTGGCTGCA 100

配列番号： 279
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00292
 配列：
 GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCGTCTG GTAGCTGACC CTCGTGCTG 60
 CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC 100

配列番号： 280
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00293
 配列：
 GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60
 AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA 100

配列番号： 281
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00294
 配列：
 GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60
 CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC 100

【0142】

【配列表52】

配列番号：282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00295

配列：

GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60
GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATGAA 100

配列番号：283

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00296

配列：

GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCTGTTC 60
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG 100

配列番号：284

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00297

配列：

GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60
AGGTGTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC 100

配列番号：285

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00298

配列：

GATCACATGA TTTTGTCTCT CAGTTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTT AATGTTCTGT 60
TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTTCACTA 100

配列番号：286

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00299

配列：

GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60
GGTTAAAAAT TAGTATGAAT TTTTAGCTT CTAAATGAAT 100

【0143】

【配列表53】

配列番号：287
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00300
 配列：
 GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAATNAAT 60
 CTGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA 100

配列番号：288
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00301
 配列：
 GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAAT 60
 GCACCTTGTG GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC 100

配列番号：289
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00302
 配列：
 GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCTAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60
 TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA 100

配列番号：290
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00303
 配列：
 GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTA CTGTCCTA GCTGGAAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60
 ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTAT 100

配列番号：291
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00304
 配列：
 GATCITTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60
 AAGAGTCCAC TCTGCACTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG 100

配列番号：292
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00305
 配列：
 GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCCTC 60
 ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG 100

【0144】

【配列表54】

配列番号： 293
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00306
 配列：
 GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60
 TGGACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATCG 100

配列番号： 294
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00307
 配列：
 GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTTTATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60
 GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCC 100

配列番号： 295
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00308
 配列：
 GATCATTCTT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTGCTCG CAGTATCCNA 60
 GAATCTTTGT GCTCTCGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCAT 100

配列番号： 296
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00309
 配列：
 GATCTTGTAG AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAACAAAA GTTTGGTTTT 60
 TGGAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT 100

配列番号： 297
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00310
 配列：
 GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGA TTCCTGCCCC AACCAAACCG CATTGCTGTG 60
 GATTTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT 100

【0145】

【配列表55】

配列番号：298
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00311
 配列：
 GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTTGA TAACTTAGT AAAGTCTTGG AGACTAGAAG 60
 CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCA AAAACTAGAA 100

配列番号：299
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00312
 配列：
 GATCCACCAA GCACGCCTAT GAATACAAAG TAACTATGA TTTTNATTGT GAAATTTTCA 60
 TAGATGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTITACAA 100

配列番号：300
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00313
 配列：
 GATCCCAGCA AGCATAATGT CCTGTCTTCT AAGATGTGCA TCAAGCCTGG TACATACTGA 60
 AAACCCTATA ACGTCCTGGA TAATTTTGT TTGATTATTC 100

配列番号：301
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00314
 配列：
 GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TCGCCTTCAA 60
 CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG 100

配列番号：302
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00315
 配列：
 GATCGTTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60
 TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT 100

配列番号：303
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00316
 配列：
 GATCTGCTGG TGGAAGTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAACAG CAGAAAAGGG 60
 TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT 100

【0146】

【配列表56】

配列番号： 304
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00317
 配列：
 GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTTA CCTCTATTTT 60
 ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACTTA 100

配列番号： 305
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00318
 配列：
 GATCTATGTT CCTCGATGTA GAGGGGTTGG TAGCAGACAG GTGGTTACAT TAGAATAGTC 60
 ACACAACTG TTCAGTGTTG CAGGAACCTT TTCTTGGGGG 100

配列番号： 306
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00320
 配列：
 GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTA CTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA 60
 TATAATATAT ATATATNNGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC 100

配列番号： 307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00322
 配列：
 GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCCTGACG TTTTACATTT CCACCTTCCT ATTCCATTCA 60
 TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGAAAATCC 100

配列番号： 308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00323
 配列：
 GATCCTAGCA TATGTTAAAT TCAAATTAAT GTAAAACAGA TTAACAACAA CAAAGAAACT 60
 GTCTATTTGA GTGAAGTCAT GCTTCTATT ATAATTTGGC 100

【0147】

【配列表57】

配列番号：309
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00325

配列：
GATCAGATGG TTTTACTATT GTGGCAGAAG CGAGAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAAG 60
AAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG 100

配列番号：310
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00326

配列：
GATCGTGTAG GTCCTGTTG TATGCGTTG CTAATGGTAG CTAAATAACC AGTTTTTGT 60
GTAAATGCAC CAATTCTGAA GGCACTTAT GTACTACATG 100

配列番号：311
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00327

配列：
GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC GTGGAAGAG CTGCCCCAAT 60
GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT 100

配列番号：312
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00328

配列：
GATCGGGAAT GGTCTGTGTG TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60
CATGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTA TTTCTGTCAA 100

配列番号：313
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00329

配列：
GATCAGACAG AATAATATT TCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCTTAT 60
GCTCATTCTG ATACAACTAT TTNCGTGTG AAATATCTAC 100

配列番号：314
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00330

配列：
GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCAC CGTCTTCCAG 60
ACACCCACCC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC 100

【0148】

【配列表 58】

配列番号： 315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00331

配列：

GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60
CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT 100

配列番号： 316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00332

配列：

GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCTCTGTC 60
CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA 100

配列番号： 317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00333

配列：

GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCCTCTC ACCCCCTTGC TGTCTGTGT 60
AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTTCCCCCAG 100

配列番号： 318

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00334

配列：

GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60
TTATTTTCCN GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA 100

配列番号： 319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00335

配列：

GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60
GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAAACTG 100

【0149】

【配列表59】

配列番号：320
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00336
 配列：
 GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA AAAAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60
 GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTTCTGTGT TTATNTGTGG 100

配列番号：321
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00337
 配列：
 GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
 GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATITTTTA 100

配列番号：322
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00338
 配列：
 GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
 GAACGTTTGC TTTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCTTGA 100

配列番号：323
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00339
 配列：
 GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTTCTAACAT GTTATCAAAT 60
 CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTTAGTTTT 100

配列番号：324
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00340
 配列：
 GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
 AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT 100

配列番号：325
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00341
 配列：
 GATCTGAAAA NATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
 TTTCTTTTCT NATTTCTCTT TCTCTGCGTT GTNAGTTTTN 100

【0150】

【配列表60】

配列番号： 326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00342

配列：

GATCTTGTTT ACAAGTAATC TGTTCACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAAA AAATTAACAT 60
GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA 100

配列番号： 327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00343

配列：

GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAAACT TGCTTCTGTT 100

配列番号： 328

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00344

配列：

GATCATCCTA ACAATGTGGG GCTGTTAGGT TTTACCTTTG ANCTTTCATA GCACTGCAGA 60
AACCTTTAAA AAAAAAATGN TNNATGAATT TTTCTTTCC 100

配列番号： 329

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00346

配列：

GATCATGCTG CCCTGGGACC CAACTGGTAA GATTGGCCCT AAGAAGCCCC TGCCTGACCA 60
CGTGAGCATT GTGGAACCCA AAGATGAGAT ACTGCCCACC 100

配列番号： 330

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00347

配列：

GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA 100

【0151】

【配列表61】

配列番号： 331
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00348
 配列：
 GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60
 CCTGTGGTTG TCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT 100

配列番号： 332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00349
 配列：
 GATCTCTAAT ATTTTAAAGC CCAAGCCCTT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60
 TATACACAAT TCATTCTTTG CAGCTAATTA AGCCGAAGAA 100

配列番号： 333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00350
 配列：
 GATCAAATTC TAATGGAATT GAGCNGGTTT CTTATCCTAA ATGTTTCCTC CCTTTTNACA 60
 ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GGTAAATAA TGTATGCTGT 100

配列番号： 334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00351
 配列：
 GATCTTAAAG CAGAATGCCN TTTNCTTTT TTGCTTCAGT TGTAAGAAG AGGGAATACA 60
 TGATAAAGTA ACTGGTTTGA TTTCTCGTTC ATTGTACACT 100

配列番号： 335
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00352
 配列：
 GATCCAAGAG GAAGAATCCA GCTGCCTATG AAAATAACAA ATHAGCAACG CATCCGGATG 60
 ACGGTTCCCT GTCTCTGAAA GACCTTTCTC TGAAGAGGA 100

配列番号： 336
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00353
 配列：
 GATCTACTTT GTTTCAGCAA AACAGCATT TTTGTTATGT TAATNATGGT TAATTTCCAT 60
 TTTATTGGTT TTATGTTTAT TTTAATTTGT AAATGTTTTA 100

【0152】

【配列表62】

配列番号： 337
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00354
 配列：
 GATCAAAATG CTA AACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
 CATTGCCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA 100

配列番号： 338
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00355
 配列：
 GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
 TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA 100

配列番号： 339
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00356
 配列：
 GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60
 AAAGATATCC CAGANGAAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG 100

配列番号： 340
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00357
 配列：
 GATCTTTGCA GTAAATTTCT AGGAGCTGTT TATGTTTGGA GGTAATTGGT CCTTTGTCCA 60
 TATATATNAG ATGTAAGTCT TATTTTCCAG TTTATCTTTT 100

配列番号： 341
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00358
 配列：
 GATCCAATTA ACATGTGGGG TTCTTGGTNT GGGTCTGGGG AGCTGAAGGA TTTNATGGAG 60
 CTGGTGCTTT GGAGGAATCT TAAGGGAAG NAGTAGAAGC 100

【0153】

【配列表63】

配列番号：342
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00359
 配列：
 GATCGCATCT NTAAACAGG TACAAGTTGA CATGAGGTTA GTTTAATTGT ACACCATGAT 60
 ATTGGTGGTA TTTATGCTGT TAAGTCCAAA CCTTATCTG 100

配列番号：343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00360
 配列：
 GATCAGTGTG GAAGAAAGTG CAAAAGGAAC TTTTATATAT TTGACAGTGT AGGAAATTGT 60
 CTATTCCTGA TATAATTACT GTAGTACTCT TGCTTAAGGC 100

配列番号：344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00361
 配列：
 GATCTNGAAA ATNATCATTG AACATATTAA TGGTTATTTT TTTTCTTGG ATTTCAGAA 60
 AAGCCTCTTA ATTTTATGCT TTCTCATCGA AGTAATGTAC 100

配列番号：345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00362
 配列：
 GATCAGTTTT TTCACCTGGA AGCATTGTGT TCTACTTTGA TATGACTGTT TTTCGGACAG 60
 TTTATTTGTT GAGAGTGTGA CAAAAGTTA CATGTTTGCA 100

配列番号：346
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00363
 配列：
 GATCTGAAGT TTTTATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60
 AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA 100

配列番号：347
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00364
 配列：
 GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTTCTTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60
 AAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTTCTCT 100

【0154】

【配列表64】

配列番号： 348

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00365

配列：

GATCTTAAAC CTATGATTCA GTAACCTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60
GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTATAG 100

配列番号： 349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00366

配列：

GATCCGTGGC AGGGCTGCTG AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60
GTTTTCTCTC CATCTCTTTT CTTTGTACAA TCCCATTTCC 100

配列番号： 350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00367

配列：

GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAAGACGCAA ACAGGTTTTG AQTCTGCGAT GGCCGATGAC 60
CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAAAGTACAT NCAACAGTTC 100

配列番号： 351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00368

配列：

GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATTATAGAAA TTTACTATGT AAATGCTTGA TCGAATTTTT 60
TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAAGGTGCTT TCTCCATTTA 100

配列番号： 352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00369

配列：

GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAGGTTTATC CTGTTTTGTT TGCTACTGGT TACAAATTCT 60
ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GACTAAAGTT TTCCTGTGT 100

【0155】

【配列表65】

配列番号：353
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00370
 配列：
 GATCTCCGTA AACACATTTT TTTCTTAGT CTATCTCTTG TACAAACGAT GTGCTTTGAA 60
 GATGTTAGTG TATAACAATT GATGTTTGT TTCTGTTTGA 100

配列番号：354
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00372
 配列：
 GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGTNGCAATC TTACATGGCT ACGHCTTTTCG TTTGATAGCC 60
 AGTCATGGTN ACCACATGAG AACCATATGC TGAGATGCAA 100

配列番号：355
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00373
 配列：
 GATCTTAAGC GTGCTTGAG TTCCATGCAA ATTCAATTCT GTTGATAATG TGTCCATAAT 60
 CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC CCCATAATTA 100

配列番号：356
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00374
 配列：
 GATCTC6ITC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC CAGTTCCGTT CTCCTCACGG GCCGAACGGA 60
 ACAAGGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCCTC CCAGCCCAT 100

配列番号：357
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00375
 配列：
 GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC AGAAAAATCGT TGTGAAAGTG TTGAAGGCAC 60
 AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAAA ATGAAACTTT 100

配列番号：358
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00376
 配列：
 GATCAAGTTC CCGCTGCCCC ACCGGGTNCT GCGCCGTCAG CACAAGCCAC GNTTCACCAC 60
 CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA GGGCCCTCTT 100

【0156】

【配列表66】

配列番号：359

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00377

配列：

GATCAAGGAT ATTTGAAATC ACTACTGTGT TTTNCTGCGT ATCTGGGGCG GGGGCAGGTT 60
GGGGGGCACA AAGTTAACAT ATTCTTGGTT AACCATGGTT 100

配列番号：360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00378

配列：

GATCTCTAAT GAAAAAGGGA TGTCTTTTTG TTTATAGTCA TGTGGCAAGA TGAGAGTAAA 60
ACCAGAGAGC AAACCTCTAT AAGTGTGAG TATATGTATA 100

配列番号：361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00379

配列：

GATCAGCTCT GAGGTGCACT TCTTCACATA CTGTACATAC CTGTGACCAC TCTTGGGAGT 60
GCTGCAGTCT TTAATCATGC TGTTTAAACT GTTGTGGCAC 100

配列番号：362

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00380

配列：

GATCNGGGCT GGATTGACGG ATGTCACCCC CNATCCCCCTC GTGACATGCA CGTCNGCAGG 60
AATGGGGGGT CTGCNGTGGT CGCCNGTCGT GTGAACAAGA 100

配列番号：363

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00381

配列：

GATCTAGAAG AATATGTCAA ACTATAAACT GCTTGTNATT GTNAATGACT TTGTNCTTTG 60
CTTGTNTTTT TCAATTTCTT ATAATGCACA TACTAACTTT 100

【0157】

【配列表67】

配列番号：364
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00382
 配列：
 GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGAA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60
 GCGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNA GAATAATTGT 100

配列番号：365
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00383
 配列：
 GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60
 GCAGCATTAA AGCTGCGGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT 100

配列番号：366
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00384
 配列：
 GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60
 GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGINTG TTTACTTTAG 100

配列番号：367
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00385
 配列：
 GATCTGAAAA GCGCTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAG ACTTGATTNN 60
 AGTTTTTCAT NKCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTG 100

配列番号：368
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00386
 配列：
 GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTTT TAAGAACCTT TTTTTTTTCT 60
 NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA 100

配列番号：369
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00387
 配列：
 GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60
 CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCTT CCTTCCTGTT 100

【0158】

【配列表68】

配列番号： 370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00388

配列：

GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGTG 60
TGTGTGTGGA TGTGTGTGTG TGGGTTTTNT AAAGAATTCT 100

配列番号： 371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00389

配列：

GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60
ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCCTT GCTGAGATGC 100

配列番号： 372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00390

配列：

GATCAGCTAT TAAATTTATA TAAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60
ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC 100

配列番号： 373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00391

配列：

GATCTTTTTA ATNATAATTT NNCATGTATT TGTTTCCTAG GAGCAAGTGT TCCNTGCTGC 60
CAGTTCTTTC CTCTTTTAGG CGTGGTCGAG AAAAAGCAGA 100

配列番号： 374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00392

配列：

GATCTAAAAT TTATTGTGGT GATGTTTGCA TAACAGTGCA AATATACTGA AAACCACTGA 60
ATTTTACACT TTAAATCAGT GGCTTCTGTG GTATGTTATC 100

【0159】

【配列表69】

配列番号：375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00393
 配列：
 GATCTGGTAT TAGGAAATTA CTTTCACAGT AAATATCAAA GAAAAAAGAT TAAGGGTCTC 60
 TTTGCCATGC TTTTCATCAT ATGCACCAAA TGTAAATTTT 100

配列番号：376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00394
 配列：
 GATCTGAAAA AGAACACTGT GCGAGATTGT ATTCTGTCTT ATCCTTTCCA AGTTAGTAGG 60
 CAGATTGGAA CTATAGAATT TATCCGTGAT AATAATAAAG 100

配列番号：377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00395
 配列：
 GATCTAAAGA GAAACTGTAG ATTGTTTTCC TGACAGCAAA AGACTAATGT GACAAAATGA 60
 AGTCATTGTA AAGAAGCGAT GCAACTTGTC AAATATTTAA 100

配列番号：378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00396
 配列：
 GATCACAACCT GAAAGATAAC AAGAGATTTA AGTTTTAAGG GCATTTAATC AGGAGGAAAG 60
 GTTTGGAAAA CTAACCTCAGG TGTATTTNTT GTTTAAGCAG 100

配列番号：379
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00397
 配列：
 GATCTGTGTT AGAATGAGTG CTTTCCCTTC CTAAGTATGT GATTGTGGAT TAGGAATTCC 60
 TGACCGAGTG ATTTTGGGCC AGTGGTTGGG TTTAAATTC 100

配列番号：380
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00398
 配列：
 GATCGCCGCC CTGCTGGCCA CCTGCGNTGG NGCTGGCNCCT CGTGGTCGTC CGCCTGAGAA 60
 AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC GAATAAAGGG GCCGCNCGCC 100

【0160】

【配列表70】

配列番号： 381
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00399
 配列：
 GATCAGGCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60
 CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT 100

配列番号： 382
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00400
 配列：
 GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60
 ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCCAC AACTACACA 100

配列番号： 383
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00401
 配列：
 GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60
 CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT 100

配列番号： 384
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00402
 配列：
 GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACCTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60
 CACACTTGGT ACTTAGAGTT TCTGTTTGAT TCTTTTTTAA 100

配列番号： 385
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00403
 配列：
 GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAC 60
 TGTGTTGCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA 100

【0161】

【配列表 71】

配列番号： 386
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00404
 配列：
 GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTNCTC AACAAAAATT 60
 AATAGCTGGT TCTATTTTTT TAAACCTAG AAAAAATAAA 100

配列番号： 387
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00405
 配列：
 GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG AACTGCTTA 60
 CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA 100

配列番号： 388
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00406
 配列：
 GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60
 TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG 100

配列番号： 389
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00407
 配列：
 GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60
 GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGCAGT CCGTGCTCCT 100

配列番号： 390
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00408
 配列：
 GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60
 ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAACAT TAGCTTCTGT 100

配列番号： 391
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00409
 配列：
 GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTTT CTCAGCGCAG 60
 TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAT 100

【0162】

【配列表72】

配列番号： 392
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00410
 配列：
 GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCAGTTCT 60
 AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA 100

配列番号： 393
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00411
 配列：
 GATCTATAAA AAGTNAGCAA CTGATGTGTT TGANAAGCAT CCTTGTCTTT ATATCCTAAT 60
 GTTTGGATGT NTCTTTCCTA AAGTNTCACA AAAATNAGTG 100

配列番号： 394
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00412
 配列：
 GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60
 AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA 100

配列番号： 395
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00413
 配列：
 GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTTGAACA 60
 TTTTAAACA GCGGATTTAA ATAATGCATA AANTAAATTG 100

配列番号： 396
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00414
 配列：
 GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTTAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60
 TTAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATNAGTT 100

【0163】

【配列表73】

配列番号： 397
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00415
 配列：
 GATCGTNACG CTGGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60
 TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG 100

配列番号： 398
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00416
 配列：
 GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
 GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT 100

配列番号： 399
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00417
 配列：
 GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60
 TTGTGGAATT TAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT 100

配列番号： 400
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00418
 配列：
 GATCTAAGAG TTTACCTGGC TACAGAAAGA AGATGCCAGA TGACACTTAA GACCTACTTG 60
 TGATATTAA ATGATGCAAT AAAAGACCTA TTGATTTGGA 100

配列番号： 401
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00419
 配列：
 GATCATTCTG AACTGTACAT ATTTATGTNG CGAGAGGCCAA AGGGCAAGTT TTGGATTTTC 60
 CTTCTTCCAA GTTTGTTTTT AAACGACAAA TAAAAAAGA 100

配列番号： 402
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00420
 配列：
 GATCTGAATC TGTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCCACT 60
 GAGGATAATT AAACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT 100

【0164】

【配列表74】

配列番号：403

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00421

配列：

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT 100

配列番号：404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00422

配列：

GATCCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCGCGTNCCT CTTTGCTGTN 60
TATGTNAACC ACCCATGTAA GGGAATAAAC CTGGCACTAG 100

配列番号：405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00423

配列：

GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGAA 60
GTCCTGCAGT CTTTAATCAT NCTGTTTAA NCTGTTGTGGC 100

配列番号：406

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00424

配列：

GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTATACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA 100

配列番号：407

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00425

配列：

GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CNTTTTGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT 100

【0165】

【配列表 75】

配列番号： 408
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00426
 配列：
 GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60
 GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG 100

配列番号： 409
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00427
 配列：
 GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCMGTNCCTN 60
 AAACACCTGG CTTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC 100

配列番号： 410
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00428
 配列：
 GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCTTAAA TTTTATTTCC 60
 AGCTCTGTT CTTGGAAAA TTTCCATTGT ATGTGCATTT 100

配列番号： 411
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00429
 配列：
 GATCAGCAAC ATTTGCTGAG CTTGTTTTN AAGCTAATGT GTATTCTKAC TAATNTNCCT 60
 ATCAAGAATG GATTTGTAAT ATATNCTGTC TATTTCTAAT 100

配列番号： 412
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00430
 配列：
 GATCTGTAAG CACAGTCTTA TTTNCTTTTG TTGTCCAGAA TACTTATAAT TCTTGAGCCT 60
 CCCAGAAATT GGAAGCTAAA TAAAGCAACT CAAGTTTCCT 100

配列番号： 413
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00431
 配列：
 GATCAGCATC ATTGGAACAT GGGGACGAGT GACGGCAGGA GGACCACGAG GAAATACCCCT 60
 CAAAATAAAT TTGTTTACAA CAAAATAAAG TATTCACCTAC 100

【0166】

【配列表76】

配列番号： 414
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00433
 配列：
 GATCTATCAC TCTCGTNCTT GTAGCTCCCA GCCGAGGACG TCGGATGTAA TCGTCCTTNC 60
 TGCTTTGCCA CCCATTCCC GTCAATAAAG TGGTTTGAAC 100

配列番号： 415
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00434
 配列：
 GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60
 TTCTCCTGGT GACTCAAATA AAAGTATAAT TTNACCTGC 100

配列番号： 416
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00435
 配列：
 GATCAACACA AAGCACAATG NATTACNCGN AATTCAGTAT TTTCAAATTT ACATATTTAA 60
 AGTCATGCAA GCTGTAACCT CCCNGTCAA ATTACTNGCT 100

配列番号： 417
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00436
 配列：
 GATCATAAAG NNCTATCAAG GAGTTCTATC AAGGCATCCA TGTCAGTGGT GCTATGCTGG 60
 TTACAACCTG AGATTTTGA AATAAAAAAT TTGTCATAAA 100

配列番号： 418
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00437
 配列：
 GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGTCTAC CATGATTATN TTTCTAAGCT 60
 GGTGGTTAA TAAACAGTAC CTGCTCTCAA ATTGAAAAAG 100

【0167】

【配列表77】

配列番号: 419
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00438
 配列:
 GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TAACAGACTA GAACCTTCTT TCAAGTACCT GAATTGAAAT 60
 GAAACTCATT TTGAATAATA AAANCTCTAG AAACCT 96

配列番号: 420
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00439
 配列:
 GATCTGTAAT AGCATATTGT AGATGCACTT TGCAGCAGTT GGAAAAGAAA GTGTTGTGTG 60
 ATTTGATTGA AATAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA 99

配列番号: 421
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00440
 配列:
 GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGA 60
 AGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTC 95

配列番号: 422
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00441
 配列:
 GATCCTCCCA TCCGNGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTCT GGTCTGTCTT CCTGTGTGAT 60
 TNGCTGGCA TTTCCGGTAT TAAATNATA AAATAAA 97

配列番号: 423
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00442
 配列:
 GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA 60
 TCACGTTACC ACTAATAAAC TTATTTTACA GT 92

配列番号: 424
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00443
 配列:
 GATCTGTATT TTGCAATATT TTCTTCATAT GTGGCTTGTC TTTTGGTTCT CTTAACAAGG 60
 TCTCTTCCAG AGTATAAACT GTAAATATTA AG 92

【0168】

【配列表78】

配列番号： 425
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00444
 配列：
 GATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT 60
 GCTGGGTAA TAAATTGCCT CATTGTAAT CCTGGA 98

配列番号： 426
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00445
 配列：
 GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTAGTAAT TTTCTGGTAG 60
 AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAA 100

配列番号： 427
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00446
 配列：
 GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GCGTGGAGT 60
 TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA 93

配列番号： 428
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00447
 配列：
 GATCTGTGTT TNCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTC TAAATGTNTT 60
 AAGAACCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA 94

配列番号： 429
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00448
 配列：
 GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC 60
 TCTGAATAAA ACTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT 100

【0169】

【配列表79】

配列番号：430
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00450
 配列：
 GATCTACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACAA 60
 CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTGCTCTT 100

配列番号：431
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00451
 配列：
 GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60
 GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA 87

配列番号：432
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00453
 配列：
 GATCATACTT GAAAGTGAAC TTTAACATTG AAAAATCGTA CAGTCATTC AAGAATAAGA 60
 AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA 93

配列番号：433
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00454
 配列：
 GATCCCATGT GCTCTCACAC CATGTTTTTG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CTTGTTCTC 60
 TTGAATAAAA CAGAAGAAAA TGAAA 85

配列番号：434
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00455
 配列：
 GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT ANAACTNNTC 60
 TTTATTAATAA AATTGTACTT GGAAA 85

配列番号：435
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00456
 配列：
 GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA 60
 AATTNAAATA TGGTTCACIG TTACTCTTAA A 91

【0170】

【配列表 80】

配列番号： 436
 配列の長さ： 84
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00457
 配列：
 GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCTA 60
 ATAAACTGG TTTGTACAGT CAAA 84

配列番号： 437
 配列の長さ： 82
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00458
 配列：
 GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA 60
 ATAAATGCAT TTCTATATCT TC 82

配列番号： 438
 配列の長さ： 82
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00459
 配列：
 GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATTAA 60
 ACAAATAATT TAGATGGTGA AA 82

配列番号： 439
 配列の長さ： 79
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00460
 配列：
 GATCTTGATG GATTTNCATA CGATTGTAAA TGNAGCTATA TTAAAGTCTA TTAAAGGAAG 60
 CCCTTCTTGT TTGAGGGAG 79

配列番号： 440
 配列の長さ： 86
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00461
 配列：
 GATCTATGCT TGTGTTGTTTT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCCCTC 60
 TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA 86

【0171】

【配列表81】

配列番号: 441
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00462
 配列:
 GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT 60
 AAAGAACTTT GTACATTT 78

配列番号: 442
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00463
 配列:
 GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAACCCCC 60
 AATAAACCGT TGAACATGTG ACAA 85

配列番号: 443
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00464
 配列:
 GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTAAA AAAATAAAGH 60
 CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA 86

配列番号: 444
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00465
 配列:
 GATCATTTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAATA 60
 AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA 83

配列番号: 445
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00466
 配列:
 GATCCAAACT GTCTTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA 60
 AAAAAATCT AAAGATG 77

配列番号: 446
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00467
 配列:
 GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA 60
 TGCCGATGAT TTGTGTGAAA 80

【0172】

【配列表82】

配列番号： 447
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00468
 配列：
 GATCTTACAG GGAGAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTTT 60
 GCTCACCTC AAA 73

配列番号： 448
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00469
 配列：
 GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAAT 60
 TTACTTATGT AACTTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT 100

配列番号： 449
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00470
 配列：
 GATCCAGGCG CCACGCTGGC GGTTCGTGAG TGTCGAGGCA CCACTAAATA TAGCTGTCTG 60
 CCGTCCACTC ATAAA 75

配列番号： 450
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00471
 配列：
 GATCAGATTG TTAAGCTTTT CTGTTTTATT TCTTTTGAGA ACCTTTGAAT AAAAAACATC 60
 TGAAATTTTA AA 72

配列番号： 451
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00473
 配列：
 GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT 60
 TTAACCAATG AAA 73

【0173】

【配列表 83】

配列番号: 452
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00474
 配列:
 GATCATGTCT GAATTATGTA TGAATAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC 60
 AGACATCG 68

配列番号: 453
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00475
 配列:
 GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGGATAC TAATAAAATG ATAAGCATTG 60
 TGGTTCTC 68

配列番号: 454
 配列の長さ: 67
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00477
 配列:
 GATCGTAATG TAAATTTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAATACAG GTACTTGACC 60
 ACATTCT 67

配列番号: 455
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00478
 配列:
 GATCGGGCCC GGGGGCCTGA GCCTGGGACC CCACCCCGTG TTAATGAAAA ATNAGTTTTG 60
 GCAGCGCAAA 70

配列番号: 456
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00479
 配列:
 GATCCTTTGA GAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA 60
 TATCT 65

配列番号: 457
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00480
 配列:
 GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTNNCCA NAAAATACAA GGTATAATA AACTAAGAN 60
 CTACC 65

【0174】

【配列表84】

配列番号： 458
 配列の長さ： 70
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00481
 配列：
 GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAACT 60
 TGAANATAAA 70

配列番号： 459
 配列の長さ： 64
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00482
 配列：
 GATCACTATT TTGCATCAGT AAAATGATTT TTTTAAACC AATAATCAT CAATTATTAG 60
 AAAT 64

配列番号： 460
 配列の長さ： 63
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00483
 配列：
 GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC 60
 AAA 63

配列番号： 461
 配列の長さ： 68
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00484
 配列：
 GATCATTAAAT TGTAAGCGC TTTGTAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA 60
 AACCTAAA 68

配列番号： 462
 配列の長さ： 62
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00485
 配列：
 GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA 60
 TG 62

【0175】

【配列表85】

配列番号: 463
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00486
 配列:
 GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA 60
 G 61

配列番号: 464
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00487
 配列:
 GATCTAACAC TAACTGTATT GTTTTGTAC ATCAAATAAA CATCTTCTGT GGACCAGGAA 60
 A 61

配列番号: 465
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00488
 配列:
 GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA 60
 A 61

配列番号: 466
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00489
 配列:
 GATCAACCTG AGTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA 60
 A 61

配列番号: 467
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00491
 配列:
 GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC 60

配列番号: 468
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00493
 配列:
 GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT 60
 AATGTAAATA TTTCCTTTAT TACAAA 86

【0176】

【配列表86】

配列番号： 469
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00494
 配列：
 GATCTCTACT ACTGTTGATT TTGCCCTCGG AGCAAACCTGA ATAAAGCAAC AAGATGAAAA 60
 CTGAAA 66

配列番号： 470
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00495
 配列：
 GATCAAACCTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA 60
 AAAAAAGAAA 70

配列番号： 471
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00496
 配列：
 GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAG 56

配列番号： 472
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00497
 配列：
 GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA 60
 AGAAA 65

配列番号： 473
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00498
 配列：
 GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGAAAATAGA CCCAACTCTT CATG 54

【0177】

【配列表 87】

配列番号： 474
 配列の長さ： 56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00500
 配列：
 GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA 56

配列番号： 475
 配列の長さ： 52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00503
 配列：
 GATCTGTTCA GTGTCACCTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA 52

配列番号： 476
 配列の長さ： 54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00504
 配列：
 GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA 54

配列番号： 477
 配列の長さ： 57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00505
 配列：
 GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号： 478
 配列の長さ： 54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00506
 配列：
 GATCCAGTGT TGGAATTCTT TGGTGTAAT AAACGTTTGG TTTTATTTAT CAAA 54

配列番号： 479
 配列の長さ： 51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00507
 配列：
 GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A 51

【0178】

【配列表88】

配列番号：480
 配列の長さ：80
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00510
 配列：
 GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATGA 60
 GTCATTATTT TAAAGGTAAA 80

配列番号：481
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00511
 配列：
 GATCCAAAAC TTTAATGTTG CACHTGTATT CCAAATAAAG GGTAAAAACA GAACCAAAGT 60
 TATAACTCCA ACACAAA 77

配列番号：482
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00532
 配列：
 GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTAAACTAA AAANTGTTTC 60
 CTTGGGTCAG TGGTTTNNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT 100

配列番号：483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00533
 配列：
 GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNACCG 60
 CGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT 100

配列番号：484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00534
 配列：
 GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60
 AGATTACATT ACGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTC 100

配列番号：485
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00535
 配列：
 GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TITCCAAGGA 60
 GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT 100

【0179】

【配列表89】

配列番号： 486

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00536

配列：

GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60
AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA 100

配列番号： 487

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00537

配列：

GATCTACTGT CTTTGTTCAG AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTTAT TCTACTTTCT 60
ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG 100

配列番号： 488

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00538

配列：

GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60
TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCAGG ATTAATATA 100

配列番号： 489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00539

配列：

GATCATGCTT TTNGTGCCTG TCACCAGGTC TCCCAAGTGC ACTCATCCAG GTCAGTGCTC 60
AGATGTGTTT AAGGAGACCC TATATTCAGG GAAGTTGCGT 100

配列番号： 490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00540

配列：

GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60
GAAGATTTTA AAGACATTTT GGCTACAATA TATTTNTTAA 100

【0180】

【配列表90】

配列番号：491
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00541
 配列：
 GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60
 GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCCTG GCAGTCAGGC 100

配列番号：492
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00542
 配列：
 GATCCTTACA TCTGCCCAT TCTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACCTG 60
 ATCTATAGGA AACATTTTTC TGATTACGGA ATACTTTAGT 100

配列番号：493
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00543
 配列：
 GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60
 NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC 100

配列番号：494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00544
 配列：
 GATCITAAAA ACTAATTCT AAGATGATT CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60
 ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA 100

配列番号：495
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00545
 配列：
 GATCTACCCC GGACACGGGA GGGGCTACGC CAGGNCAGAC GGGAAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
 TAATGCGAAA TGGGAGTCGG CTTTCCTTTC CAAGAGGAAT 100

配列番号：496
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00546
 配列：
 GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
 ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC 100

【0181】

【配列表 9 1】

配列番号： 497

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00547

配列：

GATCCAAGAA ACAATTTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60
CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT 100

配列番号： 498

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00548

配列：

GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTGCAATG CCGCCTAAGG 60
ACGACAAGAA GAAGAAGGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA 100

配列番号： 499

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00549

配列：

GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTTNCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60
GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGAG 100

配列番号： 500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00551

配列：

GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTCAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60
GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC 100

【0182】

【配列表92】

配列番号： 501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00552
 配列：
 GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60
 CACACATTGC ATGCACAGCG CCCACACAT TGGATACTGT 100

配列番号： 502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00553
 配列：
 GATCAACCAA TTTTNCATAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60
 AAAAAAATGT AAACATATGAC TGCTGAGTGA TAAACACTG 100

配列番号： 503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00554
 配列：
 GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60
 GTTTTNTCTT CTAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG 100

配列番号： 504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00555
 配列：
 GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60
 GGTCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG 100

配列番号： 505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00556
 配列：
 GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60
 AAGGTACAGA TAGAGGCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG 100

【0183】

【配列表 93】

配列番号： 506
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00557
 配列：
 GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGACTCGAGA CATGGCGGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60
 ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT 100

配列番号： 507
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00558
 配列：
 GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTTGATTT TTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60
 TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA 100

配列番号： 508
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00560
 配列：
 GATCAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTAAA TTTCACATT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60
 TGTAAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG 100

配列番号： 509
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00561
 配列：
 GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60
 TTTTCACATT TGTATATTC TCAGCACTCA CCCGAAACTG 100

配列番号： 510
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00562
 配列：
 GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTTAACT 60
 NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCCTCCATC CCAGCCCTGT 100

配列番号： 511
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00564
 配列：
 GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60
 CCAGTGAGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT 100

【0184】

【配列表 94】

配列番号: 512

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00565

配列:

GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TGAGCAGGTT 60
GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT 100

配列番号: 513

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00567

配列:

GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGACAGAA GGANGTAAAG GNTGGAAACT ACAGCCAGGT 60
GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG 100

配列番号: 514

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00568

配列:

GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GTTTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60
CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA 100

配列番号: 515

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00569

配列:

GATCAACAG TTTCTGGAGT GTGCCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60
CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG 100

配列番号: 516

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00571

配列:

GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCTGA GATTCTGCAA 60
AAGATTTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT 100

【0185】

【配列表 95】

配列番号: 517
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00572
 配列:
 GATCCAATCA GATGCAGAGA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60
 TTGGNCGTTT TTATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA 100

配列番号: 518
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00573
 配列:
 GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTGTTTATA 60
 TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA 100

配列番号: 519
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00574
 配列:
 GATCCAAAAT CATACTGTCA AGACCATCAA ACAAACAAA GAAGCTTAAG TGAACCTAAGC 60
 ACAGGGAAAA GTTGTTTTTT CACTCGTTCA TTTTGTATC 100

配列番号: 520
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00575
 配列:
 GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
 CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCTTG GCCACAGAGT 100

配列番号: 521
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00576
 配列:
 GATCTGCGTG GGGCTGGTGG TGTTGGTGT CCTGCTCATC ATCCTGATTG TNCTGCTGGT 60
 CGTCTTTTCT CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA 100

配列番号: 522
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00577
 配列:
 GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAAACAG TTTACCTGT NATACAGTTC 60
 CCTAGAACAT TTTCCAAAAA GTAGTGAAGT GCAAAGTGCT 100

【0186】

【配列表 96】

配列番号： 523

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00578

配列：

GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC 100

配列番号： 524

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00579

配列：

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAG GACTCCGGAA 100

配列番号： 525

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00580

配列：

GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTTGG AACCCATCTA AATGTTGAAG 60
TTCCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG 100

配列番号： 526

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00581

配列：

GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60
CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG 100

配列番号： 527

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00582

配列：

GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60
AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA 100

【0187】

【配列表 97】

配列番号: 528
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00583
 配列:
 GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60
 TGGCITTTTC CACTATGGTG AAGTGACCAA TGACTTTTTC 100

配列番号: 529
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00584
 配列:
 GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCCTAGCC ACAAGCTCTC 60
 CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT 100

配列番号: 530
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00585
 配列:
 GATCAAGAGG AAAGAGAACG TAACAACCAG AACCCCTGGA CATTTGAGCG AATAGCCACT 60
 GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN 100

配列番号: 531
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00586
 配列:
 GATCTATGGG TTGACTAATT AAACAATAAT TCAAGTAGAG TGTCCCAGAA AAAAACCCT 60
 TGGGCTCCCT GTTTGGAGTC TGGCTGGCTC TGAGCATTCG 100

配列番号: 532
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00589
 配列:
 GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTGGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60
 AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA 100

配列番号: 533
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00590
 配列:
 GATCGGGTTT GGCCCCCAGC CCCGCTCAGC CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60
 TTTCAACTCC AAACCCCA GAGGGGTTGT AGATTGGGTC 100

【0188】

【配列表98】

配列番号： 534

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00591

配列：

GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60
GCTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT 100

配列番号： 535

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00592

配列：

GATCAAGCCT TTCTTTTATT CCTCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA 100

配列番号： 536

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00593

配列：

GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCCTCAT GTGCCAGTNC 100

配列番号： 537

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00594

配列：

GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTGAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA 100

配列番号： 538

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00595

配列：

GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAAC TCACTTTTGC TCCTAGCAGC ATTATATTTT 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA 100

【0189】

【配列表 99】

配列番号： 539
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00596
 配列：
 GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTCTAGCAT AGTCTTTTTC GCAAATNATT 60
 TGTGTTTTCA GTGTGTGGG AACCTGTCCT GGGGGCTGGG 100

配列番号： 540
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00597
 配列：
 GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60
 AGAAGGAGGA CTTCAGTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC 100

配列番号： 541
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00598
 配列：
 GATCGTGTTC ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTC NTTGAAAGGA 60
 ATATTGACTC TTTTGTCTAC TACATAAAAG AAAGATACTC 100

配列番号： 542
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00599
 配列：
 GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
 CAGCGACTAC GTCCGCGCCA TCGTGAGAT GAATGGGAAG 100

配列番号： 543
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00600
 配列：
 GATCGAACGG ACTGTGAATC CGCTCTTGT CGGAAGCTGA GCAAGCTGTG GCTTTTTTCC 60
 AACTCCGTGT GACGTTTCTG AGTGTAGTGT GGTAGGACCC 100

配列番号： 544
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00601
 配列：
 GATCCTCGGG TGTTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCACT ACAGACAGAT GTTTTATCT 60
 ACTGAACCTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTAT GATTCAATTAT 100

【0190】

【配列表100】

配列番号： 545

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00602

配列：

GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60
CATCACCAGC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG 100

配列番号： 546

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00603

配列：

GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGGG ACCATCACAC 60
AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA 100

配列番号： 547

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00604

配列：

GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60
NTTTTGGAA TCTGTTTCAT GGATTTTCA TCTTCTACCG 100

配列番号： 548

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00606

配列：

GATCTTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60
AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT 100

配列番号： 549

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00607

配列：

GATCGGTGTG CCCCCTGCG AGGGGCCCCC CATGGGGCTG NTGGCCCNCT CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG 100

【0191】

【配列表101】

配列番号：550
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00608
 配列：
 GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
 CTTTTCTAA AGTGTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTTN 100

配列番号：551
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00609
 配列：
 GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
 GTTCATITCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC 100

配列番号：552
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00610
 配列：
 GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60
 TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTTGCT TTGTTAACAA 100

配列番号：553
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00611
 配列：
 GATCCCNHGGG ACGTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60
 AATCACAGCA CNCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT 100

配列番号：554
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00612
 配列：
 GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA CGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
 GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG 100

配列番号：555
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00614
 配列：
 GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60
 TGCCCTTCAT TATCTCTNTT TTAATAATGA AAAAGTTTAT 100

【0192】

【配列表102】

配列番号： 556
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00615
 配列：
 GATCCTCACC GTGGAGGACC ATTATNATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
 AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA 100

配列番号： 557
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00616
 配列：
 GATCCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
 TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN 100

配列番号： 558
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00617
 配列：
 GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAGTAAC 60
 TGACCAGAGC TGAGGAAGT TGGCACAGCA CCTCGTGGCC 100

配列番号： 559
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00618
 配列：
 GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60
 GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC 100

配列番号： 560
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00619
 配列：
 GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60
 GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCCTTG CTCCACCCC 100

【0193】

【配列表103】

配列番号： 561
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00620
 配列：
 GATCCNGTGC TGAAGAGAA ACCAAGAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60
 ATGTAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTTCA 100

配列番号： 562
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00621
 配列：
 GATCTTCTTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCAGGT GGACATNATG 60
 AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG 100

配列番号： 563
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00622
 配列：
 GATCACTTGT CCTATTACCC TATACCTAGC ACTTGTGACA CCACCCCTAA ATCACITTTA 60
 GCCTGGGAAA TAAGCCCCCT CAACTACCAT TCCTTCTTTA 100

配列番号： 564
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00623
 配列：
 GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCCGCCC 60
 CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC 100

配列番号： 565
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00624
 配列：
 GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
 GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGAATTACAC TAGATTTTGT 100

配列番号： 566
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00625
 配列：
 GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAATAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60
 TTCTAAACAA GAACCATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA 100

【0194】

【配列表104】

配列番号： 567
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00626
 配列：
 GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTT CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60
 AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTACTCTTCT 100

配列番号： 568
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00627
 配列：
 GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60
 GTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC 100

配列番号： 569
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00628
 配列：
 GATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60
 AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC 100

配列番号： 570
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00629
 配列：
 GATCGACTAC AGAGTACTTN TTTCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTTGGGTG 60
 GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGGG 100

配列番号： 571
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00630
 配列：
 GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60
 CTGTGTAATT GTAGGAGAAG AACTCAGCA GTGATTGCCA 100

【0195】

【配列表105】

配列番号： 572
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00631
 配列：
 GATCTTTNGC TAGGTGGATG ACTAGTNATA TTCAAAAGCCT TTTCTCAAAG CCCTTTCAGT 60
 TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT 100

配列番号： 573
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00632
 配列：
 GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60
 AAAATNAAAG NTTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA 100

配列番号： 574
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00633
 配列：
 GATCCTGACA AGAAGAAAAT GNAGCTCAAA GTCAAAAATT CTCGTGAAAA ACGNAGTTTG 60
 GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTCCC ANAAGGANAC 100

配列番号： 575
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00634
 配列：
 GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
 TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC 100

配列番号： 576
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00635
 配列：
 GATCACCCCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAAT CTAAGGCAGT 60
 TTCCCTGTT TTGGAGATTT TTAGTTAAT TTTAATTTTG 100

配列番号： 577
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00636
 配列：
 GATCTAACCA TTTTCATACT CTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60
 ATGCATTGAA ACTTGTTTTT AAATGTTAGA TGGCACTATG 100

【0196】

【配列表106】

配列番号： 578

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00637

配列：

GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60
AACACCACTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC 100

配列番号： 579

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00638

配列：

GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA 100

配列番号： 580

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00639

配列：

GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60
TTAAGAGGAA GTTTATGTTT TAATTCTTGA CTGAGAATAC 100

配列番号： 581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00640

配列：

GATCTTTTGA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAAGAT AAACCATACT TCCACCTTGG 100

配列番号： 582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00641

配列：

GATCTGCCCTG TCCCTTTTTT CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60
GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG 100

【0197】

【配列表107】

配列番号： 583
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00642
 配列：
 GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60
 CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG 100

配列番号： 584
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00643
 配列：
 GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60
 CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG 100

配列番号： 585
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00644
 配列：
 GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTTGCCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
 AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA 100

配列番号： 586
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00645
 配列：
 GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
 CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG 100

配列番号： 587
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00646
 配列：
 GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCITTCAT CACATTCCTA GCCCACTCTC 60
 ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA 100

配列番号： 588
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00647
 配列：
 GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
 ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTCACCCC 100

【0198】

【配列表 108】

配列番号： 589

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00648

配列：

GATCTGAATT TTTTCCTCCT TTTGGTTTTA TTTTGTGGT TTATTTTGTG TTTTCTTTTC 60
TCCTTTTGTG GGGGTATTCA GAGTGGGCTG GGCCCTGGG 100

配列番号： 590

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00649

配列：

GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTGA CAGTCACCTG 100

配列番号： 591

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00650

配列：

GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAG NATGGAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG 100

配列番号： 592

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00651

配列：

GATCTHCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60
TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA 100

配列番号： 593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00652

配列：

GATCTTATGG ATAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCCAGCT 60
ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA 100

【0199】

【配列表109】

配列番号：594
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00653
 配列：
 GATCAAGTGG CTTTTCCTGG GACCTGCCCC GCTTTNAGAA TCTNTTCTCA TCCACCCCTCT 60
 GGCACCCAGC CTCTNAGGGA AGGAGGGATG GGGCATAGTG 100

配列番号：595
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00654
 配列：
 GATCGTCAAA TCTTTTNC AA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60
 ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTTCATCCAT ACCTGTGCAT 100

配列番号：596
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00656
 配列：
 GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT TCTNTTTCAG ATTTTNCCTTA AGTTTTGCTA 60
 GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT GCGAATTAAG 100

配列番号：597
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00657
 配列：
 GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGCTTT ATTCTTGTNC TTTCTGTATT TAAACCTTG 60
 GCTGTACTAA GCAAATNCAA GGNTATAATT TAGCTAATAG 100

配列番号：598
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00658
 配列：
 GATCTGGGGC CAGCTACCG CTCACGTCCC CGTCATCGAC AACTCCACCC TTTACATCAG 60
 TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT TNCGGTAAAG 100

配列番号：599
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00659
 配列：
 GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCTGTA TTTATTGTGC TGTGCTCGGT CCTAAGTGGA 60
 GCGAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTT CCAGTGTGGA 100

【0200】

【配列表 110】

配列番号： 600

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00661

配列：

GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT NAAATNTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG 100

配列番号： 601

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00662

配列：

GATCCCTTTA TGAACCTTG TGAATAGATG AATGTTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT 100

配列番号： 602

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00663

配列：

GATCNNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCCCG GCCAGGNAAA AAGGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC 100

配列番号： 603

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00664

配列：

GATCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACCTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT 100

配列番号： 604

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00665

配列：

GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT 100

【0201】

【配列表 1 1 1】

配列番号： 605
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00666
 配列：
 GATCCTTCTT CCTTTCAC TGCGTGCC TCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
 GGTGTATCCC CTGTTAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG 100

配列番号： 606
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00667
 配列：
 GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTT ATATTTTNT 60
 NTTGTNCTTC CAATTGGTAT ATACAACCTT CAGAGCCTCT 100

配列番号： 607
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00668
 配列：
 GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60
 CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT 100

配列番号： 608
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00669
 配列：
 GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60
 TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT 100

配列番号： 609
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00670
 配列：
 GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60
 TNAGTGACCG TCTGTGACAG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG 100

配列番号： 610
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00671
 配列：
 GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60
 GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT 100

【0 2 0 2】

【配列表 1 1 2】

配列番号： 611
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00672
 配列：
 GATCCCCCTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG GGTGTAAATA TTTATAATTT TTAATACCTG 60
 TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT TTTNATGGTG 100

配列番号： 612
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00673
 配列：
 GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT TCATCTTTGT GGATGGTGTC TCCTTTACTA 60
 AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT TTTTTNTTG 100

配列番号： 613
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00674
 配列：
 GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT CTATGCTGAC GACTCCCTGG TCTTCCCCCT 60
 GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT GGATGCCTTC 100

配列番号： 614
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00675
 配列：
 GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT GCTGTTTCGAA AGCATCTTGA GAGGAACAGA 60
 AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT CTAATAGAGA 100

配列番号： 615
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00676
 配列：
 GATCTAAAT GTCACATTCA GATTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
 TTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC 100

【0 2 0 3】

【配列表113】

配列番号： 616
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00677
 配列：
 GATCTTCTGA GGTCAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60
 CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT 100

配列番号： 617
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00678
 配列：
 GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60
 CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC 100

配列番号： 618
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00679
 配列：
 GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
 TCCTGCCTTG TTTTATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT 100

配列番号： 619
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00680
 配列：
 GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTTACGGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
 ACACCTCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC 100

配列番号： 620
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00681
 配列：
 GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAACAG 60
 TCGGTGGGAA ACAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT 100

配列番号： 621
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00682
 配列：
 GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60
 CATAGCCACA GTTTGCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG 100

【0204】

【配列表 1 1 4】

配列番号： 622

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00683

配列：

GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTC TACAGAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAGT 100

配列番号： 623

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00684

配列：

GATCTGCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60
GCAAGTATGC TGCTCTCTCT GTTGATGGTG AAGATGAAAA 100

配列番号： 624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00685

配列：

GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTTC CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTAA 100

配列番号： 625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00686

配列：

GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCACT GAAGGGGCAT TTNTNGTCAA TGTAGGTGCC 60
CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TTTGAAGCC CAGACCGATG 100

配列番号： 626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00687

配列：

GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTTNTTC AACTCCCTGC CCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACC AAGAGCCAAA 100

【0 2 0 5】

【配列表115】

配列番号： 627
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00689
 配列：
 GATCCATCAT CCGCAATGTA AAAGGCCCGG TGGCGGAGGG CGACGTGCTC ACCCTTTTGG 60
 AGTCAGAGCG AGAAGCCCGG AGGTTCGCT GAGCTTGGCT 100

配列番号： 628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00690
 配列：
 GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTGCT GGGATTACAT GCATACCTGA NCTACTGAGC 60
 ACTTTNATCT TGAATGAGTG TTGGATTTTG TCAAATGCTT 100

配列番号： 629
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00691
 配列：
 GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTAAATA TTTTAAAAAT TATAATACAA ATCATCAGTG 60
 CTTTATAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAAATAC CATGAAATTT 100

配列番号： 630
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00692
 配列：
 GATCCCATTT AGAAACGGCA TTCAC TTCAG AAGGTACTTT TTAAGTCTC AGTTTTTGAC 60
 TATTTTAAAT AGTTTGCTGA AAAGTCTCTA TAACACTTGC 100

配列番号： 631
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00693
 配列：
 GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
 TTATTAAGAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT 100

配列番号： 632
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00694
 配列：
 GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
 GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC 100

【0206】

【配列表 116】

配列番号： 633

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00695

配列：

GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA 100

配列番号： 634

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00696

配列：

GATCACCTGA GGTCAAGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG 100

配列番号： 635

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00697

配列：

GATCTGTAA TTTCCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA 100

配列番号： 636

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00698

配列：

GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60
CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA 100

配列番号： 637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00699

配列：

GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTCTTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT 100

【0207】

【配列表 1 1 7】

配列番号: 638
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00700
 配列:
 GATCTTCTGG ACAAACTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
 ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT 100

配列番号: 639
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00701
 配列:
 GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60
 CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA 100

配列番号: 640
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00702
 配列:
 GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAAC 60
 TTTTGTATAA GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG 100

配列番号: 641
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00703
 配列:
 GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60
 GAGCCGTGGC CTTGAAAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT 100

配列番号: 642
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00704
 配列:
 GATCCACATN TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT NCTGATGAAT TTGAAGACAT 60
 GGTGGCTGAA AANCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC 100

配列番号: 643
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00705
 配列:
 GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60
 ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTTAACACCA 100

【0 2 0 8】

【配列表 118】

配列番号： 644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00706

配列：

GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60
AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT 100

配列番号： 645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00707

配列：

GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60
CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT 100

配列番号： 646

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00708

配列：

GATCAAACCA AGGCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60
ACCCAGGCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC 100

配列番号： 647

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00710

配列：

GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCCGCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA 100

配列番号： 648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00711

配列：

GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGGG AATAATATGT 60
GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGT TTGTNATTTT 100

【0209】

【配列表119】

配列番号：649
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00712
 配列：
 GATCTGTACA TTGTAACAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
 TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA 100

配列番号：650
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00713
 配列：
 GATCTATGTG GTGAAAATGC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAGA GAGAGCTCCT 60
 TTCGCCATGT TTTACCAGT TGCTGTTATA ACCTCTTAGG 100

配列番号：651
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00714
 配列：
 GATCTATGAA TGAAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTTC CCCTCCTTCC 60
 CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA 100

配列番号：652
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00715
 配列：
 GATCTACATC TTTTCTAAA GAAAAGTGA GCTTGCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60
 TTTCCCTCCC ATGCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG 100

配列番号：653
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00716
 配列：
 GATCTNCCGC AAGTGCCTAT GCTCGCHTC ACCCTCGTCC TGTCAACTNC CGCAAGAAGA 60
 AGTGTGGTCA CACCAACAAC CTGCGTCCCA AGAAGAAGGT 100

配列番号：654
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00717
 配列：
 GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60
 GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGGNAGAG CAGGCTGGCA 100

【0210】

【配列表120】

配列番号： 655
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00718
 配列：
 GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCTGT CCCACAGCA 60
 GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA 100

配列番号： 656
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00719
 配列：
 GATCCTCGTT TTCTGGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60
 TTCCTTTTTG CTTCCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT 100

配列番号： 657
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00720
 配列：
 GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60
 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA 100

配列番号： 658
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00721
 配列：
 GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTATATA CATGTATACA 60
 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA 100

配列番号： 659
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00722
 配列：
 GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60
 TGTGTTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTNCTGTAC 100

【0211】

【配列表121】

配列番号: 660
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00723
 配列:
 GATCACC GCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60
 GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA 100

配列番号: 661
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00725
 配列:
 GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTTNCCTTC TAGCTGTAA 60
 CCTACTTCCT GGA AAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT 100

配列番号: 662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00726
 配列:
 GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60
 TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG 100

配列番号: 663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00727
 配列:
 GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60
 CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT 100

配列番号: 664
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00728
 配列:
 GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60
 CCCCCTCCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG 100

配列番号: 665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00729
 配列:
 GATCGTNTTT GTTTTGT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60
 TTNATATAGC ICTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTCGT 100

【0212】

【配列表 1 2 2】

配列番号： 666

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00730

配列：

GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60
CCTGGTTTCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA 100

配列番号： 667

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00731

配列：

GATCTAATGT ACTGTAACCT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60
TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAATTTT 100

配列番号： 668

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00732

配列：

GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60
CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AACTGAAGC 100

配列番号： 669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00733

配列：

GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60
AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTTGGTC CAAATTATGT 100

配列番号： 670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00734

配列：

GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTTCCTT TGAGGTGAAA 60
GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG 100

【0 2 1 3】

【配列表 1 2 3】

配列番号： 671
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00735
 配列：
 GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60
 CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT 100

配列番号： 672
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00736
 配列：
 GATCTGAACC CAAGGGTCTG AGGCCAGGGC CGACTGCCGT AAGATGGGTG CTGAGAAGTG 60
 AGTCAGGGCA GGGCAGCTGG TATCGAGGTG CCCCATGGNA 100

配列番号： 673
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00737
 配列：
 GATCTGTAAA TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60
 AGAACCGATG AAAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTTAAG 100

配列番号： 674
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00738
 配列：
 GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60
 TACAACAGAA CACTGCTCTT TTGATTTTA TTGTACTTT 100

配列番号： 675
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00739
 配列：
 GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTC TTTTATTGC TGAATAGTAT 60
 TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC 100

配列番号： 676
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00740
 配列：
 GATCAAATGC CAGTGTCAAT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60
 NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC 100

【0 2 1 4】

【配列表 124】

配列番号: 677

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00741

配列:

GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTT TGTATCCGT 100

配列番号: 678

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00742

配列:

GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60
GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA 100

配列番号: 679

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00743

配列:

GATCCGGAAA TATGGCCTCA ATATGTGCCG CCAGTGTTC CQTCAGTACG CGAAGGATAT 60
CGGTTTCATT AAGTTGGACT AAATGCTCTT CCTTCAGAGG 100

配列番号: 680

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00745

配列:

GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCNNNGT 60
CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG 100

配列番号: 681

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00746

配列:

GATCAAAACC AGTTTGATTG GGGAACTCTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60
TTAACTTTCC TTGGTGTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT 100

【0215】

【配列表125】

配列番号： 682
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00747
 配列：
 GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60
 TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC 100

配列番号： 683
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00748
 配列：
 GATCCAAATA ATTTATTTAA TGACTGGTCT CAGAAACTGA ACTCATTAAAT GTCTCTGGTT 60
 AACAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC 100

配列番号： 684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00749
 配列：
 GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60
 CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA 100

配列番号： 685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00750
 配列：
 GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60
 AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC 100

配列番号： 686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00751
 配列：
 GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60
 CGTGCTCCCT GCCAGCTTCC CCCCTGAGGT TGTGTATCAT 100

配列番号： 687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00752
 配列：
 GATCAAATTT AAATTTCATT TTGGGGGGCTA TTTTGCTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60
 TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA 100

【0216】

【配列表126】

配列番号： 688

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00753

配列：

GATCGGAACA GCTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60
ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG 100

配列番号： 689

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00754

配列：

GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60
CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT 100

配列番号： 690

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00755

配列：

GATCTTTCCA TTGGAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TPGCTTGTAC AGTGCAGAT 60
GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT 100

配列番号： 691

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00757

配列：

GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60
AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC 100

配列番号： 692

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00758

配列：

GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACCTT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60
ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT 100

【0217】

【配列表127】

配列番号：693
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00759
 配列：
 GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60
 GTCACCTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTC AAAACGCCTC 100

配列番号：694
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00760
 配列：
 GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTTATA 60
 TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT 100

配列番号：695
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00761
 配列：
 GATCTATTTC GTCTTTCTCA TGTCCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60
 ACTGTGTGAA TCCAGTGTTC ACATTCACAC TTAATGACTT 100

配列番号：696
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00762
 配列：
 GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCCACCCCH GNGACCCGGA 60
 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT GCCCGGGNCT 100

配列番号：697
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00763
 配列：
 GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60
 TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA 100

配列番号：698
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00764
 配列：
 GATCCAGATT CTCACCTTAAT GGGGTTTATA TGGACITTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60
 CTCCTTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT 100

【0218】

【配列表128】

配列番号：699

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00765

配列：

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCCC GGGACCCGGA 60
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA 100

配列番号：700

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00766

配列：

GATCTGATGG TCTAAATACT GGAGTTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTGC CTGCCACCAT 60
CCATGCAAGA TGTGACTTGC TCCTCTTTGC TTTCTGCCAT 100

配列番号：701

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00768

配列：

GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTNAGCCA CCCTGCCCCG 60
CCACTTTTGT ATGATTCTA ATGTATTINT AATTACCTA 100

配列番号：702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00769

配列：

GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60
CAGGGCCGGG GTTTGTG6TC CCCCCCCCAC CACAAACACA 100

配列番号：703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00770

配列：

GATCTCCCTG CCCCCACCCC AGTTCCCCAA CCCACTCCCT TCCAACAACA ACCAGCTCCA 60
ACTGACTCTG GTCTTGGGAG GTGAGGCTTC CCAACCACGG 100

【0219】

【配列表129】

配列番号：704
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00771

配列：
GATCTTTTNN TTTTTTTTAA GTCTCACAAG ACATGGGGCA TCTCCACAAA TTTAAGTTCC 60
TGTCCATTG GAAATTTGTT TCTATGTGTA CAGTTTGTCA 100

配列番号：705
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00772

配列：
GATCTACCTA TCTTCAGGAT GGAACCTTGG GGAAAAATAA AATTGAGGGG AAGTAAAAAG 60
TATGTAACAC TTCCAGTTGT GAGCCAAGAT TGTAACCAGA 100

配列番号：706
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00773

配列：
GATCCTCTCA CCTCAGATTT CCAAAGTGTT GGATTATAGG TGTAAGCCAC TGAGCCCACT 60
TTGAATGCTT TTTTATATAT TTTTGGCCA TTTGTATGTC 100

配列番号：707
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00774

配列：
GATCTGGCCG TNAGCCGCCA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTTT 100

配列番号：708
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00775

配列：
GATCAAATTT GTGCAGTACT TTGTGCATTG TGGATTTTAA AAGTTTTTTA TTATGCATTA 60
TATCAAATCT ACCACTGTAT GAGTGGAAAT TAAGACTTTA 100

配列番号：709
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00777

配列：
GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTTA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA 100

【0220】

【配列表130】

配列番号： 710

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00778

配列：

GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTTNTTTC CTCCCTTGGT 60
CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA 100

配列番号： 711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00779

配列：

GATCTTTGGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60
NTCCCCCACC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG 100

配列番号： 712

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00780

配列：

GATCTATCCT TTACTTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAGG TCATTTTGTG GCATTTCCCC 60
ATTTCTTGTG TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT 100

配列番号： 713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00781

配列：

GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAAGTGGT TCCTAATAAA 60
AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA 100

配列番号： 714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00782

配列：

GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAACACAGC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTTCTG 60
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC 100

【0221】

【配列表 131】

配列番号: 715
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00783
 配列:
 GATCCCCAGG GTTCTTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACTTG TCCAGCGCAC 60
 TGTGAGGCC CCCTCAGGC CAGCCTGGC CCCCCCTGG 100

配列番号: 716
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00784
 配列:
 GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAACT CAAATATTCC 60
 TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAT 100

配列番号: 717
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00785
 配列:
 GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTG TTTTATAGTG TCCTTTGTCC 60
 AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTGAT TACCCTCGTG 100

配列番号: 718
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00786
 配列:
 GATCTCCCTT CAGCAACTTA TTTTGCTTTA ATTGCTTTAA ATCTTAAGCA ATATTTTAA 60
 TTCAGTAAAC AAATTCCTTC ACAAGGTACA AAATCTTGCA 100

配列番号: 719
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00787
 配列:
 GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TAAAAGTTG TTATGTGCTT TTTTTTAA 60
 AAGCTCCTGT TTTTGAAAG TAGANTTTAT GGTACAACG 100

配列番号: 720
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00788
 配列:
 GATCTATGCC TAACAGAGCC CCAGTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60
 TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCTAGTA 100

【0222】

【配列表132】

配列番号： 721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00789

配列：

GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60
CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA 100

配列番号： 722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00790

配列：

GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCACTCCT CCTACCACCA 100

配列番号： 723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00791

配列：

GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GECTAAGTAA AAAAGGCTGT 60
GCCCACTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT NGAAATNTCT 100

配列番号： 724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00792

配列：

GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA 100

配列番号： 725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00793

配列：

GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTGTTGCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60
ATAAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC 100

【0223】

【配列表133】

配列番号: 726
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00794
 配列:
 GATCTGTGCC TACNTTTTAC CACCCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60
 TTCAAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAAA ATCTGCCACT 100

配列番号: 727
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00795
 配列:
 GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60
 CTTTTACCT ACAAATTTT ACCTGCAAAC CTAAACCTG 100

配列番号: 728
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00796
 配列:
 GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60
 CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG 100

配列番号: 729
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00797
 配列:
 GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60
 CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCCGCTT CATCCCTCTC 100

配列番号: 730
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00798
 配列:
 GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTC ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
 AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCCTGGGTG CCTGTCTCTG 100

配列番号: 731
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00799
 配列:
 GATCCGAATC GAGGCCAAGC AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60
 CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAAC 100

【0224】

【配列表 134】

配列番号： 732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00800

配列：

GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT 100

配列番号： 733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00801

配列：

GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60
GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC 100

配列番号： 734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00802

配列：

GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCCAT TCCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60
GCACCTTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGAT ATATTNNAG 100

配列番号： 735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00803

配列：

GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60
CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT 100

配列番号： 736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00804

配列：

GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTGTGT 60
AGTTTATTTA TCTTGACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA 100

【0225】

【配列表135】

配列番号: 737
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00805
 配列:
 GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTT 60
 ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTTGTAAT 100

配列番号: 738
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00806
 配列:
 GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60
 AGGCGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG 100

配列番号: 739
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00807
 配列:
 GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAGGAAAG GAAAAGGGCA AATACAAGGA 60
 AGAAACCAT T GAGAAGATGC AGGAATAAAG TAATCTTATA 100

配列番号: 740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00808
 配列:
 GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT 60
 AACTTTGAAC TTGGCTAGTT CAAAGATAGA CTCTTCTTTT 100

配列番号: 741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00809
 配列:
 GATCNAAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATNT CCNAACATAG CATTACAGCC 60
 TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA 100

配列番号: 742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00810
 配列:
 GATCANATGC AACCNACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG 60
 TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT 100

【0226】

【配列表136】

配列番号： 743

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00811

配列：

GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC 100

配列番号： 744

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00813

配列：

GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCACT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60
CCCCACCCC TGCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA 100

配列番号： 745

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00814

配列：

GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60
AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC 100

配列番号： 746

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00815

配列：

GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60
CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAATGTG 100

配列番号： 747

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00816

配列：

GATCCAAGGG GAAACTGCAG GTCAAGGGCT GATAACGGCC ATGCAGGATG CTTGATGCTG 60
CGTCCCCCGC TGCTTGCCGC CCCCCACCCC GCCATTTTGT 100

【0227】

【配列表137】

配列番号： 748
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00817
 配列：
 GATCCCTGAG ACTGAGGGGT TTACGGGCTG TGAATGGACC TTCAGCCCTN CCCACCTCC 60
 CTCCCCACTG CTGCTGAGTC TGTCTGATGT TTTGGTTGTG 100

配列番号： 749
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00818
 配列：
 GATCGGGTAG CTCAAAAGAA GGCAAGCTTC CTCAGAGCTC AGGAGCGGGC TGCTGAGAGC 60
 TAAACCCAGC AATTTTCTAT GATTTTTCAT GATATAGATA 100

配列番号： 750
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00819
 配列：
 GATCAGAAAT TCTCTGCTT GAGAGATTTT TTTTGTCTT CTGTTGACTA CATAGTTTCA 60
 AATCTCTCTN TATTTCAIGA TGATATATAA ATNGCTTTTA 100

配列番号： 751
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00820
 配列：
 GATCTATACC CTGTTTCCGA ATTCTGCCGT GTGTATCCCC AACCCCTTGAC CCAAGTGACA 60
 CCAACACAG TGTTTTGGAG CTCGGTATTA TATATNTTTT 100

配列番号： 752
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00821
 配列：
 GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
 TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT 100

配列番号： 753
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00822
 配列：
 GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTC AGCTAATGCT 60
 TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAT AAAAAAGTT 100

【0228】

【配列表138】

配列番号： 754
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00823
 配列：
 GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60
 GCTGACATTC TAGTGGGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT 100

配列番号： 755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00824
 配列：
 GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
 GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAATAAATT 100

配列番号： 756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00825
 配列：
 GATCNTAGAA GGGCTTCCCA ACCNNATTG CAACATCCAA ATTGTCTTCA ATTNAAGGAA 60
 GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTTCATT GTAAAAATAA 100

配列番号： 757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00826
 配列：
 GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATGGATG TNTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATTGT 60
 TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGATGCTA TAATAAAAAAT 100

配列番号： 758
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00827
 配列：
 GATCAAAAAG AAACCTTGTGTT TTTCCGCAAT TGAAGGTTGT ATGTAAATCT GCTTTGTGGT 60
 GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTAAAT CAAATGTAAA 100

【0229】

【配列表139】

配列番号： 759
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00828
 配列：
 GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACAGAGT GCAAGTNAGA AGACCTGGCT TTTNATCCCA 60
 GCTTTGAAAC TTGGAAC TTTT TTGATTGACA AATTAATAAA 100

配列番号： 760
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00829
 配列：
 GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60
 NTGTAAC TTTT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA 100

配列番号： 761
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00830
 配列：
 GATCAGTACA TAGCATTTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTGTACA 60
 AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTA TTAGAAATAA 100

配列番号： 762
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00831
 配列：
 GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCC TGTGGCTGCT 60
 GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG 100

配列番号： 763
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00832
 配列：
 GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
 GTGCTGACCG CCCCCTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG 100

配列番号： 764
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00833
 配列：
 GATCCAATA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTACCAAG GNGCAATGCT 60
 GGGNTTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTAT GCAGTGGGAG 100

【0230】

【配列表140】

配列番号：765

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00834

配列：

GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60
CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG 100

配列番号：766

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00835

配列：

GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTTCACTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG 100

配列番号：767

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00836

配列：

GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CATCAATTCC AGAACCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCCTG 100

配列番号：768

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00837

配列：

GATCNTNGCN GATGTGGAAG AAACCTGTGAC TACTATAGAA ATTGTTGAAG AAACATATGA 60
AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC 100

配列番号：769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00839

配列：

GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAAACTGCCT TCTTCGGAAA GAAGAAGGTG 60
GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAATAA 100

【0231】

【配列表141】

配列番号： 770
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00840
 配列：
 GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAAATT GGTGCTTATA 60
 AGAGAGAGTT AAAAAAAAT AGGATTGCTT CAATTAAAAAT 100

配列番号： 771
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00841
 配列：
 GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60
 GTTCCTGCTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT 100

配列番号： 772
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00842
 配列：
 GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60
 TTAAACTTTA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT 100

配列番号： 773
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00843
 配列：
 GATCAAAGAC CCAAAGGAAT GCAACANTTT ATCTNTTATC TACCTATNAC CTGCGAGCTG 60
 CCCACCACCC CCANGTTGTN GCGCCTTTCC AGACAGAACC 100

配列番号： 774
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00844
 配列：
 GATCCAAAAC TTAAATACAT CTATGAATTT CCTGGGGCTA TTGTGAGTAC TGTGTATGTA 60
 TTTAGCAAAT ATTTAAGACC TAGTAAGTGC TCAATAAATT 100

配列番号： 775
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00845
 配列：
 GATCGTGCCA CTGCTCTCCA GCCTGCATGA CGGGAGTNAG ACACCATCTC AAAAAATACA 60
 TATAATAATA TAAATAAAAA TATCTTTTTN GAAAAAATT 100

【0232】

【配列表142】

配列番号： 776
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00846
 配列：
 GATCNAGTAN TGNAGGGGCT GTTAGGAGCT TCCTGCAAAT CCCTGAGAGG GCAGAAGATA 60
 GCTTCTGTTA ATTCATTATT CTTCCAATAA ATGTTGATTG 100

配列番号： 777
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00847
 配列：
 GATCACCGNC CAGTAATGGG CTCAGAGCAG GTCTTCATCA TGCCTTGTCC TTTTITAACT 60
 GAGAAAGGAG ATTTTTTGAA AAGAGTACAA TTAAGGAC 100

配列番号： 778
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00848
 配列：
 GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCCTATGCTT GGTITTAATGC 60
 TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT 100

配列番号： 779
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00849
 配列：
 GATCAACAAG GTTTGCCACT GCTTGTATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTTCTNT 60
 TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTTGGAG 100

配列番号： 780
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00850
 配列：
 GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTIN TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60
 TAGAAAAGTT ACCCGAGGGA AAATAAATAC AGTGATATTC 100

【0233】

【配列表143】

配列番号: 781
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00851
 配列:
 GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAAGTG 60
 TACCTTGGAT GGTTTTGTTC ATAAAAGAG AACCTGAAG 100

配列番号: 782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00852
 配列:
 GATCACCATC TTAAATTTA CTCAAAATA AAAGCATGTA AGTNACTGTT TTTCAAGAAG 60
 AAATGTGTTT CATAAAAGGA TATTTATATC TCTNTNGCTT 100

配列番号: 783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00853
 配列:
 GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60
 CCCTGGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCGGN AATNCGCCCA 100

配列番号: 784
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00854
 配列:
 GATCCCATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60
 AAATCTTCCG TTTTAAATG TACATATATT TTGAAAAATA 100

配列番号: 785
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00855
 配列:
 GATCATGGTG GGTGAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60
 TNCCGACGAA TATATCTGGC AACNWTATC ATATNTAACT 100

配列番号: 786
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00856
 配列:
 GATCTTTTTC CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60
 TTTTANTATA TGCAACCAAT TAAATGTAT AAATTAGTGT 100

【0234】

【配列表144】

配列番号： 787

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00857

配列：

GATCAAAATG AAGAAAATCA CAGAAATTC CTATGTGTAC TCCTCATCCC TCCTGCTGTA 60
TATTTNCTCA TTTTTCGNT AATAAATTAT GTTAATTACC 100

配列番号： 788

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00858

配列：

GATCTCCAAT GTTTTGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60
TTTTTGTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA 100

配列番号： 789

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00859

配列：

GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTTCGTAA 100

配列番号： 790

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00860

配列：

GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCCAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60
TCTCAGATTG CAAGGACTGG AATNAAAACC TTTCTGGGA 100

配列番号： 791

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00861

配列：

GATCACAGCC GAAGNNGTAA AAGGTGCTGC AATGATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATTT 60
TTCGCAAGAN CATTAATAAA CTAANAACCT CATGTGAAA 99

【0235】

【配列表145】

配列番号： 792
 配列の長さ： 94
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00862
 配列：
 GATCAAGTGA TTTTNAATTN GGTTCACACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CANATATGAT 60
 TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号： 793
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00863
 配列：
 GATCTCTTCT TCICCTGTG GCCCCTGCCG TGTGCCCCG TCCCCGTCAC CCGCCCCGTT 60
 ACTGAAATGT ATAATCTGAC TTCCTGTACA GAAACCTGAA 100

配列番号： 794
 配列の長さ： 93
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00864
 配列：
 GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTCTGTT AGTCGGGTTA GAGTTGGCTC TACCGGAGGT 60
 TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGTTTAAT AAA 93

配列番号： 795
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00865
 配列：
 GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCATCAC CTAGCTGCCT GCACCTGCCC TTCAGGGAGA 60
 TGGGGGTCA TAAAGGAAAC TGAACATTGA ACCCTTTAAA 100

配列番号： 796
 配列の長さ： 92
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00866
 配列：
 GATCAGAAAT TAAAATGTGT GATTCTTTT CTTTCTGTAA GTATGTATTG CTATGATAAA 60
 TAAAAAATGG CAGGACCATT NTTTTATNA AA 92

配列番号： 797
 配列の長さ： 93
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00867
 配列：
 GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGATTCTCA CAGAAGGTTT TGAAGCTTAA GAAATAAAT 60
 GGTTCGTAA TAAATGGCTT CTGGTCAGAT AAA 93

【0236】

【配列表146】

配列番号： 798

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00868

配列：

GATCTTGAT CTTTGATAA CGGATGTTAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT 60
TGTTCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTTGCAAA 90

配列番号： 799

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00869

配列：

GATCTGTTTT GTACTTTTTA TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAAACTTTT ACTAGGGTAT 60
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA 90

配列番号： 800

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00870

配列：

GATCCATTTT ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTCCGTATT TCTCCTGTAG 60
AAGTAAGAAA TAAATTTCTT TAAATAAA 88

配列番号： 801

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00871

配列：

GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGAATGAT TTGCTAATAT TGAGAATCTG TTGTATCAAA 60
CATAATAAAC TTTTTTTCAG ATGTGAAA 88

配列番号： 802

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00872

配列：

GATCAGGGTG TCTCCTTGTN CTTCTGAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA 60
GTTGAAATAA AAGATTTTTC CCTTTAAA 88

【0237】

【配列表147】

配列番号： 803
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00873
 配列：
 GATCCATTGA GCCCAGCAGT CCAACCTGGG CAAAATAAGT GAGAGACCCT GTATCTGAAA 60
 GTAATAATAA AAATAAAAAA TATAAA 86

配列番号： 804
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00874
 配列：
 GATCCTTTTT GATAATCTCA TTCCTAGAAA TTTAACCTTA ATGAAATCCC TAATAAACT 60
 CAGTGCTGTG TTATTTGTGC CTCAAA 86

配列番号： 805
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00875
 配列：
 GATCGAACAT TTCACCTCTC ATATTAAGTC TGGCAATGAT GACTATATGT ATTCTGCCT 60
 AAATAAATCA TCTATTAATC ATTAAAA 87

配列番号： 806
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00876
 配列：
 GATCTCCGAG TCAGGACGGT CGGCCAGACC CACGGGGTAA CGGGTCTAAT CGTGTAGGAA 60
 TAAAGCTGTA TTCCAGTGCT TCCAAA 86

配列番号： 807
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00877
 配列：
 GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCTTCTGAC TTCCAGGTGA TGA CTGGGCC CCAATAAAT 60
 CCCGTCITTG GGTCTCTCTG CAAA 84

配列番号： 808
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00878
 配列：
 GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTC TCAGTTTGTA CTCCTAAATA 60
 AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA 84

【0238】

【配列表148】

配列番号： 809

配列の長さ： 84

配列の型： 核酸

トポロジ： 直鎖状

クローン名： HUMGS00879

配列：

GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGAAAAAA 60
AGTAAACCT GTTATAAACA CAAA 84

配列番号： 810

配列の長さ： 82

配列の型： 核酸

トポロジ： 直鎖状

クローン名： HUMGS00880

配列：

GATCGTGCCA TTGCGATATG ACCTATNCCT TATATNCTGA TATGAATATG NCTTAAATA 60
ANGTGTTCCT CACCCCTGCA AA 82

配列番号： 811

配列の長さ： 81

配列の型： 核酸

トポロジ： 直鎖状

クローン名： HUMGS00881

配列：

GATCGAANCA TTGTGATATG ANTATGCCTT ATATGCTGAT ATGANTATGC CTTAAATAA 60
AGTGTTCCTT ACCCCTGCAA A 81

配列番号： 812

配列の長さ： 81

配列の型： 核酸

トポロジ： 直鎖状

クローン名： HUMGS00882

配列：

GATCTTAAGT CATACATTTN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAATGTCTA 60
TNAANCTAAA ACAAATGGAA A 81

配列番号： 813

配列の長さ： 78

配列の型： 核酸

トポロジ： 直鎖状

クローン名： HUMGS00883

配列：

GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATAAAAAAT 60
AAGTTTCTAC TGGGTAAA 78

【0239】

【配列表149】

配列番号：814
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00884
 配列：
 GATCCCCCA GCAAGGATAN CATTCAAAGG AGCTCACATT TATGGAATGG ATGAATCAAT 60
 AAATTAAATTC ACTTAAA 78

配列番号：815
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00885
 配列：
 GATCCCATTT CTGATGGATG TGTCACACCT TTTCTGTCAA AATAAAATGT CTGGAGGTT 60
 ATGACTCCTT GGTGAAA 77

配列番号：816
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00886
 配列：
 GATCTGTGTT AATCTGAGTA ACTTATTGCC TAGCCTATAA ATAAATTCCA AAATATCCAA 60
 TTCATTTCTT CTTGAAA 77

配列番号：817
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00887
 配列：
 GATCATCCTT CCTGGCAAAT AAATTCCCGT TTCTATCCAA AAGAGCAATA AAAAGTTTTT 60
 AGTGAAATGT GCAAA 75

配列番号：818
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00889
 配列：
 GATCTGAAGC CTGAGTGTGT GTACGTGCGC GCGTGCGTGA GGCCCTGCCA CGATTAAAGA 60
 CTGAGACCGG CCAAA 75

配列番号：819
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00890
 配列：
 GATCTTTAAT ACAATATAGA AATTGTGTAA TAGTTATTAT AAATGTTAAT ACACAACTTT 60
 CAGGTAATTT TAACTGATTA TTTCTTTTGC TCTTTTAACT 100

【0240】

【配列表150】

配列番号： 820
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00891
 配列：
 GATCTGGTCT CGGTGGTCCT TCCCCGCAGC AGGTGTCAGG ACCGGCCTAA TAAACATGTG 60
 TGGCCTCCTC AAA 73

配列番号： 821
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00892
 配列：
 GATCCAAATC CCATTACAGT TGTATAAAGA AATAAAATTT TGTACTNATA TTATTAAAAA 60
 TCACATTTTT AATATTTGTA AA 82

配列番号： 822
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00894
 配列：
 GATCCCCAGA GACCCCATTT GCCTCTCAAC ACTCAGACCT TCAACTGTTT TTNAATAAAT 60
 CTACTTTTTA AA 72

配列番号： 823
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00895
 配列：
 GATCCTACAC CCNGAGCCTC AGAGCACTGC TACTTTTTAA AATACTTCTT TCTCTTAAAA 60
 GTCITTACCA AA 72

配列番号： 824
 配列の長さ：71
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00896
 配列：
 GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAATAAATA AAATTACACA 60
 AATTGTGCAA A 71

【0241】

【配列表151】

配列番号: 825
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00897
 配列:
 GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAGG 60
 AAAACCAGAA A 71

配列番号: 826
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00898
 配列:
 GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAAACTATAA 60
 ATAAAAATAG CTCTCATTTA TAAA 84

配列番号: 827
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00900
 配列:
 GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTCA 60
 TTAACATCAG AAA 73

配列番号: 828
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00903
 配列:
 GATCTGATTA TTTACTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAAATAA ACTTGTTATG 60
 CAAAAATAA 69

配列番号: 829
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00904
 配列:
 GATCCAGTTG TAGCTGCCAT CAGATGCCGG AGACTCGCCC NTCAATAAAA AAATCTCTTC 60
 TAGCTGAAA 69

配列番号: 830
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00905
 配列:
 GATCACTGTA AATGGTAATC AGTTGGAATT CTCCTAAATG TCTTCCAGAC ACTAGTAAAA 60
 AACGACCTGA AA 72

【0242】

【配列表 152】

配列番号： 831

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00906

配列：

GATCTTTCTA CCTGCCTTTC CATGTCATGA GAGGAAGAAA CAAGAATGAC AAGTGTATGA 60
CTNCCAAA 68

配列番号： 832

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00908

配列：

GATCACGTAC CTGTGCAGAA ACCGCCTCTG TGGCTGCATT TGAATAAAAA CCCGACCCAG 60
CAGCAAA 67

配列番号： 833

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00910

配列：

GATCATATTT TATGAACAGA AAGACTCAGG ACATATTAAA AAATAAACTG AACTAAAACA 60
ACTTTTGCCC CTGACTGATA GCATTTCAGA ATGTGTCTTT 100

配列番号： 834

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00911

配列：

GATCTAAGAA GTTGTGAATG TTGTTAATCA TTTAGCCGTT GCAATAAATG TAGAGGAAAT 60
GCAGTGTGCA AA 72

配列番号： 835

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00912

配列：

GATCACCTGA GGCCATGAGT TTNAGACCAG TCCTGGTAAC ATAGCAAGAC CTCCATCTCT 60
ACAAA 65

【0243】

【配列表153】

配列番号: 836
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00913
 配列:
 GATCCTAGAC AGCGCCTTAT CTATNATTGA GTGTCCGTGT AAATAAATTC CTACTTAGAC 60
 TAAA 65

配列番号: 837
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00914
 配列:
 GATCTGGCAA CTTTTNCTG TACAAATCTG TTTAAAAA AAAAAAGNA CCNCATTGAT 60
 TAAA 65

配列番号: 838
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00915
 配列:
 GATCCAAATT AAAACCTGGT AGAATCTAAT ACATTGACTG CAATTAAAT GTTGCCTGG 60
 AAA 63

配列番号: 839
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00917
 配列:
 GATCCAGTTC TAAGTGTAT CTTTTATNAT NAAGACAATA AAATCTTGAG TTTATGCTTC 60
 ACTTAAAA 68

配列番号: 840
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00918
 配列:
 GATCCACGGT TGTNACCATG TATTACCACA AATTAAACAA TAAAAAATTG TTTTAAGAGT 60
 AAA 63

配列番号: 841
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00919
 配列:
 GATCTACTGT CATTGTGATG CAATTTCTG TTACCTTGAA AAAATAAAAA TGTTAACAGG 60
 AATGCAGTGT GTCATTCTC CCNAAATAGT AAAACCCACT 100

【0244】

【配列表 154】

配列番号： 842
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00920
 配列：
 GATCCAATTA CACACATTCG TTCACAACCTC AACACAAATT CCTATTAAAT ATTAAAAGTA 60
 AA 62

配列番号： 843
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00922
 配列：
 GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CATACGTGTT CATGATAATA AAATGCTTTC TATGAAATAA 60
 A 61

配列番号： 844
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00924
 配列：
 GATCATACCA CTGCTCTCCA GCCTGGCTAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA CAGAAA 56

配列番号： 845
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00925
 配列：
 GATCAGACAC TTAACCCTTA TAANTTAAAG TCAATAAAGC ACCTTTTTTAA AGGAAA 56

配列番号： 846
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00926
 配列：
 GATCAAAGTG AACAATGTTT GGATGCAACG AGAATAAAAG AATATAAGAC ATAAA 55

配列番号： 847
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00929
 配列：
 GATCTAATTA AAAGACCTTC TGCACAGCAA AAGAACTAA CAACAGAGTA AA 52

【0245】

【配列表155】

配列番号： 848
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00930
 配列：
 GATCCCGGCA GAAGCTATGA AAGGGAATAA AGAGAAAAGA AGTACCCAGA AA 52

配列番号： 849
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00931
 配列：
 GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52

配列番号： 850
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00932
 配列：
 GATCTCTTTT CAGAAGTGC TATAGAACAA TAAAAATCTT TTACTTCTGA AA 52

配列番号： 851
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00934
 配列：
 GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAACCTATTG GAAAAGTGAG AAA 53

配列番号： 852
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00935
 配列：
 GATCAAGCTG TAAAAAACH AAAAAATTAA TAAAAATTC GAGAAATANA AA 52

配列番号： 853
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00936
 配列：
 GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTTAGACTAT AAACCTTGAA A 51

【0246】

【配列表 156】

配列番号: 854

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00937

配列:

GATCTGAGGT. AAACTTTGAA GTAAAATAAA ANCTGTGTTT GANCATCATT TGTATTTCAA 60

A

61

配列番号: 855

配列の長さ: 59

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00938

配列:

GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT TTGCCCTTT GGGCTGNCAT GAGGTCAAA 59

配列番号: 856

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00955

配列:

GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTITTTTCT TTAAATNATT TGTATTACTT TATTAAACT 60

CTGATATTAA A

71

配列番号: 858

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00972

配列:

GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA CTGCACCCAG GTCATCCCTG TGCAGGGCCG 60

GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA ACTGCACCTG

100

配列番号: 859

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00973

配列:

GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAAC ATTCTTGTCT ACTGTATATT ATCTTGAAG

100

【0247】

【配列表157】

配列番号: 860
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00974
 配列:
 GATCTGCTGC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTTTNT TTTCACCGTA GNGNCCTTGA 60
 CTGGCATTGT ATTAGCAAAC TCATCACTAG ACATCGTACT 100

配列番号: 861
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00976
 配列:
 GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
 GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA 100

配列番号: 862
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00977
 配列:
 GATCCCGGGC GCGCGGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTCAGTTC TCCTGGAGTT 60
 CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTCATTTGC 100

配列番号: 863
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00978
 配列:
 GATCCCAGGG CTCCTGCCA TTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
 GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCTATATTA 100

配列番号: 864
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00979
 配列:
 GATCTGGAAT TGCAGCCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60
 ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT 100

配列番号: 865
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00980
 配列:
 GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTNGGA ATGGAACCTT 60
 TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGNAAAT TTAGGAGGCA 100

【0248】

【配列表158】

配列番号： 866
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00981
 配列：
 GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACCTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60
 TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG 100

配列番号： 867
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00982
 配列：
 GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60
 GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG 100

配列番号： 868
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00983
 配列：
 GATCTGGATT ATTTGTCTAA GTGAGAGATT GCGAATATCA AATATCTGT CTCACCTCTT 60
 CTGTGAATNA CACAGAGTAG AAATAAATTC ACTTTAAAAA 100

配列番号： 869
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00984
 配列：
 GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCC GCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60
 CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCTTTGC CGTCCTCCCC 100

配列番号： 870
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00985
 配列：
 GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTTT CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60
 ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTGG 100

【0249】

【配列表 159】

配列番号: 871
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00986
配列:
GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTCACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60
AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT 100

配列番号: 872
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00987
配列:
GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60
AATGGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA 100

配列番号: 873
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00988
配列:
GATCAAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATAACT ATGGGAACCT 60
TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG 100

配列番号: 874
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00989
配列:
GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60
TAAAACTCAT CTGTTTTTAA TCACTTTTTA ATAGATGAGT 100

配列番号: 875
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00990
配列:
GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAACGAGG 60
GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACTTTTTTC 100

配列番号: 876
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS00991
配列:
GATCTTTTCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60
GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA 100

【0250】

【配列表160】

配列番号： 877

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00992

配列：

GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TCGATTTGGC 60
GTGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNAG 100

配列番号： 878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00993

配列：

GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCACTATC 60
GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA 100

配列番号： 879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00994

配列：

GATCTCCGTG GCTTTGGTTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60
GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTACTGACAG AGGGGGTATT 100

配列番号： 880

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00995

配列：

GATCAGAAAT ACAGATTTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAG 60
TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTGGGGTG 100

配列番号： 881

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00996

配列：

GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTTGTNCTGT 100

【0251】

【配列表161】

配列番号: 882
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00997
 配列:
 GATCAGNHAA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
 NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC 100

配列番号: 883
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00998
 配列:
 GATCTTCTAT TAAAGTATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
 TATATTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA 100

配列番号: 884
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00999
 配列:
 GATCAGTATC AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTTCCTATT GTATTTTNC CTAGTTGGTG 60
 TGCCTGCTCA GAAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC 100

配列番号: 885
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01000
 配列:
 GATCTTCCAT CCTCAATGA CTCTTTTTTC TTTATATGTT AACATATATA AAATGGCAAC 60
 TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA 100

配列番号: 886
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01001
 配列:
 GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60
 CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT 100

配列番号: 887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01002
 配列:
 GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60
 CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTGGA CTTTNCCTCA 100

【0252】

【配列表 162】

配列番号： 888

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01003

配列：

GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60
ACCATTGACC TGAGTGGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT 100

配列番号： 889

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01004

配列：

GATCAGGATT CAGANGTGA CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTACTGAGCC ACCTAGCACT 60
GCCACGAACC GGTCGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT 100

配列番号： 890

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01005

配列：

GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTAAAGGGC ACAAAGACAG 60
CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA 100

配列番号： 891

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01006

配列：

GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTCCTTA GAATGTATAA 60
AGGTTGTAGC CCATCCAAC TCAAAGAAAA AAATGACCAC 100

配列番号： 892

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01007

配列：

GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGCGTCA CTACTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60
GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT 100

【0253】

【配列表163】

配列番号：893

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01009

配列：

GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCCC CCGCCCCCAT 60
CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC 100

配列番号：894

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01010

配列：

GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60
AAGGGAAGT TTTGTCCTGT ATATTNNNTT ACCTTTTACA 100

配列番号：895

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01011

配列：

GATCGCAAAT AACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCACT TATGGTTCAT TGGTTTTGT ACCAATATTT 100

配列番号：896

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01012

配列：

GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT 100

配列番号：897

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01013

配列：

GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCCA THACCGTGGC CCATGTGGAT 100

配列番号：898

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01015

配列：

GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60
CAGCGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC 100

【0254】

【配列表 164】

配列番号： 899

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01016

配列：

GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTTCAGAAA 60
AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT 100

配列番号： 900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01017

配列：

GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60
CTCAGTAGCT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA 100

配列番号： 901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01018

配列：

GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCCAACATC GNGGGACCTG 60
CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTT TAGCCGGCCC 100

配列番号： 902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01019

配列：

GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60
TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT 100

配列番号： 903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01020

配列：

GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60
TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCC TGCACGGAAA 100

【0255】

【配列表165】

配列番号： 904
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01021
 配列：
 GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60
 GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT 100

配列番号： 905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01023
 配列：
 GATCTNCTCT TTCCTCTCCT TTTCCTCATT TATTCCTAAA GGAATCTGAC CATTAAAACG 60
 NCTCTACGGC CCAAAAAAAG AAAAAAATAA AAATTCCTTT 100

配列番号： 906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01024
 配列：
 GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60
 GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG 100

配列番号： 907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01025
 配列：
 GATCCAGTAT CTTCTCTGGC TTTTATAGGA GCAGGAAAAA TGGCTCTNAN AGCAACTTTT 60
 TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATACTG TGCTGTGTTT 100

配列番号： 908
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01026
 配列：
 GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60
 GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT 100

配列番号： 909
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01027
 配列：
 GATCTTNCTT NTTAAGTGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60
 TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTG TATATGTGG 100

【0256】

【配列表 166】

配列番号： 910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01028

配列：

GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60
AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAATT 100

配列番号： 911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01029

配列：

GATCAGGGAC CCTCCCCGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60
CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC 100

配列番号： 912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01030

配列：

GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAAG 60
GGGAATTTCA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC 100

配列番号： 913

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01032

配列：

GATCAGGGAC CATGAAAAGA AACTTGTGCT TCACCGAAGA AAAATATCTA AACATCGAAA 60
AACTTAAATA TTATGGAAAA AAAACATTGC AAAATATAAA 100

配列番号： 914

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01033

配列：

GATCCGATGG AGAAGGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCCGA AGCTGAGGCC 60
TTGGGATGGA GCAGAAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC 100

【0257】

【配列表 167】

配列番号: 915

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01034

配列:

GATCTCAATG AAATTAAATT AATAACTATA TCTAGAAAA CTCCAATAT GTGAATATTA 60
AGCAACATAC TTATAAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA 100

配列番号: 916

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01035

配列:

GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60
CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT 100

配列番号: 917

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01036

配列:

GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGCAAGTAC GACCTTAACA ACGNGGACAA 60
GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GCCCAGGGN 100

配列番号: 918

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01037

配列:

GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTCT CTCTCCCACT TTCGCTTTCT 60
CTGTCTCTTC TTAGTTCTGC TTTCCTCCAC TGTCCTTCG 100

配列番号: 919

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01038

配列:

GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTTTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60
TTTTATCAAT CATTAAAAAT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC 100

配列番号: 920

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01039

配列:

GATCTTTCTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60
GTAAAAACAG TTTGCAATAA AAAAAATGA ATNAGCTTAA 100

【0258】

【配列表168】

配列番号： 921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01040

配列：

GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TCGAAGAATA AAACATAAAT GTTAAACTG 60
TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT 100

配列番号： 922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01041

配列：

GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60
AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTAAAGT GGGGAAACTA 100

配列番号： 923

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01042

配列：

GATCAGATTC TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60
AATGGAGGAT GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG 100

配列番号： 924

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01043

配列：

GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60
TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC 100

配列番号： 925

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01044

配列：

GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60
CATTAAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG 100

【0259】

【配列表169】

配列番号：926
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01045
 配列：
 GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAA TTTACTGTCT 60
 TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT 100

配列番号：927
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01046
 配列：
 GATCCTTACT AAGTNTTICA TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60
 TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAAC TA 100

配列番号：928
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01047
 配列：
 GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60
 TATTTGGTCT TCAGTGTGTT AGCCTCATTA GTTCATATTT 100

配列番号：929
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01048
 配列：
 GATCACACTG ACCTGGCAGC GGGATGGCGA GGACCAAACT CAGGACACCG AGCTTGTGGA 60
 GACCAGACCA GCAGGAGATA GAACCTTCCA GAAGTGGGCA 100

配列番号：930
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01049
 配列：
 GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTTGTCT 60
 CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCAC TCTT 100

配列番号：931
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01051
 配列：
 GATCCAGTGT TCCTCCAGAA ATCAGATATA CAGATTACTT TGTGATTGTN ACTGGAAC TT 60
 CTACCCGACA CTTACATGCC ATGGCCTTCT ACGTTGTGAA 100

【0260】

【配列表 170】

配列番号： 932

配列の長さ： 95

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS01052

配列：

GATCAGTGCT TATGTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGATGCCTG CAGAGACTTT 60
AAAATGTAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAAA 95

配列番号： 933

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS01053

配列：

GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAACCTGAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCCAC TGGGCACCCA 100

配列番号： 934

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS01054

配列：

GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTGTTG ATTTGTATTG TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60
AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTGATT TTCTTGATGT 100

配列番号： 935

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS01055

配列：

GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTTGTTG TTTTTTGTTT GTTTTTAAAG 60
AATCACCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG 100

配列番号： 936

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS01057

配列：

GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60
TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA 100

【0261】

【配列表171】

配列番号：937

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01061

配列：

GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60
CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC 100

配列番号：938

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01062

配列：

GATCCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60
AGTCACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC 100

配列番号：939

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01063

配列：

GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60
CATTNTTTAC TCTCTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA 100

配列番号：940

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01064

配列：

GATCCGTGGA TTTTGGTGC AATTCCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60
TTCTGTTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT 100

配列番号：941

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01065

配列：

GATCCACAGG CTTTTGTACT CAACGCTGAC AACACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT 100

配列番号：942

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01066

配列：

GATCACCTTA AGTGAATNA TTTNCCTTTA ATCTTTNATG TATTTATTCA CTTTGGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG 100

【0262】

【配列表 172】

配列番号： 943

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01067

配列：

GATCCTGTTT TTTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTTTCATGG TTTTAATTTT 60
 NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG 100

配列番号： 944

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01068

配列：

GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
 TGCCTGGACT GTCCCCTGTC CCCGCATCTC CCCTGGGACC 100

配列番号： 945

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01069

配列：

GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAAACCTG CTGTCTCTTG TTTTNTTCGT TTTGGGGGTG 60
 GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTGTGTAAGT GATGTGTGTC 100

配列番号： 946

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01070

配列：

GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNNGCA ATAAGTGTAC TAAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
 ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN 100

配列番号： 947

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01071

配列：

GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTCCT TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60
 ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA 100

【0263】

【配列表 173】

配列番号： 948
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01072
 配列：
 GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGAGCAGAAA AAAAAACAGG TTAAGAAGAG 60
 CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC 100

配列番号： 949
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01073
 配列：
 GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATT ACATGGCATT GTGGTGAAC TAGTTAACAC 60
 TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG 100

配列番号： 950
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01074
 配列：
 GATCCTCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60
 AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC 100

配列番号： 951
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01075
 配列：
 GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60
 TAAGTTTGCA TGAAAACCTG ACITTATTGC AAGTNAGTGT 100

配列番号： 952
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01076
 配列：
 GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTCAC TGTTACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60
 GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT 100

配列番号： 953
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01077
 配列：
 GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60
 AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG 100

【0264】

【配列表 174】

配列番号：954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01078

配列：

GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNHCAG ACGGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA 100

配列番号：955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01079

配列：

GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACTTT NCTTTCTGAA 100

配列番号：956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01080

配列：

GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTTN 100

配列番号：957

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01081

配列：

GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60
ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA 100

配列番号：958

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01082

配列：

GATCAGGCCC TGGGCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60
GTGCTTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT 100

【0265】

【配列表 175】

配列番号： 959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01083
 配列：
 GATCTAGTAG AACTAAGGG ATGGGAAAA CCTTTTCATT TTTCATCNC TTTCCAACAA 60
 TATGAATTTT TTAGTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG 100

配列番号： 960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01084
 配列：
 GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
 TGTAAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA 100

配列番号： 961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01085
 配列：
 GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTAAACA GTGAGGTTGA 60
 TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAACA 100

配列番号： 962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01086
 配列：
 GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCTCTG 60
 TATTGGAATA TATGCTAAG GGGTTACTGG GGAGGACCAG 100

配列番号： 963
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01087
 配列：
 GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60
 TGAACCCCTT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT 100

配列番号： 964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01088
 配列：
 GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGGCA GGCACCCCTT GAAGTACTTC 60
 CTTTCAGGGT TCCCTTTGT NAGGGTGTCT AGTAGCCTCA 100

【0266】

【配列表 176】

配列番号： 965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01089

配列：

GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAN GACTCGCCCA GAGAACTGNC CAGAGGAGCT 60
CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAA CCGTCCGGAG 100

配列番号： 966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01090

配列：

GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60
AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC 100

配列番号： 967

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01091

配列：

GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60
AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG 100

配列番号： 968

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01092

配列：

GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60
CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG 100

配列番号： 969

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01093

配列：

GATCGAGGGG CGGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60
AAGCCTGGTT CTCITTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG 100

【0267】

【配列表 177】

配列番号: 970
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01094
 配列:
 GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACTT TGGCCCTAAC 60
 ACGAGGAAGT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA 100

配列番号: 971
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01095
 配列:
 GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60
 TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA 100

配列番号: 972
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01096
 配列:
 GATCGGGCCT ACTAGNTGCA GAGACCCCGC AGAGCTGCA TGA CTACCAG ATTTATTTTT 60
 TAAACCAGAA AATGTTTAA ATTTATAATT CCATATTTAT 100

配列番号: 973
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01097
 配列:
 GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTGAAAT GGTGGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60
 AACCATGATT AGGAAGTAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA 100

配列番号: 974
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01098
 配列:
 GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AATATGGGGT 60
 TGGTGTTC TCATATAAT TACCTACAAG TCATCATAAT 100

配列番号: 975
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01099
 配列:
 GATCTTCCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60
 ACAAGCTAGC TATTAGAGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA 100

【0268】

【配列表178】

配列番号： 976

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01100

配列：

GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTTCAG ATGGTCATCT 60
GGATTCTCCC ACTTCTCTAC TCCATTATTT CTCTACTTTT 100

配列番号： 977

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01101

配列：

GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TTACTTCCTT TCTTCTGGGC 100

配列番号： 978

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01102

配列：

GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA 100

配列番号： 979

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01103

配列：

GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GCGGCTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATTNNTT TTTNCAATTT GGCTAATGAA 100

配列番号： 980

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01104

配列：

GATCAGAGGC TGGGGCCAAC TGGAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCCTCCGC 60
TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA 100

【0269】

【配列表 179】

配列番号: 981
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01105
 配列:
 GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60
 GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA 100

配列番号: 982
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01106
 配列:
 GATCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTCATCTGT TCAGTCATCT 60
 CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTGT TGGGCAATAT 100

配列番号: 983
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01107
 配列:
 GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTAA AAANNANAAA TATTTTAAAC ATGGGTTTCC 60
 TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT 100

配列番号: 984
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01108
 配列:
 GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTNA CTGTNTACAT 60
 CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA 100

配列番号: 985
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01109
 配列:
 GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
 TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGCC 100

配列番号: 986
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01110
 配列:
 GATCAGAGTG GGTAAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTTAAC CCCTTTTNCI TTTTGCTTTC 60
 ATTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC 100

【0270】

【配列表 180】

配列番号： 987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01111

配列：

GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAACGGC CTTCAATTCTT GGTTGTNAGA TTTTATTTGA 60
TATGCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCCC GCTTTGGGCT 100

配列番号： 988

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01112

配列：

GATCTGCTTG GAGTTTTCTG CCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA 100

配列番号： 989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01115

配列：

GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCCAGGC 100

配列番号： 990

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01116

配列：

GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTCACTCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACCTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT 100

配列番号： 991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01117

配列：

GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGGAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60
CTCCCCCTCC AGAAGCGCCT CTTCCCCCTGG AAGCTGCACA 100

【0271】

【配列表181】

配列番号：992
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01118
 配列：
 GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAACT 60
 GGTACTTAAT GGGGAAGCA AAATTAGCTG GGAATAAAC 100

配列番号：993
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01119
 配列：
 GATCTCAGGA ATTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60
 GAAAGAAGCA GATATCCAA GGTGCAGCC CCTTTGAAA 100

配列番号：994
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01120
 配列：
 GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTTCAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60
 TAATCTCTTT TCCGTAATAT TTCCTTTATT TCAATGATC 100

配列番号：995
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01122
 配列：
 GATCCAAAGT GTTAAAAATG CTGAAGTCAT GTCAAGTACT GTCTGGAGGG TTTTITTAAG 60
 AAAAGGCATT TGGCATTAA CTGTCTCTTG TTTTATTTT 100

配列番号：996
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01123
 配列：
 GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
 TGGGGGGGAC TGGGTNTGGG ACACCCACAC AGNGCHCCAC 100

配列番号：997
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01126
 配列：
 GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60
 CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTAG AGGTGGGGAG 100

【0272】

【配列表182】

配列番号：998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01127

配列：

GATCTGNCGT GCCCACCAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60
GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT 100

配列番号：999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01128

配列：

GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60
NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC 100

配列番号：1000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01129

配列：

GATCCTCCTC AGAACTACC GGACTTGTTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60
AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA 100

【0273】

【配列表 183】

配列番号: 1001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01130

配列:

GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTATTTA ATATCCATTC ATTTCATGTT AGTGGGACTA 60
TTAACTTGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTTC AAACAAAATT 100

配列番号: 1002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01131

配列:

GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60
GGCGACTTGG NHAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC 100

配列番号: 1003

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01132

配列:

GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60
CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT 100

配列番号: 1004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01133

配列:

GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTTCA CTAGTGGAAA 60
CTGTATAGCT GGTCACTTTT CCAGGACCCT TTTATCAAGA 100

配列番号: 1005

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01134

配列:

GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60
AATAACTCCA CATTTATTTG TGTATATNAC TCTGTGTTAT 100

配列番号: 1006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01135

配列:

GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GCACCTAAGT GCCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60
CTCACAACG GCTCGGTGGC CTCCTGCAG TAACGAGTGA 100

【0274】

【配列表 184】

配列番号： 1007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01136

配列：

GATCACTTTC AATTGAAGTC AGGGTATTGT GCATAATAGA AAGTATTGGA CTGAGATATT 60
TGGTTACCAT GGAGGCCAAT GCTTTTTTCA TCTTATTAAT 100

配列番号： 1008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01137

配列：

GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAACAAGA GCACTTTCTA AAATCACTTA 100

配列番号： 1009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01138

配列：

GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG 100

配列番号： 1010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01139

配列：

GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT 100

配列番号： 1011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01140

配列：

GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC 60
TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG 100

【0275】

【配列表185】

配列番号: 1012
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01141
 配列:
 GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTTT AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTACT 60
 TCAGTTCCTA ACCAATGACT TGGGATGAT GCAAACAATT 100

配列番号: 1013
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01142
 配列:
 GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGCC 60
 AACGCTGACA TCGTCACCCT GCTACGACTG GCAAAGATGA 100

配列番号: 1014
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01143
 配列:
 GATCCCTTGC NTGCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCAGC 60
 CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCTCCTC AGGGCTTGGN 100

配列番号: 1015
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01144
 配列:
 GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GCGGAAGAAA 60
 CGACTCATTG GAACTACACC TGTTACATAC CATTGCGTAA 100

配列番号: 1016
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01145
 配列:
 GATCAGAAAA AACAGAAGCC AAATCTGGGG TCATCTTTNT NTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60
 TGTCTGGCAC TCTGTGATT TATNCGTTCC AGCATCTGGA 100

配列番号: 1017
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01147
 配列:
 GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTCTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60
 GCACGCTAAC AGCTGGGACA TAAAAGCAGT GGAGAGGGCT 100

【0276】

【配列表186】

配列番号: 1018
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01148
 配列:
 GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCAGTGTAT CTATGAAATA 60
 CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTCCTA ACTTTTNGTA 100

配列番号: 1019
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01149
 配列:
 GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60
 GNTTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTCAGTC TTCTGGATT 100

配列番号: 1020
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01150
 配列:
 GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCAGTT CTAAGGGCCC TGTTCGAGA 60
 TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG 100

配列番号: 1021
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01151
 配列:
 GATCCATGGG GCCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAAA GAGTGTTC 60
 TTTTCTGATC TATTCTTTAA AGGATTCAAA TCGGGATTG 100

配列番号: 1022
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01152
 配列:
 GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
 TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC 100

配列番号: 1023
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01153
 配列:
 GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
 TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCAGTGT GGGCAGGCCG 100

【0277】

【配列表 187】

配列番号： 1024

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01154

配列：

GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCTCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCCACA GCTTTCACCC 100

配列番号： 1025

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01155

配列：

GATCTAAAGC AGGTNGTGT GTTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCAAGGT TGGAAAGCAG 100

配列番号： 1026

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01156

配列：

GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCCTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG 100

配列番号： 1027

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01157

配列：

GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTGT 60
CACTTNGGAA ATTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT 100

配列番号： 1028

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01158

配列：

GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA 100

【0278】

【配列表188】

配列番号: 1029
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01159
 配列:
 GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
 TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTAAAA 100

配列番号: 1030
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01160
 配列:
 GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
 TTTTGCATAA GCTTCTTTAT GATTCAGTAA TGCAGGTGAG 100

配列番号: 1031
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01161
 配列:
 GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
 TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATGAAGTA 100

配列番号: 1032
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01162
 配列:
 GATCTATGGA AACTGCGAA TGTAAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60
 TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA 100

配列番号: 1033
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01163
 配列:
 GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTACAC 60
 ACCAGTGAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTTCACAGT 100

配列番号: 1034
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01164
 配列:
 GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCAC 60
 AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT 100

【0279】

【配列表 189】

配列番号: 1035

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01165

配列:

GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAAG ACTGAAGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60
CAGAAACAGT CAAGTGT TTTT CCAATGTGGT TGTCCGGTTT 100

配列番号: 1036

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01166

配列:

GATCTTCCTG TTTGTGGATA AGACAGTCCC ACAGTCCAGC CTAAGTATGG GACAGCTTTA 60
CGAGAAGGAA AAAGATGAAG ATGGATTCTA ATATGTGGCC 100

配列番号: 1037

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01167

配列:

GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60
GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT 100

配列番号: 1038

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01168

配列:

GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60
TGTCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTTG GATTTGTTTT 100

配列番号: 1039

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01169

配列:

GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTGTTGAAT TACTGTCAGA 60
ATTACATACA CAATTACAAC AAAGTTTTTT TAAAGACAT 100

【0280】

【配列表190】

配列番号: 1040
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01170
 配列:
 GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TTTTGGTCT 60
 CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTCTGTNT CTGCCTGTC 100

配列番号: 1041
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01171
 配列:
 GATCTTCAAG AAGTGAAGA GACCGAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60
 AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTC AGCAGAAGAT 100

配列番号: 1042
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01172
 配列:
 GATCAGCGGT TCTTTTGGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGCCTT 60
 TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGCTTA CTACATGATT 100

配列番号: 1043
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01173
 配列:
 GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAATTGGC 60
 GCTGGAATTT GGCTGGGAA AAATCTGTG GTTATTTCTT 100

配列番号: 1044
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01174
 配列:
 GATCTCAAGT GACCCGCCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60
 CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTTCATC CAGAGTAAAT 100

配列番号: 1045
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01175
 配列:
 GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CCTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60
 TTGGCTCCTG TGCCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA 100

【0281】

【配列表191】

配列番号： 1046

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01176

配列：

GATCTTGGAA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60
TTTAAATTGC CAAGCAGGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA 100

配列番号： 1047

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01177

配列：

GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60
GTCACCTTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG 100

配列番号： 1048

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01178

配列：

GATCCACCCT CCTGTAAATA TGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTTGACTAC 100

配列番号： 1049

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01179

配列：

GATCTTCAAG TATTTCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC 100

配列番号： 1050

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01180

配列：

GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGGCAATGG 100

【0282】

【配列表192】

配列番号: 1051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01181
 配列:
 GATCGACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60
 AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATTTC 100

配列番号: 1052
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01182
 配列:
 GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60
 GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT 100

配列番号: 1053
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01183
 配列:
 GATCAATAAA TNATACCAA TATATGTTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60
 GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGCTTTT 100

配列番号: 1054
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01184
 配列:
 GATCATACCG GTAAAGCAGG AATGACAAAG CTTGCTTTTC TGGTATGTC TAGGTGTATT 60
 GTGACTTTNA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT 100

配列番号: 1055
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01186
 配列:
 GATCTGGAAG CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
 TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG 100

配列番号: 1056
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01187
 配列:
 GATCCGGGGG ACCCCTTTGC CCTTCCCTCG GCTCCAGGCC CTACAGACTT GCTGTGTGAC 60
 CTCAGGCCAG TGTGCCGACC TCTCTGGGCC TCAGTTTTCC 100

【0283】

【配列表193】

配列番号：1057

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01188

配列：

GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA 100

配列番号：1058

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01189

配列：

GATCCTCGCA GCTTCTACGA GCGGGGTGTC GCAGTCTTGT GCACAGAGTA AACTTTTCTA 60
GCTGCCCTT TCTGTAATAG TGAAAGTTGG TATTAAACAT 100

配列番号：1059

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01191

配列：

GATCCTTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60
AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC 100

配列番号：1060

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01192

配列：

GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60
TGGAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG 100

配列番号：1061

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01193

配列：

GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACCT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60
CAGAGTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG 100

【0284】

【配列表 194】

配列番号： 1062
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01194
 配列：
 GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTTCAC 60
 ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGAACCACA 100

配列番号： 1063
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01195
 配列：
 GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGAATTTTT GTCCAAGCTT CAAATAATTT TGAAGAAAT 60
 TTTCCCATAT GAAAAAGGA GAGAACACTG GCATCTGTTG 100

配列番号： 1064
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01196
 配列：
 GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60
 GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC 100

配列番号： 1065
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01197
 配列：
 GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60
 TTACTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTCAGCT 100

配列番号： 1066
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01198
 配列：
 GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCGCA TCCTCCAGGG GGCCCAAGGT 60
 GCCTGCACTT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG 100

配列番号： 1067
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01199
 配列：
 GATCCCGCTC TGTNTTTTCC AGGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60
 GCAGAGCTGA TATCTCTTA CCTGGGGAGT CAGCTTACC 100

【0285】

【配列表195】

配列番号：1068

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01200

配列：

GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60
TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGGNCCCCAA 100

配列番号：1069

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01201

配列：

GATCTAGTTC CCCTGGA AAA GCTGCTGTAT TTTTAATTTT TAATGGAATG TAGCTTTTNN 60
AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA 100

配列番号：1070

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01202

配列：

GATCCTGTTT CTNGCTCTGA GTNCTAGCTA GCCAGCTGTN TTCACACTGT AACATTTCAT 60
CAAGCTGTAC ATTTGGTGCA CTTTTCTGTG TCATACCACA 100

配列番号：1071

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01203

配列：

GATCCNTCAA CGGATACTAG AAAATGAAAA AGACTTGGAA GAAGCTGAGG AATATAAAGA 60
AGCACGTTTA GTACTGGATT CAGTGAAGTT AGAAGCCTGA 100

【0286】

【配列表 196】

配列番号: 1072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01204
 配列:
 GATCTCACCT CTTCTCAGG ATGGGGAGCT CACTCCGAGA ACAGGAGAAA TCAACATTGC 60
 AGTAACAAGG TAGAATGGT TTGAAGAAGA AAAAACCTGC 100

配列番号: 1073
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01205
 配列:
 GATCCAAGTT CCTAGACCTC ATGGCTGTCC CCTCCACCA GTCACCTCCA CTGCACAAC 60
 CGGGCGGGGG TGTGACACCT CTCCCCACC NCCGACTCCG 100

配列番号: 1074
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01207
 配列:
 GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGA CTGTGGT TCAACAGTAT TCGGTTGTCA 60
 GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAATGGT TTAGTTTTC 100

配列番号: 1075
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01208
 配列:
 GATCTGGTTG GCATTTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGCTTAC 60
 TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC 100

配列番号: 1076
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01209
 配列:
 GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTNTTTTT 60
 TTTTTCTTT GTCTTTTNA CTAAGAGCTG TTTAAGTTGA 100

配列番号: 1077
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01210
 配列:
 GATCCTCTTT GTTGTGTCAA AGCACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCATG 60
 TAAGCCCTAT GCCTTNAAT ATCATGCACC ATGACCCACA 100

【0287】

【配列表 197】

配列番号： 1078

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01211

配列：

GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTTGGT TAATAAATAC 100

配列番号： 1079

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01212

配列：

GATCCTAGTG ATTTTCAGCCC ATGCATTAAA CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTTCTA AAGGGAACCTT AAAAAGTCT GCTACATGTT 100

配列番号： 1080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01213

配列：

GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAATT 100

配列番号： 1081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01214

配列：

GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60
TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT 100

【0288】

【配列表198】

配列番号：1082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01215

配列：

GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60
 AAAAAAAAAATN AATTTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA 100

配列番号：1083

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01216

配列：

GATCAAAGAT TGTAATAATA ATTTTGTAAG TGTAAAGCAA AAAGTTATTT TTATATTATA 60
 TACAGTCTAA TTGTTTCATCC TAATTGTTCC TGTTTTCATC 100

配列番号：1084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01217

配列：

GATCTCCATG TAGTCCATAT AAACCTGCAG AGTGATTTTC CAGAGTGCTC GATACTGTTA 60
 ATTACATCTC CATTAGGGCT GNAAGAATG ACCTACGTTT 100

【0289】

【配列表199】

配列番号：1085
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01218
 配列：
 GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60
 TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA 100

配列番号：1086
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01219
 配列：
 GATCGACAGC AGTCATCCTT AAGGGACTTT CAGAACTGAG ACAGGGCCTT CTCCAGAAGC 60
 AAAAGGAGTT GGAAAGTAGT CTCCTGCCCT TTAGCTGAAA 100

配列番号：1087
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01220
 配列：
 GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60
 TCTCTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT 100

配列番号：1088
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01221
 配列：
 GATCCCGAGA CTGTGTCTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTCGCTGGC 60
 CCATGANCTG GGATGGTCTT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG 100

配列番号：1089
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01222
 配列：
 GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTTAC TTCTGCCTGA AACATTTTCT TTAACATTTT 60
 TTATAGTGT GTTTTACTGG TGATGATTTT TTTACGGTTC 100

配列番号：1090
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01223
 配列：
 GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGG CCCCCTGCTG 60
 TGCTCCACAG TGGCCTGCGG CATGTCTATG CTCAGGACC 100

【0290】

【配列表200】

配列番号： 1091

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01224

配列：

GATCCAAATG GATTACCAGT GTGCTACAGA CTTCTTATTA TAGAACAGCA TTCTATTCTA 60
CATCAAAAAT AGTTTGTGTA AGTTAGTTTT GGTACCATC 100

配列番号： 1092

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01225

配列：

GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60
ACAGCATTAA ATATCGAGAA TTTTGGGTGG GAGAGAGCAG 100

配列番号： 1093

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01226

配列：

GATCGCCGCC CAGGGTTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCAGTGCTA 60
TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC 100

配列番号： 1094

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01227

配列：

GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60
TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT 100

配列番号： 1095

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01228

配列：

GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTTATT TTATCTTATA 60
ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG 100

【0291】

【配列表201】

配列番号：1096

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01229

配列：

GATCTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60
GTCAAAGAG TTGGATATCA AACTGATGG TGCAGTTAAC 100

配列番号：1097

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01230

配列：

GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTNCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTC 60
ACGTTAACCA GATGACTTTT CCTGTNACCA AACCTCATGC 100

配列番号：1098

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01231

配列：

GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGTG TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAAGTGTTC 100

配列番号：1099

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01232

配列：

GATCTGCCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATTCTTAAA ACACGATGAT AATAAACATC 100

配列番号：1100

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01233

配列：

GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTGTTCG TTTTTTTTAA AGACTTGAAA 60
CTTGTAACIG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG 100

配列番号：1101

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01235

配列：

GATCATTAAG ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTACAG 100

【0292】

【配列表202】

配列番号: 1102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01236

配列:

GATCCCAACA AAGATACAAG TGA AACGCA GAAGGTCAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC 100

配列番号: 1103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01237

配列:

GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAATGT TAGGCGATGA 60
ATTCCTGAGC ACCTTGTTTT TNTCCAAGG TTCGTAGCTC 100

配列番号: 1104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01238

配列:

GATCTCCATG CCGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60
TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT 100

配列番号: 1105

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01239

配列:

GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60
CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG 100

配列番号: 1106

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01240

配列:

GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60
TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC 100

【0293】

【配列表203】

配列番号: 1107

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01241

配列:

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTHTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60
CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTTAAT 100

配列番号: 1108

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01242

配列:

GATCTTAGGN NITNACTTNT TTTGATTTGT TTTGTTTTTG AAAGAAGAAA AAAATACAAT 60
TAACAAGCCT CTTTTGTAAA TGGGTTTCCT TTCTATGTAT 100

配列番号: 1109

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01243

配列:

GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60
CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA 100

配列番号: 1110

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01244

配列:

GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCAATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTCGGG AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA 100

配列番号: 1111

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01245

配列:

GATCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCTT GTCCAGTCAT 60
GTAAATAATG TGCTATTTCT CTCCCGAGT CTTTTTTTTT 100

配列番号: 1112

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01246

配列:

GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60
GTATGTGCCC TCTGTGCTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG 100

【0294】

【配列表204】

配列番号： 1113

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01247

配列：

GATCTGGGCA GTTAGATAGT GCTCTGTGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG GTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTGAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG 100

配列番号： 1114

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01248

配列：

GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTT CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60
CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTTAAT GTCTATCTTC 100

配列番号： 1115

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01249

配列：

GATCCATTTN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG 100

配列番号： 1116

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01250

配列：

GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60
CAGAGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAA AGATGTATCT 100

配列番号： 1117

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01251

配列：

GATCCGCAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGTCTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC 100

【0295】

【配列表205】

配列番号: 1118

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01252

配列:

GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCTC TCGAGTTTTG TCTCTAATAA AGGCCTTTT 60
TGTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTTGT 100

配列番号: 1119

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01253

配列:

GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60
GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TAAAACTAG 100

配列番号: 1120

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01254

配列:

GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAACTATAT TTTGAGTTCT 60
CTGCAGCAAG TGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATT 100

配列番号: 1121

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01256

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTATAGAA GAACATGCCA CAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAGG 100

配列番号: 1122

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01257

配列:

GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60
CCCCATCG TTCCCCACGT GGCCCGCAA GAGCGAGCAG 100

配列番号: 1123

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01258

配列:

GATCTGTTGA CTTCCCTGGG TAGGACACTG CCACCTCTGG GCTCAGGTCC TNATGCCTCC 60
AAATGGCATC TAGAGTTTGA GCAGCCTTCT TGGCTGCAAG 100

【0296】

【配列表206】

配列番号： 1124

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01259

配列：

GATCATNATT TTTNCTGCGT AGTTGACAGA CTTAGCATAT TAGTTTTTNN TACTCCTACA 60
AGTGTAATT GAAAAATCTT TATATTAAAA AAGTAAACTG 100

配列番号： 1125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01260

配列：

GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAAGAGAA AATGAAAAAA 100

配列番号： 1126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01261

配列：

GATCCCCCGN TCAGCNCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60
CTTTACCTTT CTAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA 100

配列番号： 1127

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01262

配列：

GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60
CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA 100

配列番号： 1128

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01263

配列：

GATCTTCTAT GCAGTTCTGC CATGCCCTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTTNT TGTTACTTGG 60
GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCCTGCAT TCCATCTTN 100

【0297】

【配列表207】

配列番号: 1129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01264
 配列:
 GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60
 ACTCTATAAT ACATTAAATT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA 100

配列番号: 1130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01265
 配列:
 GATCTGGCCA GTTGTACTTT TAGCTCCCAG AGGGAGAGTT GGTGGTATTA TGAGTTGAGT 60
 AAAAACCATC CAGGGGAACT TGAGGGAGCA GTCTGTTGCC 100

配列番号: 1131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01266
 配列:
 GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60
 CCACCCAGA GACCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTTC 100

配列番号: 1132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01267
 配列:
 GATCAGGAGG CATCATGAG GCCAGGAGCT CTGCCCCGTA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60
 TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT 100

配列番号: 1133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01268
 配列:
 GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60
 TCGGAAGAAC TGCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT 100

配列番号: 1134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01269
 配列:
 GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTTGACT 60
 GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGCT AGCCTTTTAC 100

【0298】

【配列表208】

配列番号：1135

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01270

配列：

GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60
TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGAAG 100

配列番号：1136

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01272

配列：

GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60
GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTTCITT TGGGCCACAT 100

配列番号：1137

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01273

配列：

GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTNTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG 100

配列番号：1138

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01274

配列：

GATCCTTACT ACTGGAATTA CCGGGTTAAA AGGAAATGCT TACCACTAAG ATGTCAGTAT 60
TCTCCTCATG GATATTTTCA ATCTCAATGT TGCCAGTCTA 100

配列番号：1139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01276

配列：

GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60
TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC 100

【0299】

【配列表209】

配列番号：1140
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01277
配列：
GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAAATAAG ANTAGGTCCT GTTATTTTGG ACATCTNTTT 60
ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC 100

配列番号：1141
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01278
配列：
GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60
ACTGGAATA TTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT 100

配列番号：1142
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01279
配列：
GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60
AATCTCCATA ATTTCAATTG GTAACTTTG TTAAGACCTG 100

配列番号：1143
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01280
配列：
GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60
CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN 100

配列番号：1144
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01281
配列：
GATCTGACTT AAAAACCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60
GTTAACTCTC TGGGTGTTCA GGCTTCTATT TGACTGCTGT 100

配列番号：1145
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01282
配列：
GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60
AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCTAG 100

【0300】

【配列表 210】

配列番号： 1146

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01283

配列：

GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60
CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCACC TGTCCTGCAG 100

配列番号： 1147

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01284

配列：

GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60
GGCAGAGCTT CTGCCCCTG TTATCTTAC TTTCTTTGTC 100

配列番号： 1148

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01285

配列：

GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60
CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC 100

配列番号： 1149

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01286

配列：

GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTGTITT 60
TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGG CTATGTGGGA 100

配列番号： 1150

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01287

配列：

GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTTTGGAA CAGGTAAAAT 60
GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAACA GTATTTTATG 100

【0301】

【配列表211】

配列番号: 1151
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01288
 配列:
 GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60
 TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA 100

配列番号: 1152
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01289
 配列:
 GATCCCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TACTGCTGTA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60
 AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTNTT 100

配列番号: 1153
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01290
 配列:
 GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60
 CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT 100

配列番号: 1154
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01291
 配列:
 GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAACTCTGGA 60
 TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA 100

配列番号: 1155
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01292
 配列:
 GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCTGTTC 60
 TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC 100

配列番号: 1156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01293
 配列:
 GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTIGCT TTGGGACTTT 60
 GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA 100

【0302】

【配列表 2 1 2】

配列番号： 1157

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01294

配列：

GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTTCAGGCT GTCATAGCCA 60
CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC 100

配列番号： 1158

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01295

配列：

GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCCT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCCTGTCC 60
TCCCCTGTCT CCTTTCCTCC TCCTGGGTTT ATGTTGTAAT 100

配列番号： 1159

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01296

配列：

GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60
AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT 100

配列番号： 1160

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01297

配列：

GATCATAGTG TTTTGTAAATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTAAAGGG TAATTTAGAC 60
CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAATTAA 100

配列番号： 1161

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01298

配列：

GATCAAAGTT TAATTGCTTC ATTTTGTGTT AAAAAGGGAT ACTGATGTCA GAAAATCTGT 60
AATATGTTTT ATTCAAAGA TGTAATAAT GTATACAGAC 100

【0303】

【配列表213】

配列番号: 1162
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01299
 配列:
 GATCCCTCTC CTCGCCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
 GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAACTACC 100

配列番号: 1163
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01300
 配列:
 GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60
 AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACCTTTT GTACATTTGC 100

配列番号: 1164
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01301
 配列:
 GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60
 TTGTGGAAAT CTCTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG 100

配列番号: 1165
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01302
 配列:
 GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGA GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60
 CAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT 100

配列番号: 1166
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01303
 配列:
 GATCTTGTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCC TTTAATACTG GGCATTTTAA 60
 AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT 100

配列番号: 1167
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01304
 配列:
 GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTCTAAGT CTTTCCAGAA 60
 AAAAATATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC 100

【0304】

【配列表 214】

配列番号： 1168

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01305

配列：

GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60
CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTTGC TGAGACTTCC 100

配列番号： 1169

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01306

配列：

GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCAGT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT 100

配列番号： 1170

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01307

配列：

GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 60
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT 100

配列番号： 1171

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01308

配列：

GATCCGCCCA TGTNAGCCTC CCAAAGTGCT AGGGTTACAG GCATGAGCTA CCATGCCTGG 60
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTTT CCTAGGTAAC 100

配列番号： 1172

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01309

配列：

GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60
GGAAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCC 100

【0305】

【配列表215】

配列番号: 1173
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01310
 配列:
 GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60
 CTAATAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GCGGTGTGCC 100

配列番号: 1174
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01311
 配列:
 GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAACT ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60
 TGAGTTAAGC TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG 100

配列番号: 1175
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01312
 配列:
 GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTNGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60
 GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG 100

配列番号: 1176
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01313
 配列:
 GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA 60
 TATGTGTGGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA 100

配列番号: 1177
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01314
 配列:
 GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCGCGCACA TGCTACTGTT GCCTATCCAG 60
 GAGTGCTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG 100

配列番号: 1178
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01315
 配列:
 GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAAC 60
 AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT 100

【0306】

【配列表 216】

配列番号： 1179

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01316

配列：

GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCAT 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAAANTTGT TTACAGGATA 100

配列番号： 1180

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01317

配列：

GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTTAGT TTTTAAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA 100

配列番号： 1181

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01318

配列：

GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT 100

配列番号： 1182

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01319

配列：

GATCCCCTGA CCTGCATTAC CTGGGTAACC ATTTCAATTT TTAATTTAAT TTCATTTTTT 60
AATTTTGGTG TACAAGCTGT AACATTTTCAT CTTTCAAAGT 100

配列番号： 1183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01320

配列：

GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTCAGG 100

【0307】

【配列表 217】

配列番号: 1184

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01321

配列:

GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGAC ACATTCCTGT TGCATTAAGA 60
CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT 100

配列番号: 1185

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01322

配列:

GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60
TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT 100

配列番号: 1186

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01323

配列:

GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60
CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTGAAGA TAACTGCTTT 100

配列番号: 1187

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01324

配列:

GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60
AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGAATGAGT TCTCTTTTAA 100

配列番号: 1188

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01325

配列:

GATCAGCTGA AGGTTTATGG GTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60
TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTCA 100

配列番号: 1189

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01326

配列:

GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60
TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGGCTCTAA GAGAAAGGCC 100

【0308】

【配列表218】

配列番号： 1190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01327

配列：

GATCTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTTAAGTAG CAGTATGGGA 60
CAAGGCTTGT AAATGTTTG TCTAATGTTT TATTGTCACC 100

配列番号： 1191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01328

配列：

GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60
AAGANGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT AAGANTGGAG 100

配列番号： 1192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01329

配列：

GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCCTCT 60
TTCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA 100

配列番号： 1193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01330

配列：

GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTACTGACC ACATCAGACT TCATGCTAAA 60
TACCTGAATG CATGAAAAAA CTCCAAATAA GAGAATCTCT 100

配列番号： 1194

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01331

配列：

GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60
CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC 100

【0309】

【配列表219】

配列番号: 1195

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01332

配列:

GATCTCTTGG TGAACCTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAAACTTTA 100

配列番号: 1196

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01333

配列:

GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60
TGTCCTCCGT CCCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC 100

配列番号: 1197

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01334

配列:

GATCTTCGGC CTCATTCTAA TACCTGTTCT TTGGACAGTC TTTTTCCTTT GGTGCTCTCT 60
TGCCTTTAGC TACCTTCTCT AATATGTATG CTACCATCAC 100

配列番号: 1198

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01335

配列:

GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCAC AAAATTTAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60
TCTTTTGGC TGTAATAATAT AACAAAGGGC ATCATTAAGT 100

配列番号: 1199

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01336

配列:

GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AACTAATGC 60
TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC 100

配列番号: 1200

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01337

配列:

GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGGCTCTA 60
TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA 100

【0310】

【配列表220】

配列番号：1201

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01338

配列：

GATCAAATTT TTGTAATTT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60
NATATTCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT 100

配列番号：1202

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01339

配列：

GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60
GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCCC GTGTTCCCA 100

配列番号：1203

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01340

配列：

GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAATTGC 60
CTATAAATTG ACTCTACTAA AATAACAATG TTTCACTCTG 100

配列番号：1204

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01341

配列：

GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60
TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGTTATGAC CTGACTGTCC 100

配列番号：1205

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01342

配列：

GATCACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCCC TCACTTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60
AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTACTGGAAT GAGTTGCAGG 100

【0311】

【配列表221】

配列番号：1206
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01343
 配列：
 GATCTTTTTA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60
 ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC 100

配列番号：1207
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01344
 配列：
 GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60
 TTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA 100

配列番号：1208
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01345
 配列：
 GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60
 ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC 100

配列番号：1209
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01346
 配列：
 GATCGCCCGC CCCAGCCCGG GGCCGCTCAG GTCTGCTTGG AGGATGCCTC CCCCAGGAGG 60
 GCAGTGAGGG ATGCCGCAAC CTCGACTTCT CAGCCTCCTG 100

配列番号：1210
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01347
 配列：
 GATCTCTGCT CAGCTTCCCT TGGGTTTAAG GCCTGCCCTA GCCAGGGCTC CCTCCTGCTT 60
 CCAGTACCCT CTCATGGCAT AGGCTGCAAC CCAGCAGAGG 100

配列番号：1211
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01348
 配列：
 GATCCCCCTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60
 CTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT 100

【0312】

【配列表222】

配列番号：1212

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01349

配列：

GATCTCATTG TCCCTTTTAA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCTT CTTTGGGTA 60
TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT 100

配列番号：1213

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01350

配列：

GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA TCCTCTTAAA GACCCTTTGC TATGTAGTCT 60
CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACA GGCATNCTGG 100

配列番号：1214

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01351

配列：

GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT CATTAGCCCA CATACCAGTA ACTTATACTT 60
AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT ATAATACAAT 100

配列番号：1215

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01352

配列：

GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT TACGGGAACT CTATAAAGCA GGAAGAAGCA 60
AGTTTATTCT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC CATGATGTGG 100

配列番号：1216

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01353

配列：

GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GATTGGTTGA GATTAAGTGG TGTGGTGGTT 60
GGTGTATGTA TGTNNATTT TNATGTCCTT GTATGTAGTT 100

【0313】

【配列表223】

配列番号：1217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01354
 配列：
 GATCCGTCAG TCTTGGGTGG AATGATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60
 GTCAAGCCAA GATTCAGAA GCTGGGCAGGG CTATGCCGGA 100

配列番号：1218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01355
 配列：
 GATCATGTGA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTTNTTTT GACCTTTCTT CCCCTCCATC 60
 CAGTATTTTC GTTGATTTCA TTTTCTCCCC TCTCTTCCCC 100

配列番号：1219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01356
 配列：
 GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAAACTNAG GCCAGAGGGA GCAGAGAATT 60
 GCTCATGGCT CCANAAGTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC 100

配列番号：1220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01357
 配列：
 GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60
 AGAAGATTTT ATTCAGCTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC 100

配列番号：1221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01358
 配列：
 GATCCAAGAC CAGGGNGGTT GGGACGGCCT CCTNTCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60
 GACCGTGACC ATCTTTTGG CCGGAGTNCI CACCGCCTCA 100

配列番号：1222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01359
 配列：
 GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60
 NTTTTCTTT TTCANATAGT CTGGGGCTAT TTAATTATTT 100

【0314】

【配列表 224】

配列番号： 1223

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01360

配列：

GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTACTCATCT CTATCTTTAC 60
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTC 100

配列番号： 1224

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01361

配列：

GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCACTCTG GGTCTGACTG 60
GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTAAATTCA AAAGCCCTGC 100

配列番号： 1225

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01362

配列：

GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAAGTCAAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60
NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA 100

配列番号： 1226

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01363

配列：

GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60
ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTCACACT GTAGCCTCTT 100

配列番号： 1227

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01364

配列：

GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAAATTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAAAATA CAGTGAATTT 100

【0315】

【配列表225】

配列番号: 1228

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01365

配列:

GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGHTA AAAATAATTT ATTTTTCAG 60
TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATNTTATT NNTAATGTAT 100

配列番号: 1229

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01366

配列:

GATCAACATG ATGGTGA CTG GGA AAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTCCCTCC 60
TTAATGTGAA AAATCAAGG CTTACTGACA TAGGAACAAC 100

配列番号: 1230

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01367

配列:

GATCCANATT TAGTTTTATA AGCTTTTCCC TGTTTTTAGT TTTGTTTTGG GTTTTTTGGC 60
TCATGAATTT TATTTCTGTT TGTGATAAG AAATGTAAGA 100

配列番号: 1231

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01368

配列:

GATCGNCTCT GAACCATCCC NTTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGAAGCTCG CTGTGGAGCG 60
TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT 100

配列番号: 1232

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01369

配列:

GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTGG TAGGCCTTAA TGTTCAATTT GATTTATTTT 60
AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC 100

配列番号: 1233

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01370

配列:

GATCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60
AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA 100

【0316】

【配列表226】

配列番号：1234

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01371

配列：

GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60
CAGGAACTG ATTTGGGCCT CTGTCAGTTT CTTTTCCNTG 100

配列番号：1235

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01372

配列：

GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60
NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN 100

配列番号：1236

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01373

配列：

GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TTAAGTCTG ACTTGTTTTT 60
AAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTCCT 100

配列番号：1237

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01374

配列：

GATCTGGAAG AGGCTTGTA CCTGAACTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60
GTAATCTCCC TGGATTAAGG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT 100

配列番号：1238

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01375

配列：

GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTCTT TGCCTGCTGC 60
CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCCT TGCCATCTGC 100

【0317】

【配列表227】

配列番号: 1239
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01377
 配列:
 GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGAACAG TTAACAGGG AGGGATACTG GGGAGGGCA 60
 TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTC 100

配列番号: 1240
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01378
 配列:
 GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGAATA TAACTTGGT 60
 TTAAGTAAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC 100

配列番号: 1241
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01379
 配列:
 GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCTTTTCAGC CTTCAATTTCT CTCTCTCAGG 60
 ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA 100

配列番号: 1242
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01380
 配列:
 GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAAGCTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAAAA AACTTAGCT 60
 GTAAGTGCTT TGACCTATTT TTTTAAAAA AAAAAAACC 100

配列番号: 1243
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01381
 配列:
 GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
 TTGCTGCCCT TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA 100

配列番号: 1244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01382
 配列:
 GATCTTTTGT NTTCCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGCT 60
 TCTTCTCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGCCAC 100

【0318】

【配列表228】

配列番号：1245

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01383

配列：

GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT 100

配列番号：1246

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01384

配列：

GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAACT GGTTTTGGT TTTTTTTTC 100

配列番号：1247

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01385

配列：

GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA 100

配列番号：1248

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01386

配列：

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60
TGAAAGGAT GAATTACAT CATTGACAA GCCTATTTTC 100

配列番号：1249

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01387

配列：

GATCTGTCTG TGTGTGTTATA TATTCCTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60
CTGTCATTTT AATTGGATAA CATTTTGTCA AGTTTTTTTT 100

【0319】

【配列表229】

配列番号: 1250

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01388

配列:

GATCCTATTT TGGGCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60
GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT 100

配列番号: 1251

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01389

配列:

GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60
CTCAGGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT 100

配列番号: 1252

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01390

配列:

GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60
CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTGT TTTT 100

配列番号: 1253

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01391

配列:

GATCTGGATT TGCTTACCT TGTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60
GTCTTCTCT CCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGT TTA 100

配列番号: 1254

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01392

配列:

GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60
CAAGCGTAAC TGGTGGAAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG 100

配列番号: 1255

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01393

配列:

GATCTGGAAG TGAACACAG TTTATGTACA GGGAAAAGGA TTTTATTATC CTTAGGAATG 60
TCATCCAAGA CGTAGAGCTT GAATGTGAGG TTATTTAAAA 100

【0320】

【配列表230】

配列番号：1256

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01394

配列：

GATCTCAATG CCAATCCTCC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60
TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTTCT CATGACGAGT 100

配列番号：1257

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01395

配列：

GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60
TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT 100

配列番号：1258

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01396

配列：

GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60
TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA 100

配列番号：1259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01397

配列：

GATCTTGGAA TTCTTGTTG GATTTCACAC GTTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60
CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC 100

配列番号：1260

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01398

配列：

GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60
GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT 100

【0321】

【配列表231】

配列番号: 1261
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01400
 配列:
 GATCCTATTC TTGTA AAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
 AGTGA ACTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT 100

配列番号: 1262
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01401
 配列:
 GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
 TAAAAGTTTC CTTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC 100

配列番号: 1263
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01402
 配列:
 GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCATCAGTC 60
 TAGTGAAGAT GTTGT CATT TGTACAATAC ATA ACTAGTT 100

配列番号: 1264
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01403
 配列:
 GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATTT CTTTTGTAAA 60
 GTAGAAGTTG GGGGTGGGT GGGTGCTGGC TGCAAAAATT 100

配列番号: 1265
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01404
 配列:
 GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTTAAATTTN 60
 CTTTTTGTTT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTTT 100

配列番号: 1266
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01405
 配列:
 GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTTT AATGTCATCT 60
 TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTTNC 100

【0322】

【配列表232】

配列番号：1267

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01406

配列：

GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60
AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT 100

配列番号：1268

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01407

配列：

GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60
AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTTAATTCTT 100

配列番号：1269

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01408

配列：

GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60
GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTACCTAG CTGTTCTGCC 100

配列番号：1270

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01409

配列：

GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTNTTTCAGC 100

配列番号：1271

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01410

配列：

GATCCATCAC GANGTAAAAG CNCACAATNT GGTTCAAATG NANCAGTGCA GAATTGAATA 60
TGGAGGCATG CATAACCTC CTCTAGAAA ATGCCAGGTG 100

【0323】

【配列表233】

配列番号: 1272
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01411
 配列:
 GATCTGATGG GTTATCAGG GGTTCCTT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
 ATGTAAGAAG TGCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG 100

配列番号: 1273
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01412
 配列:
 GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
 TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT 100

配列番号: 1274
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01413
 配列:
 GATCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60
 CATGATTTTN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTT 100

配列番号: 1275
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01414
 配列:
 GATCCGAGTG AAGCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTAG CCAGATGGTA CCAGCTTCGC 60
 CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCTGAN 100

配列番号: 1276
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01415
 配列:
 GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTCT TGAGGAGGTA TAATTACTGT 60
 ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTAA 100

配列番号: 1277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01416
 配列:
 GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGGA GAAGGCCAAG GACAGATATT 60
 CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGAT 100

【0324】

【配列表234】

配列番号：1278

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01417

配列：

GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTTT TNATTNTTAC CCTTTGCAGC 60
TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATNN 100

配列番号：1279

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01418

配列：

GATCCCCCT ACCCACCCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGTT CCCATGCACA GGGCCATTCA 100

配列番号：1280

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01419

配列：

GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60
GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT 100

配列番号：1281

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01420

配列：

GATCCTGTGA GGACCCTGGG CCCCAGGCCA GCTCCCATCG CTGGTGGACG GTGAACGGCC 60
ATGTGTTAAT GTTACGATGT TTTTAAAAGA CAAAAAAAAA 100

配列番号：1282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01421

配列：

GATCCCCCTT GTCAAGTGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGGAG GAGCAGAAGC 60
CATCAAGATG GTCAAAGGGC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC 100

【0325】

【配列表235】

配列番号: 1283

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01422

配列:

GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60
ACAATAATGT GTGTGTGTGT ATATATGTAT ATGCTTACGT 100

配列番号: 1284

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01423

配列:

GATCCTCCCT CTATTTTGTCA AACAGTCTGT AAGTAACTNA TAAAACTTTA AAATATGCAA 60
ATTTTAAAAAT TATATAGTTT GATTTACTCA TCAAATTATC 100

配列番号: 1285

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01424

配列:

GATCCTACTC CTTTGGAGTA AACTAGTGC TTACCAGTTT CCAATTGTAT TTAGCTTCTG 60
GTTGGAATTT GAAAAAAAAA GAAAAAAGA AAAAGAAAAAC 100

配列番号: 1286

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01426

配列:

GATCCTACTG TTCAGTTAGG AAAATATGGT TAGACAGACT CACATTACTT TTTTTCAGAG 60
GTAAACTCTA GATTACTGTG TCAACCCAAT ACTATTTGGC 100

配列番号: 1287

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01427

配列:

GATCCACAGT GGAGTCTCAG TAATTATATC TCCTTGATTT CTTCATTTTC TCTTCTGCTA 60
TAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTNCT CATTTAGTGA 100

配列番号: 1288

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01428

配列:

GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60
ACATGAAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT 100

【0326】

【配列表 236】

配列番号： 1289

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01429

配列：

GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTTT TAAAGGGAGA 60
TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT 100

配列番号： 1290

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01430

配列：

GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTTCCAC CTTCAATCAT 60
CAGCTACAGT TGGAATGAAT TTAAAAACGC TCGGGACCTG 100

配列番号： 1291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01431

配列：

GATCTCGCTC CCCCCTTNGG TTCTTTTCGAC CGGTCCCCCC TCCNTTTTTT GTTCTGTTTT 60
GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC 100

配列番号： 1292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01432

配列：

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTTG 60
GTGAGAAATC GTTGTCTGACC CTTCCCCAGA CCATTTATGA 100

配列番号： 1293

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01433

配列：

GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60
TTGAAGATTG ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTNC 100

【0327】

【配列表237】

配列番号: 1294

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01434

配列:

GATCCCCATG CTAAGAAAT GCCCAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60
GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC 100

配列番号: 1295

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01435

配列:

GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTNTGGTTC ACCATTGAGA CCGTGAAGAT 60
ACTTTGTATT GTCCTATTAG TGTATATGA ACATACAAAT 100

配列番号: 1296

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01436

配列:

GATCCGATGG GAGTGTAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGCTTTAG 60
CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAACTTGA AATNATTTG 100

配列番号: 1297

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01437

配列:

GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TTAAATAAA ATATCAGGAA 60
GCTATTTTGA GATTICTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG 100

配列番号: 1298

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01438

配列:

GATCAGATTT TTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60
GTGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTAGGAG TGTATTTT 100

配列番号: 1299

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01439

配列:

GATCCCAGGG CTCCTGCCA TTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GCCATTTTTT TTTTGTNCA AATGATTTAA ATNATTGGA 100

【0328】

【配列表238】

配列番号：1300

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01440

配列：

GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60
CATATTTTAA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT 100

配列番号：1301

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01441

配列：

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGGCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60
CGGGTGCCGA GGAGCGGGAA GAGTTGCTGG GGTAAAGGGTC 100

配列番号：1302

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01442

配列：

GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60
AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAAGTAT GCTTACTTTA 100

配列番号：1303

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01443

配列：

GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60
ATTCACCTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC 100

配列番号：1304

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01444

配列：

GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGGA GGGTCTTGTT CTCCCAANTNT GTTTATTCTT 60
TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTTCTCCA 100

【0329】

【配列表239】

配列番号：1305
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01445
 配列：
 GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAA 60
 ATGTCCGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTATCA 100

配列番号：1306
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01446
 配列：
 GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGATAT AGGTAACTG AATGAAGCAT 60
 ATTAATAACT GCATTTCCT AACTTTGAAA AATTTTNCAT 100

配列番号：1307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01447
 配列：
 GATCTAAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGTGTT CGGTGTGGAA AACAAAACAA 60
 GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAAATGAAA TCCTTTTGAA 100

配列番号：1308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01448
 配列：
 GATCCATAGA AGGGCTTCCC AAACCTTGTG TTGCAACATC CCAAATTGTC TCCAGTTGAA 60
 GGAAGCCCTT TATCAGATTC ATAGATGACC TTTCATTGTA 100

配列番号：1309
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01449
 配列：
 GATCTGAGGT TTTTAGATTT TAAATATTTA TGTGGAATTA ATTAAGCTA GTTGGCTATA 60
 TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT 100

配列番号：1310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01450
 配列：
 GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACCTGCT TTTGTCAACG TGAATTTAAA TTGTAGTTAT 60
 AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGAACAATT GTATATNCAG 100

【0330】

【配列表240】

配列番号：1311

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01451

配列：

GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60
AAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA 100

配列番号：1312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01452

配列：

GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAACTCACAT 60
ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT 100

配列番号：1313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01453

配列：

GATCTTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTGTGTCT AGAGAACTGA 60
TTTTTTCCTA CATACGCAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA 100

配列番号：1314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01454

配列：

GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60
TTGAAGGAAA TTTTTTTTTG GTTTTGTTTT TTATAATTCA 100

配列番号：1315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01455

配列：

GATCCCTTTA TGAGTTTTGC TATTTTGGCA TGCTACATGT AAGTTTTGCT TAATGTTTTT 60
ATGTAAAGCA TCTTCCTCCT TTTACTTCTT TTATTGTGAT 100

【0331】

【配列表 241】

配列番号: 1316

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01456

配列:

GATCTGGGCC CGACCCCTCAC TACCCCTGAG ATATTAGTTC CCAGGCCTGT TTTCCACAG 60
GATTGTGGGC TCTCTGCTTC CTTAGTCGGA AGTNTTTTCA 100

配列番号: 1317

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01457

配列:

GATCCCAAAG ATATTAAATA TATGCAAATA TTCCAAAGTC TGA AAAAATC CAACATCCAA 60
AAACACTTCT GACCCAAGCA TTTAGATAA GGGACCAGAA 100

配列番号: 1318

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01458

配列:

GATCAGGCCA AGAGGTTCGA CAGGGCATGA TACTGCACCC TGCCTGACCC AGCTGGGCTC 60
ACAGGTCAGG GCAGAGTTGG GGCAGGTGAA TGTCAGCATC 100

配列番号: 1319

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01459

配列:

GATCCTGCCT CAAAAAAAC AAAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTTNA GTCTCTGCAG 100

配列番号: 1320

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01460

配列:

GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCCGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA 100

配列番号: 1321

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01461

配列:

GATCTAGTA TGTTCATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60
CCCATGANT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTTAACTCAG 100

【0332】

【配列表242】

配列番号：1322

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01462

配列：

GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACATG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACCTGGA 60
TGTTAACACT GTTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT 100

配列番号：1323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01463

配列：

GATCTATAGG TTTATTAGAA NCCTNACCAC AGNATCCAGA TTATCTTCAG TATTCTNTCA 60
GTACAGCTCT CTGCAGCTTA AACTCGGTGG TACATAAAGA 100

配列番号：1324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01464

配列：

GATCAGAAAA TCCCTCTGAC ATCTCCACTG CCCCCAAAGA CCTCCGTTGA ACATTCTGTA 60
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA TCAGGTTCCT CAGATAGGCC 100

配列番号：1325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01466

配列：

GATCTAGCTG GCTGTAGTAT TGCNTTGATA ATTTTTTCT TTTAATTTAC CTAATATATA 60
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT ATAAAATAG GTGTTAATTT 100

配列番号：1326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01467

配列：

GATCCAGCCA TTCCTGAAGC CCACCCTGCA CCTCATTCCA ACTCCTACCG CGATACAGAC 60
CCACAGAGTG CCATCCCTGA GAGACCAGAC CGTTCCCCAA 100

【0333】

【配列表243】

配列番号: 1327

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01468

配列:

GATCTAAAAG CCAACTTTTT CTCAGTNTTA CTCAGTGGAA AGATAAACTA AGTTTTAATG 60
TTATNTTTTT AAATNTAAGC AAAATTTATT TCTGTHCTNT 100

配列番号: 1328

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01469

配列:

GATCCCTGCT CCNGTTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTTGG CGAGACTGTA TTTNAGTAAC 60
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTAA NAGGCGCCTG 100

配列番号: 1329

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01470

配列:

GATCAGAATT TTTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTTTGTCT ACCCCTTTTA 60
CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGCTCATCT CAACTTTTAA 100

配列番号: 1330

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01471

配列:

GATCCTTGTC AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCCAATGTC TGGGGAGGGG 60
TATAAGTTTG AAAGGCTGTT TGAAGAGGA ATGTTTAATA 100

配列番号: 1331

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01472

配列:

GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACCATTCTCC 60
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT 100

配列番号: 1332

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01473

配列:

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACCT TTTAAACCTT GCCAGTNAGG 60
ACTTTTNTCTA TTGCAATAG AAAACCCAAC TCAACCTGCT 100

【0334】

【配列表244】

配列番号：1333

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01474

配列：

GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60
TGTATGTNTT TTAAACCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT 100

配列番号：1334

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01475

配列：

GATCAGAGAG ATTTTNTTT TAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60
TTCCTTTGTA TGAATATGT TAAATAATTT AAAAATAAAA 100

配列番号：1335

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01476

配列：

GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAAAATT CCAGTAATTA TCATTTTTGC AACGAATATG 60
GATACCACAT AGTACTTTGG TGTACCTGC TTTTGAAAAA 100

配列番号：1336

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01477

配列：

GATCCTCAGC CTCCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60
ATTAAAACAG TGTCTCCAAT TTAAATAAAT TTTTGCCCAT 100

配列番号：1337

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01478

配列：

GATCCATCTG TGTAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTAAATAG TTTGTAAATT 60
TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCACTC GTGATTTTTT 100

【0335】

【配列表245】

配列番号: 1338

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01479

配列:

GATCCATGCT TTACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60
ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA 100

配列番号: 1339

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01481

配列:

GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTTATC TGTCGGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60
CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGGCGTATG ACATGGTGAA 100

配列番号: 1340

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01482

配列:

GATCGTTGTA ATTNHTTGAC ATTCCTTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTGTGNTTAA 60
TGTAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGCCTGACT 100

配列番号: 1341

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01483

配列:

GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60
ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC 100

配列番号: 1342

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01484

配列:

GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60
ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT 100

配列番号: 1343

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01485

配列:

GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60
CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG 100

【0336】

【配列表246】

配列番号：1344

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01486

配列：

GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60
GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA 100

配列番号：1345

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01487

配列：

GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60
CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTTCTTTT 100

配列番号：1346

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01488

配列：

GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60
GTTGTGTATA ATGAAAAC TG TAACTTTTT TAAATAAACN 100

配列番号：1347

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01489

配列：

GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAGG TTCAGTTATG AGGCAACCCT 60
CTAGTAAGGC ATTGTAAAAG TTACTGGATT TGGTTTAATA 100

配列番号：1348

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01490

配列：

GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTG CCACTGACAA 60
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGGCCAC 100

【0337】

【配列表247】

配列番号：1349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01491

配列：

GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60
GTCTTTGGGT TTTTGTAAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT 100

配列番号：1350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01492

配列：

GATCAGAATH AAATHTGTAT AGAGCAGAGT TTTAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60
NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA 100

配列番号：1351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01493

配列：

GATCACAAAA TGTCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCTCTG 60
AACCCTCTT TTTTCTTC GNNGTATTGA AAACCTGGTTC 100

配列番号：1352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01494

配列：

GATCAATTCA CTAAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACHATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60
TCANTTTTTA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGTGTGC 100

配列番号：1353

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01495

配列：

GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60
TTCCTTTGGT TCATTTCTGG CTGACAACA AGAAATAAAC 100

配列番号：1354

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01496

配列：

GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60
CAAACCTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC 100

【0338】

【配列表248】

配列番号: 1355

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01497

配列:

GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60
TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC 100

配列番号: 1356

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01498

配列:

GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTTAT GAGCATTTTC AGCTTTTGCA 60
AATACAAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTTATNC 100

配列番号: 1357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01499

配列:

GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60
GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC 100

配列番号: 1358

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01500

配列:

GATCTTTTIG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60
TTAAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTTNATTAAA 100

配列番号: 1359

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01501

配列:

GATCCTATTT GTTTCATTTT ATTGTAAATN CCCATTTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA 100

【0339】

【配列表249】

配列番号：1360
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01502
 配列：
 GATCTGTGGA CTTTCATCAN ATTATGAGAC TNNCTCAATT TCATGACTGT ACTACCTGAA 60
 ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTNN TAAGTCATCA 100

配列番号：1361
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01503
 配列：
 GATCTTAGTT TGTTAGCTTA TGACTTATTN AATGAATGGA TGCCCAGCCA AGCTCAGAGT 60
 AGGCGCCCAA AGCATTGTGG ATTATTTNCC TGTTTTGTCT 100

配列番号：1362
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01505
 配列：
 GATCGNNAAG AGGTTACCCA GACCACACAC AGTTTGAGAA AACATNCCCA TTATNACCCA 60
 TCTAGCAAAG AGGCACCCTA AGTGGTCCAT GAAGAGTTTA 100

配列番号：1363
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01506
 配列：
 GATCGGGTTT AGACGNNAGN TCATTCACTG AAGCAAGCCA AAAGCNCACA TTTGTATGCC 60
 TTAGGTCTTC TTAAATGGT ATCTGTAAC ATGTGTCCAA 100

配列番号：1364
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01507
 配列：
 GATCCTCCCT GCCCGCGAAG TGACAGTTTA CAAAATTATT TTCTGCAAAA AAGAAAAAAA 60
 AGTTACGTTA AAAACCAAAA AACTACATAT TTTATTATAG 100

配列番号：1365
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01508
 配列：
 GATCATGGTG TAATAAGACA TAACGTTTTT CCTTTAAAAA AATTTAAGTG CGTGTGTAGA 60
 GTTAAGAAGC TGTGTACAT TTATGATTTA ATAAAATAAT 100

【0340】

【配列表250】

配列番号：1366

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01509

配列：

GATCAAGTGC ATTTGACAGA AAAGTTCAGT TTCTTGGGAA GAAACACCTT TTAAGCTGAA 60
TGGAGAAAAAT NCCAAAATAA ATTATATCAC CACAATGGTG 100

配列番号：1367

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01510

配列：

GATCTGGGAA AAAACAAGA GACTCAATGG AGACAGAAGA AAATCCCAAG GTTCTAATAA 60
CTNCNTTCTN AAAAANTATC TACCCCATTT GGTGAAGTGA 100

配列番号：1368

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01511

配列：

GATCCTGGTT GGAGTAAACA TTCCATGGGA ACTCGGGCTG TNAGAATNTC CTAACCACCT 60
GANTGCAGAA ACATCCTTAT CACATCCTNC TGGGAAAGNC 100

配列番号：1369

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01512

配列：

GATCCATCAC CTGNGCAGCA TAACTGGCTT CNCTCAGTC ATCCACACAA CACCAGGACT 60
TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT 100

配列番号：1370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01513

配列：

GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC 100

【0341】

【配列表251】

配列番号：1371
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01514
 配列：
 GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTCC TNGTTTNCCTT ACCACTTTAT TCITTCANAG 60
 TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATT 100

配列番号：1372
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01515
 配列：
 GATCGGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTTGC GTGTAGCTAT 60
 GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTC 100

配列番号：1373
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01516
 配列：
 GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60
 TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC THAAATAAAC 100

配列番号：1374
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01517
 配列：
 GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNNTGCAA CTGCCCTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60
 ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT 100

配列番号：1375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01518
 配列：
 GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60
 GTACTNHAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT 100

配列番号：1376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01519
 配列：
 GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAAGCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
 NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT 100

【0342】

【配列表252】

配列番号：1377

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01520

配列：

GATCTTGAAG TTATTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAC CCTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA 100

配列番号：1378

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01521

配列：

GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTTGAATT TTTTGTCTG TTATTTAATT 60
ATATGGTGGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG 100

配列番号：1379

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01522

配列：

GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTAACTC GTACTNGAAG 60
GTGTGCTCCT AAGAAGAAAG TTTTCAAATT AAAAAAGCTG 100

配列番号：1380

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01523

配列：

GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60
NATTACCATG ACATTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA 100

配列番号：1381

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01524

配列：

GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60
ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGGCTT TAAAAGTCAT 100

【0343】

【配列表253】

配列番号：1382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01525

配列：

GATCCGCGCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNCT GGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60
CCTTCTAATG TTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCCAA 100

配列番号：1383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01526

配列：

GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60
CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA 100

配列番号：1384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01527

配列：

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAAA AGAGAAAGCN TTTATATACG GTACTTATTT 60
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAANAACA GTTAATNCNC 100

配列番号：1385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01528

配列：

GATCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60
TAAAGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA 100

配列番号：1386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01529

配列：

GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTTAAGAAAA ATAATTTATA CTAAATTNAG TAAAATGGAC 60
TTCTTATTCA AAGCATCAAT AATTAANAAGA NTTATTTNAA 100

配列番号：1387

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01530

配列：

GATCAGCAA ATGAGATAAA TGTTTCTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60
ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA 100

【0344】

【配列表254】

配列番号：1388

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01531

配列：

GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60
CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTTCC TCCANGAATC 100

配列番号：1389

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01532

配列：

GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGTACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60
GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT 100

配列番号：1390

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01533

配列：

GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCCNT GGCTTGGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT 100

配列番号：1391

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01534

配列：

GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCCTCCC CCATTTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60
ATCATTGGTT TTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA 100

配列番号：1392

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01535

配列：

GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60
AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAAATGCGT 100

【0345】

【配列表255】

配列番号：1393

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01537

配列：

GATCCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60
TTTGTGAAAT GTTTGGGCTT TCTAAACGAC TAAAGGATTT 100

配列番号：1394

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01538

配列：

GATCTGGAAC TCCTAAGCCA TCTACTCCTA CACCAACCNH TTCATCGAAC NCACACCCTN 60
CTNATGCTCA GAGCTCAACT CCTAGTACCC CTTAGCCAC 100

配列番号：1395

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01539

配列：

GATCGCCGTT CTGTTTNGCA THTTCCCACC GGGAGTTGCC HGGCAGGAGC ATGGGGTGCT 60
TGGTGTTC CTTCTAATA AAATAAACGC GGGTCGCCAT 100

配列番号：1396

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01540

配列：

GATCTTAGCC TTAGGGTAAG TAAATGGGT CTTTTAATAT AANAGTGTGA AAATATTTT 60
NATCTAATAG TACTCTTTT AATAAAAGTC AGTAGTNGGA 100

配列番号：1397

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01541

配列：

GATCCTNGGT TTTTGTGGTT TGACTTCTAT GGNHTTTTAA AAAACACAG ATTTTATAGT 60
TTAATATTGT GTAAATGTAC TCACCTTAGG GATTCAATTG 100

配列番号：1398

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01542

配列：

GATCGTAACC GTAACCGTAA CCGNNAAGCA CAAACGGGGG GAGCGGGGCA GTGAGCGGGG 60
CAGGNATGAG NCCCAGGTG GGCTCGGTG CCAGNACAAC 100

【0346】

【配列表 256】

配列番号: 1399

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01543

配列:

GATCCAGAGG TCCNNGTCAC TTGGAGAAAG NCCAGTCCCT GNGACGGGGC AGCCCTCTNT 60
GTCCCTCGGG CAGCTCGTGT GAATCCTGGG ACCTCTTCCG 100

配列番号: 1400

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01544

配列:

GATCTCAGCA ATTTGAACAC TAACCTCTCC CCTCCTGGCT CAAGAATTAC TCCGAAGTCA 60
GTCTGCAGAA AATAAATATT TAGTATGACA TGACACTTAA 100

配列番号: 1401

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01545

配列:

GATCTACTCA GGCAACNACC AATCTTCTAN TCTGTCACTA TAGATTAAAT TGCATTNTTA 60
AAGAAATNNA CATACATGGA ACCATACATC ATCTATGCTT 100

配列番号: 1402

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01546

配列:

GATCCTAGGA AGTNTGTCCC TGTCCCTCCCT GTGCAGGGTA TCCTGTAGGG TGACCTGGAA 60
TTCGAATTCT NTTTCCCTTG TAAAATATTN NTNTGTCTCT 100

配列番号: 1403

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01547

配列:

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGAGAGAAAG AGAAGTGTTT ATATACGGTA CTTATTTATA 60
TCCCTTTTAA TTAGAATTAA AACAGTTAAT TTAATTCAAA 100

【0347】

【配列表257】

配列番号: 1404
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01548
 配列:
 GATCTTAGGT TACATAAAGT TTCTAAAGTT TCAAAGAGTC TTGATACAAA ATCAGTTTAT 60
 ATTCTGAAAA TATTATAAT AAAGTATTCT AATTCTAAA 100

配列番号: 1405
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01549
 配列:
 GATCAATTCT TCAATTTGAT TGAAGTGTTC AGCCTTTTCA AGATTCTTT ATTTACAAAT 60
 GATTACATTT AAATGAATGT ACATTCTTCT CACTGAAA 98

配列番号: 1406
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01550
 配列:
 GATCTGTAAC ATTTGTTTCA AAATGCTGTT TCATTTTAT AAAGTACCAG TGTTTAGCTG 60
 CTTTTTATAC ATTAATAATG CAATTGAAA AACTCAAA 98

配列番号: 1407
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01551
 配列:
 GATCCTCAGT GTCCTTACCC CCTCTACCT CTTTCTGTG CCACCTGCTG TGGGTCCAGC 60
 AGGCNTTTAC TTGAGTACAA TAAAAAGTCT GAGTCAAA 98

配列番号: 1408
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01552
 配列:
 GATCCAAGTG TAGTGGGACC CCTACTAGG GTCAGGAAGT GGACACTAAC ATCTGTGCAG 60
 GTGTTGACTT GAAAAATAAA GTGTTGATTG GCTAGAAA 98

配列番号: 1409
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01553
 配列:
 GATCTCCAAA GTGCTGAGTT TATGTGTGAT TTTATTTTG TTTATGCTCT TCTGTATTTT 60
 CCGAATTTCA TACAATAAAT ATCTGTTACT TTTACAATAT 100

【0348】

【配列表258】

配列番号： 1410

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01554

配列：

GATCCAGAGA GTTCAAGGGA TTGGGGAAAG AGAGGCGTCA AGTCATTTGC ACTTTGTACC 60
TGTAAGTTAG GTAATAAACT ATTATACTCG TAAA 94

配列番号： 1411

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01555

配列：

GATCTAGTNT CTNGCATTTT TATTATGTTG CTATATACTT TTGTTATCCG TATACTAAAA 60
AAAAAGAATA AATAAATGTT TTGATTGTGA AA 92

配列番号： 1412

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01556

配列：

GATCTNTACA TTCTTCAGAC TCATCGTGTG TTTGANACTT TTTATAATGA ACATATATCA 60
TTTTNNTTAG AAAAGAATAA AGTTTTTGAA AA 92

配列番号： 1413

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01557

配列：

GATCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AAGCAAGGNC AAGAAATCCC ACAGTTTGAT 60
GNATTAAAGA AATGACTTAT TTCTACTCAA A 91

配列番号： 1414

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01558

配列：

GATCTTGTGT CTCCTCTCCA TCTCTGCCTT TGTTACCACT GTGCATGTGT TTGTGTGTTT 60
TTTAATAAAA TATTGACTCG GCCAGTTAAA 90

【0349】

【配列表259】

配列番号: 1415
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01560
 配列:
 GATCTGTTAT GGCATTCACT TCCAGATTAA TTTTCCGTGT TTGAAGTATG TNCATATGTH 60
 CTTTACAGAA TAAACATCT GAATTTTAAA 90

配列番号: 1416
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01561
 配列:
 GATCCATTTT CTTTCAAAAT TTTCTTTATT GTAAAGTATG CAAAATATAT ATTATACGA 60
 TTTATTAAAT CAGAATGTTT ATACAAA 87

配列番号: 1417
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01562
 配列:
 GATCTGGAAT CCTTTTTCTG CATTGACAAG GACCACAGCT AAAGGACAAT AATATGAATG 60
 ACTCATTAAA ATCTCAAAAC TTAAG 85

配列番号: 1418
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01563
 配列:
 GATCCAAGTT ATNTTNAGAA GAAAAACCTA ATTGAACAGG TATGGGTTGG GAGCATAATA 60
 AATGTGTTTT GAGAATTGTT CTAAA 85

配列番号: 1419
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01564
 配列:
 GATCATTATT TCATGACTGG TGGCTTCCTA AACTCTGAAA TCAGCCTTGC ACAAGTACTT 60
 GAGAATAAAT GAGCATTITT TAAA 84

配列番号: 1420
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01565
 配列:
 GATCTAAGCC CATGAGCACA GGGACTGGCT ATCCCAAGAC CTGGCAGATG TGGCTGCTCA 60
 ATAAACACTT GTTGAACCAT CAAA 84

【0350】



【配列表260】

配列番号：1421

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01566

配列：

GATCACCCAA GGGTTTTTTT GTGTCGGACT ATGTAATTGT AACTATACCT CTGGTTCCCA 60
TTAAAAGTGA CCATTTTAGT TAAA 84

配列番号：1422

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01567

配列：

GATCTGTGTT TGTATCCCTT TATGTAATGT AAAATTTAAG GGTATTTTGA TTCTAAATAT 60
GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA 83

配列番号：1423

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01568

配列：

GATCAGCAGT CCACCACAAA AGCTTCTGTT AAAAGACCCT ACACAAATGC ACAAATTCAG 60
ATTAAACAAG GAAAAGACGG AAA 83

配列番号：1424

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01569

配列：

GATCTTGGTG TTCAAAACAG AACTGTATTT TTGCCTTTAA AATTAAATAA TATAACGTGA 60
ATAAATGACC CTATCTTTGT AAA 83

配列番号：1425

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01570

配列：

GATCCTNCTG TAAAGGTTTT TGGAATTATG TCTGCTGAAT AATAAACTTT TTTGAAATAA 60
TAAATCTGGT AGAAAAATGA AA 82

【0351】

【配列表261】

配列番号: 1426

配列の長さ: 86

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01571

配列:

GATCTGCATA TTTCTGTATA TTTGTCATGA CAGTGCTTGC ATCCTATTTG GTGTACTCAG 60
CAAATAAACT TTTCAATTTA AACAAA 86

配列番号: 1427

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01572

配列:

GATCCCAACA TGGTCCTAGC ACTGCACACT CAGTTTTNCT CTAAGAAGCT GCAATAAAGT 60
TTTTTAAAGT CACTTTGTAA A 81

配列番号: 1428

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01573

配列:

GATCTTCANT TAATCHCACT TTA AAAAATGA CCAAAACATG TCTTTCTTGA ATTAACCTTG 60
AATAAAAGTT TGTATATTAA A 81

配列番号: 1429

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01574

配列:

GATCAGAGCT CAGTTCTGT AGAAAACGAA CANATAAAAG ACCATGCAAG AGGCAAAATA 60
AAACTTGAAG TGAATGCTAA A 81

配列番号: 1430

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01575

配列:

GATCTTGGGT TTGGTCTACC CACCCAAGAG AAAAGACTGT TAACTGGAAG AAAAAATATA 60
TATATNNAAT TTTATGTAA 80

配列番号: 1431

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01576

配列:

GATCACAATT ACCTTTAGTT GTTTTTTTTG TAATAATTGT AGCCAAGTAA ATCTCCAATA 60
AAGTTATCGT CTGTACAAA 79

【0352】

【配列表262】

配列番号：1432

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01577

配列：

GATCCTTATG AATGACAGGT TACTGTTTTG CTTATTGCT TAACTTAATG TAGTGAAATA 60
AAGCAGACAA AGCTTGAAA 79

配列番号：1433

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01578

配列：

GATCTTCTGC ATGAGACCTG GAGTTGGGA AGCAAGGTTA CATTGTATT NGTTTATCCT 60
ATGAATACTN TTCTTCAA 79

配列番号：1434

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01579

配列：

GATCAGGCAG TCTGCTCAGA TACATTGAGT GCGGATTTTA AGTTTTGTTT TGA AAAAATA 60
AACAGATTAA CCTGCAA 78

配列番号：1435

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01580

配列：

GATCTAAATT TCTAATGTGT TCTATGGGT TCAATTCTGA AAAAAGAAAA TGAATAAAGA 60
TTTTAATAAA TATTGAAA 78

配列番号：1436

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01581

配列：

GATCTTCATT GTGCTGGGTG CCAGGNCAGT NATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA 60
GTTTTTTTTG TTNTTAAA 78

【0353】

【配列表 263】

配列番号： 1437
 配列の長さ： 77
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01582
 配列：
 GATCTCCAGG CTTGGCCTCC AGAGCAGCCC ACACCAACNC CAAAATAAAA AAATGTATAT 60
 ATTCTTTAG CTCTAAA 77

配列番号： 1438
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01583
 配列：
 GATCCCAGGG ACCTCAGTCG GCTTAATCAG AGTGTGGCAT AGAAGCTATT TAATGATTAA 60
 AGTCATTTC AGTAAA 76

配列番号： 1439
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01584
 配列：
 GATCAAACTT TTAATGTTCT TAATAAGCTT GCAATTGANT AAAATAGAAT ATAAAAATAA 60
 GGTGAAATAA TATAAA 76

配列番号： 1440
 配列の長さ： 75
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01585
 配列：
 GATCCCAAGA CAATGAAAGT TTGCACTGTA TGCTGGACGG CATTCTGCT TATCAATAAA 60
 CCTGTTTGT TTAAG 75

配列番号： 1441
 配列の長さ： 75
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01586
 配列：
 GATCTCCAAC HTTGAAAAAT ATACATGATG TGAACTGNG GGTNCTATGT TAAAAATAAA 60
 TGTATGATAA CTAAA 75

配列番号： 1442
 配列の長さ： 74
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01587
 配列：
 GATCCAAACA TTTTTTTGTG TGTGTATGGC ATTGATGCAG AATAGAATAA AATTATACTT 60
 AAGTTCTTT TAAA 74

【0354】

【配列表 264】

配列番号: 1443

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01588

配列:

GATCCCGGCG CGGGAAAGTC ACAGAGCTGC CTGGGCTTGT ACCTGGNCAC ATAAAGCCCC 60
ANTTTAAAGC AAA 73

配列番号: 1444

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01589

配列:

GATCCCANAG CNATAAAATA AAATTTTATT CAAAATAAC AAAACAAATT NATCTACTGT 60
ACACAATCTG AAA 73

配列番号: 1445

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01590

配列:

GATCCGAGGC TTCTGCGGAC CGACGATACG TTAAATGTT GTTCTAGTAA AGTTTTCGAT 60
ATGTTTCTGA AA 72

配列番号: 1446

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01591

配列:

GATCCCTTGG NGGNCTAGTT CGTATTTTGG TTTAAACTA TTTGTTAGAA TAAAGTAATT 60
TTGCTAATAA A 71

配列番号: 1447

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01592

配列:

GATCTTAAGT ATAAAAATTT TGTAATTGGG CCTTACTCT CTCAATAATA AAGTATTTTG 60
TTTATATAAA 70

【0355】

【配列表265】

配列番号：1448
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01593
 配列：
 GATCTGTATT TTCTAAGTCC CCAGTTCCTC TGGCTCTCCT TTCTGAAATA AAGGATTGAA 60
 AACNGAAA 68

配列番号：1449
 配列の長さ：67
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01594
 配列：
 GATCTGTTTT TAAAAATCAT AAAGTGTGTG CAGACTCAAT AAAATCATGT ACATTTCTGA 60
 AATGAAA 67

配列番号：1450
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01595
 配列：
 GATCAACAGT TACTGTGACT GAGTCGGCCC ATTCTGTTTA GAAATATATT TTAAATGTTT 60
 AGTAAA 66

配列番号：1451
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01596
 配列：
 GATCTGCCAT TTCATGCCNT GTGACTACNN ATCATTGGCC CTGCAATAAA ATCATTATT 60
 TTTAAA 66

配列番号：1452
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01597
 配列：
 GATCCTGCAT GCTACTCTTA GATAGAAGAT GGCAAAACCA TGGTATTAAA ATATGAATGA 60
 TAAA 64

配列番号：1453
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01598
 配列：
 GATCAAGTCA CTNTTGACAA CATCCAGGNG AATATAAAAA CTTAATAAAG CTGTGGAAAG 60
 GAAA 64

【0356】

【配列表266】

配列番号： 1454

配列の長さ： 62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01599

配列：

GATCAATTGG TTAACTTCT TTTATGTAAG TATGGTATAT AAATTTCAAG ACGAACACTA 60
AA 62

配列番号： 1455

配列の長さ： 62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01600

配列：

GATCACTTTT CACTTTTGG AATGTTTTGT ATTGAACTT AATAAACTT TAAEATGGCA 60
AA 62

配列番号： 1456

配列の長さ： 62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01601

配列：

GATCGNTCTC AGGCCCTCCC CCCGGAGTAC TTCAGAATGC AATAAATCAA AATAATGGCA 60
AA 62

配列番号： 1457

配列の長さ： 62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01602

配列：

GATCTGTATG TGTTCATTTC AGCACAAGGA AATAAAATTT TAGTTGAGGA TTCAGCACTA 60
AA 62

配列番号： 1458

配列の長さ： 62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01603

配列：

GATCCCCATT CTTTTCAAAA ACAAATAAAA ACAATAAAGA CTGCAAGGAA GACTGANGGA 60
AA 62

【0357】

【配列表267】

配列番号：1459
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01604
 配列：
 GATCCAGTCT GGAATAACAT TTTGTAAAAA AAAAATATAT ATATATATAT ATATNGCTGA 60
 AA 62

配列番号：1460
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01605
 配列：
 GATCGGGGGC ACCAGAGGGG CAGAGGCACC AACATCTGAA TAAAGCCATT GTTCTCCCAA 60
 A 61

配列番号：1461
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01606
 配列：
 GATCTTGGAC NTCTCGCATT CAGAACTGTG AGAAATAAAT ATCTATTATT TACAAATTAA 60
 A 61

配列番号：1462
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01607
 配列：
 GATCTCCGTC TTGTATGGCT GAATGTTGGC CTAAAATAAA GATTACTGTT GTAAAATAAA 60

配列番号：1463
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01608
 配列：
 GATCTGTGGA GAATGTACAC AGTTTAAACA CATCAATAAA TACTTTAACT TCCACCGAGA 60
 AA 62

配列番号：1464
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01609
 配列：
 GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCAAAA 60
 AAAAAACCA AA 72

【0358】

【配列表268】

配列番号： 1465
 配列の長さ： 59
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01610
 配列：
 GATCTAGATG TTTCITTAAC CAAGATGAAT TAAAATATAG TAGAGTTCCA CTGTNCAA 59

配列番号： 1466
 配列の長さ： 63
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01611
 配列：
 GATCAAATTG TACCTTTTGA GAGAAAAGGA CCAAAATAAA AGAAAAATGA ATTATGAACT 60
 AAA 63

配列番号： 1467
 配列の長さ： 59
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01612
 配列：
 GATCAGCAGT CTTGGATGCG AGGAAACAAA GCTAAATAAA TGTTAGTTTG GTGAGCAAA 59

配列番号： 1468
 配列の長さ： 58
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01613
 配列：
 GATCCCATCH TTTAAAAACA AAATAAAACA ATAAAGACTG CAAGAAGACT GAGGNAAA 58

配列番号： 1469
 配列の長さ： 65
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01614
 配列：
 GATCTCCCTT ATATTCTTAT GATGAGGCTA AATAAAAGTC TAATAAAAAT GTTAAATATG 60
 TGAAG 65

配列番号： 1470
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01615
 配列：
 GATCAAAATC AAGTTTTAAG TTTTTTTGAC CAGATAAATT TAATGATTTT GGCAAA 56

【0359】

【配列表269】

配列番号：1471
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01616
 配列：
 GATCTTAATT ACTTTCAGAA TATTTTCAAA ATAGATATAT TTTNAAAATC CTTACAAA 58

配列番号：1472
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01617
 配列：
 GATCGTTCCTT CTCTCCGTAT TGGGGAGTGA GAGGGAGAGA ACGCGGTCTG AGAAA 55

配列番号：1473
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01618
 配列：
 GATCCCTGAG ACGGGGTAAG TTATAATAAA CAGAAATGTA TTGGCTCAGA AGAAA 55

配列番号：1474
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01619
 配列：
 GATCTGTTAT GTATTTCAAC ATAATCATGT TTCATAAAGA TTTAGTCTTC TGAAA 55

配列番号：1475
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01620
 配列：
 GATCCCACCT TTGCTCCTGA CAACCCCTCAT TCAATAAAGA CCAGTGAAGA CAAA 55

配列番号：1476
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01621
 配列：
 GATCAGAATC CTGCTCCACT AAGAACGGTG TAAAGTAAAT TAGTTATAAG CAAA 54

【0360】

【配列表270】

配列番号： 1477
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01622
 配列：
 GATCTTGAGC CTTAACTGGA CATGAGGGGC ATGAGAATAA AGCTGAACTG CAAA 54

配列番号： 1478
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01623
 配列：
 GATCTTTTCT AAATGTTATT ACTTGTAAT AAAGTCTATT TTTCTCCCGT GAAA 54

配列番号： 1479
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01624
 配列：
 GATCTGTATA TTTTTTCTA AGAGAAAATG TAAATAAAGG ATTTCTAGAT GAAA 54

配列番号： 1480
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01625
 配列：
 GATCTGCGCA TATATATATA TTTATAAAAA ATAATAAAT ANTGGAAGAT GAAA 54

配列番号： 1481
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01626
 配列：
 GATCCTAAAT NCACGCACCC CGTGGGAGCN CAATAAAGAT TTAAGTAATT GAAA 54

配列番号： 1482
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01627
 配列：
 GATCCGCCAT CTGTAATGTC CTTGGCACAA TAAACCAAAA TGTCAGTTTC AAA 53

【0361】

【配列表271】

配列番号：1483
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01628
配列：
GATCCCTAGT GATTACAGCC CTGAAGAAAA TTAAATCTGA ATTAATTTTA AA 52

配列番号：1484
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01629
配列：
GATCCAGTGT GGATTCTTNG AGTAATAACG TTGGTTTTAT TTATCATATA AA 52

配列番号：1485
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01630
配列：
GATCTTCAAT GTTTATTTTA AAATAAAATA AAATAAGTTC TTGACTTTTA AA 52

配列番号：1486
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01632
配列：
GATCTTAATA AAGTCTTCTA GGCTGTAGGG TGGTTCCTAC AACCACAGCC ATAAA 55

配列番号：1487
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01633
配列：
GATCTCATCT GAATCCCCAA CACCCAATAA AGTTCCTTTT TAACACACAA A 51

配列番号：1488
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01642
配列：
GATCAAATC CTATTTAGAA AAAATAAAAC TACTTTCTGT TTATCTCTTT AGAAA 55

【0362】

【配列表272】

配列番号：1489
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01671
 配列：
 GATCCAAAAA CATCCTGAAC CTCTGTCTGT AAAATHAGTA GTGTCTGTAC TTTGAATGAG 60
 GGGGTTGGTG GCAGGGGCCA GTTGAATGTN CTGGGCGGGG 100

配列番号：1490
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01673
 配列：
 GATCAAAATA AAGGATGATA ATAGATATTA TTTTCCTTA TGACAGAAGC AAATGATGTG 60
 ATTTATAGAA AACTGGGAA ATACAGGTAC CCAAGAGTA 100

配列番号：1491
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01686
 配列：
 GATCCAGCCC ATTCTCTACT CTTACTCCTT TCATGGGCCA CCAGAGCCAG TACTCTTGA 60
 TAGCAGCAGC ATTCTAGCTG ACAGAATTTT GCTGATGGAT 100

配列番号：1492
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01687
 配列：
 GATCAACCGG AGCGCTTCCG AGCCATCCTT GCATCGGGCA GCCCACACTG AGGATATCAA 60
 TGCTTGACG CTGACCACGT CCCCAGGCT GCCTGTHTTC 100

配列番号：1493
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01688
 配列：
 GATCGGTGGC TCCATCCTGG CCTCACTGTC CACCTTCCAG CAGATGTGGA TTAGCAAGCA 60
 GGAGTACGAC GAGTCGGGCC CCTCCATCGT CCACCGCAAA 100

配列番号：1494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01689
 配列：
 GATCAAACTG TATTGCCAG GCCAGCTCCT GAAGAACTGT GAACTATGAA CGTCTCAGCC 60
 TAGAAGGATA ATGTGACCTT CAATTGCAC ACCATCCATT 100

【0363】

【配列表273】

配列番号: 1495

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01691

配列:

GATCCTCTGA TGGGAGCTGA AAGGATGAGA GGTGGGCATC TAGATTTAGG GAGGCTGTTC 60
 AGGCTTTGCA GGTCCCTTAC CTGAACACAT AGAAACCCTG 100

配列番号: 1496

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01692

配列:

GATCGANGTT TACCTTGTGT CAGGAAAAA TGTGGGGTAT GCCAAGTATG CCGATAGAAT 60
 AAGTNTAAT GATGCCACTN GCCACTCTAC ATNGAAAGAT 100

配列番号: 1497

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01693

配列:

GATCCAGAGT TGCATACAGA CCAATTTCTG CATCAGTGT ATCTCGACCA GAGGCTAGTA 60
 GGACTGGAGA GGGCTCTACG GTATTTAATG GGGCCCAGAA 100

配列番号: 1498

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01694

配列:

GATCCAAAAG ANCTGCTTTC TGAAGCAAGT TTCCAAGANG CTCTTCAGGA AAGCATTCCT 60
 GACATTCAAG CGCAGGAGTG GGTGCCGCTG TGGCTACTGC 100

配列番号: 1499

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01695

配列:

GATCGGCGTG ACCANCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTCA AGCACCTGTN TGCCAGCCAG 60
 AAGGCACTGA NAGGAGAAGG AGAAGGCCTC CTGGAGCAGC 100

【0364】

【配列表274】

配列番号：1500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01696

配列：

GATCAGCAGA	GGNATCAAAC	CAACACCTTC	TTTGGCTCCC	CTCCCGCAGC	CACAGAGGCA	60
ACCCACGTTG	TCAGCACCAT	CCCTGAGTCA	TTACAATAGC			100

【0365】

【配列表275】

配列番号: 1501

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01697

配列:

GATCAGCTGT TTGTCATAGG GCAGTTGGAA ACGGCCTCCT AGGGAAAAGT TCATAGGGTC 60
 TCTTCAGGTT CTTAGTGTCA CTTACCTAGA TTTACAGCCT 100

配列番号: 1502

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01698

配列:

GATCCCAACA ATATTCCAA GGCCTCAATG ACAAGTGGTT TGGTTCAGCA GTTCCAACAC 60
 ACAGTCCTTC CCTCAGTGAC TCCCTTGGNN CCCTCATCTG 100

配列番号: 1503

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01699

配列:

GATCCTGTCA AAATAGTCCG ATGCCATGAA CATATAGAAT CCTTACAGTA AATGGAGAAT 60
 TACTCTTTTT TAGACAAAGA GAAGGCCTT TTTATCCAAC 100

配列番号: 1504

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01700

配列:

GATCAAAATA TCATGGATTG AACCTCATCA ATTGATAGCA GTGAGTGAAT GAGGCTTCCA 60
 AATCAAGAAA AGCCGGCACC AAGAACTTCC ATTCTAATCT 100

配列番号: 1505

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01701

配列:

GATCTGTGTG GATGGCAAAC TCCCAGGCC ATTCTGGGAC CTAAGTTTAA GAAGTCCCCT 60
 CCTCGAAGTT NCTGACTCTA AGCTCCTGAG CGGGAGTNAG 100

配列番号: 1506

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01702

配列:

GATCCTGTAC AGCCAGTGTG GGGATGTGAT GAGGGCCCTG GGCCAGAACC CTACCAACGN 60
 CGAGGTGCTC AAGGTCCTGG GGAACCCCAA GAGTGATGAG 100

【0366】

【配列表276】

配列番号：1507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01703

配列：

GATCCAAATA CACAGAATCA AGGGAAGGAG TTGCTTCTTC TAAGAGTGAT GCTTAATCTT 60
TTGGGTCATG GATGAATTGA AGATTTGATT AAAGTTACAA 100

配列番号：1508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01704

配列：

GATCAAACCTT CCATATTTGC CTTGGGAATA ATGGACAAAG GGAAATACTC TTAATTCATG 60
AATAAAAACT TTGCAGAAAA TTAGACAGTG TTTAATTTTC 100

配列番号：1509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01705

配列：

GATCCCCGAG TCTTCACAAA TNCTCACTGA AGAAAATTCC TGGAACAATT CAGGGTCCTT 60
TCATAACCTC TACTCTGAGG TGTANTAAA AAACCTTAGT 100

配列番号：1510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01706

配列：

GATCCTGACT GCTGTCATGG CGTGCCCTCT GGAGAAGGCN CTGGATGTGA TGGTGTCCAC 60
CTTCNANAAG TACTCGGGCA AAGAGGGTGA CAAGTTCAAG 100

配列番号：1511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01707

配列：

GATCCAGAAG CTGATGGATG TGGGTCTGAT TGCAATTTCGG TGATGACTTG TTCATACCCC 60
CTTCCCTTCG CCCTCATGTG GAAAGAGGAG CTGGGACCGC 100

【0367】

【配列表277】

配列番号: 1512

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01708

配列:

GATCGCAAAT TGCTNGAGCT GTTGTGGAAT AAATACTGGG TGAATACGTT GAGTTCTTCT 60
 AGCTTGCTTA CTAATGCAGA CTATACCACT GGTCAGGTCT 100

配列番号: 1513

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01709

配列:

GATCTGCAGT GGCTGTTTGA CCAGACCACA AAGTTCACAT CTCCTGAGCT TAGTGTCCT 60
 GGCTGTCCAC CTCCAGCCA TACTTGACTG TCCCCAACT 100

配列番号: 1514

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01710

配列:

GATCACTGTG TTCAGTGTG TTGGAATGGA TTCAGACTGG CTAATGGGGG AAAGGGGAAA 60
 CCAGAAGGGC AAGGTGCCAA TTACCTACTT AGAACTGCTC 100

配列番号: 1515

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01711

配列:

GATCTTGTCT TTAAACATG ATAGTCCTTT CAGTATAATG TCTTAGATTA AAGACGTTGC 60
 CTTTAATATC TGTGGGAAG GAAATGTCCA GACTTTTCAA 100

配列番号: 1516

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01713

配列:

GATCCCAAGC AGGCTCACAA ATTTAAATGA GGGCTTTGTG TGCAGAAAGA GGAATAAGTA 60
 CAGATTATTT TCCTACCACT AGATTTTGTG GGAGAGTCAC 100

配列番号: 1517

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01714

配列:

GATCTCCTGT CCATCAGCCA GGACAGTCAG CTCTCTCCTT TNAGGGCCAA TCCCCAGCCC 60
 TTTTNTGAG CCAGGCCTCT CTCACCTCTC CTACTCACTT 100

【0368】

【配列表278】

配列番号: 1518

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01715

配列:

GATCGAGCAG TGTGACTACC CCCCCTCCC CGGGGAGCAC TACTCCGAGA AGTTACGAGA 60
ACTGGTCAGC ATGTGCATCT GCCCTGACCC CCACCAGAGA 100

配列番号: 1519

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01718

配列:

GATCCTGGGG AAGGTGGGGA ACATGCTTGC AGTATCTNTC CCTGTNTGIN TGCTCACATA 60
AGCATTCCGT CCATCTGAGC TCATCGTGCT ACTGGTATGT 100

配列番号: 1520

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01719

配列:

GATCCATGGA TGTAGTGGGG AGTGGAAAAT GGCACAATAT CAAGTGTGAG ANAGGNGATA 60
NACTTCGACT CTNCTGCCTT CAACTGAGAN CAGTTGACCG 100

配列番号: 1521

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01720

配列:

GATCAGAATC ATGGTCTCCC GCAGTGAAGT GGACATGTTG AAAATNAGGT CTGAATTCAA 60
GAGAAAGTAC GGCAAGTCCC TGTACTATTA TATCCAGCAA 100

配列番号: 1522

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01721

配列:

GATCTTGCCA TGGAAGATAC TAGCCCAGCC TAGCAGAAAA GTGCAATATG TATAGCATAC 60
TTTGACATTT TAAACATGAT AGTCCATAAC CATTTTGAAA 100

【0369】

【配列表279】

配列番号: 1523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01722

配列:

GATCAATCGG ATTGAGAAGA ACATCCTGAG CTCAGCGGAC TACGTGGAAC GTGGGCAGGA 60
GCACGTCAAG ACGGCCCTGG AGAACCAGAA GAAAGCGAGG 100

配列番号: 1524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01724

配列:

GATCTAACCT AGACTAAAAT TGGGAACCTA TTTGCAATTT TTGACCCNGN CCACTAACTA 60
GTGATTCTNC TCCAAAATTG AGAAAGACAG CACCCATTGA 100

配列番号: 1525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01726

配列:

GATCCAGTGA TTCATCACT TAAATNAAGT CTTTTGGTCA GAAATNACCT TTTTGACACA 60
AGCCTACTGA ATGCTGTGTA TATATTTATA TATAAATATA 100

配列番号: 1526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01727

配列:

GATCTGTAAT CTCCACTGCT TGGATGTCTG CCCTCTACCC CAGAGGAATT TACAGAAACT 60
TGCCTGTGC CTGTGTCCC CATGCTAGGG GCGGAGGGGT 100

配列番号: 1527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01728

配列:

GATCCTCAGT AGANCAGTCC AGAAGCCTGA NAGACAGTGG CCCCTTGATA ATCTGGGTCT 60
CACCGGNCCA GCTAGGGGTC CAGGTTTCAN TCAGTAAATA 100

配列番号: 1528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01729

配列:

GATCTNAGCC CTCCGTTCC TGGGCAGAGA GAAAGGCTAC AGGTTTATTT NCCTGACGAC 60
AGCAGTCACA AACACGCTC GCNTTATGGA GGCCATNACT 100

【0370】

【配列表280】

配列番号：1529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01730

配列：

GATCCAATTT ACAGAAATCA GAGTTAGCTA CAGCTAGGAC TCGTTTGTT GGGGTTTTTT 60
AGTTTGTCTT TCTAAAGTCA TGTGGACCTT AATTTAATTA 100

配列番号：1530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01731

配列：

GATCTACAGA TACGTGATAT TNTGGTATAA CTAGAATCTT GATTTCTTTC ATAAAGTTCT 60
GCCATGTTCT ATTTCTTTCC TTAATGTTTT TTTCTCCCT 100

配列番号：1531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01732

配列：

GATCTCAGCT GAACAAATTA GATGTTTCAG TTGCTCTTGG GTCAACTGGC TTACAGATTT 60
ACATGTGCAC ACACACACAA ATTTCTTATC ACATTTTCGC 100

配列番号：1532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01733

配列：

GATCTAGTAG CCACGCTAAA AAACAAGTAA AATTAATTTT AATATATTTA ACTCAATACA 60
TTGGAGATAT TATTTAGAAA CGATATTTTT CATTCTTATG 100

配列番号：1533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01734

配列：

GATCTGTACG AAATGTGAAA TTTTATAGGA CATCTCCATG CTGTCACTTG TNATTTGCCC 60
TCTNATGTAT TTNGGTCATA TTGCCAACTG GAAAGTCAAA 100

【0371】

【配列表 281】

配列番号: 1534
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01735
 配列:
 GATCTCAATG ACCTGGCGAA GACTGGAAAA TACAACTCCC ATCACCAGCA GAGTTGCTAG 60
 GCTGCTGCTG TATGGGTACA GAGAAGGGTT TGACAAAATT 100

配列番号: 1535
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01736
 配列:
 GATCCGGCGC CACAAGACCA CCATCTTCAC GGACGCCAAG GAGTCCAGCA CGGTGTTCTGA 60
 ACTGAAGCGC ATCGTCGAGG GCATCCTCAA GCGGCCTCCT 100

配列番号: 1536
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01737
 配列:
 GATCTTATTT CTCTACTCA ATTGTATATT TATACCCATT AATCAACTTC TGTCTTGCT 60
 CTCTCCGTGC TACCCTTCTG CCCTTTGGTA ATCGCCAATC 100

配列番号: 1537
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01738
 配列:
 GATCTTCCTG GTCAGCGCTC TCTCTAGCAT ACTCTTCCTC TATTTGGCTC ACAAACAGGC 60
 ACCAGAGAAG CAAATGGCAC CTTGAAGTTA AGCCTACTAC 100

配列番号: 1538
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01739
 配列:
 GATCCGTACT CAGAACGTCC AGGAGAGACG CATGGCCCGA AGTCAAAGTG CTGGAATTTT 60
 CCAAAACAGC CTGTTCTCTC CTCTCTCCTC CCCAGAGCAC 100

配列番号: 1539
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01740
 配列:
 GATCCAAGGG CTGTGGTAAA CGGGAGAGCT TGTITTTTTT AAGTGAAAA AAACCCAAGA 60
 TTTTGTACAG ACATCCTGTN TTCCAGAGA AGGTGGACAC 100

【0372】

【配列表 282】

配列番号： 1540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01741

配列：

GATCCACACG TTCCGGGACT ACCTGCACTA CCACATCAAG TGCTCTAAGG CCTATATTCA 60
CACACGTATG CGGGCGAAAA CGTCTGACTT CCTCAAGGTG 100

配列番号： 1541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01742

配列：

GATCCACTGT TGGGGCCTCG ACGAGTTCCT GTCCTGGGAA AGGAGTACAC CGAGAAGACC 60
CCCATTTCCTG AGCATGCTGT TTTCAATGTG GACCTCATGA 100

配列番号： 1542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01745

配列：

GATCCCAGTC ACAATTATCA CCGGGTATTT AGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA 60
TATTTTGACA GAGCAACATA GTAAAAGAGT AGCGGTCATT 100

配列番号： 1543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01746

配列：

GATCGTCCCC GTATGATGAT TGTNAGAAGA CAGGACTAAG TAGCAGAGAA TAGCTAAGAG 60
ATAAATTGGG CTGGGGAAAC TTGTCAGAAA GCACTGAACA 100

配列番号： 1544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01747

配列：

GATCTGTGCC ATAAAATTTT AGTGTAATAA GACTTCTTCA ATACATCTTC CAATAAGGGG 60
TGCTTCTTTG TGACAGTATT TTTATTTCTG ACATTCATTT 100

【0373】

【配列表283】

配列番号: 1545
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01748
 配列:
 GATCCACCTC TCCTGTGCTA AGATTAAGAN GACCAACGTC CCCGANTTCT TTNATTGCCA 60
 GAAATGCAAG GAACTGAGGC CAGAGGCCNN GCGGTTAGGG 100

配列番号: 1546
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01749
 配列:
 GATCGATTCT CTCTATGAAG GAATCGACTT CTATACNTCC ATTACNGTG CCCGATTNNA 60
 AGAACTGAAT GCTGACCTGT TCCGTGGCAC CCTGGACCCA 100

配列番号: 1547
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01750
 配列:
 GATCCCACTG AATCCTGGGT CCAGGAGTAC GTGTATGACC TGGAACTGAN CTGAGCTGCT 60
 CAGAGACAGG AAGTCTTCAG GGGAGGTCAC CTGAGCCCGG 100

配列番号: 1548
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01751
 配列:
 GATCCCTCCT CTAGGGGCCT GGGGACTTTN ACTGATGCTC TTCCTGATTC TAGAGCAAAG 60
 GTGTGGGAAG GGGAAATGGA GGAATGCCCT CCTGTCTGTN 100

配列番号: 1549
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01752
 配列:
 GATCTCAGTA TGGACAGTGT AACAACAAAA CAAAATGGC TGGACAGACT TCTTGTGTTT 60
 TGTAATATA AACTAGGACA GTTCTGTAGG TTTGTTCACT 100

配列番号: 1550
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01753
 配列:
 GATCAGACAA GCCCAAAGTG AGAGACACTC TACAAAATAA CTGGCCAGTA CGTTTTNCAA 60
 GTNCCAAGGC CGTGAACAAT AAGGAAAGAC TGAGGAACAG 100

【0374】

【配列表284】

配列番号: 1551

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01754

配列:

GATCCCAGAT GCAGTGA CTG GTTACTACCT GAACCGTGCT GGCTTTGAGG CTCAGACCC 60
ACGCATAATT GGGCTCATCT CCTTAGCTGC CCAGAAATTC 100

配列番号: 1552

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01755

配列:

GATCAGGGCA GTAGGCATAA TTCAGCAACA AACAATCTTC CTTTGGGAGA AACCTNTTCA 60
TTCCAATCTT CTAATTACAG TGGTTCCTAT CTCAGGGATA 100

配列番号: 1553

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01756

配列:

GATCCCAAAA TGCTGCN GGG CAATGACAGC TCAGTTCCCA GAAATAAAAA CGCATTCCAA 60
GAGGCCATTG TTTTGTGGT GGGAGGAGGC AACTACATTG 100

配列番号: 1554

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01758

配列:

GATCGANCTT NCTATGGA CT CAAGCAGGTG NNGAAGGCCA ATNAAGCCAT GGCAATTGAC 60
ACATTGCTCA TCAGCGATGA GCTCTTCAGG CATCAGGATG 100

配列番号: 1555

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01759

配列:

GATCTGCTTT CATTAACTGG AATTCTGTAG GAGATACTGG TGACCTAAGC TAAGTTGCAC 60
TCAGCATACT CAGTGTCAAG CTAATGAGGT TCTATTATAA 100

【0375】

【配列表 285】

配列番号: 1556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01760
 配列:
 GATCTGGTAG AGGTACCAGC TTCCTTTCCA GCTGGAGAGG NCCCAACACT GGATGGTTCT 60
 GTAGGGAGCC TAGGGAGCCT GGTCAATACC 100

配列番号: 1557
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01761
 配列:
 GATCCTTTCA GAAAAGAAAC ACTGGGTCCC ATAGCTAAAT TCTCAACCGC CANGCAGCTT 60
 CAGAAGAATC CAGCCTAATA CTGGAATTTG TGCTATTATC 100

配列番号: 1558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01763
 配列:
 GATCATTAAAG GAAGGCGATG TAGATGTTTC AGATTCTGAT GATGAAGATG ATAATCTTCC 60
 TGCAAATNTT GACACATATC ACAGAGCCTT GCAAATAATA 100

配列番号: 1559
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01764
 配列:
 GATCATGGTG GATGAGGAAG CCTCAACGTA GATTCCTGAA CTCAAGGTAC CAGCAAGANT 60
 GCNTTCTCCC AGTGTGCTCT CCCCAACATC CTAGGCACAG 100

配列番号: 1560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01765
 配列:
 GATCAACATC TTTNCTTGCC TCTTTCCCT TCTCTCATCT CTTAGCTCCC CTCCAACCTG 60
 GGGGGCAGTG GTGTGGAGAA GCCACAGGNC TGAGATTTCA 100

配列番号: 1561
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01766
 配列:
 GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCACCT GCGCCGGCTC CTGCAAATGC 60
 AAAGAGTGNA AATGCACCTC CTGCAAGAAA AGCTGCTGCT 100

【0376】

【配列表286】

配列番号: 1562

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01767

配列:

GATCTGTTTG GACTATGTTT ICTTTTCTTC TCCCACTTGC TCAGCAGCTT GGGCTTCCAT 60
TCTAGTTCTT TTACCAAGAT TTTTGTGTGA CCATGTTGAC 100

配列番号: 1563

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01768

配列:

GATCGAAATG TTAACACCGG GAGCTCTNCA GGACACTCAC CCAGCGAEGC TCGTGGGGGA 60
AACATACTAA ACGGACAGAC TCCAAGANCT GCCACCGCTG 100

配列番号: 1564

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01769

配列:

GATCAGCAGA CCACGTATTT AAAATTCTGA ATCTTCTGGG ACAGGGTTGT AACTCAGCCT 60
TCCAAAGGGA AGAGTGCAGG GGGACGGGGC CATGATATGG 100

配列番号: 1565

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01770

配列:

GATCAAAAAG AACAGAACCC TCTCCAGCCT GCTGACCCGA ACCCAACCAC ACAATGGTTT 60
GTCTCAATCT GACCCAGCGG CTGGACCTC CGTAAATTGT 100

配列番号: 1566

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01771

配列:

GATCACAGAT GGATNTTGTT ATAAGCATCA ATGTGACACT TGCAGGNCAC TACAACGTGG 60
NACATTGTTT GTTCTTCCA TATTTGGAAG ATAAATTTAT 100

【0377】

【配列表287】

配列番号: 1567
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01772
 配列:
 GATCTGTAAT TCATAGTCAC ATCAAGGTCA TCAAGACCAG GAAAAACAAG AAAGACATAC 60
 TCAATCCTGA TTCAAGTATG GAAACTTCAC CAGACTTTTC 100

配列番号: 1568
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01773
 配列:
 GATCTTTCTT TAATAGTGAA CCCCTGGGCC ACTGAAGAGT AACATGGCTC CACTGGACAC 60
 AAAAGAGGGA TGAATCAAC AGGCAGGGGG CCTTTTATAA 100

配列番号: 1569
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01774
 配列:
 GATCTGGCTG CGCTATGACT CCGGGAGCGN CACCCACAAC ATGTACCGGG AATACCGGGA 60
 CCTGACCACC GCAGCGCTGT CACCCAGTGC TACCGAGACA 100

配列番号: 1570
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01775
 配列:
 GATCTAGAGG GTCGGACCCA CATATTTAAG ATTACGNTC GTTCAATGAG TGTGAAAGA 60
 GATATCAGAT TTGAACTGTT AGCACGACTG TGNCCTAATA 100

配列番号: 1571
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01776
 配列:
 GATCTGCTTA GAGTGGATTT TCACTCAAGT CCTTAGTAAG TGGATTTTGG GAAAAAAGC 60
 ACCTGGGCTT CTGGTCTTT TTGATAATAT ATAAAATTAT 100

配列番号: 1572
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01777
 配列:
 GATCTTTCTA CAACATTTAT CCTGGTTGTT AAGCCCTCCT TACAACATTC TTCTCTCTTT 60
 GTTTTTATAG CTCCATCTCT CCTGCTTCTT TAACTTGATA 100

【0378】

【配列表288】

配列番号: 1573
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01778
 配列:
 GATCGAAAAA AAAATCCAGA ACCTTGGGAA ACTGTGGACC CTACTGTACC TCAAAAGCTT 60
 ATAACAATCA ACCAACAATG GAAACCCATT GAAGAGTTGC 100

配列番号: 1574
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01779
 配列:
 GATCCTGTGG TTGGCCACTG GCCATAGCTG CTGCCCAGCT CTACCCCTCC CAGGGACCTA 60
 CCCCTCCCAG GGACCGACCC CTGGCCCAAG CTCCCCTTGC 100

配列番号: 1575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01780
 配列:
 GATCAGAGCT AGAGAATTGA GAATTAATA TACTACTAGC CATTTTAGGG CACCAAAACT 60
 TGGGATTAAG CACTTCCTAC TTCCCACTCC CAACTCCTGA 100

配列番号: 1576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01781
 配列:
 GATCTGCTTT CTCGTAATTA TAGATTGGTT TGCATTTTCT AGAAATTTT AAATAAATGG 60
 AAACATATAG TGAGTACTCT TCTTGGGGTG GAAGGAAGTG 100

配列番号: 1577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01782
 配列:
 GATCTGCTAT AGCTGTCCAT CAGAGAGAAT ACACGTGGCT ATAACATCTA TAACAAAACG 60
 ACGATTCTC TACAAGAGGC TGTTCCTNAC TGCTAACGTT 100

配列番号: 1578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01783
 配列:
 GATCTGCTGT TGCTGAGAGT HTGAGCGTGG ACTTGATGCA GTNATGACAA ATCATIGCTT 60
 AGAATTAATG TTTTCAAATG TGCAACTCTA GTTTTTAAAA 100

【0379】

【配列表289】

配列番号：1579

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01784

配列：

GATCCAGGGA TGAGGATAGA GTGGCCTGAG AGCAGTCCTT GGATTCAGCC TCCTGCTGGG 60
TCCTTCTGCT GGATACAGGC ACCAAGAGGC GGGGGTGGAG 100

配列番号：1580

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01785

配列：

GATCCCCCGA CGACGTGCTC GAGTTCCTGA AGGTGTATGA GANGCACTCT GCCCAGTGAG 60
CACCTGCCCT GCCTGCATCC GGAGAATTGC CTCTACCTGG 100

配列番号：1581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01786

配列：

GATCCATTTT GCTTACACTG TTGCATCACA AGGGACTCAC CCAGGGACCA TGACCTGCTG 60
GTGTGTGTGT ATATTTACAA AAACAAAACA AACAAACCAC 100

配列番号：1582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01787

配列：

GATCCATTAC CTAGGGTAAA ATTCTCCTGA ATGTCAAACA AAGAGATAAA CTACATTTGG 60
GTTTTGGGAA GTCCCCTGTA ATGATGAATC AAGAATCCTC 100

配列番号：1583

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01788

配列：

GATCCTCAGT GTGCTCACGG GGCTGCTGTT CGGCAGCGAT GGCTACTACG TGGCGCTGGC 60
CTGGACCTCA TCGGCGCTCA TGTACTTCAT TGTGCGCTCT 100

【0380】

【配列表290】

配列番号: 1584
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01789
 配列:
 GATCTGTGTT CGAATCCTCC CCACCCCTTT CTTTGTGGAG TTCCTAACC TGCTGCTGAA 60
 GCACAATGTT TTGGTGCTTT CTTTCTCCTN TTGTTAAAGG 100

配列番号: 1585
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01790
 配列:
 GATCAGGCCG TTNCTGAGCT CAACGGGACC CAGGTGGAGT CTGTACAGCT CAAAGTCAAC 60
 ATAGCCCGAA AACAGCCCAT GCTGGATGCC GCTACTGGCA 100

配列番号: 1586
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01791
 配列:
 GATCCAAGAT AAAGAAGGCA TCCCCCCGA CCAGCAGAGG CTCATCTTTG CAGGCAAGCA 60
 GCTGGAAGAT GGCCGCACTC TTTCTGACTA CAACATCCAG 100

配列番号: 1587
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01792
 配列:
 GATCTGGCTT CTTTCCCAAG GNGGGGGTGG GGTGTNCCTN GCGTCCCTGT CCTTGANGGA 60
 CCTCTTCCC CCAGCCTCAT CACCGTGCTC TTCTCAGCGC 100

配列番号: 1588
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01793
 配列:
 GATCTAAAGT TCTGGCTGTC CATTAACTC CAACTATGGT CTTTATTTCT TGTGGTAATA 60
 TGATGTGCCT TTCCTTGCTT AAATCCCTC CTGGTGTGTA 100

配列番号: 1589
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01794
 配列:
 GATCTCTTT GTCCCTTCTT GCTCTTTTCT TGGTGCTCTT TTTNCTCGGT GGGGTGTGGG 60
 TAATAGAACA GCCGTGGGCT TTTGGGGACC TTTAACTTTT 100

【0381】

【配列表291】

配列番号：1590

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01795

配列：

GATCCCATCC GCATGGAGTT TGAATAAAG GAAGACTTGT CGGGAACACA GGCAGGGCTC 60
AACGTCATTA AAGAGGCAGA GCGGCACNCC NGGTGGGCAG 100

配列番号：1591

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01796

配列：

GATCTATTGG CATATTCGGG AGCTTCTTAG AGGGATGAGG TTCTTTGAAC ACAGTAAAA 60
TTTAAATTAG TAACTTTTTT GCAAGCAGTT TATTGACTGT 100

配列番号：1592

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01797

配列：

GATCCTCCCC TTTTGAATG GCCCTGCTGT GTCAGTTTCC CTGTGGCCTT TTGAACTGTA 60
CATCTCACAT GTTGGGAAAC GCTGGCCACT GGGAAATCAT 100

配列番号：1593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01798

配列：

GATCAGAATG GACTTCTNCC ACTGAGCATG ACANGCACTC GAAAGGCTAA ATCAACCAGA 60
AACATCGAAA CAAAAGCTCA GGTGTGCCCC CCGGCACGCT 100

配列番号：1594

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01799

配列：

GATCCATATT TGTTTTGTGT TCTGCTTAAA TCAGCAAGAA TGATAAATTT GATGGTGTGA 60
AATTGGAAGT ATCAAGGGCT TTCTTTGGTG ATTGAGGGAA 100

【0382】

【配列表292】

配列番号: 1595
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01800
 配列:
 GATCTGCTTG ACAGTGATTA AATCCTTAGC TCACATCCAT TCCCATCTTT NGGGCTCCTT 60
 AGGCCCAAGG ATGGCATGTG ACTGGTCCCT GCAAGGTCCT 100

配列番号: 1596
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01801
 配列:
 GATCTHGTA ACTCTCTGTA TATCTTCCTA CCTTTCAAAA TCGTTCCTAG GGTAGTCAA 60
 GTCTGGAATA TAATTGCTGA CTATAAAGTT AGCAATTATG 100

配列番号: 1597
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01802
 配列:
 GATCTAGGGA AGTCAACACA TAGTGTA AAA TAATTACATG CCTAATGAAA AGAAGATGTC 60
 ATTTCTAAT TTNATATCT CATTTTCGGC ATTTTTTAAA 100

配列番号: 1598
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01803
 配列:
 GATCGCTTTG AGGTCAATAT TAGTGAGCTG CCTGATGAGA TAGACATCTC CTCCTACATT 60
 GAACAGACAC GGTAGAAGAC TCGCCCATTT TGGAAATGTA 100

配列番号: 1599
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01804
 配列:
 GATCTTGCCT GTTTCACAAT GTAACAAGAC TCTACCTGGG TCCCCTGGTG ATGAGTTTCA 60
 GCATAGAATA ATGTTCAAGG AAAAGAAAAC GAAAACAGTT 100

配列番号: 1600
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01805
 配列:
 GATCTATGAC TCCAACCGTA TGATTTTNTT GCCTCCCCAG TTTTCATCCC AGTGCTAACG 60
 CCTGATTTT GGTAGCTATG CCATCTTCTG CTGAGGATTA 100

【0383】

【配列表293】

配列番号: 1601

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01806

配列:

GATCAGAAGA CTTTAATTAT ATATTTTAAT CCTATAAGCT TAAATAGGAA AGTTTCTTCA 60
 ACAGGATTAC AGTGTAGCTA CCTACATGCT GAAAAATATA 100

配列番号: 1602

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01807

配列:

GATCTGAGAG AAGCCCTGTC CTCCACTCAC CTCACCCGCC GCTGCCACCA TCTCCTCTGT 60
 GCCAACTCCT TGTGGACCGC AAGAAAGCAT GACTTTGAAA 100

配列番号: 1603

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01808

配列:

GATCCTGGAG GATTTCCTAC CCCCCTCCTC TTCGAGACCC CAGTCGTGAT GTGGAGGAAG 60
 AGCCACCTGC AAGATGGACA CGAGCCACAA GCTGCACTGT 100

配列番号: 1604

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01809

配列:

GATCCATAAG GAGGGCTGTG TGGAGAAGAT TGGGGGCTGG CTGAGGAAAA ATGTGCTGGT 60
 GGTAGCTGCA GCAGCCCTTG GAATTGCTTT TGTCCAGGTT 100

配列番号: 1605

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01810

配列:

GATCAAATAA ACCAGTGTAG GATATTAAGA CTATCAATTG GTGGGATTAG GCTTGACATT 60
 TTATTTTTAT AAATATATAT TTNTCCTGAA TGTGTCTGAG 100

【0384】

【配列表294】

配列番号：1606
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01811
 配列：
 GATCTGCGCT TCCAGAGCGC ACTAATNCGG TGCTTTGCAG GAGGCAAGTG AGGCCTATCT 60
 GGTGGCCTT TTTGAAGACA CCAACCTGTG TGCTATCCAT 100

配列番号：1607
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01812
 配列：
 GATCATTATT ATATATAGGT ATTGATTGCT ACCCTGACCA CAGTGCTTTG GACTATGAGA 60
 AACTTCTTAG ATTTTATAT GTAAATNCTG TGGACCACTG 100

配列番号：1608
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01813
 配列：
 GATCACGNAC ACACAATAAG TCTTTCTCTC CGAAACCGGA AGTAAATCTA TATCTGTTAG 60
 AAATAATGTA GCCAAAAGAA TGTAAATTTG AGGATTTTTT 100

配列番号：1609
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01814
 配列：
 GATCTAACTA TGTTTCCCC CTTTCAAGAA TAGAACTATT GGGGTGAGGA TAAGGGGTGG 60
 GGGAGAAAAA ATCACTGTTT GTTTTAAAA AGCAATCTT 100

配列番号：1610
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01815
 配列：
 GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGATG TGGAAGCGTT TGCCAAAGCC 60
 ATGCAGAACA ACGCCAAGCC CGAGCAGAAA GAGGGCGACA 100

配列番号：1611
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01816
 配列：
 GATCCAAAGT AATATGTAGG TTCAATATTT TGTAGGTTTT ATAATCAAAT GTCTCCCTAA 60
 AGAGATGACA TAGGGAAGAA AAGCCTAATG TATCATCTTA 100

【0385】

【配列表295】

配列番号： 1612

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01817

配列：

GATCTCCCCG CCGCAGCCTC CTCAGAAGAC ATCGAGCGGT CCTGAGAGCC TCCTGGGCAC 60
GTTTGTCTGT GTGCTGTAAC CTGAAGTCAA ACCTTAAGAT 100

配列番号： 1613

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01818

配列：

GATCTGCCCCA GGTGCGCCAG ACTTCCTAGC ACACGTGCCG GGGAGCAGCT GCTTTGAGTG 60
CACACACTAC CAATCGTTCC TGAATACAG GGAGGTGGTG 100

配列番号： 1614

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01819

配列：

GATCAAAAAG CAAGCAGAAA TGAATCCACA TTCTAGTCCT TTATGCAGTA TACAAGGAGA 60
ACTGTCCTGT AGGATATTCT CTCCTGATG GTGCAGAACC 100

配列番号： 1615

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01820

配列：

GATCCCAACA ATGAAGCCAT TCGAAATGCT ATGGGCTCCC TGGCCTCCNA GGCCACCAAG 60
GACGGCAAGA AGGACAAGAA GGAGGAAGAC AAGAAGTGAG 100

配列番号： 1616

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01821

配列：

GATCAAAAAG AGAGTGGTTG TGGAACCTGT TGGCCCAAGT GGTTCACAGC CAGAGACATT 60
CAGAAAGTTT TTAGCTCTAT ATTTGCATGG TGCTGCGTGA 100

【0386】

【配列表296】

配列番号：1617
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01822
 配列：
 GATCTGGAAC CTCAGCCTGG CCAGACACAG GCCCTCCCTG TTCCCCAGAG AAAGGGGAGC 60
 CCACTGTCCT GGGCCTGCAG AATTTGGGTT CTGCCTGCCA 100

配列番号：1618
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01823
 配列：
 GATCACATGA AACAGATTIG CATAAAATTA CCATGATTGC TTTATGTTTA TATTTAACTT 60
 GTATTTTGTG ACAAACAAGA TTGTGTAAGA TATATTTGAA 100

配列番号：1619
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01824
 配列：
 GATCACCTAT GCCAAGAAAT AACATTTGGG ATAGTCGTCT TTAAAGACT TGGTGTATT 60
 TACAGTGTIT GTTTTGATAA CATTTGGCTG GGTCAATTTA 100

配列番号：1620
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01825
 配列：
 GATCTGTTGA ATATTTGCTA AAGACCAGTT CTTTAAGCTA AGACATGTAA AAAATCCCAA 60
 ATGGCAGTAC CTCATTGTTT ACTTAGCTTT TGTACTTATA 100

配列番号：1621
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01826
 配列：
 GATCTAGCCA AGGCTGGTCT GCAGTATCAG ATGTCCAAAC TCATCTACTA TNAGCCATAT 60
 TTTGTNAGTC GTTTGTCTAA ACTTTGTCAA AAATNCCTTT 100

配列番号：1622
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01827
 配列：
 GATCTGTTGG GTTCTCTATT AATTTATTTT ATACATTATA GATTCTGGGT TGATAAATTC 60
 TGCTCAATTT GAAAAATTTT ATATTTTGTC TCAAATCTGT 100

【0387】

【配列表 297】

配列番号： 1623

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01828

配列：

GATCGGGAAC TGGCTCCGTT GTGCTGAGGT CATCTTTGGT CATCAGCCTC CAGCATNTGG 60
AAACACCTCC AACGCAATGT GGCTTTTACA TTTCTTTCTT 100

配列番号： 1624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01829

配列：

GATCAGCAGA TACATGTCAG TGCAGAGGTT CTCTGCCCTC CAGAAGCCCT CGTCTGGGAA 60
TTCGAGAGAG GAGGAGGACC CAGGGCCAAA GGAATCCTCA 100

配列番号： 1625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01830

配列：

GATCAGAATA TGTATGCAGT TCTTTCTTTA ACCCTTTTTT CTCCTATGTA CTGTGAACAT 60
TTAAAAAGTA CTTTAAATA TTCTTTGGAA ACTTAGCTTT 100

配列番号： 1626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01831

配列：

GATCCCNITC CCACCCTCTC TGTTGGCCTC AGAGTCACTC CTGCCCCCTC TCCCTGACTT 60
GGTGCTCACA TGCACCTCAC TAGGGTTTGT CACCAGGGTC 100

配列番号： 1627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01832

配列：

GATCGCGGCG GANTNGGCCC CGCCGCCTGG TACTCAAGCC CGCGGGGACA TTGGGAAGGG 60
GACCCCGGCC CCCTGCCCTC CCCTCTCTGC ACCGTACTGT 100

【0388】

【配列表298】

配列番号：1628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01833
 配列：
 GATCANGGCA CTTCAACTCA TTTGGAAAAT NTGAACACTG ATGACATGGT ATAGGAGTGG 60
 GNGGGGTGTT GAGCCACCCA TCANACCCTC TTTAGCTGTG 100

配列番号：1629
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01834
 配列：
 GATCATAGAA AATAAATAGA AGAGACAGTG AAGCAAGTAA AAAGAAAAGC ATTGTTTTAA 60
 TTTGTTTGCA TTAATTTTTT TCATTTGTCA AAATGCTTCT 100

配列番号：1630
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01835
 配列：
 GATCAGAGTG GCCCAGAGAC ATTGCTTTCT NATCACCTAT CATGTGAATT CTACCTGTAT 60
 TCCTGGGCTG GACCACTTGA TAACTTCCAG TGTCTGGCA 100

配列番号：1631
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01836
 配列：
 GATCTGTGTC ATAAGTGAAT CCGGATGCAT CAGTGTCCAC CAGTTGGAAG CAATGACAAG 60
 GATGGCTGGC TGGTGTGTTT CAGCCTCCG GTTTATAGAC 100

配列番号：1632
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01837
 配列：
 GATCTGAGAT GGAAGAGTTT CATCCCAAAA CCATCTCCCC CTGACCCCCA GTCCATGGAA 60
 AAATTGTCTT CCACAAAACC GGTCCCTGGT GCCAAAAGG 100

配列番号：1633
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01838
 配列：
 GATCAGCGAG GTTCTCCAGG ACCTTAGGTT TGATGCCGAA TCTGCCGAGT GATGGCGGCT 60
 CCCCAGGGAT GCCGCCGAGG GAGATGGGAA ACGGGGCGGA 100

【0389】

【配列表299】

配列番号: 1634

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01839

配列:

GATCTATGAC AATGTATAGT CAATAAATGA TAGCAATTAT TTTTAATTAT CAAAATAAAT 60
 TGTTAGAGAT TCAAGTTAGC ATACAAAATG GAAATACATT 100

配列番号: 1635

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01840

配列:

GATCTAGATG GCAGATAGGA ACTTTNTTGT CACAAAAATA CTGGAGGAAA ATNTTGTAAT 60
 AATAGACTTT TGGACACACA GCTGTTGGGG CTGCACTGAG 100

配列番号: 1636

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01841

配列:

GATCCAGGAT TCTGGGAGGC TTCAGTTACC GCTGGCCGAG CTGAAGAACT GGGTATGAGG 60
 CTGGGNCGGG GCTGGAGGTG GCGCCCCCTG GTGGGACAAC 100

配列番号: 1637

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01842

配列:

GATCTCACAG CCACGAATTT AGAACTTCCT CCTATAGCAT TTTCTATCTT TTTTATGGCA 60
 TTTATTTTAT TCTATCTTGT TATGATTACA TAATCTGTTT 100

配列番号: 1638

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01843

配列:

GATCCACTGT TCAATCTGCA CAAGATTNGG GNNCCAGACA TGGGAGACTT CAGCTGCCTC 60
 AGAGGACCGT GGACAGGGAA GGCAGCCTCG CATCCCTCTG 100

【0390】

【配列表300】

配列番号：1639
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01844
配列：
GATCCAAGTA ACAGTGA CTG CAGTTAGGGT CGAGAGCTTC TCCGAAGCAG CGGTCATGCA 60
GGCTTTTGTG TGGCTGACGC TTCCCTTTT CACAACAGTA 100

配列番号：1640
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01845
配列：
GATCACAGAC CACGAGTCCC TTTCCCGGAC CTGGACGTTG CCTCCAGAGC AGGCACCANC 60
TCTTCCCTC TCTAGACAGA AATATTTTGT TAAGGTTCTG 100

配列番号：1641
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01846
配列：
GATCTTGAGG TCACTTCGTT TAGGTCAATT TCTCAACCCA ACCTCCCCAA ACTCTGGTTT 60
GAGCCAATAT GTGTTCTATT GTTCTCAGAG CACCAGCCGA 100

配列番号：1642
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01847
配列：
GATCTGTTTT NHTTAAACAC TAACAGAATA ATTCTTTATA AATAGGTAAG CCTTACACTT 60
GTAAAGAAA TTTACCTCTA ATTTCACTCT CACTAATGTA 100

配列番号：1643
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01848
配列：
GATCCNGGGC ATTTNCTCTG GGGAGACAGG CCTGAGGCCA GCTCGGNAGC CAAGCAGATT 60
CCAAACCACT ACAACCTTG CCAAACACAG CCCACTCCAT 100

配列番号：1644
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01849
配列：
GATCTTCTAA GAATTTTGCA AAATTCTAAA CAAATATAGA GATGGTATAT AGAATTCATA 60
TCTAGAAAAC TTTGATTTTA ATGTGAGCTT ATCAAATTTG 100

【0391】

【配列表301】

配列番号：1645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01850

配列：

GATCGAATGG CTTTTTCAG CTAACACTA TGTGTAGACA GGTTTTATAT TATAAAGTAT 60
GCATTCTTAT CACCTAGTAT ATAGTTAGTT TGTAGAGTGA 100

配列番号：1646

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01851

配列：

GATCTGGATG TTGAAAAGAG TCTGGCACCT CCTCCNTCTC TCTTGCTCAC ACTCTCACCA 60
CGTGATATGC TGCCTCCTCC TGTGCCTTCC ACCATGAGTA 100

配列番号：1647

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01852

配列：

GATCCAAGTA TTTCTNCATC AAGCAGTTTT TAAAAGGAAA ACGATAATAA TCAGTAGGCT 60
CCAIGGAAGC CTTTNCCTTA ATAGCTATGT GCCAAATACT 100

配列番号：1648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01853

配列：

GATCCTCCTG CAGGGCTAGG CGGATTGTTT TGGATTTCCT TTTGTTTTTC CTTTTAGTTT 60
TCCATCTTTT CCCTCCCTGG TGCTCATTGC AATCTGAGTA 100

配列番号：1649

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01854

配列：

GATCTTAGCT TTGATAAATG ACTGANGCTG GAGAAGCCGT GGTGAAGTC AGCCTACACT 60
ACAGTGACAC GTTGAGGAGC CAGAGACTTC TTAAATCATC 100

【0392】

【配列表302】

配列番号: 1650

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01855

配列:

GATCTGAGTA ATTAGCAGGT ATGATGCTGG GACTGGAAAA TAGAAAGTAA TAACTAAAGG 60
GTTAATGTGC AACGTTATTT TTTGGCCTTG TTCATAATTT 100

配列番号: 1651

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01856

配列:

GATCTCTGCT CAGAGAAGTG CAGGGGGAGC CTTCCAGCTC ACTCTCCCTG AGGACTGGCT 60
TGACAGGGGC TATGGGTTTG CTTTGGTCTT GTTTTTAAAA 100

配列番号: 1652

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01857

配列:

GATCACATCA CTCCACCCCT GCCAGGCCCC AGGTTAGGAA TAGTGGTGGG AGGAAGGGGA 60
AAGGGCTGGG CCTCACCGCT CCCAGCAACT GAAAGGACAA 100

配列番号: 1653

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01858

配列:

GATCCTTAGT ACAACATGTG AAAGAAGATA TGTGTCTTT ACTCACAGTG GAGGCATTTT 60
TCTAGCTGTG TTTGATTTGG CTTCCCTATA GATTCAGGAC 100

配列番号: 1654

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01859

配列:

GATCTAGGCA AACCTTTATA AAGTTGCAGT ACCTAATCTG TTATTCCCAC TTCTCTGTTA 60
TTTTTGTGTG TCTTTTTTAA TATATAATAT ATATCAAGAT 100

配列番号: 1655

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01860

配列:

GATCTGTCTG TTGCTTGTTT AATATATTTT TTTTATGACA TTAAGTAAAG TTTAAAAGGG 60
TTTTNTATCC ACTGTCAATT TCAATTGGAT AACATTTTGT 100

【0393】

【配列表303】

配列番号: 1656

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01861

配列:

GATCAAAAAC TATTTGGGAT ATGTATGGGT AGGGTAAATC AGTAAGAGGT GTTATTTGGA 60
ACCTTGTTTT GGACAGTTTA CCAGTTGCCT TTNATCCCAA 100

配列番号: 1657

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01862

配列:

GATCAGTTGG GTGCTATGTG CTCAGCTTTC CTACTGCAGC TTCATTTAAT GCAGAGTGGT 60
GTTTGAATTT GGCTTAGATG GGCTGGCAGG CATGATTTTA 100

配列番号: 1658

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01863

配列:

GATCCAAACA AATACACATT CTGTNTTTTA GCTCAGTGTT TCTAAAAAA AGAAACTGCC 60
ACACAGCAAA AAATTGTTTA CTTTGTTGGA CAAACCAAAT 100

配列番号: 1659

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01864

配列:

GATCAGGACC TGGGGGCCTA CAGTTCTGCC AGGAAGTGCC TGGCCAAACA GAGGCAGAGG 60
ATGCTGCAAG AGAGAAAAGC TGCAAAANAG GCCGCCGCTG 100

配列番号: 1660

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01865

配列:

GATCTCAGCA CAAGCAGGGG AGCAGCTGGG GGAACACAGC TTTATGTAAT TACCTCTGTT 60
CAATATTTAG CAAGTTGCAT TGTAACATTG TAACTGTTTG 100

【0394】

【配列表304】

配列番号: 1661
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01866
 配列:
 GATCTATGGC TTAAAAAATT TGTTTCTGTG ACAATNTTTG TAAATCTAGC CAATAGAGTC 60
 ATTTACAGAA GAAAAATNAG CATGTAATAA TACAAGAACT 100

配列番号: 1662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01867
 配列:
 GATCTGGAGC TAATAATGAC TGAGATGGAG ATATCTCGAG CAGCAGCAGA ACGCAGTTTG 60
 CGGGAACACA TGGGCAACGT GGTAGAGCGG CTTATTGCCC 100

配列番号: 1663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01868
 配列:
 GATCTCTGCT CTGCCCTCTC CCAGATTGGT GGGGAGGGAG GCGGGGAGGT AGATATAGGC 60
 CTGTCCTTTT TAGCAATGTG ATTCTTGTG TTGATTCTCT 100

配列番号: 1664
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01869
 配列:
 GATCAGGCTC ATCTCATCTG CACCAACTGC TCTACCTGTT AGATGGAGAC CTTGCNTCAT 60
 GAATTTCTCG AAATGCTCCT GGAAC TTATT TATATGCCTC 100

配列番号: 1665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01870
 配列:
 GATCTCTAAT TTAAGAAAC AGTTTTTATA TACCTAGAAT GAAGATTCTG TTTAAAGCGG 60
 TTTTGGTTAA CTTGGTTCTT GACATTTGCC TAAATNTTN 100

配列番号: 1666
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01871
 配列:
 GATCTCAAAG GAGTCTGAAA TATCATATTT CTGTGTGTGT CTCTCTCAGC CCCTGCCCAG 60
 CCTAGAGGGA AACAGCTACT GATAATCGAA AACTGCTGTT 100

【0395】

【配列表305】

配列番号: 1667

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01872

配列:

GATCGNCATT ATCCCCAGNA AAAAGCTCCG CAACAAGATA GCAGNTAATG TCACGCATCT 60
 GATGAAGCGA ATTCAGAGAG GCCCAGTAAG AGGTATCTCC 100

配列番号: 1668

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01873

配列:

GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCNCTGG TAGCTGACCC TCGTCGNTGC 60
 GAGTCCAAAA AGTTNGGAGT CCTGTGCCCG AGTTCGTACC 100

配列番号: 1669

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01874

配列:

GATCAAAAAT CCAAGGAGAA TGGTGCCAGT GTATGATAAA ATCCATGTAG TGATGAGGAA 60
 TGGTGTAAAA TAATGTAATA TATAANANTC ATGATATANG 100

配列番号: 1670

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01875

配列:

GATCCTCGCT CCGTTGCACG GCGGCCNTAA GTTATTGGAC TATCTAATAT CTATGTATTT 60
 ATHTCGCTGG TTCITTGTAG TCACATATTT AATAGTCTTA 100

配列番号: 1671

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01876

配列:

GATCTGGCGG ATTCTGAGCC ATGCCATTTT TACCTTATGT CTGCTAGAAA GTGTTGTAGT 60
 TGATTGACCA AACCAGTTCA TAAGGGGAAT TTTTTTTAAA 100

【0396】

【配列表306】

配列番号: 1672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01877
 配列:
 GATCTTCCCC AAGAGGGACT GGGGTTTCTG GGGTCCATTC TCTGAGTCAG TGGTTATTTG 60
 AAAATTTGAT TTTGATTTA TTTTCTCT GTAAACTTCC 100

配列番号: 1673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01878
 配列:
 GATCCCTNCC TTGGTGGCA GTTCTGCCTT CCAAGGAAGA AGGGGAAGAA AAGGACCTGT 60
 GGGTGGCTCA GGNCAAGCA GACCCCGGGC TCCACCCAG 100

配列番号: 1674
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01880
 配列:
 GATCAGGCTG CTGAGGGAAT AAATTTAATC AAGGTCTTTG CAAAAACAGA AGCACAGAAG 60
 GGAGCCTATA TAGAACTAAC ACTGCAGACT TATCAAGAAG 100

配列番号: 1675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01881
 配列:
 GATCAGTCCA TCCCAGAGGG ACCGGAGTTA TGACAAGCTT TCCAAATATT TTGCTTTATC 60
 AGCCGATATC AACACTTGTA TCTGGCCTCT GTGCCCCAGC 100

配列番号: 1676
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01882
 配列:
 GATCGTGTAT TGAGATTTCT TAAATAATGC TTCAGATATT ATTGCTTTAT TGCTTTTTTG 60
 TATTGGTTAA AACTGTACAT TTAATTTGC TATGTTACTA 100

配列番号: 1677
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01883
 配列:
 GATCTTTGTT AGTTGCATAT TATATTTTCTG TGTATATCTT CTGGTGAAT TGACCTTTT 60
 ATCATTATGT AATTCCTTA TATTTATATC TTTATATTTA 100

【0397】

【配列表307】

配列番号：1678

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01884

配列：

GATCACTCTG GGCTCACTTG CCTGCCTAAT GGTCATCTCC CCAGTAGACT GTAAGCTCCT 60
TGAGGGCAAG GATTGTGTTG GAATTTTGT ATTAACAGTG 100

配列番号：1679

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01885

配列：

GATCAGATGC TTGAAATTTA ACACTTTTCA CTGGTTCTT ATACTGAATG CCGACTCTGC 60
TCTGTGTTAG AGATATGAAA TGGTGTGTTGA TACTGTTTGA 100

配列番号：1680

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01886

配列：

GATCTATTGT AATGTGTTAT TTNGGCTGAN GTATGTNAAG AAAATACTAC CTTACAAAGN 60
TATGTATTNT CAAAAGGAAA TACATATCAG AAAGTTTAAAC 100

配列番号：1681

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01887

配列：

GATCTAGAAG TTTTACTTTT ATAAAGATGG TGTCCGGAAG ATGTTGCTAA TGTATTTTAC 60
TTCAACATAG GGAACAACT TTTTAAGTAT ATTAATAAAC 100

配列番号：1682

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01888

配列：

GATCAGCAGC CCTCGCAATG TGCTCAGCGA GTACCAGCAG AGGCCGCAGC GGCTGGTGAG 60
CTACTTCATC AAGAAGAACT GAGCAAGGCC TGAGCGCTGC 100

【0398】

【配列表308】

配列番号: 1683
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01889
 配列:
 GATCCAGATG ATAAACCAGT GAACTATGTC AAAAGCACTC TCAATATTAC ATTTGACAAA 60
 AAGTTTTGTA CTTTNCACAT AGCTTGTTC CCCGTAAAAG 100

配列番号: 1684
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01890
 配列:
 GATCCGNC CG TCTCTGCC TT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC ATCTGCCCGG 60
 CTTATTTTTC TTTATGTTT TNCCTTCGTA GAGGTTCTCT 100

配列番号: 1685
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01891
 配列:
 GATCTACCCC AGGGAGAATC TGAGACATCT TGCCTACTTT TCTTTATTAG CTTTCTCCTC 60
 ATTCAATTTCT TTTATACCTT TCCTTTTTTG GAGTTGTTA 100

配列番号: 1686
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01892
 配列:
 GATCTCTAAG GTATTATGTT TGCCTTCTCT TAGTTATTTT TGGGTTGTCA CAAAGCTCAG 60
 TATCATGGTT TGACAGAAGC AGTTATGTGA ACTTTTATGT 100

配列番号: 1687
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01893
 配列:
 GATCCATTCT CCNTTITANT CCCCCACCTT CCTCTCTNGG ATATGGTTGG NTTTGGCTCA 60
 TTTACAATC AGCCCAAGGC TGGGAAAGCT GGAATGGGAT 100

配列番号: 1688
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01895
 配列:
 GATCGAGATG AGCTTTAAAA ACTTGAAAA CAGTTTGTA GCCTTTCAAC AGCAGCATCA 60
 ACCTACGTGG TGGAAATAGT AAACCTATAT TTTATAATT 100

【0399】

【配列表309】

配列番号：1689

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01896

配列：

GATCTTGATG GTCGCTGCAG AGTAACTTCA GCGCTGAGTT CGTTTGAAAC CTTCGGTTTG 60
 TTAAGATTCA GAATAACCAA TTGCTTTGTC TGTAAATCT 100

配列番号：1690

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01897

配列：

GATCACTATG TAGGCAATGC TGGATACTGG NCTGTTATTT ACACATTTGT ATCACCTTTT 60
 ATTCATAAG ATAGCATTTG CAGANTAATT TAGTATTTCA 100

配列番号：1691

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01898

配列：

GATCTCCACA TTCAGGTTTC CTGATGCACT TTNCGACTCT TTGGGCAACC TCTGGACTCC 60
 TTGTNCCCAG GGTCCACATT TAGTTTTATC TTTACTGCAT 100

配列番号：1692

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01899

配列：

GATCAGTTAA TTTGTATGTA GCAGTGTATG CTCTCATATA CAATNACTGA CCTATGCTCT 60
 AAAACATGAA TGCTTTGTTA CAGACCCAAG CTGTCCATTT 100

配列番号：1693

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01900

配列：

GATCGAATCA CCTGAATGTT CTATGTANTG TAAAATATTC TTTTCTTGCT TTCTTGTTGTT 60
 AAGGTATATA TTCTATTTGT ATGGAATTCT TATTCAAATA 100

【0400】

【配列表310】

配列番号: 1694

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01901

配列:

GATCTCAGCG GCATTAAGCT GTGCCTGAGC GAGTTTGTAG TGACTCACTG CACAGCACCN 60
CCAGACTAGC ATGTGGTTCT ATATTGTAA AGTTATTGGG 100

配列番号: 1695

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01902

配列:

GATCTTCTAC TTCCCTNTGG GGAGGGGAGT GACAGGTCCA CACACCACAC TGGGTCACCC 60
TGTCTGGAT GCCTCTGAAG AGAGGGACAG ACCGTCAGAA 100

配列番号: 1696

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01903

配列:

GATCTTAAAA AAAATTTTCC ATATGTCAAA GTGTAGAGAT GTTTCTAGCA GCATTTATCT 60
TGTATCTAT AGATTGAACA AAAAGTGTA GCTGTNAAAT 100

配列番号: 1697

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01904

配列:

GATCAGCAGT TCCAGCCCT ACCTNGCTG GGGGCGCAAC CACCCCTTCC TTAGGTTGAT 60
GTGCTGGNA AAGCTCCCTC CCCCTCCTC CCAAGAGAG 100

配列番号: 1698

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01905

配列:

GATCTTCATC TGTAGCCAAG AAGAGAGCAT TAAACCCAAG ANCATTGTGG ACAAGATTGA 60
CTTTGACAGT GTGTCCAGCA TCATGGCCTC CTCCCAGTAA 100

配列番号: 1699

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01906

配列:

GATCTTAATG TTTCAAAGGA GTGCAGCCCT TCACAGCCAT CAGATATGAG GGCAGTGTTC 60
TGTCTGGTGT TGTAGCCATC TCAAGAACA ATCAACAGCA 100

【0401】

【配列表311】

配列番号: 1700

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01907

配列:

GATCTGTGAC CCTGGGCGCT GAAAATGGGA CCCAGGAATC CCCCCGTCA ATATCTTGGC 60
 CTCAGATGGC TCCCCAAGGT CATTCAATC TCGGTTTGAG 100

配列番号: 1701

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01908

配列:

GATCTCTACT ACCACAAGGA AAATAGTTTA GGAGAAACCA GCTTTTACTG TTTTNAAAA 60
 ATTACAGCTT CACCCTGTCA AGTTAACAAG GAATGCCTGT 100

配列番号: 1702

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01909

配列:

GATCAGTGTG GAGGACCCGC CCCAGCGCAC GGCCGGCGTC AAGGTGGAGA CCACTGAGGA 60
 CCTGGTGGCC AAGCTGAAGG AGATTGGGCG GATTTGAGCC 100

配列番号: 1703

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01910

配列:

GATCTAACCT TTGANGCTTT AAAAAAGGAG AAAGAGGGTA GGGGTGGGAA ACTGGCATAC 60
 TGTGTGTATA GCACTGCCGA TTGGCTAGGC CACTGTGTCT 100

配列番号: 1704

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01911

配列:

GATCGCGAAT AAAAATCAAC AAATGTGAAA GCCCAGAAAA ATATATTCGT ATTTCTGGTT 60
 TTGCTGGATT TTTACATTTT TATATAATAA AAATGNTATT 100

【0402】

【配列表312】

配列番号: 1705
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01912
 配列:
 GATCTATTGC AGATATTTGA TGTAGTTTTT TCTTTTAAAT TAATCAGAAA CCCCACTTCC 60
 ATTGTATTGT CTGACACATG CTCTCAATAT ATAATAAATG 100

配列番号: 1706
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01913
 配列:
 GATCCGCCCG GCTCAGCAGA ATTCACGCTC CTGTATGCCT CAGCCCCCTCG ATATAACTCC 60
 ATCGGATTCT AGCAGCCTGG TATTCTAGCA AAAAAACCCA 100

配列番号: 1707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01914
 配列:
 GATCAGACTG TCACTTTATA GTTTTCTAT ATAAAGATTA TATAGTTGCA AACAAAGGTT 60
 GTGAAATTTT CCTTTTGTG TTTTNACTT TTAATTAATA 100

配列番号: 1708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01915
 配列:
 GATCGAAGCT ACCGTAATGT GTTCTTGAGG TCAACATGTT TTGTGGAAGT CACTGTATTT 60
 GCCCNTTAT GTCAATTACC TATTATAAAC CGAGAGAAAT 100

配列番号: 1709
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01916
 配列:
 GATCCCTTGT AAACATGAAA TCATTCCATG GATGGCTGCC TTATAATTTT GTCTCTTTCC 60
 ACTTTAATTG TGAATGCTTA AAAAAATGCT GTTTTCTGAT 100

配列番号: 1710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01917
 配列:
 GATCTGTACC TAGTACCCCT CCCATCTACT GATTTGTTTG TTTTGTAAAC CAAACACATT 60
 TTCAGATAGA AGGAGCCITA AAAAAAAAAA ANTCACATTG 100

【0403】

【配列表313】

配列番号： 1711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01918

配列：

GATCCCCTAT TCCCTCCACA ATAACAGAAA CACTCCCAGG GACTCTGGGG AGAGGCTGAG 60
GACAAATACC TGCTGTCACT CCAGAGGACA TTTTTTTTAG 100

配列番号： 1712

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01919

配列：

GATCTACAAT NAAGCCCTCA AGGGCTGAAA ATAAATAGGG AAGATGGAGA CACCCTCTGG 60
GGGTCTCTC TGAGTCAAAT CCAGTGGTGG GTAATTGTAC 100

配列番号： 1713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01920

配列：

GATCTGAGGA GGAAATGTGA CGCCGGACGC TTCNTGTNT TTGACCTTTT NAAAGGANGA 60
GGAAGTTCAC CGACANTACC CATCACCAC AAAAGTCTCA 100

配列番号： 1714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01921

配列：

GATCTGGCGT NCTACTATGA GGCTTCTTTT GACCTCATTN NTGTGGTNGC CGGCGTAGCC 60
AGACCATCCT ATACTGTGAC TACTTCTACT NGTACATTAC 100

配列番号： 1715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01922

配列：

GATCATAGCT AACTGTATG TTTAGGTGGT GTGAAATGAT TTATAATCAC AGCTTGAAC 60
GTGTTTGCTT GGTACTGTCA TAGTGATTAC AAATTTTCATG 100

【0404】

【配列表314】

配列番号: 1716
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01923
 配列:
 GATCAAAAAG GACTGAACCC CCACTATCAT AATCCATACA TTCATTTCCA TGTGTTTGA 60
 CTAGCAGTGC ATATATGAAT GAATATGGTA ATTAATCTTA 100

配列番号: 1717
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01924
 配列:
 GATCTTATGA AGGAAGATTT GTGACCCTAC GTATATATAT ACACACACAT ACATATATAT 60
 ATATATCCCG AACCAACANC GGGACTTTGT TTATATTGCA 100

配列番号: 1718
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01925
 配列:
 GATCCCCITT CTCTATGTCG GGACACTCAT TAGCAAGAAC TTTNCTGCTC TACTNGAGGH 60
 ACATGACATT TTTGTTCCAG AGGATGATGA TGATGATGAC 100

配列番号: 1719
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01926
 配列:
 GATCCGAGCA GTCCTCTGCC CGCCTCCCGT GAAGAAGAGG AAGAGAAAAT GCCTGCTGTT 60
 GTAAATGTCT CAGCCCCTCG TTCTTGGTCC TGTCCCTTGG 100

配列番号: 1720
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01927
 配列:
 GATCCTGTGT AGAAGCTGTT CTCATTAAAC ACCAAACAGT TAAGTCCATT CTCTGGTACT 60
 AGCTACAAAT TCGGTTTCAT ATTCTACTTA ACAATTTAAA 100

配列番号: 1721
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01928
 配列:
 GATCTGCGCC TCTCAGTGCC TTTTGAGGGG TTCCCATCAT CCCTCCCTGA TATTGTATTG 60
 AAAATATTAT GCACACTGTT CATGCTTCTA CTAATCAATA 100

【0405】

【配列表315】

配列番号：1722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01929

配列：

GATCGGGNCA AGAGAGNCTG AGTACGGATG GGAAACTATT GTGCACAAGT CTTTCCAGAG 60
GAGTTTCTTA ATGAGATATT NGTATTTATT TCCAGACCAA 100

配列番号：1723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01930

配列：

GATCAGCCCA TCTCAGCTTG CTNTTTCAT CACAATGGAA ACATATTTNC ATAGGCTTCC 60
AGCTACGACT GGTCAAAGGG ACATNAATTT NATAATCCCC 100

配列番号：1724

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01931

配列：

GATCCCATAT CTATTACCGT GTCCATAGGA ATAATAGGTA AGGGCTCTGT CTCTGTCAAG 60
CCATGTAACA AAGGACACTG TAAA 85

配列番号：1725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01932

配列：

GATCCAGCCC TGGTTCGGC TGTGGTCAGC AGATGCCAGT GAAGGGTTTT GTGTGTTTAG 60
GCCTCATTTT TTTGTCTTTT TCCTACTCCT GTTCCTGGCA 100

配列番号：1726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01933

配列：

GATCTTGTGC TGTGCTATCC GCAGGAACCG CGNGATGGTC TAGAGTCAGC TTACATCCCT 60
GAGCAGGAAA GTTTACCCAT GAAGATTGGT GGGATTTTTT 100

【0406】

【配列表316】

配列番号: 1727

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01934

配列:

GATCGAGCCA CTGCGCTCCG GCCTGGGTGA CAGGAGACTC CATCTCAAAA AATAAAATTA 60
AAAAAAAAC TACTACAATA AATTATCACC TTGGACTGTA 100

配列番号: 1728

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01935

配列:

GATCGCTCAG AAAATGGGAA CCCAGGGCAA ATTGTATGTG CTCCTTACTG GGTATTATTAT 60
AAGTGTACA TGTITTTTAT AATAAACAT AGGTGATTTC 100

配列番号: 1729

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01936

配列:

GATCCTCCCA CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGACCATAG GCTCACAACA CCACACCTGG 60
CAAAATTTGAT TTTTTTTTTT TTTCCAGAGA NGGGGTNTTG 100

配列番号: 1730

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01937

配列:

GATCTAGCAC TTTACAAAGT AAGTTTTTCT GTNACTTAGA GCTGAAAATA AAAGCAATGT 60
AGAGTTACGC TTTTATAAGT ATTTNANGTT TCANAAATNA 100

配列番号: 1731

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01938

配列:

GATCATTTAG TTCTATCTAT TTAGAAATAT GTAAACTGG ATTTTTTTTT AAGTAATATG 60
TGACCAAAGT TAATTTTGTC CCAAAGGTCT AAATAAAGAG 100

配列番号: 1732

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01939

配列:

GATCGCCACA GCCCTTCTTG GAAGAAAGGC GTCTGTGTTT CAGGTTCCAC GCGAGTCACC 60
TCITTCGTCT TAATGTTTAC CGTCCACAGC TTTGGAATAA 100

【0407】

【配列表317】

配列番号： 1733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01940

配列：

GATCTTTGAC TGTATCATGC ATTGTACAAT TGATTTTCATA TTTTATGAAA TGCCTTAATT 60
TTCCTACTAT AACATAAAGA CAATGATGAA TAAAGTTTAT 100

配列番号： 1734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01941

配列：

GATCAGAAAC ATACATACCC TNCCTAGGGA TTTAGAAAGT GGGTTGGCAG TCTTTCCTCA 60
CGTCCATCAC GCANTTGGNA CCTACTNCAG TGTATTGTAA 100

配列番号： 1735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01943

配列：

GATCCCAGAG GTCANGACCA AANCCAATCA GTGAAAATTC AACTNTAGCT GTGAAAACAT 60
TGGACTAACA GGAGCTATCC AACAATGGAC CAGAATGTTG 100

配列番号： 1736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01944

配列：

GATCCCGCAG GTGGCACGTG ACAGCTAGGG TTCAAAACGT TCTCACCAAA TCCAATGCTC 60
CTCACATATT AATTTTATAA CCAGACAAAT AAATATTAGA 100

配列番号： 1737

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01945

配列：

GATCTCAAAA TTCCAGAATT CCCTGTACAT CTNTCCACGT GCTTGTGCTC CAGGTGTGAC 60
TTGTAAACTG TCTAGTGTTT GCNTTAAATA AAATGGCACC 100

【0408】

【配列表318】

配列番号: 1738
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01946
 配列:
 GATCCGTATC GGTTTAAGAA GCGGACGGAG CTGTTTCATTG CCGCCGAGGG CATTACACAG 60
 GGCCAGTTTG TGTATTGCGG CAAGAAGGCC CAGCTCAACA 100

配列番号: 1739
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01947
 配列:
 GATCTGTCAA TTTCTTTGTG CAGAATGATT TGAAGTATTG TATTCAGTTT ACATGCATTA 60
 TTGGNTTATA ATNAATATCT AATGAAAATA CATGTTGTTA 100

配列番号: 1740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01948
 配列:
 GATCAGCTGA TGGAGCTCCT GATTTGACAA AGGAGCTTNC CTCCTTTGAA TGACCTAGAG 60
 CACAGGGAGG AACTTGTCCA GTAGTTTGA ATTGTGTTCT 100

配列番号: 1741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01949
 配列:
 GATCGCACCG CCCCTCGCAG AGAGTGTATC ANCTGTTTTA TTTTGTAAA AACAAAGTGC 60
 TAAATAATAT TNATNACTTG GTTGTGTTNC AAAANCGGAT 100

配列番号: 1742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01950
 配列:
 GATCACTGTG GTNTTCATAT TTCTAAAATA AATGAATTAA AAANTTTAAN GNCTTAGATG 60
 CTTATCTCTA TCATAGCTCA GAATGCAACT NCAATACCCC 100

配列番号: 1743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01951
 配列:
 GATCAACTGT ACGCCTTTGG TATCTGACCA TAAAGTCTTT TGCTCCGCTG ACATTTGGGT 60
 GATGTCTTCA CATGGAATA TAATAAAAT AAAAATCTAG 100

【0409】

【配列表319】

配列番号: 1744

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01952

配列:

GATCGAGGCT TCAGTGAGAT ATGGCTGAGA CACTGCTCTC AGCCTGGATG ACAGAGTGAG 60
 AACCTGTCTC AAACAAGAGA AAAAAATAAA TCAAANNCTA 100

配列番号: 1745

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01953

配列:

GATCTGAGGA GGCTTCGTGG GCTTTTGGGT CCTCTAACTA GGACTCCCTC ATTCTAGAA 60
 ATTTAACCTT AATGAAATCC CTAATAAAAC TCAGTGCTGT 100

配列番号: 1746

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01954

配列:

GATCCACCCA CCTNAGGCCT CCCAAAGTGC TGGGANNACA GNCGTGANAA CCACGGCTTC 60
 GCCAACAATG GATTTTTTAAA TTATTTCCAC GCTCACAAAA 100

配列番号: 1747

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01955

配列:

GATCNANCCT CAACACCTAG TGCAATTCTT TTTACACATT AGGNACTTAG TAATTNGGGT 60
 TGAATTGTGT TGAACCTAACC TGGCGGTATA GGCAAAANTT 100

配列番号: 1748

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01956

配列:

GATCTCCCAT TTCTAGGAAC CCCAGTCCTG CTTCTCCGCA ATGGCACATG CTTCCACTCC 60
 ATCCATACTG GCATCCTCAA ATAAACAGAT ATGTATACAT 100

【0410】

【配列表320】

配列番号: 1749
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01957
 配列:
 GATCCAAGAG ATATATTTGG CAACCTTTTC TAGAAAAGGC ACATTGGGTA TAATTCATTA 60
 CATTCTTGAG TTTTTTGGG TTTTTTTTT TTTTTTNGG 100

配列番号: 1750
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01958
 配列:
 GATCCAGCTG GAAAGCTGAN AGTATTTTGA TAACTGAAT TGAGAAATAC TTCTNCAAGT 60
 TATNATGCTT GAAAGTNTCT AATAAAGTTC ACGGTTTCAT 100

配列番号: 1751
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01959
 配列:
 GATCTTAAGG TATCAGTATT TCAGAATCCT GCGACGATTT TATTTCTAAA TTCATGTACT 60
 GTATGTCCAT AAGTAAAAAT AAAATNTCAT ATTCTTTTCT 100

配列番号: 1752
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01960
 配列:
 GATCCTTAGC TCTTTGCTCT ATGGCCCTTC CTCATCAGGG GACCGTTTCC CCCCTCTTCC 60
 TTCACAGTAT TTAAGAAATA AAAGTCGGAT TTNTCTGGCT 100

配列番号: 1753
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01961
 配列:
 GATCGCCCCA TTGCACTNCA ANCTGGACAG CAAGAGCAAA ACTCCGTNTC AAAAAACAAA 60
 AACAAAANCA AACAAAAAAN TTCCCTGAG AGAAAAACCTA 100

配列番号: 1754
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01962
 配列:
 GATCACACAC TAAGAGAACG TTGATTGCCT CGGCTATTGT GCTGGCTGGA CACTTTGGTC 60
 ACTTTTGAAG CATGTTAATA AATGTCACCTG ATTAAAAACA 100

【0411】

【配列表321】

配列番号： 1755

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01963

配列：

GATCCAAGTT TGAAAACAAT TTTAGGCTAC TAGATATGAA CAACATCTTG ATTATGTAGT 60
TGAAGGAAAT TAAAGATGAA TGGTTTAATT AAAAATTAAA 100

配列番号： 1756

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01964

配列：

GATCAAATTA AATAATTCAA GCCCTGCCTT CAAAATGAAA TTTTTTTTTT AGTATTATTT 60
AGCAAAANCA ATAAAACCCA AATTTTTTTT ACCATCAAA 99

配列番号： 1757

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01965

配列：

GATCACTTCA AGCAAGCCCC CATGATGGTT CTCAGTCCTG CTTCTCTGTG GGTACGTGCC 60
CCTCTGTTTA AAAATAAACT GAATATGGAT GTTTAAA 97

配列番号： 1758

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01966

配列：

GATCAAAATG AAACCTGTTG ATGTGAATTC AGTTATTGAA CTTGTACTTT GTTTTTGCCA 60
GAAATGTTAT TAATAAATGT CAATGTGGGA GATAATAAA 99

配列番号： 1759

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01967

配列：

GATCTGATGT TCCTTTTATT TATAACAATG TTAATGCAA TTGTCTTGTA CCTTGAGTTG 60
AGTATTACAC ATTAAAGTAA AGTACAAGCT GTAAA 95

【0412】

【配列表322】

配列番号: 1760
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01968
 配列:
 GATCCAGAAG TAAATGTATC TACAAGCTGA TTTAAATTGT AGATTNNTC TTCATTGCAT 60
 ATTTNCTGAT GTTGAATAAA GTCTGAGTAT TAAA 94

配列番号: 1761
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01969
 配列:
 GATCCAAAGT ATATTTTAC TGAGAATATA TCTGAAAAA TTTGAATTGA GATTAAATTT 60
 TTAAATGAAA TATATTACT TTTTAAAA 89

配列番号: 1762
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01970
 配列:
 GATCCTGGCC CCTCAACCTC CTGTGGAACC CAGCAGTTCT GTTATATCCC CTGCTACCCT 60
 AGATGAATTA AGACGGTTAA ATACTGAAA 89

配列番号: 1763
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01972
 配列:
 GATCTGTCIT GCTTATTGTT GCCCCCTGCG CCTAGCACAA TTCTGACACA CAATTGGAAC 60
 TTACTAAAAA TTTTTTTTA CTGTTAAA 88

配列番号: 1764
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01973
 配列:
 GATCATATGG TAGTTTGTI TTACTAATCT AAGGGTACTA GCATCTACAA TATATAGAC 60
 AAAATAAAAT ATTCTTTAA TGGCAAA 87

配列番号: 1765
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01974
 配列:
 GATCTGTTTT CTCTAAAAAT TTACCATATT GTCTGTATAT GGTGTAAAT NCAAAATGGAA 60
 AGTAAACGT TTTGGCCCTG ATAAA 85

【0413】

【配列表323】

配列番号: 1766

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01975

配列:

GATCCTGCTG GAAACCACGG CAACCTGTAT CCACTATTAG GAGGTAAAAA TCAATAAAAT 60
 GGCCCATTC A TTTGTGTTGT AGCTCAAA 88

配列番号: 1767

配列の長さ: 84

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01976

配列:

GATCTACAAC ATATAAAATT GTGTATTTTC NTTTGGTTGT CCCTATTAAC AAAAAAGTAT 60
 TTNAATAAAA ANTGAAATG NAAA 84

配列番号: 1768

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01977

配列:

GATCCCACTG TAAAATTGGA AATGGGCAGT TCTGAATTTT CACGTTTGAA ATGTAAAATA 60
 TAAACTTCAG TCAATATCCA AA 82

配列番号: 1769

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01978

配列:

GATCTGGACG TTCACGTGCA CTCTCTTCCT GTACAGTATT TATTGTTTCCT GGCACTTTAT 60
 TTAAAGATAT TTGACCCTCA AA 82

配列番号: 1770

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01979

配列:

GATCCTTACT CCTGCATTGT CCTTTGCCAG AGACCTATTT AAAANTTTNA AAATTNTCAT 60
 TAAAGTCAGC TTGGGTTTAA A 81

【0414】

【配列表324】

配列番号: 1771
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01981
 配列:
 GATCTAAAGA GAAAAGGGAG AAGAGGGAAA AAGGAAACAA AGGAGAAGAA AGAGGGAAAG 60
 GAAAAAAAAAG AAAAAGAAA 79

配列番号: 1772
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01982
 配列:
 GATCATGAAA GGTGATAAGC TCTTCTATGA TAGGGGAAGT AGCGTCTTGT AGACCTACTT 60
 GCGCTGTTGT ACTCTGAAA 79

配列番号: 1773
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01983
 配列:
 GATCAAAATAT TTTGCCTTTN ACTNAAATCA GCCAGCCCAT NACCCCAAT AAAGGGCAGC 60
 TGCCTCTGCT CCCTCTGAAA 80

配列番号: 1774
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01984
 配列:
 GATCAAAATTT CTTAAAGCAA ACAACAAAAA TGTACATTTC TGTTTTTCCT TTTAATAAAC 60
 AGGTGTACTC TTTATCAAA 79

配列番号: 1775
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01985
 配列:
 GATCTAGTGT CCTTTTGTGTA CACTAAACAG GTGAATGCTG ACTTTTTNHA TTCTCCANTA 60
 AATTTCACTG AACTGAAA 78

配列番号: 1776
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01986
 配列:
 GATCTTTGTT TAGTTTCAAG TCTTTTTATA ACTAAATCTG CTGGCATTAG ACAATAAATA 60
 CATTTTCAAA ATAAA 75

【0415】

【配列表325】

配列番号： 1777

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01987

配列：

GATCATATAT ACTTGCATAA TATCATCCCT TCCCTTGATT TCTTTCAATC TAAAAATAAA 60
TATGAGAAAA ACAAA 75

配列番号： 1778

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01988

配列：

GATCGATATT AATGTATCCA ATGAAATAAT CGACTTGTNC TTGATAGCCT CATTAAAGCA 60
TTTGGTTTTN CACATAAA 78

配列番号： 1779

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01989

配列：

GATCTGAGCC CCCAAGATGG AGAATGGGA GGAGCTTTTT ATGGCGGACT GATTAAAACT 60
CTTAAGCATT TAAA 74

配列番号： 1780

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01990

配列：

GATCTGCTTG GCCTTGATAA GCTATGTTGT TGCACITTTAA ACATTTAAAT TATACAATCA 60
TCAACCCCA AA 72

配列番号： 1781

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01991

配列：

GATCCTCCCC TTCAAATGAC TGTAATTAAC AACACTTAAA AAACCTGAAT AAAATATTGA 60
AACCTCAAA 69

【0416】

【配列表326】

配列番号: 1782
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01992
 配列:
 GATCTATTCT GAAGCTGTTT ATTTTAAACA AATAAAATGT TACAGGTTTC ACATGATTTA 60
 TTCTCAAA 68

配列番号: 1783
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01994
 配列:
 GATCCGTAAC TNCGGGATAA GGATTGGCTC TAAGGGCTGG AGAAGGAATG AATAAAAAAA 60
 AAGAAA 66

配列番号: 1784
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01995
 配列:
 GATCCAGTT CTCTGNCAGA CCAAGGCGAG TTTCCCCACT AATAAAGTGC CCGGTGTCAG 60
 CAGAAA 66

配列番号: 1785
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01996
 配列:
 GATCCTTTTT AATACCACAG CATTTGTACT GTTCCTTTTT AATATACTGA AAATATAAAA 60
 GGA AAA 65

配列番号: 1786
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01997
 配列:
 GATCCGCTTA TTTCTGCCAG TATATTTTGG ACACTTTATA ATCATTAAAG CACTTTCTTG 60
 GCAAAA 65

配列番号: 1787
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01998
 配列:
 GATCTTACAA TANTGTTCCA CTCTGCAAAAT TTTTAAGGTT CAAATAAAGT TTAATTGTTT 60
 GCAAAA 65

【0417】

【配列表327】

配列番号： 1788
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01999
 配列：
 GATCATTGCA CCATGTCAGA CTTTGTATA TNCCTTGAAA ATAAATGAAA GTNAGAATCN 60
 TCAAA 65

配列番号： 1789
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02000
 配列：
 GATCCTGTCC TGATTCTCAA AAATTATTTT CTCTGTATGA TTAAAAGTTT ATTCCATTTA 60
 AA 62

配列番号： 1790
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02001
 配列：
 GATCCCTTCA TTTGAATATT AATGGCTTTT TCCATTAAAG AATAAAATAT TTNGGACAAT 60
 GCCGATAAAT GTATGAAGTT AGTATCCACA TCATAAATTC 100

配列番号： 1791
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02002
 配列：
 GATCAAATTT ATAAGTTATT ATTTTAAATT TTCTAAATTA AATAAAAGAA AGAATGCAAA 60

配列番号： 1792
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02003
 配列：
 GATCAATAAA GAGTAATTC TTGCTAAATA AATAAAAGAA ACCTTGTTGA AAAACTAAA 59

配列番号： 1793
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02005
 配列：
 GATCTGAATG ANGCAACCCA CCCCCACCCC AATAAAGAAA TAACAGAAAA CCCTCAAA 58

【0418】

【配列表328】

配列番号： 1794
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02006
 配列：
 GATCTTATTT TTTTTTTNAA ACTTGCGCTT TTTGAATAA AAACCTTTTG TCTTAA 57

配列番号： 1795
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02007
 配列：
 GATCTCAGTT GTAAATAGAA AAATCTAATT CAATAAACTC TGTATCAGCC CCCAACAAA 59

配列番号： 1796
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02010
 配列：
 GATCCAAAAGT CATGNGTCCA CACATTCATA AATAAAAATT TTACCTATGA AA 52

配列番号： 1797
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02011
 配列：
 GATCCAGTGA AGCCAGAAGC CAAATAAACT CAAAAGCTGT CTCCCCACAA A 51

配列番号： 1798
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02012
 配列：
 GATCCTAATT TATGCCTATG CAAAAAATAA ATAACGCCCA AGAGCTGTGG GAAA 54

配列番号： 1799
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02013
 配列：
 GATCGCCTAG TATGTTCTGT GAACACAAAT AAAATTGATT TACTGTCTGC AAA 53

【0419】

【配列表329】

配列番号: 1800
配列の長さ: 58
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02025
配列:
GATCCGTAGT AATAAATTCT CAGAGGACTC AGCCTTTCCT GCGGGTCTGG AGCTCAAA 58

配列番号: 1801
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02039
配列:
GATCAGAGTC TCTTGGGCAT TTTATATTTT GCATTCTGAT GTACCTAGGA GTTTTGTAA 60
ACAGATGATG TATGTNAGTA TTTATCCCAT TTTATGCAAT 100

配列番号: 1802
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02040
配列:
GATCCAAAAC TGGACCCTTG GAGCCGTCGA CTCACAGATG GATGACATGG ACATGGACTT 60
AGACAAGGAA AAAAANNCAGG ACTTGAAGGA GCTCAAGGTG 100

配列番号: 1803
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02041
配列:
GATCTGTAAT TTTAATTTTC ACCCTCTGTA CCCCATGACC TTATCCTTCC TCTCCTTCCT 60
TGTTACCCAT GAAAACTGG CAACATTCCA AGAATAGCAT 100

配列番号: 1804
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02042
配列:
GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTCATGTAT GTCACCCGAC TTCGCAACAC TGGGGTTGAG 60
GTGACTCATA ACCATGTTGA GGATGGATTG CATGGAGCAT 100

配列番号: 1805
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02043
配列:
GATCAAAGCG CCACTGCCCT GCACTTCCTG GGCCGCGTGG CAACCCGCTG NGCACAGCAT 60
GAGGCCAGGG NCCCAGAACA CAGTGCCTGG CAAGGCCTCT 100

【0420】

【配列表330】

配列番号: 1806
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02044
 配列:
 GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCAAATT ACCTGCCCAT TCGTCAGGAC ACCCAGCCAC 60
 CCAGTGTAT ATTCTGCCTC GCCGGAGTGG GTGTTCCCGG 100

配列番号: 1807
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02045
 配列:
 GATCTAAAAG GGTTCCTTA GAAAGGGCAA TATTGTCCAA TGAAGTAAGC AGAAGGACTC 60
 TGGGTTAGAA GCATCTGCAC AAAAAGTGGT GAGACCTACT 100

配列番号: 1808
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02046
 配列:
 GATCAGCCTG CAGCCATCCC CCGACCTGC TGCTAGGCCA CGGTCTGCGC CCTGGGGCCT 60
 CATCTCCCC AGCCCACTTG TTTTCCCCC TTTTATTCCT 100

配列番号: 1809
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02047
 配列:
 GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTACG CTGGCCATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
 GTGGCACTTA CTCAAAAGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA 100

配列番号: 1810
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02048
 配列:
 GATCTGAATT ATCTGGCACC CTCCTGAATG GAACCCAGA GTACCTCCTG TGTGGAAGGG 60
 TCCTGGATTT TCCCTAACAC CCACCTCTC CCCCTTCAGC 100

配列番号: 1811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02049
 配列:
 GATCCGNGCG AGGGCAACAG CCGHTCACCT ACAGCCCACT GTCGATGGCT GCACGAGTCA 60
 CACCGGAGCC TGGGGCAAGA CAGTGATTGA ATACAAAACC 100

【0421】

【配列表331】

配列番号: 1812

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02050

配列:

GATCCCAAGG GAAAGATGAT TTGTATGTTA AAGTGACTGC ACAAGTAAAA GTCCAATGTT 60
GTGTGCATGA AAAGGATTCC TTGGTTATGT GCAGGGAATC 100

配列番号: 1813

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02051

配列:

GATCAAAACC AAAGTGTTC AATGTGACAGT CTGAAAATTA TATACTCTAC TTCATTGATG 60
TTACACTTTT TTCTACTCCT TACCTGCTTT TACTAATGCA 100

配列番号: 1814

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02052

配列:

GATCCGGCTG CAAAATTCAT ACCAACCAAC AAATAAAGGA AGATACAAAG TCTTATAGAC 60
ATCCGGAAAA AAGATTTTGA CCTGTGCTGG TCTATGATGT 100

配列番号: 1815

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02053

配列:

GATCAAGAGC AGTGCTTCTC CATTTGTTTT GCAGAGAAAT GTTTTTCATT TCCCGTGTGT 60
TTCCATTTC TTCTGAAAT CTGATTTTAT CCATTTTTTT 100

配列番号: 1816

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02054

配列:

GATCCTATTT GGTATGTTTT TGTCCACTGT TATGATTCAT CATGTATCTT ACAAGAGCCA 60
CTCAAGCAAG ACTCTGCTTC TATGTATGGT GAGGCCTTGT 100

【0422】

【配列表332】

配列番号: 1817
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02055
 配列:
 GATCCAATTG ATGTATATGT TTATATACTG GGTCTTGT TTATATACCT GGCTTTTACT 60
 TTATTAATAT GAGTTACTGA AGGTGATGGA GGTATTTGAA 100

配列番号: 1818
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02056
 配列:
 GATCTTTTCC ACCAGCACCC AGAGTGTCTT CTTTCTGGGC AAGGTCGTCG ACCCCACGAA 60
 ACCATAGCCC TCCCAGGGCT GCTCATCTGT TCCAAGCAGG 100

配列番号: 1819
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02057
 配列:
 GATCCTAGGG GGTTTTGTTT GGTTTTNAAT TGTGAGGAAT AAAAAATNTT CTGCCCACAC 60
 TGGCATTTTA AGGTCACTGA GGTCAAACGT TGTTCCTTA 100

配列番号: 1820
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02058
 配列:
 GATCNGTTCA GCCCTGAAAA GTCCAAACTC CCAGGTATTG TTGCAGAAGG NCGAGATGAC 60
 CTCTATAAAT CAGATGCATT CCATAAGGCA TTTNTTGAGG 100

配列番号: 1821
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02059
 配列:
 GATCGTTTCT NATCTCNAAG TNCCTCATTG AGNTCGGTGC ATCTGGCCAN TGAGTCTGCT 60
 CAGACTCTTG ACAGCACCTC CAGCTCTGCT GCTTCAACA 100

配列番号: 1822
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02060
 配列:
 GATCTATACT AGATAATCCT AGATGAAATG TTAGAGATGC TATATGATAC AACTGTGACC 60
 ATGACTGAGG AAAGGAGCTC ACGCCAGAG ACTGGGCTGC 100

【0423】

【配列表333】

配列番号：1823

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02062

配列：

GATCCAGTAG TAGAGACATC ATCGGTCCAA AAGACTTTGC ATCTCATTAG TTGTCCATAG 60
TGACTACCAG GAGGTGGCTG GCATCTATAA CGTGTGGGAC 100

配列番号：1824

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02063

配列：

GATCCATAGA ATGGATACTG GGAGACAATT AGTAGACTTT GCTACAGGTA GCCAATAGCC 60
CAGCCTGCAG AGTCACGTCA GATATGAAAT CCCAAAGTTC 100

配列番号：1825

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02064

配列：

GATCTGGATG TGGATGATGC GCCTGGAAAC AGTCAGCAGG CAACTCCGAA GACAACGAGA 60
TAAGCACCTT TCACAACCTC GGGAACGTTT ATTCCCCGCT 100

配列番号：1826

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02065

配列：

GATCCATGTG TAATATCACA AGAAATTATG GAAAAATATA ACATAAAATT AAAGTGGACA 60
AACCAACAAA AGCTTTATTG AAGAACAGGT GACATAGTTG 100

配列番号：1827

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02066

配列：

GATCTTGATG CGGGACTTCA GTCCTAGTGG CATTTTCGGA GCGTTTCAAA GAGGTTACTA 60
CCGNNACTAC AACAAGTACA TCAATGTGAA GAAGGGGAGC 100

【0424】

【配列表334】

配列番号: 1828
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02067
 配列:
 GATCCAAACA TGAAAGCTGG AGCTACAAGT GAAGGCGTTC TGGCAAATTT CTTCAACAGT 60
 TTGTTGAGTA AAAAGACTGG CTCTCCAGGA GGCCCTGGTG 100

配列番号: 1829
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02068
 配列:
 GATCGGGGCT GCTTATGCCT TTCGTTTATC CTTGGGGTTT GAGAGCGCTG TATTTGGGAG 60
 AGAGTTTAAA AATACATTAG GAGAGAGAAA CCATTAAG 100

配列番号: 1830
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02069
 配列:
 GATCAGAGAA GAGGCTACTG GGGGAGAATT CAGTGCCCCC TTCGCCCTCT AGGGNGCAGA 60
 CCTCCACTGC CATTGTCTG TNAGCCGCCA AANACCCAC 100

配列番号: 1831
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02070
 配列:
 GATCCAAAAG CCAGTCTCAG GAGTTTACCC CTGGGATGGG GGATGCATCT NCACCTGACT 60
 TTGGGGCCAC GTGCCCTGTG GCACCCAGC TCCTGGGAG 100

配列番号: 1832
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02071
 配列:
 GATCATCAGA TGGTCGAGTA CTCTTGAAT GTCTCTTTC TGTITACTGT GGCTCTTTA 60
 CAATGGTGAG ACTTATTTCT ACCCTCTACT TTCCACTATT 100

配列番号: 1833
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02072
 配列:
 GATCGCTTTT TTGCCGCTCA TATTTGAATG CATTGGGTTT CCTGGACCAG CTATTTGCAC 60
 AAGACTAGGG GGAGGTTGAG GGTGGCATA GCAGGCAGG 100

【0425】

【配列表335】

配列番号：1834

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02073

配列：

GATCGAAAAG GGACCCTGCT TCCAATTTCC CTCTTCCATT CCTCGAGCTA CTCCAGGGCT 60
TAGAAGAATG CTCTTGGTCT GTGGGTCCAG TGTGTCTGT 100

配列番号：1835

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02074

配列：

GATCAAGGCG CGGACGCTAT CTACGACCAC ATCAACGAGG GGAAGCTGTG GAAACACATC 60
AAGCACAAGT ATGAGAACAA GTAGTTCCTT GGAGGCCCCC 100

配列番号：1836

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02075

配列：

GATCTAGTGT TTGGAACGGA CGTTACCTGC TGGTTTGTGC AÇAACAGTGG AAAAGGATTC 60
ATTGACGGGC ATTACAAGGA TTAÇTTCGTG CCTNAGCTCT 100

配列番号：1837

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02076

配列：

GATCATGAAT AACTGATTAG TAAGTCTTGC CTATATTTTC CTGATAGCAT ATGACAAATG 60
TTTCTAAGGT AACAAGATGA GAACAGATAA AGATTGTGTG 100

配列番号：1838

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02077

配列：

GATCAGTGAA CTCTGGTTTT AAGATAATCT GAAACAAGGT CCTTGGGAGT AATAAAATTG 60
GTCACATTCT GTAAAGCACA TTCTGTTTAG GAATCAACTT 100

【0426】

【配列表336】

配列番号: 1839

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02078

配列:

GATCCCTTAT CCAACATGCT TCTAACCTTC AGTACTAAAG AAGATGCAGT TTCCTTTGCA 60
GAAAAAATG GATGGAGCTA TGNCATTGAA GAGAGGAAGC 100

配列番号: 1840

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02079

配列:

GATCANNATT TGAAGAAGGT TTCTAGAAAT TNGGGGTAAG AAGTACTACC AAAATGTAAC 60
TNTAATCAA GGGTGATGCA CAGCAAAAGC AATGGACCCC 100

配列番号: 1841

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02080

配列:

GATCTGGGCC TGAATAAGGG TTATCGAATG GTGGTGAATG AAGGTCAGA TGGTGGACAG 60
TCTGTCTATC ACGTTCATCT CCATGTTCTN GGAGGTCGGC 100

配列番号: 1842

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02081

配列:

GATCCAGCCT TAATNTTTTT CTGACATCCT AGTAATAGCA GACCCTGCAC AAAGTGCATA 60
TCAGACTTAA TACTGTNAGG AGACAAAATA ATGAGAATAG 100

配列番号: 1843

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02082

配列:

GATCTGAGA ACTTCAGGCT CCTGGGCAAC GTGCTGGTCT GTGTGCTGGC CKNNCACTTT 60
GGCAAAGAAT TCACCCACAC AGTGCAGGCT GCCTATNAGA 100

配列番号: 1844

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02084

配列:

GATCTCATGG GCTTTCCTG GAGGAAAGGT TTTTTTGTG GTTTTTTTTT NAAGAAGTTG 60
AAACTTGTA AACAAGAGATG TCTGTAGCTT TTTTNCCTAT 100

【0427】

【配列表337】

配列番号：1845

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02085

配列：

GATCTTAAGC TTGATAAGA GCTGTGCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TGAAGGTGAC 60
TTCCATCCAG GACTGGGTTC AGAAGACCAT AGCTGAGAAC 100

配列番号：1846

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02086

配列：

GATCCATAGT GCTACCTGCA CCTCTGGATT CTGGATTCAC AGACCAAGTC CAAGCCCGTT 60
CTTACGTCGC CATAAAGGCC CCCGAACGGC ATTCTCGGTA 100

配列番号：1847

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02087

配列：

GATCCGAAGA GGAACCTCTG GTCATCTTTA ACAAGAAAAT CAGCAAGAAC CCTACCTTTA 60
AGTTATTAAA GGACAAAGTC AAGCTTGTGA AATGAACATT 100

配列番号：1848

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02088

配列：

GATCTCATTG TTTATTAACC TGTATTCTGT TTACATGTCT TTAAAACAGT GGTTCCTTAA 60
TTGTAAGCTC AGGTTCAAAG TGTGGTAAT GCCTGATTCA 100

配列番号：1849

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02089

配列：

GATCTATCTA AATATATTAA GTAAAATTAC ACCATTCACT TGTTGGGAAA ATAATCTTTG 60
GTTTGAAGA TATTAACATA ATGGGCATCT TAGAATCATA 100

【0428】

【配列表338】

配列番号: 1850
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02090
 配列:
 GATCATAAAA CCTTCATTCC ATAGGTACCC TTTATCCTCA CAGATACAGA GACACCAAGA 60
 AGAATCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGTT CTCCACAGTT 100

配列番号: 1851
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02091
 配列:
 GATCAGGTTA GGGCGAGCGC TACCTCTCCA GCCTCAGCTC TCAGTTGCAG CCCTGCTNAT 60
 GCCTGCTTGG ACTTGGCCCC TGCCACCTCC NGCCTCAGGT 100

配列番号: 1852
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02092
 配列:
 GATCAGAAAG AAACCTTTTG TAGCAATATC AAGAATCTAG TTTCATCTGA GAACCTCTGA 60
 TTAGCTCTCA GTCTTCAGCT CTATTTATCT TAGGAGTTTA 100

配列番号: 1853
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02093
 配列:
 GATCAAATTT CACACAGCAG TTTCCTTGCA AACTTTTCAG CTCCCCATGC TCCAGAATAC 60
 CCACCCAAGA AAATAATAGG CTTTAAACA ATATCGGCTC 100

配列番号: 1854
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02094
 配列:
 GATCTGTGTG CATGTNTGTG TTTGTGTATA TATACATATC TAGGGCTAGT ACTTAGTTTC 60
 ACACCCGGGA GCTGGGAGAA AAAACCTGTA CAGTTGTCTT 100

配列番号: 1855
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02095
 配列:
 GATCTAGTGA ACATTCGACC TCCATTACGG AGAGTTTCCT ATGTTTCACT GTGCAATAT 60
 ATCTGCTATT CTCCATACTC TGTAACAGTT GCATTGACTG 100

【0429】

【配列表339】

配列番号：1856

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02096

配列：

GATCTAAGCA GCGTTCCCAC AGCCCCCTCT AGATTCTTGG AGTTCCGCAG AGCTTACTAT 60
ACGCGGTCTG TCCTAATCTT TGTGGTGTTC GCTATCTCTT 100

配列番号：1857

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02097

配列：

GATCCATCCT CTCTCCTAGC TGAGTAAATC CGGGTCTCTA GGATGCCAGA GCAGCGCACA 60
CAAGCTGGGA AATCCTCAGG GCTCCTACCA GCAGGACTGC 100

配列番号：1858

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02098

配列：

GATCCAAAAT GCTGACAGGT TCAAACAAAA TTGGAATTGA AAATCAGAGT GCGTTCAAGA 60
GTATCAAACA ATACTATCTT GTTACTTGCT TATTACCTTA 100

配列番号：1859

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02099

配列：

GATCTACCAT GTAAAATGTT GTAGAGATAG AGCCATATAA CGTCACGTTT CAAAACCTAGC 60
TCTACAGTTT TGCTTCTCCT ATTAGCCATA TGATAATTGG 100

配列番号：1860

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02100

配列：

GATCTACCGG CCCCCTGCGG GTGCCCTTGG GGACTACCTC TCCTTCACCA TACCCCTGGG 60
CACCCCTGA CAACTTCTGC ACATACTGGG GCCCTGCTTA 100

【0430】

【配列表340】

配列番号：1861
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02101
 配列：
 GATCTATGGT TTCTGCCTAC CCAGGATAGT CTTGTCTCTA GACAATGTAT TGATGATGCA 60
 AATGTTCTGG AACTAAATAG TGGTGATGCT GGCACAACAC 100

配列番号：1862
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02102
 配列：
 GATCTTTTGA CCAGTTTCTA GCAAAGTTGT GTTTGAAAGA TACTCTATTA AAGAAGACTG 60
 TGGAATCTTT TTATCGGTGC CCATTATATC CTTAAGTTTG 100

配列番号：1863
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02103
 配列：
 GATCTCCTGT TTTTTCAGG CTCCTAAAGT AACATCAGCC ATNTTNNAGA TTGGTTCTGT 60
 TTTTCGTACCT TCCCACTGGC CTCAGTGAG CCAAGAAACA 100

配列番号：1864
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02104
 配列：
 GATCAAGGCC GGACCCCACT GCCCCACTGC CCAACTGATA GCCACGCTGA NNGAATGGAA 60
 GGAAAATTTG CTTGACCTG CAAGCCCCGC TGTACAAGAA 100

配列番号：1865
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02105
 配列：
 GATCCTAGTA ATTGCCTAGA AATATCTTTC TCTTACCTGT TATTTATCAA TTTTCCCAG 60
 TATTTTATA CGGAAAAAAT TGTATTGAAA ACACTTAGTA 100

配列番号：1866
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02106
 配列：
 GATCTATACA AAGTCTTTGA GAGGTGTAA ATATGGTTAT TTATGCACTG TGGGATGTGT 60
 TCTTCTTTCT CTGTATTCCG ATACAAAGTG TTGTATCAA 100

【0431】

【配列表341】

配列番号: 1867

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02107

配列:

GATCAAGAAA GACAAAAAGC CAGCCTGCAG CAAGCACTTT GGAGAGCAAA TCTGNAAAGA 60
 GAGTAACGCG GAGTGTCAAG AGGTGTGCAG AAAATCCAAA 100

配列番号: 1868

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02108

配列:

GATCTGTCCG AACCAAGACA CAAAAGCAGC AAGAAGCGGG GAGAGAGAGG GATAGAAAAC 60
 AAGCGCAGGA GAGCCTGCGA ACGCAAAANT GAATGAGGGC 100

配列番号: 1869

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02110

配列:

GATCTGAAGA AATTACCAAA CATTAAAATG AGANAAATTT GCGCTAATGA TGCAATTCCC 60
 AAGACGTGCA AGAGGAAAAC TATTATAACT GTAGACCAAG 100

配列番号: 1870

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02111

配列:

GATCCATTTT TTTAAAATAC TGACATATAG AGTTGTACCT TATATAGAAT ATAGTTGTAT 60
 CTTGAAGTCA ACATATTAAA TTATTCTCAA AATTATGTAT 100

配列番号: 1871

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02112

配列:

GATCCTTTTC TTGAAAGAAT AACAGAAAAT GTGTCATCCA TTTTTCAGAA TATAACCACT 60
 CAAGCTACTG GCACATAGTG AAAGATTACT TCTGACATTC 100

【0432】

【配列表342】

配列番号：1872
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02113
 配列：
 GATCTATCTC ATCAAACAAC ACAATGAAGA TATTTTAGAG TACAAAAGAA GAAATGGGCT 60
 GGAATAAACT TTTGAAACAC TAATGTAGTA TGCTCCGTAT 100

配列番号：1873
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02115
 配列：
 GATCCGGCTG CAGAGCGTTA GAAGCGAGGG CACCAGCAGT TGTGGGTGGG GAGCAAGGGA 60
 AGAGAGAAAC TCTTCAGCGA ATCCTTCTAG TACTAGTTGA 100

配列番号：1874
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02116
 配列：
 GATCTGGAGC AACAGCTAGG AAATATCATT AATTCTGCTC TTCAGAGATG TAAAAATAA 60
 ATTACACGTG GGAGCTTCC AAAGAAATGG AAATTGATGG 100

配列番号：1875
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02117
 配列：
 GATCTATACT TAGAATGCAA TGTNGACAGA GGGCAGTTAA AATATCCAAG ATGTATTCCA 60
 AGACAAAGCA AACAAACAAC TGGAAGTGGT AATCAATTCA 100

配列番号：1876
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02118
 配列：
 GATCATGAAG GTATCCACAC TTCCCTTGC ATTTCTTCT TAACTCTCTG TTACACGTCA 60
 TTGAAACTAC ACTTTTTTGG TCTGTTTTG TGCTAGACTG 100

配列番号：1877
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02119
 配列：
 GATCACATTT TGAAATGCCT AAAAGACTTT ATTGTTCTAA TTATCCAGAT GTACCTTTGT 60
 AAAATAGCTC TTTTATGAAT TAGCTGATAA GGCTGTATGT 100

【0433】

【配列表343】

配列番号：1878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02120

配列：

GATCAGGCC TTCTTCCAC AGCAATAGTC CCCAATACGT AGATTTTTC TCTTCTGTAT 60
GTGACAACAT TTTTGTACAT TATGTTATTG GAATTNCTT 100

配列番号：1879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02121

配列：

GATCTNTNTG TTCATTGTAT TCTTTTNTC TCAAGAGTTC CATTTAATGG AAATAAAACG 60
GTATAATTAA TAATTGTCTA GGGGGGAAAA ATGAAGCAAA 100

配列番号：1880

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02122

配列：

GATCCAATAC TATTTAGTTT ATTATTGAAA TTGGAAGGAT TCATTGAGCA GCATAGAAGT 60
TTGTTTACAT GTTACTTTGA CATGCTAGGT ATTTGTGGA 100

配列番号：1881

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02123

配列：

GATCGAACAG TTTTGAAGCT ACTGTGTGTG TGAATGAACA CTCTTGCTTT ATTCCAGAAT 60
GCTGTACATC TATTTTGGAT TGTATATTGT GTTTGTGTAT 100

配列番号：1882

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02124

配列：

GATCCTATTT ATTTGTTTAG GCCATCTTTA ATTTCTTTCA GCAGTGTTTT GTAGTTTCCA 60
TTAGAGATTT TCCATGTCNT TTGTTAAGTT TATTCCTAGG 100

【0434】

【配列表344】

配列番号: 1883
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02126
 配列:
 GATCCAAGTN CTGACTTTTC CCCCTGACAG CTGTGTGACC TTCGTGAAGT CGCCAAACCT 60
 CAAATGAGCC CCAGTCATTG CTAGTAAGAC CTGCCTTTGA 100

配列番号: 1884
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02127
 配列:
 GATCTTAAAT TTTCTCATCT CAAAAAATA TGTAAGTGA TAGATATGTT AAATAGCTNN 60
 TATGTAATTC GCAATGTGTA GTGTATATAT ATAAACATCA 100

配列番号: 1885
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02128
 配列:
 GATCAGGTTA GCAATGATG TAAAAGAAGC TTTATTGTCT AGTTGTTTT TTTCCCCAA 60
 GACAAAGGCA AGTTTCCCTA AGTTTGAGTT GATAGTTATT 100

配列番号: 1886
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02129
 配列:
 GATCCGGGAG CACACCGTTT CCTGATTGCT CAGGGACTCA TCTTCCCTC CTGGTGATT 60
 CCGCAGTGAG AGAGTGGCTG GGGCATGCAA GGCAAGATTG 100

配列番号: 1887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02130
 配列:
 GATCATTCTC CGAAAGCAAC TCCTGACAAT TAAGCATTTT TTTCTCCAAA TACAAAGTAT 60
 ATTCTCTTTA TTGGAAAATA AATTAATAAA TATATTCTGT 100

配列番号: 1888
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02131
 配列:
 GATCAATCCT TCTTATGTTT GCTTTAATGT GTATTGAAGA AAAGCACTTT TAAAAAGTA 60
 CTCTTTAAGA GTGAAATAAT TAAAAACCAC TGAACATTTG 100

【0435】

【配列表345】

配列番号: 1889

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02132

配列:

GATCTGATTG TTTAAAAGTA CACAGCACCT CCCTCCCCAC TCTCTCTTGC TCCTGCTTTC 60
 ATCAAGTGAA AACTCCCTGA GGCCTCCTCA GAAGCTGAGT 100

配列番号: 1890

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02133

配列:

GATCAGAAAA ATTCACTTTT TTTAACCCTG CCCTAATTTT TCTTGAGGAA TTAAATAGAG 60
 CAAACTATTT TCAGGTTATG CTTACAATAA AATATACTTA 100

配列番号: 1891

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02134

配列:

GATCAGCCTC CCTGTAAGCC AGTTATCAGT ATCCAAGTGC TTTAACACAG GCTTCTCAGA 60
 AGAAATCATT TTTATTCCTA CCATTATTTT ATACCAAAGC 100

配列番号: 1892

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02135

配列:

GATCTTACTG TAAGTTGAAG GGAGTTTTGC CCTAACTCAT GGATTGTGCA AGAATGAACT 60
 GCTGTTGGGT TTGACTGACT GTCGATGGAT TGTGGTGTGG 100

配列番号: 1893

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02136

配列:

GATCCTTGAT GAGCCAACAT TGCAGTGTGG ATACATATCT ATGTTTACGC GCTATTAGAA 60
 CAGAAGGCGC TGTATATAGA AATGTTGCTT TGAAGCAATA 100

【0436】

【配列表346】

配列番号: 1894
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02137
 配列:
 GATCTGACCT CCACGGAGCC GCTGTCCCCG CCCCCCTGCT CCGTCTGTC TGTCTGTCT 60
 GATTCTCTTA GGTGTCATGT TCTTTTTCT GTCTTGTCT 100

配列番号: 1895
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02138
 配列:
 GATCACCATG GCTTCACAAG CCAGCTGTTG GGTTCCTAT GTCAGTGG CTCAGTCACA 60
 TCCCTGCGTG TATACTGTCT GCGGGGCACA TATGTATCCA 100

配列番号: 1896
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02139
 配列:
 GATCTAGCAG CATGCAACA CATCACCTAA ACTACAAAAG AAAGGTCTC ACTGTCTCTA 60
 AAAAATAAAC TCATTAACCT TGAGTTATTT GCAGACAGCC 100

配列番号: 1897
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02140
 配列:
 GATCATGGAG GAAAAAGGTA CTGGATAAAA GTAACTTCA AACCTTAGGG CGGGANACTA 60
 AAACCAAAAT ACATGTATTA TTTATAGAAA ATATTTTCTG 100

配列番号: 1898
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02141
 配列:
 GATCTCTGAT GACCTAACCT AAGCAAAACC ACTGAGCTTC TGGGAAGACA ACTAGGATAC 60
 TTCTACTTT TTCTAGCTAC AATATCTTCA TACAATGACA 100

配列番号: 1899
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02142
 配列:
 GATCTATATT CTTCTTAATT TTTATGGCTA TATTTAATGT TTTCCATCAT TGTGCCTTTA 60
 AAAAGTATAT GTACATGTAT GCATAAATTT ATGTGAAGTT 100

【0437】

【配列表347】

配列番号：1900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02143

配列：

GATCAAAAT ATGTGACCTT AATGAGATTT TTATGATTTT TAAAGTAACA ATAAAAGCAG 60
TTTTTAGAGT TGAGTTCAG AGAGGGCAGG GCAATGGCAG 100

配列番号：1901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02144

配列：

GATCCGCGGG GACCCTGCCG AGGGGGCTGT CATGCGGTTT CCAAGGTGCA CATTTNCCAC 60
GGAAACAGAA CTCGATGCAC TGANCTGCTC CGCCAGGANA 100

配列番号：1902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02145

配列：

GATCCCCGTT CTNCAAGCTT CTNIGCTCAG TGTCTACTAA CGACCGACAT TTGCTAATGT 60
AAATAATAGT AAATTATTGA GAATTCTAAT TCTTTTACAC 100

配列番号：1903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02146

配列：

GATCTGGGAG TAAACTTAAC ATTCAGTGTG TCTCTGCTCT GCATCCGCCA TTTGTGTGTG 60
TTTCTGGACT GTGGGCTGTG TGTACCTGG TTGGTGACTC 100

配列番号：1904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02147

配列：

GATCTAAATG TCTAGTTTGT TATTCCTTTG TGTGTGTTCA CTGTTTCTCA GTATTACCAC 60
TTGAATAATT CTCTGTACAG GGGGGTTTGT GCTATACACT 100

【0438】

【配列表348】

配列番号：1905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02148
 配列：
 GATCTTGGAA ATGCTTGAAG ACCACAAGGC TGAAGAGTGC TTGCTGGAG TCCTGTTCTC 60
 AGAGCTCCAC AGAAGACACG TGT TTTTGTGTA TCTTTAAAGA 100

配列番号：1906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02149
 配列：
 GATCCAGATA AACTTTCCTG TCATGTGTTA GAACTTTATT ATTATTAATA TTGTTAAACT 60
 TCTGTGCTGT TCCTGTGAAT CTCCAAATTT TGTACCTTGT 100

配列番号：1907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02150
 配列：
 GATCAAAGTG TGGGATGNGC TGCAAGACGT AGAACCTACC TGCCCTGCCC CCGTCCCCNC 60
 CCTTCCTTAT TTATTCCTGC TGCCCCAGAA CATAGGTCTT 100

配列番号：1908
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02151
 配列：
 GATCTAAGTT GCATCTTAA TCCTGGTGGT CTTGCCCTTCT GATTTTAAAT TTGTATCCTT 60
 TTCTATTAAG ATATATTGT CATTTTCTCT TGAATATGTA 100

配列番号：1909
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02152
 配列：
 GATCGAGGAG ATGCCCTCTG AACGCCCTGTC CCGGAGCACC CGCCAGCGGG CAGCCTGTGC 60
 CCAGCTCAAC GACTTCCTCC AGGAGTATGG CACTCAGGGG 100

配列番号：1910
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02153
 配列：
 GATCTTCCTG CTACCTCTT GGATTCTAAG TGGTTCCAAG CTTAACTTGA GACCTTCCTT 60
 TCAAATCTAA AATTGGCAAA AAGTCACTTA AAATAGTGA 100

【0439】

【配列表349】

配列番号: 1911

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02154

配列:

GATCTACAGG TTNCAATTCA ACCTGTTTCT AGGTTTTTTT GTAAATTTAG TTTTGATTAA 60
GCATTATAAG CATTTGAGTC TATAAACTTT ATAGTAGCAT 100

配列番号: 1912

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02155

配列:

GATCCATGAG TTTGCCCTGG TTTCAGTGGC CCAAGTGGTT TNGCTAACC ACGTCTGNCT 60
TCACAGCTCT GTGTTGCCAT GTGTGCTGAA CAAAAATAA 100

配列番号: 1913

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02156

配列:

GATCCAAGAC AGAATAATGA ATGGACTCAA ACTGCCTTGG CTTCAGGGGA GTCCCGTCAG 60
GNCCTTGAGG ACTTTTCGAC CAATTCAACC CTTTGCCCCA 100

配列番号: 1914

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02157

配列:

GATCCACAGG GGTGGTGTCA AATGCTATTG AAATTGTGTT GAATTGTATG CTTTTTCACT 60
TTTGATAAAT AAACATGTAA AAATGTTTCA AAAAAATAAT 100

配列番号: 1915

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02158

配列:

GATCTACAGA TGAATATTTA ACTCAATAGA AAAATTATTT TAGAACACAT TGTATTGGTA 60
TTACAACCAG ATTATATTCT TGACGTTGAC TTCATTAAAA 100

【0440】

【配列表350】

配列番号： 1916
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02159
 配列：
 GATCTCATGG ATACAAACAG GTGACCTTGC CAATTGGTGC TTTTGTGTG TTTAAGAAAA 60
 GAACAGTAGT AACCTTGCTC CCTGGTACC AATAAAAAAT 100

配列番号： 1917
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02160
 配列：
 GATCTGACCC CTGTCAGATG NAAATGATTC ACAGCTCTGG CAGTCCCAA GTCTGGGGAG 60
 GGGTATAGGT TTGAAAGGCT GTTGAAAGA GGAATGTTA 100

配列番号： 1918
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02161
 配列：
 GATCCAGCT GGCCCTATG TNGTNTCTG GACTGAGGCC TTTNCTGTGA ACTGCAGTGT 60
 TTCATACGAA CCATCTTTC TAGTGCATGA GAAATAAAGA 100

配列番号： 1919
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02162
 配列：
 GATCTCACTT TTCAGGAAAC TTAAATTTA CCCATTATG GGAAGCTTAA ATGAATTGAA 60
 GCTATGCAAG TCTTTTATAT TATTAATAT TTTAAAGTAA 100

配列番号： 1920
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02163
 配列：
 GATCGATATG CTCATAAAG TGCTCAATTA TATTNCTGT ATTTGTATG NTGIATTTTC 60
 CAAGACGTAT ATTATTTTAC TATTAAGAA AAAAATCATT 100

配列番号： 1921
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02164
 配列：
 GATCCGGGAT GGGAGACCCC ACTTTAGAAA GGGTCGTAC TCCNTTAATC CTCTACTCAA 60
 CAATGTACTC TTTTACTTTT ATATTAAGAA AATAAAAAAT 100

【0441】

【配列表351】

配列番号：1922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02165

配列：

GATCCACTTC TACTTAATGA GTAGTAAATA TATTTCTTTT TCCTTATGAT TTTCTTACTA 60
TTTNCCTTAG CTGCTTTAT TATAAGANTA TAGCATATAA 100

配列番号：1923

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02166

配列：

GATCCAGAAA TTGTGAACAA TGTTTGATTT AGTAGCGTGA CTTGCCTTTC CCTTTAAAAA 60
CATCTTTTAC AAATCTGTCT TGGAATAAAG TCTATTTTCT 100

配列番号：1924

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02167

配列：

GATCCTAATT GCCTAGAAAT ATCTTTCTCT TACCTGTTAT TTATCAATTT TNCCCAGTAT 60
TTTTATACGG AAAAAATTGT ATTGAAAACA CTTAGTATGC 100

配列番号：1925

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02168

配列：

GATCAACCGT GAAGCGTAAC AAATTCGTGA TTTAGTTTTT TTTTCTGTTG TGGTGGTTTT 60
TGTTTTGTTT TTTGTTTTTG TAAGATTCTA AATAAATNAA 100

配列番号：1926

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02169

配列：

GATCAAGACT NCACTTTGGG AATGCATGGA CACCGGATTT GTTTCTTATT CCTTCACTTT 60
TGGGGAAAAT CTCNCCNTNT TTA AAAAGTG ATAAATTTGG 100

【0442】

【配列表352】

配列番号: 1927

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02170

配列:

GATCAACGGG ACTGTATTTT GAAACATTCC AGGAAGGTTA CTTCTTGTC AACTTGCCTG 60
GCAGTGTTTG TTCAAANCTT GTATTTAATA AATGANCATC 100

配列番号: 1928

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02171

配列:

GATCTATCTT AAGAGTGACC AGGAAGAGGT TCATTGAAAT AATCATGCAT GAAGCGCCAA 60
AGATGCACCA TGTAGAATTT TCACTTTGTA CTGGCAGGCT 100

配列番号: 1929

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02172

配列:

GATCAGGGAA CTAAGCATTG TGTGAATTCA CCAGCAAGAT GTACAGAACG CCTGTNTTTA 60
CAITNTTTTT ATGGAAGTAG CAGAATAAAA CATCTATTTT 100

配列番号: 1930

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02173

配列:

GATCTGCGAG GAAGCCGCCT ACTCCAACCC CAGCCTACCT NTGGTGCACA NATCCGTCCC 60
ATAGCAAAGC CCCTGCACAG ACTCCAGCCG AGCCACACCC 100

配列番号: 1931

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02174

配列:

GATCAGGACA GAGACTTGGG GGGCATCCTG CCCCTCCAAC CCGACATGTG TACCTCAGCT 60
TTTTCCCTCA CTTCATCAA TAAAGCTTCT GTGTTTGGAA 100

配列番号: 1932

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02175

配列:

GATCCCAAGC NTCCCGTCCC TTGGAAAGTN CAGCCAGAAT CTNCGTCCTG ACCCCCCGACA 60
GCCCCAGCCTA GCCCACCTGT CATCCATAAA GCAAGCTCAA 100

【0443】

【配列表 353】

配列番号： 1933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02176

配列：

GATCCCCCAG GTTCAGACTG AGCTCCCCCT TCCCAGTAGC TCTTGCATCC TCCTCCCAAC 60
 TCTAGCCTGA NTNCTTTNCA ATAAAAAATA CAATTCAAGT 100

配列番号： 1934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02177

配列：

GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTTTTTTTTT TAATTNAAG GAACACTTAT 60
 GAAGCCCTGC CATNCCCCTC CCGNGTCTAA TAAACGTAT 100

配列番号： 1935

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02178

配列：

GATCAACTTG TGCTTGCCAG AGGACGCCAA TGAAGTTGA AACACCAACA ATCAGAGATT 60
 TTGTTTCTGT TCCTCATTAA ATCATGAGCT TTTGTGCCGA 100

配列番号： 1936

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02179

配列：

GATCGTGTGT GTAGGTGGTG TTGTGTGGTT TTCCTTTGTG AAGGAGAGAG GGAAACTATN 60
 TGTAGCTTGT TTTATAAAAA ATAAAAAATG GGTAAATCTT 100

配列番号： 1937

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02180

配列：

GATCCTCCCA CTTCACCTC CCAAGTAGCT GTGGCTACAG GTGTGTGCCA CCATGTCCAG 60
 CTGATTTTNG TATTTTNAGT AGGGACAGTA TTTCTCCATG 100

【0444】

【配列表354】

配列番号: 1938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02181
 配列:
 GATCTAAATC TCATTTTATG CTGTATTTTA TATCTNAGTT GTNTTTGAAA ACGTTTTGAT 60
 TTTTGAAAAC ACATCAAAAT AAATAATGCC GTTNTTGTGA 100

配列番号: 1939
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02182
 配列:
 GATCTGGACG AATGATACCA AACGTTTCTT TCTAACATTG TATTTTATAA CTCTGGCCTA 60
 TGATTGTNTT GTGTCTTGCA TTAACAAAAA AAATTTGAGA 100

配列番号: 1940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02183
 配列:
 GATCTACAGC TCCTGGATAA TTGCTTGATT CTCGCCAGAG ACTGTCAATG TTTCATTGAT 60
 TGCCATTACC AATAAATCAT TGCTTTTGTG CAGANNNTAA 100

配列番号: 1941
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02184
 配列:
 GATCTACCA CTGCACTCTA GTCTGGGTGA CAGAGCGAGA CCCTGTCTTG AAAAAAATAA 60
 AAAAAAATAA AAAAAAATAA AACTGGCACT ACGTTTAAA 99

配列番号: 1942
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02185
 配列:
 GATCTGTGTC TTAAAACTTA CTGGAATGGA AATCTATGAA TTATTGCAAA TTGTAATGCT 60
 GGAACAAAAA AATAAATCCT TGGTTAAAGG GTTTGTAAA 99

配列番号: 1943
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02186
 配列:
 GATCCTGACA CTCTANCACT CGACTCTGCT GCTCATGGGA AGAACAGAAT TNCTCCTGCA 60
 TGCAACTAAT TCAATAAAAC TGTCTTGTGA GCTGATAAA 99

【0445】

【配列表355】

配列番号： 1944

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02187

配列：

GATCTTGACT TATATTCTGT ACCACATACA CTTCTGTGGA CTTTATAGCAT TTGTGGGTAG 60
ACTTAATAAA GCATGTATAA AAGTGGCAAA 90

配列番号： 1945

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02188

配列：

GATCAGGTTG CGGATAGACT TGTAAGGGNG TTTGCTGCAT ACAGTGTAAG CATTGTGACC 60
NCCAATAAAC TTCAATNGTT TCTACTGAAA 90

配列番号： 1946

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02189

配列：

GATCTTTCGT NTTTTCTAAGC GACTCTACTT TCATTGTTTG CCAGCNTAGC TCGTTGCTGT 60
TGCCCAATAA AGCTNGTGTA CGTNCTGCAA A 91

配列番号： 1947

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02191

配列：

GATCTTACAT CTGCAGCTCT TTCTTCTTTG AATTCCTAT CTGTATGTCT GCCTAATTAA 60
AAAAATATAT ATTGTATTAT GCTAAA 86

配列番号： 1948

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02192

配列：

GATCATCAGT GTTCCTTTTT ACTTATAAAG TTGGATTCTT TTTTAGAATT TGTAAATAAT 60
AAAAACTGCT GCTTACCAC TGTAAG 86

【0446】

【配列表 356】

配列番号： 1949
 配列の長さ： 91
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02193
 配列：
 GATCTACCT GCCTGTACTA CTCTAGGGAG TATGCTGGAG GCAGAGGGCA AGGGAGGGCT 60
 GGTATTAAAC AAGTCAATTC TGTGTNGTAA A 91

配列番号： 1950
 配列の長さ： 84
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02194
 配列：
 GATCATGAGT GACCCAGCTG TCTCAGTTG TTTATTCTGC GTCCCTTCT CCAATAAAAC 60
 AAGCCAGTTG GCGGTNGTTA TAAA 84

配列番号： 1951
 配列の長さ： 79
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02195
 配列：
 GATCCCCATG CCTAGCAGAG TGCTGGCACT TAGTAGGTCC TCAATAAATA TTTATTAAAT 60
 GATGAGATGA TGGAGCAAA 79

配列番号： 1952
 配列の長さ： 78
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02196
 配列：
 GATCCAATCC CATAGACAGC TCTGGGCCTC TTGCATTTGA GTTTTTTAGA ATTAAACTGC 60
 AGTATTTTGG AAAGCAAA 78

配列番号： 1953
 配列の長さ： 77
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02197
 配列：
 GATCCACTAA GGAAATGTTT TAACAGCTAG AGACCACTGC TTGCCTGAAA GGGCGTTCTT 60
 AAATTGCTG CAGCAAA 77

配列番号： 1954
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02198
 配列：
 GATCCACTTC AAGAATTGCT TGCTTTCAGG AAGAGAGATG TGTTTCAACA AGCCAACTAA 60
 AATATATTGC TGCAAA 76

【0447】

【配列表 357】

配列番号： 1955

配列の長さ： 76

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02199

配列：

GATCGACTTT GTGTCTCTGT TGTCTAAAAT AGGTTTTCCC TGTCTGGAC ATTTTCATATA 60
AATGGAATCA CACAAA 76

配列番号： 1956

配列の長さ： 75

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02200

配列：

GATCATAGAT TTCTGATTTT ATGTAAAATT TTGCCTAATA CATTAAAGCA GTCACITTTTC 60
CTGTGCTGTT TCAAA 75

配列番号： 1957

配列の長さ： 74

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02202

配列：

GATCTGTCAA AGAAACTTC CAAAAAGATT TATTAATTAA ACCAGACTCT GTTGCAATAA 60
AAATCCTACA GAAA 74

配列番号： 1958

配列の長さ： 73

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02203

配列：

GATCCACTTT AGCAAACCCT GCTGCAGAGG ACTGTAAAAA CAAATAACTA AAAATAAACT 60
TAGAAAATAC AAA 73

配列番号： 1959

配列の長さ： 73

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02204

配列：

GATCGTAATG TTTATCATGT TACTTCCCCA CCCCTACATT TTTTGAAATA AAATAAGGAA 60
TTTTATTCTC AAA 73

【0448】

【配列表 358】

配列番号： 1960
 配列の長さ： 72
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02205
 配列：
 GATCCTGCA ACTAAGTTA AAGCAGTGTG ACTGTGTTGC TNAATATCA AGTATTGTTT 60
 ATAACCACCA AA 72

配列番号： 1961
 配列の長さ： 66
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02206
 配列：
 GATCTCAGCT ATTAAGATGC AAGTCTGCCA ATGCTCCTGG CCAAATAAAC CTCTTCCTTC 60
 TTTAAA 66

配列番号： 1962
 配列の長さ： 65
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02207
 配列：
 GATCCTCTTG TACTGGGAGA GGTGCCTTTT GTATCCCCAA TTAAAGGTAG AAAACCACCC 60
 TGAAA 65

配列番号： 1963
 配列の長さ： 62
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02208
 配列：
 GATCTCGAAG AAAAAAGGGG GAGACCAAAG AATAAAGAA GGGTTTCCCC ACTAAAATGA 60
 AA 62

配列番号： 1964
 配列の長さ： 62
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02209
 配列：
 GATCCAGCTG TNCCTAAGAG CCAGTAATGT CTTAATAAAC ATGTGGCAGC TTTNNTTGA 60
 AA 62

配列番号： 1965
 配列の長さ： 61
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02210
 配列：
 GATCTCACAT TTCACCCAG GCTCAACTGA GGATGTGGCT TATTAACAC GGAAGTGCA 60
 A 61

【0449】

【配列表359】

配列番号：1966
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02211
 配列：
 GATCAGCCAT GTNTATCTTT TTAAAAATA AACAGGTTGC TTTATTTCTT AGCTTCAA 59

配列番号：1967
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02212
 配列：
 GATCAGATGA GATTAAATGA AGACCCAGTG TAAAGAATAA ATGANTCTTA CTCCTTAA 59

配列番号：1968
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02213
 配列：
 GATCTACACC TGGACTGCCC AGGTCTATAA GCCAATAAAG CCCCTGTTTA CTTGAAA 57

配列番号：1969
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02214
 配列：
 GATCGAAGAA AAAGGGNGN CAAAGAATAA AAGAAGGTT TCCCACTAAA ATGAAA 56

配列番号：1970
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02215
 配列：
 GATCAGAAAT GTTGANTGTG CATTGAGTAT TAAAAATTA GATGTATATT ATNCATTGTC 60
 CTTTACTCAT GAGTACCTTA TAATANTANT ANTGTATTCT 100

配列番号：1971
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02216
 配列：
 GATCTATTCC CCATCCCAAG GCAAGCATGA ATAAAATTAG GTTAAACGTA GCATGTGGCA 60
 TCGCAGTCTC TTAGAATTG TTTCATCTAT TTNATTTTAT 100

【0450】

【配列表360】

配列番号: 1972

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02237

配列:

GATCCTCATT CTCACCCATT TGGCTAATCC AGGAATATTG TTATCCCTNA NCCATTATAT 60
 TNAAGTTGAG AAATGTGACA GAGGCATTIA GAGTATGGAC 100

配列番号: 1973

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02238

配列:

GATCTTTCCA GATGACTTGT CCAAGGTCAC ACAGGAGTCA GATGGCCTTI CCACTACCCC 60
 ACAACACAGA TGCATAGTTA CTCTGTGGGC TAATACAATT 100

配列番号: 1974

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02239

配列:

GATCGCTGGA GCTGTGGTCG CTGCTGTGAT GTGGAGGAGG AAGAGCTCAG ATAGAAAAGG 60
 AGGGAGCTAC TCTCAGGCTG CAAGCAGTGA CAGTCCCCAG 100

配列番号: 1975

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02240

配列:

GATCAGACAC CAGAGGGTTG GGCATTCTTG CAATACCTTA ACAGTGCTGN AATCTGCAGC 60
 ATGCTACTAA GGAAGTAAA GTTGAATGT AACCACCTTA 100

配列番号: 1976

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02241

配列:

GATCTGCAAA GAAAGCTTTT CTTCGTCGC TGCCTCAGNC TCCTCCCTAT GCCTCTNGCA 60
 CCTGCCGAGA AGTGCTGGCT GTGCTGANGT CACCATCATC 100

配列番号: 1977

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02242

配列:

GATCNCCTGC TCTCCAAGCA TGGCATCTAT GTGCAGGCCA TCAACTACCC AACTGTCCCC 60
 CGGGGTGAAG AGCTCCTGCG CTTGGCACCC TCCCCCACC 100

【0451】

【配列表361】

配列番号：1978

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02243

配列：

GATCATTGAA TAAAACGGGT GTAGAGTACA GGAATGGGGC AGACGCGATT CAGGTGAACA 60
GCACANGNAG AATATGAGGT GGTTCCTAGG AGCAACACTT 100

配列番号：1979

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02244

配列：

GATCCCACCG AGAAGAACCA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTNA GAGGACCCAN 60
NNCTTTGTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCACGC 100

配列番号：1980

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02245

配列：

GATCCAAAGT TCATACATTT TATGTACAAG ATACATTAGA CTTACAATAN AGTCTAATTA 60
TTAGACTTTT ATGTCAGTGG ATTGTGCTTG CAGAAATACA 100

配列番号：1981

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02246

配列：

GATCAAATAT GGCATCAACA ATATCCGGGA GCTGGTGGGC CACAAGGTGA ACCTGCAGAT 60
GGTGTATGAC AGTCCCCTGT NCCGCCTGGA TGCCGAGCCG 100

配列番号：1982

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02247

配列：

GATCTTTNAT GTTGTTNATT TTGGAGAGAA GCACAAGGAG TATTCTCTTT CTAGGGAAAG 60
TTGTGAACCC AACGGAAGCG TAGTTGGGAA AAAGGCCATT 100

【0452】

【配列表362】

配列番号：1983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02248
 配列：
 GATCCTGCTT CTCCCCTGGG GTCTTCTTGG TTCCCTGAAG CCCCTCTTCC GGAGTCCCTG 60
 CCCCTATATCG GCTCTGCCCTC CTGCTTCTTT TCTGTATTGC 100

配列番号：1984
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02249
 配列：
 GATCAACAGG AAGAACATGG TGGTCTCCTT TGGAGATGGG GTTACCTTCG TGGTCGTCCT 60
 ACACCAGGTG TGAAGAAAC ATCCTGTCCA CCGTGACTTT 100

配列番号：1985
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02250
 配列：
 GATCTATGTG CACACACCCN CATCACATGG AATGGGCTGG TCTAGGCTGT GGCCTGNCAC 60
 CTCCTTAGA GTGAATAGGG CGGACACTCC TCTCTTTTCC 100

配列番号：1986
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02251
 配列：
 GATCGAAGAG CGTCCTGGGT CAACTGGGCA TCACTAAGGT TTCAGCAATG GGGCTGACCT 60
 CTCGGGGGTC ACAGAGGAGG ACCCCTGAAG CTCTCCAAGG 100

配列番号：1987
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02252
 配列：
 GATCGATACA GGGGAGGGGG GAGGTGGAAA CAAACAACAA AACTGTACAT TTTTTTAAA 60
 GTTTGTTCAA AAGAATATTG TCTTATTCTA TAAACATTT 100

配列番号：1988
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02254
 配列：
 GATCTCCAGC CTTACCGCGG CTCGAAATGG ACCCCAACCTG CTCCTGCACC ACTGGTGTCT 60
 CCTGCGCCTG CACCGGCTCC TGCAAGTGCA AAGAGTGCAA 100

【0453】

【配列表363】

配列番号：1989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02255

配列：

GATCTNACCT GAGGTGCTGG GTGAGAAATC TTAGGGACCA GATGGAAGAG GGCCTGTNTA 60
TANNGACATT AGGAAGGAGG TTTGGGAAGG TTTGGGAGGG 100

配列番号：1990

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02256

配列：

GATCTGTTTC CTACAGACTT CAAATTTGAC ACCCCAGTGG ACAAACTACC ACAGCTATAA 60
ATTGAGGCAG CTAACGTCAA ATTCTTGAAT ACAAACCTT 100

配列番号：1991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02257

配列：

GATCAGCATG ACCAGCACTC GTTGGNGGAA AGGTGTCTNT NAGGAGACGT CTGGAGCTTA 60
TGAGAAAACA GATACTGATG GGAAGTTTCT CTATCAGAAA 100

配列番号：1992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02258

配列：

GATCNTNTCG NCTCTGAAGA AGACATGGTG ACTGTGGTGG AGGACTGGAT GANNTTCTAC 60
ATCAACTATT ACAGGCAGCA GGTGACAGGG GAGCCCCAAG 100

配列番号：1993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02259

配列：

GATCCTTGCG TGCTGAATAT CTGAAAAGAG AAATTTTTCC TACAAAATCT CTTGGGTCAA 60
GAAAGTTCTA GAATTTGAAT TGATAAACAT GGTGGGTTGG 100

【0454】

【配列表364】

配列番号: 1994

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02260

配列:

GATCTTGTGC CAAGCTHAGG GTGTAGCGCT GCAAACGATG AAGCAAGAGT TTCTCATTAA 60
 CCTTGTGAAG CAAAAGCCAC AAATAACANA GGAACAACCT 100

配列番号: 1995

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02261

配列:

GATCCTGTGT GTGTGTACTA CCATAGAATG GGCCCCAAGA TGCATGATNA AGTGAGGAAA 60
 AAAGCCCATG GTATCCTAAT GTTTGGAATG GAGAAAGTGT 100

配列番号: 1996

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02262

配列:

GATCACCCGG CAAGTTCAGG CTGAATTCTG AAGGCAAACCT TGAGCAGACG GTCTCCATGG 60
 CAACCCGAGC TTCAGAGGCC GAGGATGCCT CCGTTCTCAG 100

配列番号: 1997

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02263

配列:

GATCCTTACA TCTGCATCTA GTTATCAGTA ATTTAGATAT TGAGCTATTT TGATTTATAT 60
 TTAAGAAATT AATACATTAG CACTGAAAGT TAAATAGTGT 100

配列番号: 1998

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02264

配列:

GATCTGCGCT GTGGCTGTCC CTGGACGTGC TGCAGCCCTC CTGTCCCTTC CCCCCAGTCA 60
 GTATTACCTT GTGAAGCCCC TTCCCTCCTT TATTATTAG 100

配列番号: 1999

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02266

配列:

GATCAAAAAT TTCTATCTGG AGAACCTCTG CGGACAAACC GAGTGCTTCC TGCAATTCCA 60
 AGTCAACGAA GACACAGCAC AGCAGCAGAA GAGAGTGAAC 100

【0455】

【配列表365】

配列番号：2000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02268

配列：

GATCAAAGCT	GGGGCTGGAG	GGTGGAGGTG	TCAAGCCAGG	CCAGGCAAAG	GGAGATTGGA	60
AGCCAGAGCA	GGTGGGCGCA	TCTCCCAGGA	AACCCTGCAT			100

【0456】

【配列表 366】

配列番号: 2001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02269

配列:

GATCTTGGGG TCCCCGACG ACGTGCTCGA GTTCCTGAAG GTGTATGAGA AGCACTCNGC 60
 CCAGTGAGCA CCTGCCCTGC CTGCATCTGG AGAATTGCCT 100

配列番号: 2002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02270

配列:

GATCCGAGTG AATGCAGTAA ACCCCACAGT GGTGATGACG TCCATGGGCC AGGCCACCTG 60
 GAGTGACCCC CACAAGGCCA AGACTATGCT GAACCGAATC 100

配列番号: 2003

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02271

配列:

GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTG TGAGTCCTCT GACGTCCTGC CCAAGTGAAC 60
 AGCTGCGGCA GCCCTCCCAG CCTACCCCTC CTGCGCTGCC 100

配列番号: 2004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02272

配列:

GATCTGAACT CCAGCTGCCC TACAACTCC GTCACAGCTT TTNTTCTCAC TTCATGTGAA 60
 AACTACCCCA GTGGCTGACT GAATTGCTGA CCCTTCAAGC 100

配列番号: 2005

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02274

配列:

GATCTAAAAC TNAAGAACAA ATTCTATTTA TTTATTATTG GAAAATNAAA AGCAACTCAA 60
 AACAACTTCA ACCTGGAGGT GCATTTATAA TTCAATCTGC 100

配列番号: 2006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02275

配列:

GATCTAGGAG AGGCGGCTCT GAACGATTAC CTGCGGGTCA AGACAGTNAC CTTCGAATAC 60
 TGAAGAAAGG TCTTTTAAAG AAGAAAGTCC CTGCCCCCTC 100

【0457】

【配列表367】

配列番号：2007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02276

配列：

GATCAGGAGG AAGTGAGCAG TCGCCTGCCT GCAGCAGGNA GCTTTCTACT CCTGCCTCAT 60
GCGTACGTCC CACAAATGCA GGTGTCCTGA GCACCACACC 100

配列番号：2008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02277

配列：

GATCCTGAAG AGGATGGTGT GGAATGCAC TTTGAGAAAT GNCTATCTAA CCTTTNGAAA 60
CTTAAAGTGT TCCCAGTCCC CATTATACTT TTTAAAACCA 100

配列番号：2009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02278

配列：

GATCAGAGAA GCTAGGAGAG CTCCAGCAGG GGCACAGAGG ATTGGNNGCA GGAGGAGTCT 60
GGAACACAGC CTTCATGCCC CCTGACCCCA GGCCGACCCT 100

配列番号：2010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02279

配列：

GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGAGGT 60
ATCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT 100

配列番号：2011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02280

配列：

GATCTTAACA AAATTCGTAG CAGTGAACC TTGAAATGCA TGTGGCTAGA TTTATGCTAA 60
AATGATTCTC AGTTAGCATT TTAGTAACAC TTCAAAGGTT 100

【0458】

【配列表368】

配列番号: 2012
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02281
 配列:
 GATCTGCATG TTCTCTCTTT GGGTTCAAGC ATTTCCITAC AGAAGAGCCA CCGTGAAGT 60
 CATGGGTAAA TATGTGTTGA ATTGGTAACT CCCTCTTGGA 100

配列番号: 2013
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02282
 配列:
 GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGAAGCT 60
 CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC 100

配列番号: 2014
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02283
 配列:
 GATCCCAACA GAAGAACATC GGAGACCAGA GAGAGGAACT CAAAGGGGCG CTGCCTCCGG 60
 GTCTGGGGTC CTGGCCTGCG TGGCCTNTTG GCACGTGTTT 100

配列番号: 2015
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02285
 配列:
 GATCCACATT GTTAGWTGCT GACCTAGACA GAGATGAACT GAGGTCCTTN NTTTGTTTTG 60
 TTCATAATAC AAAGGTGCTA ATTAATAGTA TTTCAGATAC 100

配列番号: 2016
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02287
 配列:
 GATCAGGAGC AAACAGACCC TGCAAGGTCC TCCAGGCCTG GGGACAGGAA AGCCACTGAC 60
 CCAGCCCCGG AGGCAGAACC AGGCAGCCTC CNTGGCCCCA 100

配列番号: 2017
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02288
 配列:
 GATCTAAGTT TGATAAGAGC CTGTGTGGTG AGTATGGTGT GTATGTGAAG GTGACTTCCA 60
 TCCAGGACTG GGTTTCAAG CCATAGCTGA GACTAATGCA 100

【0459】

【配列表369】

配列番号：2018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02289

配列：

GATCCTGAAG GTAATACAAT CAGCAACATT AAAACATTTT TTTCAATTTT TGTTACTGAA 60
GTAAATAAG CATTCCACAT TTATAAACAA CAGGTTATTT 100

配列番号：2019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02290

配列：

GATCCTGAGA NCTTCAAGCT CCTGGHNAAT GTNCTGGTGA CCGTTTTGGC AATCCATTTT 60
GGCAAAGAAT TCACCCCTGA GGTGCAGGCT TCCTGGCAGA 100

配列番号：2020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02291

配列：

GATCATTACC ATTACAGGAA CACAGGACCA GATACAGAAT GEACAGTATT TGCTGCAGAA 60
CAGTGTGAAG CAGTATGCAG ATGTTGAAGG ATTCTAATGC 100

配列番号：2021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02292

配列：

GATCCTGAAG AACTTCAAGC TCCTGGGAAA TATGCTGGTG ACCGTTTTGG CAANNNGTTT 60
CGGCAAAGAN TTCACCCCTG AGGTGCAGGC TTCCTGGCAG 100

配列番号：2022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02293

配列：

GATCCTTGAC GAGGAGAGAG AGCTTGAAAA GCTGTTTCAG CTGGGCCCCG CTTACCTGT 60
GAAGATGCCC TCTCCACCAT GGAATCCAA TCTGTTGCAG 100

【0460】

【配列表370】

配列番号: 2023

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02294

配列:

GATCTGGCAT AAATAAATT AATAAATATT TTAATGCTCC ATTTTITAAT GTTGCTTTTC 60
 ATACTAAAGA ATGGTGTAGA CTGTTTTGC AACTNTAAGG 100

配列番号: 2024

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02295

配列:

GATCAATGCC CTCATCTGCA ATGTAGGGGC CGGTGGACCT GCTCCAGCAG CTGGTGCTGC 60
 ACCAAGGAG GTCCTGCCCC CTCCACTNCT GCTGCTCCAG 100

配列番号: 2025

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02296

配列:

GATCTGTAGT GTCATGGGTG CTGCCGAGA CGNAAGTTGA NCTGGGGGTG CCTGCAGCCT 60
 TCCACTCCTG CCCCCTCTCA CCCCACATGC TCCCTGTTTC 100

配列番号: 2026

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02297

配列:

GATCAGGTTT GTTGAGTTT TTAGCCTAAT TCCAAAGCAT GGAAGAGTGC TCTAGGTAGG 60
 AAAGAAAGCT TTTTCTTACG ATTTGTAGCT ACCTACTGTG 100

配列番号: 2027

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02298

配列:

GATCTGCCA TCACTGCTGC AAAGAGAACA CGAGACTCAA GGAAGTCTCT CCTCCACCGC 60
 AGCCCAACTG TGCCTGCTAG TTTCCCGTG CACACAGGCA 100

配列番号: 2028

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02299

配列:

GATCTAGCCT GATTCTGCG TGTCCGAAAG AACTTAACGT TTAAAGGTG ATTGTNAACT 60
 AACTNTNTGG GGTTCIAATG CCAGTTTCCT AATTCCATCT 100

【0461】

【配列表 371】

配列番号： 2029

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02300

配列：

GATCCGGGGC ACAAAGAGGG TGGGGAACAT GGGGGCTATA CTGGGGAAAG CAGCCATGCT 60
CCCCCNACC TCCAGCCGAG CATCCTTCAT NAGCCTGCAG 100

配列番号： 2030

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02301

配列：

GATCTCAAGG CTGCCGTACT GGAGGCCATG ACTGCCTTCC GCAGAGCAGG TGCTGACATC 60
ATCATCACCN ACTACACACC GCAGCTGCTG CAGTGGCTGA 100

配列番号： 2031

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02302

配列：

GATCTTCTTT GAGACAAGGC AGGCTGTGGC CATGTAGCCC CATCACACTG TGTTCGTNAT 60
TGTCTGTGTG TCTGTCTCCC CCACCAGACT GTGAGCTCCA 100

配列番号： 2032

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02303

配列：

GATCGGCAAA TGCATTGGCC TCCTGGTTAA GCACGTTTTG GGGATAATTT TCTCTTCTTT 60
AGGCAATGAT TAAGTTAGGC AATTTCCAGT ATGTTAAGTA 100

配列番号： 2033

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02304

配列：

GATCTGTGCC GTGGTCCTGA GGCAGTTGTC TCCACACAAG TACCTCTAGA ACAATCCCCT 60
TTTTTCCATC AAGCTGTAGC CTGCAGAGAA TGGAAACGTG 100

【0462】

【配列表372】

配列番号: 2034
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02305
配列:
GATCTNCCCT GCATCCTGAC CAAGACCCCA ACCGTGCCCC CAACAGACTC CCCCTGGGAG 60
ATTGAGCCTA TTCCTGATG AGGAAAGTGA AGCCGGGTCT 100

配列番号: 2035
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02306
配列:
GATCCCTAAC TACCAACCCC CTGAAGGCAG GTACAATGAC ATCACCAAGG TGTACACACA 60
AGTGGAGTTT AAGAGATAGA CTTGCAGGCT GCTATCCTTA 100

配列番号: 2036
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02307
配列:
GATCGTATTT CAGTTTTTTG GGTCAATATA TGAACAATGT GTGAACCAGA ACGTATGGTA 60
TTTGACATCA AAGCTATGTC TTGGCATATG TTTATGTTGA 100

配列番号: 2037
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02308
配列:
GATCCATTGA GAAAGAGATG ATGTAATAAA TAATTAAGAT TAGTAATAAT ATTATCAGGG 60
GTGATTATGA CCAGTTGAAT AATCTCTTTC CCTTGAATTA 100

配列番号: 2038
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02309
配列:
GATCTCTCCA CAGGGCTTGT TTTCCAAAGA AAAGTATTGT TTGGAGGAGC AAAGTTAAAA 60
GCCTACCTAA GCATATCGTA AAGCTGTTCA AAAATAACTC 100

配列番号: 2039
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02310
配列:
GATCTGCAGC TGCCTTGGGA CTTGAATCCA TGCAATGTTT AGAGTGTGAA GTCAGTTACT 60
TGTTGATGTT TTCTTACTGT ATCAATGAAA TACATATTGT 100

【0463】

【配列表373】

配列番号： 2040

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02311

配列：

GATCCATGCT GATTTTTATT GCACAAGAAT TAGGTTTGAA CTCTTGAGCT GGAACCTCAG 60
CAAAC TAGAG TATATATTGT TCAGTATNNC TTTGGAAACA 100

配列番号： 2041

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02312

配列：

GATCGGTATG TTTTGAAAAG AGTAATTTAA CTTTTGGGTG CCAGGAAATG GGTTCCTCA 60
AAGTCCATTG CCGGCAATGG GCAGGCCTGC AAATACTGGC 100

配列番号： 2042

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02313

配列：

GATCCGCCTG GCAGCCATTG CAGAGTCAGG GGTAGAGCGG CAAGTACTTT TGGGAGACCA 60
GATACCCAAA TTCGCCGTTG CCACTTTACC ACCCGCCTGA 100

配列番号： 2043

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02314

配列：

GATCCAGAAG TTATGGTGGC TTTCCAGGAT GTGGCTCAGA ACCCAGCAAA TATGTCAAAA 60
TACCAGAGCA ACCCAAAGGT TATGAATCTC ATCAGTAAAT 100

配列番号： 2044

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02315

配列：

GATCTCAGGA CCTCTTTACA CTTTTCAAAG TTA CTCTTAAGA CTCTGAAGAG CTTTTCTTTA 60
TGAGGTTATA TCAATATTTA CTACATTAAA AATTAAAACA 100

【0464】

【配列表374】

配列番号: 2045
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02316
 配列:
 GATCCGTTTG CTGTGAACCC TATGTTATTT CCATGTGTCA AGTGGGTCTT GTGTTGCCAG 60
 CTTCTATTTG AAGATTGCCT TTGCACTCAG TGTAAAGTTTC 100

配列番号: 2046
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02317
 配列:
 GATCCACAG TCTCAGCCCT GCTTACTAGT GAGAAAGACT GGCAAGGTTT CCTAGAGCTC 60
 TACTTACAGA ACAGCCCTGA GGCCTGTGAC TATGGGCTCT 100

配列番号: 2047
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02318
 配列:
 GATCCGGGGH AGCTAGGATG GGGAACTGC CACAGCCAGA ACTGAGGGGC TGGCCCCAGG 60
 CAGCTCCAG GGGGTAGAAC GGCCTGTGC TTAAGACACT 100

配列番号: 2048
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02319
 配列:
 GATCTAACAT CAAACTAACA GCTTTCAGAA AGGAGACTNT TGNCATCTTT TCACCAAGGA 60
 GTATATTTGT AGAGTAATAT ATGTGTGGAA NTTTAAATT 100

配列番号: 2049
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02321
 配列:
 GATCTGGTCT AGTTAACCTA GAAGTATTTT TGTCTCTTAG AAATACTTGT GATTTTTATA 60
 ATACAAAAGG GTCTTGACTC TAAATGCAGT TTTAAGAATT 100

配列番号: 2050
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02322
 配列:
 GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGGACCT GCTTCTATTA GCCCTTCTCC ATGGCCCTGC 60
 CATGCTCTCC AAACCACTTT TTGCAGCTTT CTCTAGTTCA 100

【0465】

【配列表375】

配列番号：2051

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02323

配列：

GATCGAAAGA AGAACATCAT GAAAAANAAA TNAACCTTGC TTAGTGGATT AGACTCCTTT 60
GCTGAAGTCA GTTATTCATC AAGAATGCAA TTAGACTAAT 100

配列番号：2052

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02324

配列：

GATCTCTCCT TCAGTCTGCT CTGTTTAATT CTGCTGCTG CTCTTCTCTA ATGCTGCGTC 60
CCTAATTGTA CACAGTTTAG TGATATCTAG GAGTATAAAG 100

配列番号：2053

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02325

配列：

GATCCACAGG CAGAGCCAAG GGAAGGTGTG ATTCTNTGAG GAAAGAGTGA TTCTGATATA 60
TGTACTTGTC ACATTGGTGT TGGACACATT TCGGCCAAAA 100

配列番号：2054

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02326

配列：

GATCCAAACT GGAANCAGCT CAAATNTCCA TCAATAGCAG AAAGATAAAC AAATGTNNGG 60
ATGTNCAGAG CTTGAAATAT GACACANTAT AAAAGGACAA 100

配列番号：2055

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02327

配列：

GATCCAAGCA GGCCTTGAAT GCAATNGCAA GTGGTTTATA GTCCCTTGCT CTTACAACCT 60
GCAGGGACAT GTGGTTATTT AGAAATTGTG ACTGAGCGGA 100

【0466】

【配列表376】

配列番号: 2056

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02328

配列:

GATCACCTGT AGGGAATGA AGTGTNCCCT GGAACAAGGA GGTGGGGGCA NTGTGGCCCC 60
 TTCCCAACT GGGGTGGAC AGCTGTNTCC TGGGTGGGT 100

配列番号: 2057

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02329

配列:

GATCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTCT GTGTCTCCCA GCCCATTTCC ACTCCTAGTT 60
 TGTATGGAT AATNTTGTG GTTCCCTGTG TGATTTTTC 100

配列番号: 2058

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02330

配列:

GATCCAAGGT CAAAAAACA AATNCATCAA TTCAGCACAC CACCAACTNA NAGGCTAAGC 60
 ATCTACTGC TAATTCATTG ANGCTGCCAT TTGTCAAGTC 100

配列番号: 2059

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02331

配列:

GATCAGATAT AAAAAAATAA AGTTTTTNAT TTCATTAAAT ATTTAATTAA AACTGCTAAG 60
 TTTGAAAATT TTTACCAAGA AATANTTTTN ANAAATTTN 100

配列番号: 2060

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02332

配列:

GATCTATATT CCTTATTGC ATTTTCCTTA TGTATAATT TCCAGATGGT CATGTTACTT 60
 TTCAGTGTAC TCATATGTCT CATTTTCATC TAAATTTAA 100

配列番号: 2061

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02333

配列:

GATCAAAAGC TTATTCTTTT TTTTTTTTTT TTCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
 AAANANATAA TTTTTTTTAA TCATTTTGCN TCITTTTTTT 100

【0467】

【配列表377】

配列番号：2062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02334

配列：

GATCTGAACA CCACAGCCCC TGTACTTGGG TTGCCTCTTG TCCCTGAACT TCGTTGTACC 60
AGTGCATGGA GAGAAAATTT TGTCTCTTG TCTTAGAGTT 100

配列番号：2063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02336

配列：

GATCCANCTN TNTCAACCTC CCAAGTAGGA TTACAAGCAT ACGCCGACGA TGCCCAGAAT 60
CCAGAACTTT GTCTATNACT CTCCCAACA ACCTAGATGT 100

配列番号：2064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02337

配列：

GATCCATCCT TCCTGCCTCC AAGGAGGATA CACAGAGAAT G6CTTCCTGT TGTITTGTTT 60
ATTTTCTTAA CGTGTACAGA TGGAACTTC ATTTAAAAAT 100

配列番号：2065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02338

配列：

GATCAAAAAA GCTCACGTCG TATTTCTTCT TTTCCTTTCT CTTTTCTAGA AATTGGGTGT 60
TTGTACCAGA ATGGAATTTT GCTTCTCGGT TATCCTGTGC 100

配列番号：2066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02339

配列：

GATCAAATCT TACAGTTCAT CACAGAATCC ATGTTGGTGA TAAATNCTAT AAAAGTAATA 60
GGGGTGCTAA GAACATCAGA GANTCCACAC AGGAAAAAAA 100

【0468】

【配列表378】

配列番号: 2067

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02340

配列:

GATCCACAG AATGTTTTG GAGAGCGGA GGTTCCTCC AAGTTCTCT 60
 CCTCAACC AGATTGTGT CTAACCTTAG GCATCTTTA 100

配列番号: 2068

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02341

配列:

GATCACTTCT GAATAAGCAG TTGCCCTTA TAAAACTTG CTGCCTGACT AAAGATTAAC 60
 AGGTTATAGT TTAAATTTGT AATTAATTCT ACCATCTTGC 100

配列番号: 2069

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02342

配列:

GATCTTTACT CTTGAGAAAT GAATAAGCTT TCTCTCAGAA ATGCTGTCCC TATACACTAG 60
 ACAAACCTGA GCCTGTATAA GGAATAAATG GGAGCGCCGA 100

配列番号: 2070

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02343

配列:

GATCCAAGGT ATCCTAACA NTGGAGCAGC CAAGTTTNTT TTCAGGCACA ATGACCCTGA 60
 CCACCTAAAG AACTTNTAG AGAAGTNTAA CCCTAAGATA 100

配列番号: 2071

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02345

配列:

GATCCCCCTCT TCTCAGACAG CGCCAGGCCG GGGTGGGGCC GGGGTGGGG CCGAGCCCCA 60
 CAGCTGCCCC CCTCCCTCC CTTTTGTAT AATTTAATAA 100

配列番号: 2072

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02346

配列:

GATCGAGGTG GAGAAGATGC GCGGGCGGGA GNCTTATNAC CGNNTAGAGA ACAGCCCACA 60
 GHTGGATGGG AGCCCCCAG GGCTCGAGGG TCTGCTGGGG 100

【0469】

【配列表379】

配列番号：2073

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02347

配列：

GATCTGCTGA GGACACATGC GCTTTTNNAG AATTTAACAT CTGGNGTTTT TCTGAAAAAA 60
TATATATACA TATATTGCTT TATTNGAAAC AAATTAATAA 100

配列番号：2074

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02348

配列：

GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGTGCTG CCCGCTGGGC CTCCCAACGG GCCCTCCTCC 60
CCTCCTTGCA CCGGCCCTTC CTGGTCTTTG AATAAAGTCT 100

配列番号：2075

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02349

配列：

GATCCAAAGT ATCAGGTCTG TTAGTGGCCA TCAGCACTTT AATATTGCCT CGAGGAGGAT 60
TTCTTGGNCN CNHNAAATAA GTCATTAAG TCTTATGCCA 100

配列番号：2076

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02350

配列：

GATCCTAGAT AAGCAGGTGA AATTTAGGCT TCAGAATATA TCCGAGAGGT GGGGAGGGTC 60
CCTTGAAGC TGGTGAAGTC CTGTTCTTAT TATGAATCCA 100

配列番号：2077

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02351

配列：

GATCTACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTNTAG ANATCCACCT GTTAGAACGC 60
CTAGGGGTCT GAACCGGGCT GGNCTGANNC TATCACCTCT 100

【0470】

【配列表380】

配列番号: 2078
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02352
 配列:
 GATCCCAAGG CCTAGCCTGT GAAGGTCTCC TATCGGAAGA NTACCCCAT NNAATGGGAA 60
 GTGGAATTC TGGTCAANTT GGTCTTATG CTCTGGAAGA 100

配列番号: 2079
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02353
 配列:
 GATCTTAAAGC AAAAATACTC ACTGAAATAG TATGTGGATG AATTCACCTA CTTACAATTT 60
 TATGGTTTCT TTGTAAATAA TAAATGTGAA TCTCAATTCT 100

配列番号: 2080
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02354
 配列:
 GATCCTNGGC TCCACCTGGG TGGCCCTGAC CACGGGAGCC TTGGGCCTAG AGCTGCCCTT 60
 GTCCTNCCAG GACCCCNCC TGGCCACTGC CCGCCTACTN 100

配列番号: 2081
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02355
 配列:
 GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGC GTGTGGTTTA GGTGTAGCC TTCTTACATG 60
 GATGTACGA GAGCTGCTGC CCTCTGGCG TGAGTTGCGT 100

配列番号: 2082
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02356
 配列:
 GATCAAAAGC TTATTCATCT TTTTCTTTT TCCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
 AAAANCATAA TTTCTTAAN CNATTTTCCC TCTTTCTCT 100

配列番号: 2083
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02357
 配列:
 GATCAAAAAA AGAGTTTGAA GCTAATNTTG GCAAAATTCA GGCAAAAAA GTAAGGCCAT 60
 TATTTAACC TGTGGACCA TTAAATGTTG AAGAATGACA 100

【0471】

【配列表381】

配列番号：2084

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02358

配列：

GATCTTTTTT GTCAGTTTGT TTGTATGAAA CTAAAGCCNT TATTGTAA TAGTTCCTGC 60
TAAACAATG AATAAACT CAAGGAGCAA CTA 95

配列番号：2085

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02359

配列：

GATCGTCTCT AGGATGATAT GCATGTTTCA AGTGGTATTG AAAGCCGCAC TGATGGATAT 60
GTAATAATAA ACATATCTGT NATTAATAA 90

配列番号：2086

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02360

配列：

GATCTAAGTT AGGAAAGACG ATGGAGGTGG AATCCTTTAA GATTATGTCC AGTTATNTNC 60
TTTAATAAAG AAGAAGTTAC CCTTGTCAA 90

配列番号：2087

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02361

配列：

GATCTTCATT TATTTTAATG GTAATGGTTT TAAATATGT TCCTGATTGT ACATATTNTA 60
AAATAACAT GTTTTAAAC ATGCAA 87

配列番号：2088

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02362

配列：

GATCACAAC ATTCAACAA AAAGTAACT TATGTGACTT GGCAGTTATT CTATACCATT 60
TCCTGTCCAT TAAATTTTT AAAGGAAA 88

【0472】

【配列表382】

配列番号: 2089

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02363

配列:

GATCCCATTT AATATTTAAA AAAATCAGTA GCACAAATAT ATNTNAATTG TCAACTTACA 60
 AAATAAAATA CATTTACAGT CTAAA 85

配列番号: 2090

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02364

配列:

GATCATCAAA AAAGAGGTAA TCTACGTTAT TTCCTATTCT AATGTCTTTT CCTAATAAAA 60
 AACTTCAACT TTCTAAGTTA AA 82

配列番号: 2091

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02365

配列:

GATCCTTTTCG GAATTGCACT TTTACATGTT GGGCGAATTT GTGTCCGTGC TGAAGTTTAT 60
 TAAAGGAAAA TAGATGAAAA 80

配列番号: 2092

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02366

配列:

GATCAAGCCT TGCTTGAGAT TGGCCTTACC TCTGGNCNTT TTTTGTIATA TGAGCTAATA 60
 AATNCTGTTT ATTGTTTAAA 80

配列番号: 2093

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02367

配列:

GATCCATGAA GTNATTCAGT GGAAANATGC ACGTTNATAC TATTTNAGAG CACAAATAAA 60
 CTCACTATAC AATGGTCAAA 80

配列番号: 2094

配列の長さ: 76

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02368

配列:

GATCAAACCT CAAAGCAGCT TTNACTTGGA ATTTAAAAAT AAACAGTTCA AAGATACTCT 60
 ACATTATCAC CNTAAA 76

【0473】

【配列表383】

配列番号：2095
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02369
 配列：
 GATCCATTTC ATGCAGGATT GTGTTGTTTT AACTGTTGTT GAGGAACTA ATAAATAATT 60
 AAATTGTAAA 70

配列番号：2096
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02370
 配列：
 GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CTGGGAAGTT TACTCAATAA AGCTGGCTTT CCCCTGCCCT 60
 CAAA 64

配列番号：2097
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02371
 配列：
 GATCCGTTGT AATGATGTGA ACATTTTATG AGTTTAAATA AAGTCATCTT ATGGTGTCA 60
 TAAA 64

配列番号：2098
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02372
 配列：
 GATCTTAAAA TCAGTGATTA TCTTTTCTA AATAAAATAT CACCAGAATT CATCAGTTAA 60
 A 61

配列番号：2099
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02373
 配列：
 GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CAGGAAGTTT ACTCAATAAA GTGGCTTTCC CTGCCANAAA 60

配列番号：2100
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02374
 配列：
 GATCTCCGGG CAGCCACCAC CTCCTCGGTC TCCCCCTCA TTAAATTCA CGTCCCACC 60
 CTGAAA 66

【0474】

【配列表384】

配列番号： 2101
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02375
 配列：
 GATCATGCAA AGAAACTTC CAAAAAGATT TATTAACCTA AACCAGCCTC TNTNGCAA 59

配列番号： 2102
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02376
 配列：
 GATCTCAAAT TGCCTCTGAC CTTTTATAAG ACAGTTTATC TTCAAATAAA TTTATTTTGC 60
 AATACCACGC AAA 73

配列番号： 2103
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02377
 配列：
 GATCAAAGTC TATTTTGCAT AAAATGTCCA ATAATTAAAT ATTGTTATAA AATAAA 56

配列番号： 2104
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02378
 配列：
 GATCGGCAGT TGGGAGGGGC CCTCTGAGAT TAAAGAGTTT TACCTCTGAG AATAA 55

配列番号： 2105
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02379
 配列：
 GATCCANTCT TTGACAAACT GAAAAGAACT GAAAATAAAC ATTGCTCTTT CAAA 54

配列番号： 2106
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02380
 配列：
 GATCCCTGCC CCTCCCCACT GGGACGGAAT AAATGCTCTG CAGACCTGGA AA 52

【0475】

【配列表385】

配列番号：2107
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02382
 配列：
 GATCTGCTTA TAGAGCAGGA AGAATAAAGC CACCAACTTT TACCTAGCCC GGCTAATCAT 60
 GGAAGTGTGT CCAGGCTTCA AGTAACTTGA GTTTTAATTT 100

配列番号：2108
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02399
 配列：
 GATCTAGAGA GTGCTCAGAA TTAGGGCCTG GCATTTGGAA TCACAGGANA TATCATCACA 60
 GAAACAACTG TTTTAAGATT AGTTCCATCA CTCTCATCCT 100

配列番号：2109
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02400
 配列：
 GATCCCAAAC TGTTCCCTTT TTCATTTCTT GAAATGTTAC CACTACAGAC ATTTTTTNA 60
 GGTGAATAAA CAGTTGTNAT GTGCTGTACC TAAATCATG 100

配列番号：2110
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02401
 配列：
 GATCTATGTC TNCTGCCTGG CTCCTAGATG GCTCTCCGGG CAGGTNCTGG CCAAGGACAT 60
 CATCTAGGCA GGGGGAGAGC CTGGNCTGAA CAGCTGTNAC 100

配列番号：2111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02402
 配列：
 GATCAAAAGG CTGAAAGGTT TGCTACCCA GCACGGCATC CCCTACACGA GGCCACAGA 60
 AACTTCCAAC TTGGAGCACT TGGGCCACGA GACGCCACGA 100

配列番号：2112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02403
 配列：
 GATCTGGAAG GCTTGAGCCT CTTGGGTTT GTCTACAAAT TGGAAGGAAA TATGAATGAA 60
 GCCCTGGAAT ACTATGAGCG GGCCCTGAGA CTGGCTGCTG 100

【0476】

【配列表386】

配列番号: 2113

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02404

配列:

GATCCGAGAG GTGGCCAACA AAGTCAAGGT CCCCCTGCTG GATTTAGGCA GCCCCCAACT 60
 GGCCATGCAC TCTATCCGN AGATGGCCTG CACCACAGGA 100

配列番号: 2114

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02406

配列:

GATCAGCCCT TTTTCCCATC CTGCCCTATG GTTCTCTAGC CACCTGTGCA TGCATGTGTA 60
 TTTCTGCCTN GTTCTATGGT GTGTGGATGT GTGTGCATGA 100

配列番号: 2115

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02408

配列:

GATCCTACCT CCAACTCCTG ACTCTATAGG TCTCACTCTT TTTTATTGT CCTANNNTA 60
 CATAACATAA AATTATATAA TTAAATATTC TAGGGTATAG 100

配列番号: 2116

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02409

配列:

GATCTGTGCT CTCCTAGCCC AAGAGACCCC TGGAGGGGCT GGAGTTTAT CCAGCGCCTC 60
 GTCGTATGTT TGGCTGAGCA CCTGTGGCCT GGGTGCAGGT 100

配列番号: 2117

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02410

配列:

GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGG ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
 CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA 100

【0477】

【配列表387】

配列番号: 2118
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02411
 配列:
 GATCCAGAAG TACAAGGTGG TCCTGGCCCC GGAGACGGNG GAGTTGAAGA GTGTGGCCCC 60
 CATTGTCCTG GTTCCAATA AGAAAGTGGG CCTGCAGTTC 100

配列番号: 2119
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02412
 配列:
 GATCCAGCCC GACCTGCGAG ANTGATGGAG ACCATGCACC GCATGAGCCA CCTCCCACCC 60
 GACTTTGAGG GCCGCCAGAC GGTGAGCCAG TGGCTGCAGA 100

配列番号: 2120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02413
 配列:
 GATCAGAGCC AAGAAGCGTC TCGGGCAGAG TGGGAAGAG TTGCCGCCAA CCTCCTAGGC 60
 GCCCCGCCCA GCTCCCTTTG ACCCCTGGGG CAGGGCAGGG 100

配列番号: 2121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02414
 配列:
 GATCAGAGGA AGTGGAGGAG CCAGAGGTGC CTTTGTGGAG GACAGCAGTG GCTGCTGGGA 60
 GAGGGCTGTG GAGGAAGGAG CTTCTCGGAG CCCCCTCTCA 100

配列番号: 2122
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02415
 配列:
 GATCTTGGTT TTGATGTGGA CATAGGCCCT CTTTCCAGA CTCCTCGTGA AGTGGCCCAG 60
 CAGGCTGTGG ATGCGGATGT GCATGCTGTG GCGTAANAC 100

配列番号: 2123
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02416
 配列:
 GATCGAAAGA AATCTAAGTG ATACGGCCCA ATGAAGCTAA AATATAGCCT TCTGTTAAGC 60
 AAATAGTATT TCCTTTCCCC AAGTAGTTCA TTTTCTAGAT 100

【0478】

【配列表388】

配列番号: 2124

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02417

配列:

GATCAACGAT TACGTGGAGA AGGGTACTCA AGGGAAAATT GTGGATTTGG TCAAGGAGCT 60
 TGACAGAGAC ACAGTTTTTN CTCTGGTGAA TTACATCTNC 100

配列番号: 2125

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02418

配列:

GATCCCAGTC GCATACCAGG TGTCCCTCCTC CAGGTCGTGA ACGGCAAAGG CACTGCCCCG 60
 ATCGCCATAG CAGGTGTCTT CTTGGTACTT AGACATGCCA 100

配列番号: 2126

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02419

配列:

GATCNGACAG GCACCAGCAA TGACACAGCA TAACTGTTG GGCACAGGAA AGAGGCTTGA 60
 CACCACCAGC CCACCAGGAA ATGCAGTTCA GCCACCACGA 100

配列番号: 2127

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02420

配列:

GATCATATAG TAGGTTTAGG TTTAACTTTT TAAGAAATTG CCAAGCTTTT CCAAAGTGGC 60
 TGTCCCTCTT TACATTTCCA CCAGCAATGT ATAATGAATG 100

配列番号: 2128

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02421

配列:

GATCATGATT TTGTAGTACA GGAAGACTTC ATGAAAGCAG TCAGAAAAGT GGCTGATTCT 60
 AAGAAGCTGG AGTCTAAATT GGACTACAAA CCTGTGTAAT 100

【0479】

【配列表389】

配列番号: 2129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02422
 配列:
 GATCCGCAGG CAGAAGCTCT GCCCTTCTGT ATCCTATGTA TGCAGTGTGC TTTTNCCTTG 60
 CAGCTTGGGC CATTCTTGCT TAGACAGTCA GCATTTGTCT 100

配列番号: 2130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02423
 配列:
 GATCTCTAAC CAGAAATAAA CAGGAAGACT CAGTNGTTTA CAAAAGACAT TTTAGTTTAA 60
 CACGTACAGA AAATTCTACC CNGGCATTAC AGAATTCTTA 100

配列番号: 2131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02424
 配列:
 GATCTGGGAC GTNCACGAGT NAGGGGCTGG CCACCCAGCC CACAGCCTTG CCTGACCACC 60
 CTCCAGCAGA TAGACGCCGG CACCCCTTCC TCTTCCTAGG 100

配列番号: 2132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02425
 配列:
 GATCAAAGAG AAAATAAAAA ATCGCTACTT CCCTGCCCTT GAAAAAGTCT TAAAGAGCCA 60
 TGGACAAGAC TACCTTGTTG GCAACAAGCT GAGCCGGGCT 100

配列番号: 2133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02426
 配列:
 GATCGAAGTA AAATAGAAAT GGGACTNGCT TTCCACAGGA AGTAAACTGC TTCAGAGCCC 60
 ACAGTCCCCT GCTCAGTGTG CGGAAAGAAG TCAGTCATCC 100

配列番号: 2134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02427
 配列:
 GATCCTCGTC ATCAAGGATG GCTGCATCGT GGAGAGGGGA CGACACGAGG CTCTGTTGTC 60
 CCGAGGTGGG GTGTATGCTG ACATGTGGCA GCTGCAGCAG 100

【0480】

【配列表390】

配列番号： 2135

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02428

配列：

GATCTGAACA TTCAAAAGAA AGCTTTGGAA AAAAAGAGCT GGCTGGCCTA AAAACCTAAA 60
TATATGATGA AGATTGTAGG ACTGTCTTCC CAAGCCCCAT 100

配列番号： 2136

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02429

配列：

GATCTCAGAA CTGAAGGCCG CCCTGACATG AAGACTGAGC TCTTTTCCAG CTCATGCCCCA 60
GGTGAATCA TGCTGAATGA GACAGGCCAG GGTACCAGC 100

配列番号： 2137

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02430

配列：

GATCCATCTT CATCCATTGC ATTGGAAACT NCTTTATGCT GETGCAGTCT GCAAAGTCTA 60
GAGCTTTTAT CAGGCCATGT CATACCCAAG AAAGCACCTA 100

配列番号： 2138

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02431

配列：

GATCGTGAAG ACCTGCTGAG CCAGCCTGTT CTCCGGGCCT GAATGTCTGG GGTGCTTGTG 60
CCTTTTCTGA GAAGCGTTGT GACTGCTCAA CATCCCCATC 100

配列番号： 2139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02432

配列：

GATCCTAAGC GAAGATGGAT TTCAGTTCAT CAAATCATCA TTAATGACTT TATGTATTAT 60
TTGCACAGGG AGAATTGAAA CTGAGTATAA TCAATAAGCT 100

【0481】

【配列表391】

配列番号: 2140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02433
 配列:
 GATCACACCT GAAAGCAGTG GTCCCAGCTC TGTGCTGTGG GACATCACAG GTCCTAAACA 60
 GTGATAGAGA AAGGGCTGGG GAGTGGCAGC TGGAACTCT 100

配列番号: 2141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02434
 配列:
 GATCATTTGTC CCTACAGACA CCCAGAACAT CTTCTTCATG AGCAAAGTCA CCAATCCCAA 60
 GCAAGCCTAG AGCTTGCCAT CAAGCAGTGG GGCTCTCAGT 100

配列番号: 2142
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02435
 配列:
 GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCAAAAT GCAAAGAGTG CAAATGCACC 60
 TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGT 100

配列番号: 2143
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02436
 配列:
 GATCCTGGCC TCGCAGTTCC TATCCNTGA CCCAGAACAG CTCACCAAGG AGCTGCAGCA 60
 GCATGTGAAG TCAGTGCAGC CCATACAAGT CCCAAANAAG 100

配列番号: 2144
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02437
 配列:
 GATCCTGGTG GCGACCATGG AGAGGAACT GGAGGGCAGG GATGGAGCTG AAANCTTGGC 60
 GGCCAGAGA GAGGTCCACC CCAAGCAGCC TGAGCCCTCA 100

配列番号: 2145
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02438
 配列:
 GATCTGGGCT GGTCCCTTC CCATAAAATN AGGTCCCTGG TTGTATGTTT CCATAGCACC 60
 CCATACTTCC TCTCTNAGAA TAATCATTTT CCTTGTAATG 100

【0482】

【配列表392】

配列番号: 2146

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02439

配列:

GATCTGACCC CACAGCCTTT GGCCTGCTCA CCCGACCAGC CTGGGCCGCA TTCCCTGCAG 60
 GACCTCCCGG GTCAGGCAGG GCGGCCCCCT GCTCCACACA 100

配列番号: 2147

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02441

配列:

GATCAACCTG AGAAAAATTN CTGAGCTCAT GCCAGGAGCA TCAGGGGCTG AAGTGAAGGG 60
 CGTGTGCACA GAAGCTGGCA TGTATGCCCT GCGAGAACGG 100

配列番号: 2148

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02442

配列:

GATCTGCATC CCCAAAAGTA TCACTCCTTC TCGAATCCTT CAGAACATCA AGGTGTTTGA 60
 CTTACCTTT AGCCCAAGAG AGATGAAGCA GCTAAATGCC 100

配列番号: 2149

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02443

配列:

GATCCGAGAG GGCATGGCCG CCCTGCAGTC TGACCCCTGG CAGCAAGAGC TCTACCGCAA 60
 CTTCAAAAGC ATCTCCAAGG CCTTGGTGGG GCGGGGTGGT 100

配列番号: 2150

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02444

配列:

GATCATCCAG AAGGAGCCCG TTGAAGTGGC CCCAAGCCAG CTCTCTGCAT TTCGTA CTCT 60
 CCTGTTTTCT GCACTTGCTG AAGAGGAGAA GATGATGGTG 100

【0483】

【配列表393】

配列番号: 2151
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02445
 配列:
 GATCTATGCC AGCAAAACAT CATTTTGAGA CAAACATTTT TGTGGCAGAT GTTTTTCCTA 60
 AAAAGTACTA TATCATCCAA GAAATATTG AGTAAATCC 100

配列番号: 2152
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02446
 配列:
 GATCGAGGCT GCAGGATATG CTCAGACTCT AGAGGCGTGG ACCAAGGGGC ATGGAGCTTC 60
 ACTCCTTGCT GGCCAGGGAG TTGGGGACTC AGAGGGACCA 100

配列番号: 2153
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02447
 配列:
 GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTACAG CTGGACATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
 GTGGCACTTA CTCANANGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA 100

配列番号: 2154
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02448
 配列:
 GATCGGAAAA AAATTCTTGA ACGCAAAGCC AAGTCTCGAC AAGTTGGAAG AGAGAAAGGC 60
 AAATATAAAG AAGAACTTAT TGAGAAAATG CAGGAATAAA 100

配列番号: 2155
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02449
 配列:
 GATCCCATAA CAGGCTACCC CTTGGCCTCA TGCTGGAGTT GTGTGTGTCT GTCTTCATCC 60
 CAGGCTGAGC TCCTTGAGGT GAGGATGTTG TGCTGTTTGC 100

配列番号: 2156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02450
 配列:
 GATCCTAGAG CCTGACGTTT AGTGAACCCA TGTTCCTGGG TGGGTGAAAG GGGCCCAACC 60
 CTGCCCCACTT CAGCCACAGC CGCCCAAGGG GACTTGTGCC 100

【0484】

【配列表394】

配列番号：2157

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02452

配列：

GATCCNACTG GGGCCTNTGG GANGGCNACA GACTTATTAC TAGATGATTG GCTGGTGTCC 60
ATCTTTGGGA ATCGACGTNT CAAGAGGTTT TCCATCGTGG 100

配列番号：2158

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02453

配列：

GATCCCAGGA CCATTTGGCT AGTGTGCCTA GGTGACCACA TGATTGCTGT TTTACCAGGA 60
ATGCAGCATC CCATTGACAA AACAAGTGCT CTGAGAAGGT 100

配列番号：2159

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02454

配列：

GATCATCAAT GATTTATTGG CACGTTCTAT TGGGATGGTC GAAGTTAATA CAGTAGACAA 60
ATACCAAGAT AAGGGACAAA AGTATTGTCC TAGTATCTTT 100

配列番号：2160

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02455

配列：

GATCGCAGAG AAGGCAGCTG ACATTATCAA GGGGCAGCCT GCACTCTGGG ACAAAGATGT 60
CCCTGTCTAC AAGCCCAGGA CGCTGGCCAC CCAGCGCTAA 100

配列番号：2161

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02456

配列：

GATCTTTAAC AAATGTTTTA AGCAATTTTA AAAAGGCAGG ATGTTATTGA CATTATACAC 60
TGAAGTCTTA ACATTTTAAC ATTTATAGTG CTTATTTGCA 100

【0485】

【配列表395】

配列番号：2162
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02457

配列：
GATCCTAGTG TTTTAATTAC CTGTGTGCAG CTATTTTAAA TAGCATTTTA CTTGAATAAT 60
ATGTATGTTG TCATTGTTTC ATGCTATACT TTGTCCGATA 100

配列番号：2163
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02458

配列：
GATCCTGGGC TCATAGGCAG TCCCTTTCAC TTCCTTGTCT TGCTCCCTGC TATGCTGGAG 60
ATGAATGTGA CTAAGAGGC CATCTTGCTG GCTTAATGTG 100

配列番号：2164
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02459

配列：
GATCAAAGCT GGACTGGAAA TTGTATCGTG TAATTATTTT TGTGTTCTTA ATGTTATTTG 60
GTACTCAAGT TGTAAATAAC GTCTACTACT GTTTATNCCA 100

配列番号：2165
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02461

配列：
GATCTGTGCA GCAAAGCACC ATGGTACATG TNNTACCTAT GTAACAAACC TGCACATCCT 60
GCACATGTAC CCTGGAACCT AATAAAAGTT GGAAATTTT 100

配列番号：2166
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02462

配列：
GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTCCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TNAAGGTGCT 60
TCCATCCAGG CTGGGTTTCA AAGCCATAGC TGNACTAAT 100

配列番号：2167
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02463

配列：
GATCCAGGAA GCTCCCAAAC CAGACTGTGA GAAGGCACTT CTTGCCTTTC AGGAGAGTAA 60
GAACCTCTGC GAANCATGGA GAACTTTATG CAACAATTAA 100

【0486】

【配列表396】

配列番号: 2168

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02464

配列:

GATCCTATAT CTTGGTNAAT ATGCTCCCAG ATACTTTAAA CATGGCAACC TTTTGGCCTA 60
 AGAGAATGTT TGTTCATGGA AAAAAGCTTT TGAGATGAGA 100

配列番号: 2169

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02465

配列:

GATCCACGCT GGGCCGAGGA TGGGACGTTT TTCTTCTTGG GCCCCGTCCA CAGGTCCANT 60
 GACACCCTCC CTCCAGGGTC CTCTCTTCCA CAGTGGCGGG 100

配列番号: 2170

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02466

配列:

GATCCCTAAG CTGTAGAACA TTTTAACGTT GATGCCACAA CGCAGATTGA TGCCTTGTAG 60
 ATGGAGCTTG CAGATGGAGC CCCGTGACCT CTCACCTACC 100

配列番号: 2171

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02467

配列:

GATCTGTGCA CACTTTCTAA ACAGCTTGTN ATGCAAGTNT GAGCCTATTG TGTACTTGA 60
 CCTTATTTTG GAAGTTTGA ATTGGCCTAG GAGGAAACCC 100

配列番号: 2172

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02468

配列:

GATCCCTGCG AATTACGAAA ACTACTACAT CCATGATTGC CCCAACCCCC TTGGGGTGGG 60
 GCAGAAGGTG AAGCATCCCA ACTGACTAGA GACTCAGGCC 100

【0487】

【配列表397】

配列番号: 2173
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02469
 配列:
 GATCCTACGA TGCCCTCTGT ACTGACCTGA AGGAGACCTA AGAGTCCTTT CCCTTTTGA 60
 GTTTGAATCA TAGCCTTGAT GTGGTCTCTT GTTTTATGTC 100

配列番号: 2174
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02470
 配列:
 GATCTTTGCT GGCAAGAGCT GGAAGNTGGA CGTACTTTGT NTGACTACAA TATTCAAAAG 60
 GAGCTACTCT TCATCTTG TGAAACTTC GTGGTGGTGC 100

配列番号: 2175
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02471
 配列:
 GATCTGCCCTT GCTCACTATT TGCCTATTGG CATATATGAT TACTTTGCTA AAAGACATTT 60
 TGGCCAAGAC AAGCCCATNT CCAGAGCTCT AAGAATGCCT 100

配列番号: 2176
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02472
 配列:
 GATCTAATTT GATAACAAC ATGGCTTGTG TGAAGACTGA GCAGGTGTTT GTTTACCCAT 60
 AGTGTCTCTG GTAGTTATTG CTTANTCTGC AGAAAAATAAT 100

配列番号: 2177
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02473
 配列:
 GATCTTAATT TACAGTTCCA TGGGATTAAA ACAAGTTTGC ATTTATGTAA TTTGCATTAC 60
 TTTAAAAATT ACAACAACAT AATCTCTGAA ACTTACTTCA 100

配列番号: 2178
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02474
 配列:
 GATCCTGCAT TAAATTTTAA TTTGTGAAAA TTTGAAAATT ATGAGCTATA ACTTATAAAG 60
 TTTGCCCTTCT TATGNCTAAA ATCTTTTAAA GCATTATTTG 100

【0488】

【配列表398】

配列番号： 2179

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02475

配列：

GATCAGTCAA TTTTCCGTCC TCCGTAACCA GCGGGCCCCCT GGTCAAGTNC TGGCTCTGCT 60
GTCCITGCCT TCCATTTCCC CTCTGCACCC AGAACAGTGG 100

配列番号： 2180

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02476

配列：

GATCTGGACT TCGAAACTTT CCTCATGGAT TCTGAATAAA AGAAACACTC TACACCTCTT 60
AAATCAAGGT CATGTAGATA ATGACTTTGT TATAAATGCT 100

配列番号： 2181

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02477

配列：

GATCTTAAGT GTCTCCTTGC TCTGGTAAAA GATAGATTTG TAGCTCACTT GATGATGGTG 60
CTGGTGAATT GCTCTGCTCT GTCTGAGATT TTTAAAAATC 100

配列番号： 2182

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02478

配列：

GATCCAAATC CCAGCTCTAC TGTCTCGTCC GAATTAGCCT TGGGAAAATC ATTTATATGC 60
TAAATAATTT ACCTTTTTAT CTAGGAGATG AAAAGAGGAT 100

配列番号： 2183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02479

配列：

GATCCATGNC ATCTCTCTCT TGCCTGAGGG GAAAGAGAGA TGGGCCAGGC AGAGAACAGA 60
ACTGGAGGCA GTCCATCTAG GGAANNNNAC TGTGAGGCCA 100

【0489】

【配列表399】

配列番号: 2184
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02480
 配列:
 GATCCCCAA GTACAGGCGC TAATTGTTGT GATAATTTGT AATTGTGACT TGTCTCCCC 60
 GGCTGGCAGC GTAGTGGGGC TGCCAGGCC CAGCTTTGTT 100

配列番号: 2185
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02481
 配列:
 GATCCTTGCA GGGAGCTTGG AACCTTAGTG CACCTACTTC AGTCAGAAC ACTTAGCACC 60
 CCACTGACTC CACTGACAAT TGAATAAAG ATGCAGGTGC 100

配列番号: 2186
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02482
 配列:
 GATCCGGCAA CATCAACCCG AGTCATTGCT TCTGTGGAGG GACAAGTCCA CTCAGGGCAG 60
 CGCAGGCTGA CCACAGCACA GCCAACACGC ACCTGCCTCA 100

配列番号: 2187
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02483
 配列:
 GATCAATGG AAAGGAGAGG AAAGAATCA GTGCTGCCTA TTAGTAGTTA ATTCTGTCAC 60
 TCACCACTAC ATCACTTGAG ACAAATCTAT GCCACTCAGA 100

配列番号: 2188
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02484
 配列:
 GATCAGAACT GTTACCAAAA AACAACTGTC AGTTTTATTG AGATGGGAAA AATGTAAACT 60
 CGANNHTTAT TACTTAAGAC TTTATGGGAG AGATTAGACA 100

配列番号: 2189
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02486
 配列:
 GATCGTCTTG GAAGGGAGTG GTTTTCAGAG ACATTCAGA AAGTGAAGGA GAAACTCAAG 60
 ATTGACTCAT GAGGACCTGA AGGGTGACAT CCCAGGAGGG 100

【0490】

【配列表400】

配列番号： 2190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02487

配列：

GATCATTGAA ATGCTGAAAA TTTTAACAGT CTTCTTAAAA GTATTGAGGG GGCAAAAATT 60

ACCAATTATG GTATACAAAA ATAAGCCTAT AAATGTNTTT 100

配列番号： 2191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02488

配列：

GATCAGTTGC TTATAGATAA TGTTCATGA CCTCAAGACA TATATTTTGG AGAAATTATC 60

ATTTTAAAAA ATTTGGTCTA TACTGATTGT TTTCACTGAT 100

配列番号： 2192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02489

配列：

GATCCACAAG GCCTGAGGAG CAGTGTGGGG GGACAGACAG GAGGTGGATT TGGAGACCGA 60

AGACTGGGAT GCCTGTCTTG AGTAGACTTG GACCCAAAAA 100

配列番号： 2193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02490

配列：

GATCCAATGG AGCCTGGNGA GGTGTGCCCA GAAAGCTTGT CTGTAGCGGG TTTTNTGAGA 60

GTNAACACTT TCCACTTTT GACACCTTAT CCTGATGTAT 100

配列番号： 2194

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02491

配列：

GATCTGTCCA CTCCTGGTCA TTGGTGGATG TTAAACCCAT ATTCTTTTCA ACTGCTGCCT 60

GCTAGGGAAA ACTGCTCCTC ATTATCATCA CTATTATTGC 100

【0491】

【配列表401】

配列番号: 2195
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02493
 配列:
 GATCAAAAA CCACAGGGCT TTTGGGCACT GCCTCCTTGG GAAGTTAGTG GCCACAGAAG 60
 AGAGATGAAA CCTGTAAGAA GTCTGGAGTC TTTTGGAAC 100

配列番号: 2196
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02494
 配列:
 GATCCTAAAC TCTCTAGCTT AAGTGTAAT GAAGTACAGT AGTTTCCCTA CTGAACCCTA 60
 CCTCTTGTGT CCTTGGAACC TTCTAGAACA CCTGCCTTCT 100

配列番号: 2197
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02495
 配列:
 GATCCGGAGG GCCCAGGAGA ACCGGAGCGT GCTTCAGGGT GCGCCGAGAA CAGGAGCTGC 60
 TCAGCCAAGA ACTGTGGCGG CGGCTGCTGC CAGGATGCCG 100

配列番号: 2198
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02496
 配列:
 GATCAAAATC AAGAAATCCG GGCATCACAG AGAAGTTGGG TTTAGGACAG CAGGTGCTGT 60
 TCCGAGACTC AGTCCTAAAG GGTTTTTTT CCCACTAAGC 100

配列番号: 2199
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02497
 配列:
 GATCAGCCCC TTAAATNAG TTCTAGAGCA GGTCTTCTGT TCCAGAAGGG GAGAAGCATA 60
 GAGGGCCTGT GAGCTCACGT GTGTTCTTTG TCATAGGGCT 100

配列番号: 2200
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02498
 配列:
 GATCTAATGG TTTTATAAAT NAAAGTCCC CTGGACAAGT TCTTTGCCT GCCACCATGT 60
 AAGATGTACC TTTGCTACTC ATTACCTTC TGTCATGATG 100

【0492】

【配列表402】

配列番号: 2201

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02499

配列:

GATCCTAACC AGGTAACCTG GTCCTNTGAA TTGAAGCTTA TCATATACCC AAAGCCTTGA 60
 CTAGAAATAC CTAAATAGAA TACCATGGTC ATTGGAAAAA 100

配列番号: 2202

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02500

配列:

GATCCTGGCC ATGAATGAAA AGGATAAGAA GAAAGAGAAG AAATGAAGTG ACCATCCAGC 60
 CTTTCCCAAT NAGACTTCCT CTCCTTCCAC CCCTCATTTT 100

配列番号: 2203

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02501

配列:

GATCAAAGCC AGCNACCCCC ACCCAACAC ACTCGGTGTC CCANTCATAC TAGGGCCTGT 60
 GTAAATCCCA GCCTGGCCAT ACCCTCAACC TCAGTGGGCT 100

配列番号: 2204

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02502

配列:

GATCGCCCCA CTGCAATCCA GCCTGGGAGA CATAATTCAA ATCTATTTTG GTCTTATATC 60
 TTCTTATGTT TGTGTTATTT CATGTGTGCC AGTTTCTCTT 100

配列番号: 2205

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02503

配列:

GATCATGGTG ATTTTACTGC TGCTTGTGGC TATCGTGGTT GTTGCAGTCT GGCCGACCAC 60
 CAGCAGTNAC ACCTGCCAAT NACAGATGCA AGCCCAACAC 100

【0493】

【配列表403】

配列番号: 2206
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02504
 配列:
 GATCCAGGA ACCTTCCTCC TCCAGGGCAG CACAGGACTC AGCCGTGTCT GGACCGGCCC 60
 TGCTGAGGCT ACAGTCACTC TGAAGCTCT GCGCTTCATC 100

配列番号: 2207
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02505
 配列:
 GATCAAGAAA GAGATGGAGG AGGAGGACTG AGCCCAGAAT TCACTAGGTT CGAATCCAGA 60
 NAGCAGTGTG GAAAAAAAAA ACCAAAAANC AACTGHCAG 100

配列番号: 2208
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02506
 配列:
 GATCTGTGC ATTNCCATG AGGGGCCGGG GCAGGTGGCT GGGTGGGGGC ACAGGCTGGA 60
 GTATTCTNAG TTCTACTGGT TCTACACTGT GAGGTGGCAA 100

配列番号: 2209
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02507
 配列:
 GATCGCTACT CTTAAGAATA TACATGTATG TATTCATAGG AACATTTTTT CTCAATATTT 60
 GTATGATTCC CTTACTGTTA TTGTGCTGAG TGAGCTCCTG 100

配列番号: 2210
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02508
 配列:
 GATCAGCTGG AAGCTCACTA GTCATCTCCT GCCCAATCCC CAGAAACCCT GATTCAGGTC 60
 TGCAGGCTCC TCGGGGCTCA CCACGGCTGC TGGCTCCGGT 100

配列番号: 2211
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02509
 配列:
 GATCCAGTGA GATAGAATAC ATGTAAGTNT GCTTTTGTAA TTTAAAAAGT GCTATACTAA 60
 GGGAAAGAAT TGAGGAATTA ACTGCATACG TTTTGGTGT 100

【0494】

【配列表404】

配列番号： 2212

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02510

配列：

GATCCCTTGT GGCTATGCAG ATACCTACCT CACAGAGTTG TTGTAGAAGA CTGGTGGTTT 60
GGTTCAAACC TTGTGATTAA AGAGTTTGTC AAGCATTTTA 100

配列番号： 2213

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02511

配列：

GATCCCTGTT TAACTCCAAA TTACAGTCGG ACTTGGATAC ATCATTTGTA ACATTGTAGG 60
AAAGAAAAAA GTCTTGGTTT TGA AAAACGA TTTGCATTTG 100

配列番号： 2214

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02512

配列：

GATCCAGCTC AAGTGCCATC CTGCCAGTGG CCCCCAGACT GTGGGGTTGG GACGCCTGGC 60
CTCTGTGTCC TAGAAGGGAC CCTCCTGTGG TCTTTGTCTT 100

配列番号： 2215

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02513

配列：

GATCACTACT GCTCTTGGAG TTCCTTCTCC TAAAGCTAAG GCCAGCCTCC ATCACAAATG 60
CCCATAAAAT CTGGCTCGTC TTTGATGAAC AATAAATATT 100

配列番号： 2216

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02514

配列：

GATCCTCCCG CTGGCTTCCA GACAGACCTG GGATTTTGGC AGTCATGCCG GGTGATGGTG 60
TTCCTGCGGA GACCCTCAGT TGTCTATTCT CTCCTAGCT 100

【0495】

【配列表405】

配列番号： 2217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02515
 配列：
 GATCAITICA CCTGATGTTT TTAAAGCATC CTAAGTACAG TAGAGTAGAA AACTNATTTTC 60
 TTTGTTAATT GTACACTGAA TAATGCCTTT AAAAAATCAA 100

配列番号： 2218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02516
 配列：
 GATCTCCTAT GTTACCAATG TGTATCGTCT CCTTCTCCCT AAAGTGTACT TAATCTTTGC 60
 TTTCTTTGCA CAATGTCTTT GGTGCAAGT CATAAGCCTG 100

配列番号： 2219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02517
 配列：
 GATCATGTGA TGAATTTGTA ACATTCACAC AACACCTCAC TTTTNAATCT ATAAAAGAAT 60
 TGCACGTATG AAAAACTAT ATTTNAATAC TGCTGAAACA 100

配列番号： 2220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02518
 配列：
 GATCTAGCTT CTGGCTCTGT GTGTTTATTG ACCAGTGGTG TGCCTTGAGA AACCAGAACT 60
 CTCTGAATTT CAGTTTGTG TCTNTNTAAA TGAAGAAGGT 100

配列番号： 2221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02519
 配列：
 GATCCGTATG GCCAACGAGA AGCACAGCAA GAACATCACC CAGCGCMNGC AACGTGCGCA 60
 AGACCTCGAG AAATGCCCCC GAAGNGAAGG CGTCTGTAGG 100

配列番号： 2222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02520
 配列：
 GATCACCAGG CAGCGACCTC CGCNCACCCC AGCAGTCGCG AGCCTCGGCC CAGCCANAGG 60
 AAGCGHTGCC GNCGGACCTG ACTGACTTCC CAGTGGAAGT 100

【0496】

【配列表406】

配列番号: 2223

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02521

配列:

GATCTGGGCC ACTTCCCTCC TTCCAGTCAT GAGTAATCAT CAAGGAGCAA GTTGGAGTGT 60
 TTCAGGTGTA TATTTTGTAG AACCCAAAAG ATTGGAGCCT 100

配列番号: 2224

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02522

配列:

GATCTTTTAT AAAGCAGAAT GGTACGTATC GGATTGTTTT AATGTTATAT ATTGGATTGT 60
 ATTCGTTGTT AAAAAACCAA TATTCTATGG AGAATGAAAA 100

配列番号: 2225

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02523

配列:

GATCTCGCAA AGTTATTCTT CCACCATGGC CAACAACGAA GGACTTTTCT CCCTGGTGGC 60
 GAGGAAGCTG AGCAGACCCC TGTGATGCCT GTNACCTCAA 100

配列番号: 2226

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02524

配列:

GATCAATGTA CTTTTATAA ACTTGCCATA GATATCTCAG ATTTGAAACC TCAAGACAGA 60
 TTTATTATTC TTAAATGCTG TATGATAATG AAGAAAAATA 100

配列番号: 2227

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02525

配列:

GATCAGTTTG GAGAGTAGGG GGCCACTCAT ATTCTGGGCT CCTGGAACCA ATCCCGTGAA 60
 AGAATTATTT TTGTCTTCT AAAACTATGG TTCCCAATAA 100

配列番号: 2228

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02526

配列:

GATCCCCGCA TGGNGTTGGG GGTGCTGGTG TGTCTTGGTG CCTGGNCTTG AGTCTCACCC 60
 TACAGATGAG AGGTGGCTGA GGCACCAGGG CTAAGCAATT 100

【0497】

【配列表407】

配列番号: 2229

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02527

配列:

GATCAAAAAG GGGTCTGAGG TTGCATCAGG GAGACAACTG TAATGATATA AGCAATAGTT 60
GAGAACCTGA CAGCAAGTAA TAAGACAGGA AGAATAAAAC 100

配列番号: 2230

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02528

配列:

GATCTGAGTT CTGAGCAAGT CAGACTCCTT CCTTTTGGCC TCCAAAGCCA CAGATGTTGG 60
CCGGCCCACC TGTTTAACTC TGTATTTATT TCCCAATAAA 100

配列番号: 2231

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02529

配列:

GATCGGAAGT GTAAAGCTAT AATCCCCAGA ATTAAAGTTT TTATTATTTT TTATACATTG 60
TAAACATAG ACGTTTATTT ATGTGATTAA NTTCTATTA 100

配列番号: 2232

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02531

配列:

GATCCAGTTT TTCTTGGGAG GTTGTATCTG GTCATAAGGT AAACATTCTA TATATTCTAT 60
GCCTGCTCTA GAATTGAAAG ACTTCAGCAG TATTAAGCA 100

配列番号: 2233

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02532

配列:

GATCTGTATT TGTATATGCT GATGCAATGA TAAAAATCAC TGTAATAGNT TCATTGTGTT 60
GTACTGGATG CAAAGCTAGA AAATATTGCA ATANNTGAGA 100

【0498】

【配列表408】

配列番号: 2234

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02534

配列:

GATCTTGGGC AAGTTAATCT CTGGGAACCT TGGGTTTCTT ATCCTCAAAA AAGGCGATGG 60
AAGGCTCGG NCNCGTGATT AAATAAAAGC AACGCAAGAA 100

配列番号: 2235

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02535

配列:

GATCGATGGT ACTTTTTGAA AATGCTTTAT TGCAAAAAAG TGGCTAGGGT TTTACAAGGN 60
CTATGAAGAA ACATATTAAG GTTAATAAAG CTTTTTATTG 100

配列番号: 2236

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02537

配列:

GATCCTCCCT TAGAGCATTT GGAAGAGTGT GGCCCTGCCA ACACCTTGAC TTCAAACCTC 60
TGGCCTCCAT AACTATGAAA TAAATNCTTG TTGTTTTAAG 100

配列番号: 2237

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02538

配列:

GATCTGTCCA CTCTGGTGT CAAAGATTTT ACTCATCTTC TTAGTACATT CTATGTATTT 60
TATATGTATA ATTTTATACA ATTAAAAATA GATTTTGTG 100

配列番号: 2238

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02540

配列:

GATCTTATAT CATTACAGTA GCCTTTTTGT AGAATCCATC CTATTTTCCA CATGGATAAT 60
CATGTCATGA AGAATAAAGA CAGTTTACT TCTTTCCTTA 100

配列番号: 2239

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02542

配列:

GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCCTCCCACC CCAAGNCATC AAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
AATAAACCTT CAATAAATAT TCTCATTGGT CAATCAGAAA 100

【0499】

【配列表409】

配列番号： 2240

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02543

配列：

GATCTGCTGC TTCCAAGTTG TGTGACCTTG GCTAAGTCAC TTAACCTTTC TGATTGTCAT 60
TTCGCTTTTT AATAAAGTGG GTCTGGTGAA CAAGAAA 97

配列番号： 2241

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02544

配列：

GATCCCACTG TATGGCTATA CGGTATTTTA TCAGTGCATC CACTGTCGGG TTTTCCCT 60
TGTGGACTAT TATGAATAGT GGACGCTTGT GTGCAA 97

配列番号： 2242

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02545

配列：

GATCAGGTGA GCTGTGTCCA GAAAACCAAC GAGAAGGAGT GGAAGGAGGA ATGAACGTTT 60
CATTCTCGTT AATAAAGGCA TTATCCTAAT TAAA 94

配列番号： 2243

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02546

配列：

GATCTAATCT ATTCCTGGGG CCATAACTCA TGGGAAAACA GAATTATCCC CTAGGACTCC 60
TTTCTAAGCC CCTAATAAAA TGTCTGAGGG TGTCTCATGA 100

配列番号： 2244

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02547

配列：

GATCATATAT TTGTGGCATA CAGTGTGATG TTTTGACATG NATATAATTT TGTATACAAT 60
GTGGAATGAT TAAAACAAGC TAATTAACAT AAA 93

【0500】

【配列表410】

配列番号: 2245
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02548
 配列:
 GATCTGCACT TCCTCCCCCTT TCACCTACCT GTACACCTAA CCTGGCCTTA GACTGAGCTT 60
 TATTTAAGAA TAAAATCGTG GTGGTGGTCA AA 92

配列番号: 2246
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02549
 配列:
 GATCAGTGGC TGCTGGGTGG CGGGTACCCT TNCTCAGATG CCTGGCAGGN CTGGNTGGCG 60
 ATTCTAAAG ACCTCGTGT GATTCCCCAA A 91

配列番号: 2247
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02551
 配列:
 GATCTAACCC CTTACCCATC TNTCTACTGC TGGACTGTGG ACGGTCACCA GGITGGGAAC 60
 ATGCTGGAAA TAAAACAGCT GCAACCAA 89

配列番号: 2248
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02552
 配列:
 GATCTTTTTG AGAGAAACAA ATGAGGATTG TAAAGTTTGG GGACTTACCT CTGTAGCATT 60
 GTGAAAATAA ACTTTGATTA AGCTGAAA 88

配列番号: 2249
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02553
 配列:
 GATCACCTCG GCGTCTGTTT TGTATGCTCT TTACCTATGG ACTAGTTTGT GGACGGCTAA 60
 GAAATACAGC CTCAGCATTG ATTTGAAA 88

配列番号: 2250
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02554
 配列:
 GATCTTAAAG AGTGTAATTT GCAATCTAAT TTTATCCTCT TACTCTGTGT TGTAAACCA 60
 TATACAATAA ACGGTGTTA TGGAGAAA 88

【0501】

【配列表411】

配列番号： 2251

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02555

配列：

GATCTGGCTG TGAGGCCCTC AGGGCAGGGA TACAAAGCGG GGAGAGGGTA CACAATGGGT 60
ATCTAATAAA TACTTAAGAG GTGGAATTG TGGAAA 96

配列番号： 2252

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02556

配列：

GATCCGGGGA CCAGGGGCTG ACCTCCATTC GTACCCCACT GCTTTGGAGN TGATGGGACT 60
ATCAATAAGA ACTCTGTTCA CGCAAA 86

配列番号： 2253

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02557

配列：

GATCAAACCA TTTNACCTGG AGTTTGGTAC TGGTTTAAAC TTCTCTNAAT CTGTATAAGA 60
AAAATGAAGA CAATTGAACT TTCAAACAAA 90

配列番号： 2254

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02559

配列：

GATCCAAGTT TTGCGGGGTC TAAAGCTGTG TGTGTTGAGG GGGATACTAA GTTTATGAAA 60
AAGAATAAAA AACACAACCA CGAAA 85

配列番号： 2255

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02560

配列：

GATCTCGCCA CTNTTCTCCA ACCTGGGCAA TAAAGCAAGA NCCTGTCTTC AAACAAGCAA 60
ATAAAAACTT CCTTATCCTG CAAA 84

【0502】

【配列表412】

配列番号: 2256
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02562
 配列:
 GATCCTGTTA GCTTTCTGAA TGTTCTGTGG TTGAATGTTT TTTTGCTTAA ATAAAGCTTT 60
 TGGTATTTGT TTAAATTTAA 80

配列番号: 2257
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02563
 配列:
 GATCCCAACC GTTTGGCACA GCTTTGGCCA CAGCCAGGCC CCTCTGGAAT TGTCTTATT 60
 AAACCAGTTT CCCGAGAAA 79

配列番号: 2258
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02564
 配列:
 GATCCGGGCA ATGCTTCGNT TTCTAAAGGA TTGCTGCTGT TGAAGCTTTG AATTTTACAA 60
 TAAACTTTTT GAAACAAA 78

配列番号: 2259
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02565
 配列:
 GATCTTGGTT TTCCATGAAT ACAGCATGTA TAATAAAAAT TTTAAGAAAT AAATGTTATT 60
 CTACTTTATT AACAAA 76

配列番号: 2260
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02567
 配列:
 GATCTTCTGC CGGGCGTGCC CCAGAGGACA GTGGGTGGAG TGGTCCTACT TATTAAATGT 60
 CTCAGCCCCCT CAAA 74

配列番号: 2261
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02568
 配列:
 GATCTCACCT TTGCAAAGTT GGATAGTCAA TTTGTTTTTA GAGGAAATAA AACACTTATT 60
 CTGTGATTTT AAA 73

【0503】

【配列表413】

配列番号： 2262

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02569

配列：

GATCTGGAGA GAAAAACATT CAAACCATTG CATCATACAA AAAAAAGGCT ATTAAAAATT 60
GGATTATAGC AAA 73

配列番号： 2263

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02570

配列：

GATCAGAGTA AGAATGTCTT AAGAAGAGGT TTGTAAGGTC TTCATAACAA AGTGGTGTTT 60
GTTATTTTACA AA 72

配列番号： 2264

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02571

配列：

GATCAAATCT GTACAGTTTC TATTGTTCCA GATTTTTTTA AGTTTGTATT AAAAGCATGA 60
TACATAATAG TAAA 74

配列番号： 2265

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02572

配列：

GATCTTTTCA GTGTTTTTTC ACTTTAGCTA TGTGGATTAG CTAGAATGCA CACCAAAAAA 60
ATACTTGAGC X 71

配列番号： 2266

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02573

配列：

GATCCAGGAG GGAGCCACCC CCAAGGACCC TGCCAGCCAC AGACCTCCAA TAAAGACAGC 60
ATGGAACAA A 71

【0504】

【配列表 4 1 4】

配列番号: 2267
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02574
 配列:
 GATCTGATGT GAATTCAGAT TTCCAATCTT CTCCTAGCCA ACCATTTTCC TCGAATNAAA 60
 AATTCAGTAA A 71

配列番号: 2268
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02575
 配列:
 GATCCAGAAG TTCTAAATCC AGGATTTTAA TTAGTAACTC AAATAAAATG CCACACATTT 60
 TCATACAAA 69

配列番号: 2269
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02576
 配列:
 GATCATAGTA GTGCCGCTGT TGAGTGATAA AGCAACTTGT CATTAAGAT GTGTGTNCAG 60
 ACATGGAAG 69

配列番号: 2270
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02577
 配列:
 GATCCCAGCC CAAATNNGCC CATTACACA ATCAGGAGCN AAATAAATTA CTGTTGTCTT 60
 AACACTAAA 69

配列番号: 2271
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02578
 配列:
 GATCTTCAGC TGTTTGCCCG TNCATTATTAC ATAACTGAA AACAGGATAA AAACGGAGTG 60
 CAATGAAA 68

配列番号: 2272
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02580
 配列:
 GATCTGTCAA AGATATGAAC ATGAAAGAAC AGCTTATTTT AATAAACCCA CTTTACATAC 60
 AAA 63

【0505】

【配列表415】

配列番号： 2273
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02581
 配列：
 GATCAAAAGT AAATGTTCTC TTGCCATTT TAGATGGAAA AATAAAAAAA ATTAAAAAGT 60
 AAA 63

配列番号： 2274
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02582
 配列：
 GATCTACATG AGGAACTGTA GATGATGTAT TTTTTCATC TTTTGTGA ACTGATTTC 60
 AATAAAAAATN ATACTGATGG TGAAA 85

配列番号： 2275
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02583
 配列：
 GATCCCTTTT TTATTTTGTG GTTTTTTAAT ATAGTATAAA AATCCTTTTA AAAAAACAAA 60

配列番号： 2276
 配列の長さ：67
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02585
 配列：
 GATCAAAACA GGATTCCATT GACCTAATTA TATTAAGCTA ATAACTAAT TTTTGAATT 60
 TTTGAAA 67

配列番号： 2277
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02586
 配列：
 GATCAATATT TATTGACTTG TAGTAACTGC CACCAATAAA GCAGTCTTTA CCATGAAA 58

配列番号： 2278
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02588
 配列：
 GATCAATAGA CTGTACTTAT TTTCCAATAA AATTTTCAAA CTTTGTACTG TTAAA 55

【0506】

【配列表416】

配列番号： 2279
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02589
 配列：
 GATCATTCTC AGTATCCACT GTCTATGTAC AATAAAGGAT GTTTATAAGC AAA 53

配列番号： 2280
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02590
 配列：
 GATCCATTTN TTTTGTGAAT GTGCTAAATA AAAAGTGTTA TNAATTGCTG AAA 53

配列番号： 2281
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02591
 配列：
 GATCCTGCAT CCCACTCCCT GGGAGCCAAT AAAGTGCATT TTCACAGGCA AA 52

配列番号： 2282
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02592
 配列：
 GATCACAAG TCAAAAACCC ATAAGAAAAA TTGAAAAAGC TACAAGCAAA 50

配列番号： 2283
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02593
 配列：
 GATCATATTT NCTATTAAAG TGGCTAACAC CTGGCTACTC TTACTGTAAA 50

配列番号： 2284
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02612
 配列：
 GATCTGTAAA TAAATCAGT GCACTGTGAA TCACACCCAG CCCCTTTCCC TGCTGTGTGG 60
 ATTAGGTGTC AAGACACCTA GTTCTTTCTG GGGCCACCCG 100

【0507】

【配列表417】

配列番号: 2285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02627
 配列:
 GATCTGTGCT TCCNACTCAC ATGTNAGGCC ACGCCATCCT CTTGCTGAAN CCCTATTGAT 60
 GCTTTCTAAC AGGTTCTCGT GTCTCTCCCT GACCAGGCC 100

配列番号: 2286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02628
 配列:
 GATCTGAACA TCTGGCCCAA GTGAAGCATG GCATATAGTG CCCTTGAAG AAAATTAGGC 60
 CTCAAATGAC AGTAGCATTG AAGTGTITGC TGCAGAGTTG 100

配列番号: 2287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02629
 配列:
 GATCAGCAGC CAATATGGGT TTGTTTGGTT TTTTAAATTC TTAAAAACAN CCTNTAGAGC 60
 AATAGAAACA AATTTTTATG AGCATAACCC TATATAAAGA 100

配列番号: 2288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02630
 配列:
 GATCGACTAC AAGCCAGCCC CTANGCACCT GCTGCTACAT CATGAAGNTA NCTCCAGAGA 60
 GCATCCCCAG TCTTGAGGNT CTCAATAGAA AAGTCCACAA 100

配列番号: 2289
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02631
 配列:
 GATCTTGTTT ACTTTTGGAC ATCAAGCCCA TCACTGCCAG CCAGTNAAGA AGGATTCCAG 60
 CCTATGCCCT CAATCACAAT AAGACCACCA GATGACCAAC 100

配列番号: 2290
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02632
 配列:
 GATCCAGCCA GGCATCTCGG CGCTTTGGCA CCATGAGTTC TATGTCTGGG GCCGACGACA 60
 CTGTGTACAT GGAGTACCAC TCATCGCGGA NAAGCGGCC 100

【0508】

【配列表418】

配列番号： 2291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02633

配列：

GATCCACACC TGACCCTGTT GGGTCGAGTT AGGNTGGGCC TTGGTCTGCA CTGTAGCACC 60
TNTGTTCTTT GAGTTCACAT CATGAATGTG GTGACTTNCC 100

配列番号： 2292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02634

配列：

GATCTGCCTT AACTCCAAC TACATGTTTT GGTCACTATT ACAAACGTG ATCCCAGAAT 60
GATGCTGCAG AGGCTAGGGC TAGGACACAG ACCAGTGTTT 100

配列番号： 2293

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02635

配列：

GATCTCACCT TCCTTCGAAT TCGCTCCAAG AAAAATGAAA TNATGGTTGC ACCAGATAAA 60
GACTATTTCC TGATTGTAAT TCAGAAATCCA ACCGAATAAG 100

配列番号： 2294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02637

配列：

GATCTGGCAG GGCACCACAG CGCCCCCTAC TGAACCATCA GCATGTCAGT GGCATTTAAA 60
GCCATGCAGC TGGAGGGGCC ACTGAGATTG TCTCTGAGTA 100

配列番号： 2295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02638

配列：

GATCTGTCCA ACGCCTGCAG CGTGGATGTG GAGGCGGACT AATCAACNAG TGCTCTGTTA 60
TTATTTCTAC CCATCCCTTT TCTCCATGCT AATTTGCTTA 100

【0509】

【配列表419】

配列番号: 2296
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02639
 配列:
 GATCGATAAT ATAATTTATA ATGAAATTGC TTTATCAGCT ATTAATGTTA ACTACATCAT 60
 CTTCATATAG CNTTATAACT CATTGTGCT ATTCCATTTT 100

配列番号: 2297
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02640
 配列:
 GATCTNHTCA AACAGCAAAC GCCCACAGAN GGCCAGAGG NGGTGGTAAT CAGGGTGTGT 60
 GGGTGNTTTI AGGGTTCITT AGTGTGTTT CTTTCACCCA 100

配列番号: 2298
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02641
 配列:
 GATCTTTTCT ATAATATCCT ACTACTTGG TTTTCCTAGC TCCATACCAC ACACCTAAAC 60
 CTGTATTATG AATTACATAT TACAAAGTCA TAAATNTGCC 100

配列番号: 2299
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02642
 配列:
 GATCTAAAAT ACCTGGTGGC TTTTACAAA AAGCAGATT TTTTCATGTA CTGTNATGTC 60
 TGATGCAATG CATCCTAGAA CAAACTGGCC ATTTGCNAGT 100

配列番号: 2300
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02643
 配列:
 GATCCGAAGA GGAAGGGCGG TCCGGGCTCC AACTTAGCT TCGTGGGCAA ACGCAGAGGC 60
 GGAACAAAC TAGCCCTNAA GACGGGAATA GTAGCCAAGA 100

配列番号: 2301
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02644
 配列:
 GATCTTCTTG ACTATGCCAG TTGTAGTACC AGCTTCTGTA TCTGCACTGA ATTCTGNCTC 60
 AGTAATATGC CTTTGTITTA AATTAAATA TTTTTCATT 100

【0510】

【配列表420】

配列番号: 2302

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02645

配列:

GATCACAGGA ACAGCAGGTG ACAGGCCTAG CTATAGTTAG GAATACACAA GCCGTAAAAT 60
CGAGTCCTTA CAGCCATACC ACAAGGTACG TCCANNTGGA 100

配列番号: 2303

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02646

配列:

GATCTGAAAG GAATGCTAGA AGTGTTTAGA GAGCTGACAG ATGTCCGACG CTACTGGGGG 60
CATGCNACAG GGGGAATGGC TCGCTTCAGT GCCCTGCTGC 100

配列番号: 2304

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02648

配列:

GATCCTGACA GAGCCCTGAA CAGATTATAT CACTCGGCTA GAGGCACTGC AAAGACGACT 60
TGGA ACTATA CAGTCAGGTT CAACTACTCA ATTT CATGCT 100

配列番号: 2305

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02650

配列:

GATCTGTGGG TCCGGCTGNA GGAGAGTGAC ATAGTCCCGC AACTCCANNT TGCCTGTCCT 60
GGACAGGCAC ATCTCCACTG AACTGCGGCT CCNTCGCCGT 100

配列番号: 2306

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02651

配列:

GATCCTTCTT TTTGGTTTTG GAAATATAAT CATTGTTAAT GTTTCCCTC CAAATAGAAT 60
ACTGTTTTAT CCATACAAAT CATAACAGCA TCTATCCCAT 100

【0511】

【配列表421】

配列番号： 2307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02652
 配列：
 GATCTTTTAC ACCACATCAC AGTGANCACA CTGGGGAGAC GTGCTTTTTT GGNAACTCA 60
 AAGGTGCTAG CTCCCTGATT CAAAGAAATA TTTCTCATGT 100

配列番号： 2308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02653
 配列：
 GATCCTATGG ATTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTACTHTACA ACATTCANAG CCCACATCCA 60
 TCTGTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCCTC 100

配列番号： 2309
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02654
 配列：
 GATCGCAGCC GCTTCGCACG CCGCATCACC CAGGCCCAGG AGGAGCTGAG CCCCTGCCTC 60
 ACCCTGCTG CCGGGCCAG AGCCTGGCA GGCCTCAGGA 100

配列番号： 2310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02656
 配列：
 GATCCCCGTT CCTGACATCA CAGCAGCCTC CAACACAAGG CTCCAAGACC TAGGCTCATG 60
 GACGAGATGG GAAGGCACAG GGAGAAGGGA TAACCCTACA 100

配列番号： 2311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02657
 配列：
 GATCAAATTT NAGTGGCTTT GGACAGAAAA GAAAGCTCTG GATTTAAGCG GGTGGTCACC 60
 TGTGAGACCA GGTCTACCTT GGGACTGTTA TTAACTGAA 100

配列番号： 2312
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02658
 配列：
 GATCTGGTCC CTGAGAAACA TATTGTGATG AAGTGGAGGT TTAAATCTTG GCCAGAGGGA 60
 CACTTTGCCA CCATCACCTT GACCTTCATC GACAAGAACC 100

【0512】

【配列表422】

配列番号： 2313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02659

配列：

GATCAACTTC CCACAACTG AGGAATGAAT TCCACGAGCC TGTTCGAAA ATNTGGACGT 60
AAGACAAACA CGTGCTCGTC CTTAATGGA GTTCACCAGC 100

配列番号： 2314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02660

配列：

GATCNGTGGC AAAACCAAGT GTGGTCTTTC AGCTTCAGTG TGTTAGCATC CCAGCACCTG 60
GGATGGGGTT TGTGGGCAAG TTGATTTTGC CACACTGTAG 100

配列番号： 2315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02661

配列：

GATCCAGGGG CTGCCTCTGG CCTCTTAGGG AGCAGAGAGC AGAACTCCGC AGCCCAGCCC 60
AGAGGAGTGT CACCTCCCAC CTTTGGAGAG GAATCCTTCC 100

配列番号： 2316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02662

配列：

GATCATGGCA TCCAAGACCA GAGTCTCAGA ACTCATTAAG AAACAGTTTA CTTGGAATGG 60
AGAATACCCA TCTGTAATAC AGGTCCTGTC ATTTCAATCA 100

配列番号： 2317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02663

配列：

GATCAAGTNA CTTCTGCCCA CCTGGACACA ACACCAAAAA GGCTTCTAAA NACGGGTGTN 60
AGTCTTTTNA GCAACCCGGT CCAGTACTGG GAGATACAGC 100

【0513】

【配列表423】

配列番号: 2318
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02664
 配列:
 GATCAGAGTT CCTCCTACTT ACAACCCAGG GTGTGAACAT GTHCTCCATT TTCAAGCTGG 60
 AAGAAGTGAG CAGTGTGGA GTGACGGCTG TAAGGCAGGC 100

配列番号: 2319
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02665
 配列:
 GATCTTAAGT ATAATTACAA GGAAGAAGTG AAGAAGAATA TTCTCTTAGA AGAGAAGGTA 60
 AAAAACTTT CAGAACAATT GGGAGTTGAA TTAAGTAGCC 100

配列番号: 2320
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02666
 配列:
 GATCGACTTA CTCAACATGA GACAATTCAT ACTGGTGTGA ACCACANAAA TGCAAAGAAT 60
 TGCTAAGGC CTTAGTCAT TGCTATCAAC TTAGTCAACA 100

配列番号: 2321
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02667
 配列:
 GATCTCAGGT ATCAGACCAC TGAGCAACCC ACCGCCAGNC TGCAGGCTTT CAGAGGCCCA 60
 CCTGGGCCCCA GCGTGGCCTG CCCCAGGGTG GGCTCCACG 100

配列番号: 2322
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02668
 配列:
 GATCCAGTTG TTATAGTGAA CTCATGGTAA TGGTTTGTGA GAACAATAGA GATTTTNATT 60
 TCTATGTAGA TGAGTTGCTA TGAGAATATA TGGAATTTT 100

配列番号: 2323
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02669
 配列:
 GATCAAGAAG GAGCTAGAGA CCATTTCAAA GAAAAAAAT GCTTTATAGA GTTTTAAGTA 60
 TGACTTAGAT GGGTCCAGGC AAATAAATA AAAAGAAGTG 100

【0514】

【配列表424】

配列番号： 2324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02670

配列：

GATCTAAATT ACCTTGGGTT TCGCATATGT CTATGAAATN CTGTGATAAN GTTTTTCAAT 60
ACATTGNTTC ACTGGCGTCT GTTTTCANTT TATACTTTTA 100

配列番号： 2325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02672

配列：

GATCGAAGGG TTTTtagaga ATGtNtttCA AAACCATGCC TGGTATTTTC AACCATAAAA 60
GAAGTTTCAG TTGTCCTTAA ATTTGTATAA CGGTTTAATT 100

配列番号： 2326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02673

配列：

GATCGACAAA ACTTTGANCg AGGCTGACTG TGCCACCGTC CEGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60
CTGATGAGAC AAGATGTGgT GATGACAGAA TCAGCTTTTG 100

配列番号： 2327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02675

配列：

GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60
GCTATGATTt TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT 100

配列番号： 2328

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02676

配列：

GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60
NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG 100

【0515】

【配列表425】

配列番号：2329
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02677
 配列：
 GATCCTGGAG CTGGCTGGCA ACGCGTGCCT NACAACAAGA AGACCAGGAT AATCCCCGC 60
 CACCTGCAGC TCGCCATCCG CAACGACGAG GAGTTAAACA 100

配列番号：2330
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02678
 配列：
 GATCTAGATA ACTCATGACA TTTTATTTGA CCAACATAGC ACATGATGAG ATATCAAGGT 60
 AATTAATAA GCATGCTTGA AAAAAAATA CGTAATCTGT 100

配列番号：2331
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02679
 配列：
 GATCCCCTGG CTCCCCAGCA CACATTCCTT TGAATAAGG TTTCAATATA CATCTACATA 60
 CTATATATAT ATTTGGCAAC TTGTATTTGT GTGTATGTAT 100

配列番号：2332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02680
 配列：
 GATCGAAATC ACTATAATTT TAACCCTNGT GATTGGAATG AATATGGTTT GTGCTGGAAG 60
 CTCCGAGGTG GAAGAGACTC GTGCAATGGA GATTCTGGAA 100

配列番号：2333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02681
 配列：
 GATCCCTGCT GAATCCACAG GCCAAAATAG TCAATGTAAC TGCAAATCTA ATTTATCCT 60
 CCTTTCCTGA GGCCAACTCA GGAAATNAAA GGACGATTCT 100

配列番号：2334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02682
 配列：
 GATCCAATTA AAAAAAATTA AAACCAATTT AAAAAAAAAA AGANCACAGG AGATTCCAGT 60
 CTACTTGAGT TAGCATAATA CAGAAGTCCC CTCTACTTNA 100

【0516】

【配列表426】

配列番号: 2335

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02684

配列:

GATCAAGCGG AAAGAGTTTA AGTGTCTAAC AAACCTTAAAG CTACTGTAGT ACCTAAAAAG 60
TCAGTGTGTG ACATAGCATA AAANCTCTGC AGAGAAGTAT 100

配列番号: 2336

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02685

配列:

GATCTTTTCT AATATGGTAT TACAATGAAA AGAATAAAGA GAAGATTTGA ATTTNCAGTT 60
TCATTTTCAA AAACCTATTTA CCAAAACAAA TGGAGAAGAA 100

配列番号: 2337

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02686

配列:

GATCCCTCTG TACAGGCTGG ATGGAAGGGG CCCTCCACAC TtCCTGGGAG GTCAGAGACA 60
AACTGTTTCA GAGAGTCAGA TGGACTTCCC AAGACTTGGT 100

配列番号: 2338

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02687

配列:

GATCAGCAGC CGAGAAAAGT ACATCAACAA TCAGCTTGAG AATTTGGTTC AAGAATATCG 60
TGCAGCTCAA GCCCAGCTGA GTGAGGCAAA GNAGCGATAC 100

配列番号: 2339

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02688

配列:

GATCCNACTT TAGAAGCCTA CTTTNTAACC AAGGAGCTCA ATTTTTTTTT TAAAGCTTTA 60
CTAATCTACC ANAGCATTGT AGATATTTTT TTTTAACATC 100

【0517】

【配列表427】

配列番号：2340
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02689
 配列：
 GATCCTATGT CTGTCTGTCC ACCACGAGAT GGGAGGAGGA GAAAAAGCGG TACGATGCCT 60
 TCCTGACCTC ACCGGCCTCC CCAAGGGTGC CGGCACTCTG 100

配列番号：2341
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02690
 配列：
 GATCTGCAGG GGTCTGGGAG TCAGGCCCGG CCTATTGCTT GGGTCTCTCT CTATTTATAT 60
 ATCTAAGTTC ACAGTGTTTC TTATTCCCCC TAAGCTTCTA 100

配列番号：2342
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02691
 配列：
 GATCTAGAAT CTCITTATGT TCTCCAGAGG AAGGTGGAAG AAACCATGGG CAGGAGTAGG 60
 AATTGAGTGA TAAACAATTG GGCTAATGAA GAAACTTCT 100

配列番号：2343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02692
 配列：
 GATCACTCCG CCTTCTCCTG GGCTCCCGTA GCACACTATA ACATCTGCTG GAGTGTGCT 60
 GTTGACCAT ACTTCTTGT ACATTGTGT CTCCTTCCC 100

配列番号：2344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02693
 配列：
 GATCGCCTAC AAGCCAGCCC CTGGCACCTG CTGCTACATC ATGAAGATAG CTGCACAGAG 60
 CATCCCCAGT CTTGAGGCTC TCAATAGAAA AGNCCACAAC 100

配列番号：2345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02694
 配列：
 GATCTAGAGG TTCCANTGCT ATNCTCTCTT CTGTCTGAG AGCCAGGACC CTGGGGGAAA 60
 TAACGGGCAA AAAAGCACTT TNAAGACAGA TATAGTGGGA 100

【0518】

【配列表428】

配列番号: 2346

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02695

配列:

GATCTTAAAG CTTTGAGCAC CTGCCATTTT GCCTTGCAATC GTTTCCTCG TCATGCATTT 60
 CCACATATCC ACAAACACAG AACGACTTTA GACAAGCACA 100

配列番号: 2347

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02696

配列:

GATCTATTAA AAAGGTTAAG AGGCCAGGTT ACCCACCANT CCTTGCACTG TNCTGACACT 60
 TTCCCCAGGA GGAAAACAAG TACAAAGGTT ACGGTGGAGG 100

配列番号: 2348

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02697

配列:

GATCACAAAA AAATCAGTCT TTAAGCATTT GCTTGGAAG GTTTCCTTAAN ATNAGGTTTA 60
 TAATACAACC ATCTGTAATG TATCTNTCGN TTGANCTTGT 100

配列番号: 2349

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02698

配列:

GATCAGCTTG CAGAGCTTG CTTTTAGGTT AGATACAAAC AAAGTAAATC ATAGTTGGTG 60
 TAAATCCAGC AAAAAACAGC TGGCTTTGGA ATGGAGAACA 100

配列番号: 2350

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02699

配列:

GATCTGTACC ACACCTTCCG GCCAGCTGTC CTCCTGCTGA TGTTCCTCAG TGTCTACAAG 60
 GCCTTTGTTA TGGAGACCTT CGTCCACCTC TGCTCGCTGG 100

【0519】

【配列表429】

配列番号: 2351
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02700
 配列:
 GATCAACGAC AGCCTCCAGT TTCCACTTNG TGAGAGAACA AAGGAACCGG GGCATGCTCA 60
 NCTATGGCTG CAAGCCNTTC AAGTGAAGCT GGGCACTTAC 100

配列番号: 2352
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02701
 配列:
 GATCTGGAGC AGGAAGGCCT CGAGGCCACA CAGGGGCTGC TGGCCGGCGA GTGGGCCCCA 60
 CCCCTNTNGC AGCTGGGCAG CCTNTTCCAG GCNTTCGTGA 100

配列番号: 2353
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02702
 配列:
 GATCGTAAAC TTGTTGATAA AGAAGATATC GACACTAGCA GCAAAGGAGG CTGTGTCCAA 60
 CAGGCTACTG GCTGGAGGAA AGGGACAGGC CTGGNATATG 100

配列番号: 2354
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02703
 配列:
 GATCTGAAAG GAGCAAGGAA CAGCAAGGAA TTATTTTCCA GAATGACACC CGCAGCAGAA 60
 TGTGGAGTG GAAATGATGG CTGGCTATGA AGAGGAGGTC 100

配列番号: 2355
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02704
 配列:
 GATCCCAACT AATTTTACCG AACCTAAAAC CCACAAAGAG GTTGTTTGIG TTATTGTTCA 60
 ATCTTCAGTT GTAAGAGTAA TTCTCTATTT TNATATTGAA 100

配列番号: 2356
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02705
 配列:
 GATCTGACAT GATTCCTTCC TGTTCTGAAC TGTGGGGTGT GCACATCTCT ACTTGAGTCA 60
 GGTITNAGTA GAGGCTTAGA GACAGTTAGG TGAGAACAAC 100

【0520】

【配列表430】

配列番号: 2357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02706

配列:

GATCTTTCCC AGGCCGCACC ATTTCTNTCA CTCACATGGA CCCAAGATAN AAGAATGGCC 60
 AAACCCTCAC AACCCCTGAT GTTTGAAGAG TTCCAAGTTG 100

配列番号: 2358

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02707

配列:

GATCCATGAG CTGCCCTGCC CACGCCTCCC CTCCCTGTAG CAACACCTCT NGGGTGTTTG 60
 GAGTTTAGCT TTTGTGGGTT TGCTCTCCCT ATCCCATCTC 100

配列番号: 2359

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02708

配列:

GATCTTNTA GGAGGGAGAC ACTGGCCNT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
 CCATCCCTCC CCAGTNCATT GCACTTTAT TAGCAGCGGA 100

配列番号: 2360

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02709

配列:

GATCTTTTGT GTCTGGTTCC TTTCACGTTG AACGCTATTT TTAAGGTTTCG TGCCTGTTGT 60
 AGACCACAGT CACACACTGC TGTAGTCTTA CCCCATCCTC 100

配列番号: 2361

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02710

配列:

GATCAGAAAC CAGTCTCCTT CCCCCTAGTC TGGACTGGGT ATCCCCTCTT AAATNTTTC 60
 AAAGCAACAC AAATTTAATT CCGTCACAGA ACTTGCCACT 100

【0521】

【配列表431】

配列番号: 2362
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02711
 配列:
 GATCAGAAGC CATTINATTT GGTAGGTGTG TCAGAAGGGA GAATGATGGH AGACGAACTG 60
 CTGGAAGAGG TCAGAAGATA GCCATGCTAA AATGCAATTA 100

配列番号: 2363
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02712
 配列:
 GATCCGAGAA CGCTCTAAGC CTGTCCACGA GCTCAATAGG GAAGCCTGTA ATGACTACAG 60
 ACTTTGCCAA CGCTACGCCA TGGTTTATGG ATACAATNCT 100

配列番号: 2364
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02713
 配列:
 GATCTGCAAG CATTTCCTT TGTTCACACA TCACCTCTGG NATATTNNAN CTGTTGTTTC 60
 CAAATGGCAA ATCATCAACT AAAAGCACTT GTTCAAGTT 100

配列番号: 2365
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02714
 配列:
 GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC TCAAAGTGTT GGGATTGCAG GCGTGACACG TGCTCCTGGC 60
 TTGAATTTTC TTATAATCCC ATGAAACCAT CATCAGAGTC 100

配列番号: 2366
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02715
 配列:
 GATCGGGGGC TTGAACCCAG GTGGTCAGGC TCTGGAGCCC ACAATTGTNT TACCCACTAT 60
 GCCCCTCTCT AGTCATGGTC CCCAAGAGGG GCTTGGAGAC 100

配列番号: 2367
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02716
 配列:
 GATCGGCGGA CGCCATCAC CGTGGTGAAG CAAGGCCTTG AGCCTCCCTC CTTTGTGGGC 60
 TGGTTCCTTG GCTGGGATGA TGATTACTGG TCTGTGGACC 100

【0522】

【配列表432】

配列番号： 2368

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02717

配列：

GATCACAAAA CAATTCTAAA ACCTAACTGT TTTTACCATT GAAATTTAAA TTGTGATAAT 60
AGGTTTAAA TGTCTAGAAT GCAACTGATA GGCTTTTCTT 100

配列番号： 2369

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02718

配列：

GATCATTGGA GAGAGAATTG CACAGAAAGT CCTGAAGTTT AAAACACTTT ATGACCAGCT 60
TTGGCTCGGG AGAGTGGGGC TGCTTGTA GA ACTGGAAGTG 100

配列番号： 2370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02719

配列：

GATCTGGGAG TACACCAGGC AGCAGCTGCT CTCGNACGGA GATACCAAGC CATGATGTGC 60
CNNNTTAGT GAACTGCTGC TGCTGTCAG ACTTTTTTAA 100

配列番号： 2371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02721

配列：

GATCAGAATA CATGATGGAT GAAATTCCTT ACATGTTTTA GCAGAATNAA TTTGTTTAAT 60
ATAATAAAGT TTGCTACTTA TCTGTATGA GGTGCTAAA 100

配列番号： 2372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02722

配列：

GATCAGTTAT AAGTAGCAGG CCAAGTCAGG CCCTTATTTT CAAGAACTG AGGAATTTTC 60
TTTGTGTAGC TTTGCTCTTT GGTAGAAAAG GCTAGGTACA 100

【0523】

【配列表433】

配列番号：2373
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02723
 配列：
 GATCAATCCC AAGAATCCAT CAGCAACCTC AGACCAACCC AAGAAGATAA TTAAATCTA 60
 TACTGCTTAT TGGTCAATAT ATTTGGTTCT AGTATTAATA 100

配列番号：2374
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02724
 配列：
 GATCTGCATA AACAGGGTTC CTGACCTCAC CGAAAAGACT AATGTGCCTT AGAACAAGCA 60
 TTTGCTGTGT TTTGTTAGCA CCTGGTTCCA GGACAGACCC 100

配列番号：2375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02725
 配列：
 GATCTTCTCA GCCAGGAGAA GAGGGTGGTG TTTTCACGGG GGCAACTGCT CGCCGGCCTA 60
 CATGGGGTTA ATTCAAGTCT GCTGCGAGCA CGACTCCGCC 100

配列番号：2376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02727
 配列：
 GATCTGGAAC ACTCCCCTGA CCCCTTCACA CCTGGCCCTC CCTGGGCTTA AAGCTCCTGA 60
 TATTCCTCAT CCCCTTCCTT GTTTTCAGA ATCGGTCGAG 100

配列番号：2377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02728
 配列：
 GATCGTAGAT TTTTAACAAT CTGTATCTTT AACAATTCTG GGTGCNAGTG TNAGAGTGTG 60
 AGCAGGGCTT GCTCCTGCCA ACCACAATTC AATGAATCCC 100

配列番号：2378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02729
 配列：
 GATCTAACCA ACTCAACTGA TAGAAAGCTG AATTGTTCCC AGTGGACAAG TGCTATTTGA 60
 TGTTTAGCAG GTTTTTTTGT TGTATTTTTT TTGGTAAACT 100

【0524】

【配列表434】

配列番号: 2379

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02730

配列:

GATCATGCAT TGTTGAGGTG GTCTGAATGT TCTGACATTA ACAGTTTTCC ATGAAAACGT 60
 TTTATTGTGT TTTTAATTTA TTTATTAAGA TGGATTCTCA 100

配列番号: 2380

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02731

配列:

GATCTATACT GTGTGGTCAT GAGTTGTGTA TACTTCCATA ACACTGTATT TTNNTTCTGT 60
 CAGTACCCTT AGGATACACT TTAACACACC TTAAGGTCTG 100

配列番号: 2381

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02732

配列:

GATCTGAAAA TTTATTTTAC CCAGCTTTCA CAATTAAGTC TGTATAAAAT GTGGTACCTT 60
 TTNGTACCTA TCCAGAGAAA CCTGTACATA TTCAATGTTA 100

配列番号: 2382

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02733

配列:

GATCAAATTA TCTTCAGCAT GTATATCTGG GGAAAAAAGG TCCGAATTTT CACATTTATA 60
 TTTAAANTTC AATTTTTTAT ATTTAAANTT CAATTTTTTA 100

配列番号: 2383

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02734

配列:

GATCCACCCG CCTTGGCCTC CCAGAGTGCT GTGATTACAG CTGTGAGCCT CCGTGCCAG 60
 GCCAGTGTC TCTCTTAAAT GTGTTTCAAT ATGGTGACA 100

【0525】

【配列表435】

配列番号: 2384
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02735
 配列:
 GATCAAAAGA GCAAACAATA CTTTCTATGG CTTATCAGCA GGAGTGTITA CCAAAGACAT 60
 TGATAAANCC ATAACAATCT CCTCTGCTCT GCAGGCAGGA 100

配列番号: 2385
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02736
 配列:
 GATCCNATTC CCGTTGCCTC AAAGCACCAG CTCTCTGCT CCATCCTCCC AAGAGCCTCC 60
 AAGGCGCCAT TGGCTTCCTG GGA CTCTGAG TCTGCCGGCC 100

配列番号: 2386
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02737
 配列:
 GATCAGGCTG GTACAGGATG CCTTAAGGTG ATGAGAGGTG AGGGTGCATG AAGAATAATG 60
 AGCACAGGGA AGAGAGAAGC AGGACAAAGT AGCAGATAAA 100

配列番号: 2387
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02738
 配列:
 GATCTGACTG CCTCCTTTCT CTGGCCTCTN CCCCCTNCCC TCTTCTCTTC AGCTAGGCTA 60
 GCTGGTTTGG AGTAGAATGG CAAC TAATTTAAT 100

配列番号: 2388
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02739
 配列:
 GATCCACTGT GAGCACCAAC CTGCTGCAGT CTCTTGGGCC CCTGCTGGCA GCTCTGCCAC 60
 GTCACCGNCT GCCTGGCTCC CACACAGCCA TGCATTGTCA 100

配列番号: 2389
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02740
 配列:
 GATCGGTAC ACAAGCTGTT CCACGATAAT TTTGTNTCA NAAGGGGAGN CTGACTACCA 60
 GGACCACTGG CCCCCTTCC AGCCCCTCCA TCTNAGTAC 100

【0526】

【配列表436】

配列番号： 2390

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02741

配列：

GATCGGAGGC TACCCTGGCT CAGTCACCAG CTGCTCACTG TGTCTTCTG TGGTCTCAGG 60
AGCTGCAGTT GTTGCTGTTG TATGAATAGA CGATAGTTAA 100

配列番号： 2391

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02742

配列：

GATCTGGGGT CCCAGTGTCA TTGGTGAAGG CCTTGGGATT CGAGGCAGCT GAGTCCTCAC 60
TGACCAAGGA TGCCCTTGTG CTTACTCCAG CCTCCTTGTG 100

配列番号： 2392

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02743

配列：

GATCTCTGAA AAGNAGGTTT CAGCCACGAG GCAGCTGNTC CCAGGACACT GAGGCCAAGA 60
GAAATGTAAC AGAGCCACAG CTCCACAGGC CTGCACTCGG 100

配列番号： 2393

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02744

配列：

GATCTNAGCT GGACAGAGGA GGAGGAAGAG GAGGAAGCAA TGGGGGAATA GTGACACCAG 60
ACAGTTGATG TCTAGATAGG ACCTCAATNA TTCCNTTAGA 100

配列番号： 2394

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02745

配列：

GATCTANGGA ACCAAACGGA AGGTTTTGAG GTGATGTAGG TCTTTCACAG TTAGCTTTGG 60
GGAATACAGA ATACTCAAAT AAAGTGCTTT GTTATTATTT 100

【0527】

【配列表437】

配列番号: 2395
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02746
 配列:
 GATCAAGTTT AAGTCAGTCA GTTAAGGGGA GGAGAAGGAG AGGTTATACN TTCAGGGGGC 60
 TACCAGACAG TGTTCCTAAC TTGGTTAAGG AGGAAGAAAA 100

配列番号: 2396
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02747
 配列:
 GATCTGATTT CAGATTTTTC CTGTATCTTT TTTACATACA TCAGAAAAAG AAATGTTTAC 60
 TATATTTTTC GTTCATTNA TGATTGTTT AAGCATTTGA 100

配列番号: 2397
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02749
 配列:
 GATCAAAATNA CCTGTGAAGG AATATTTTGC CTTCATCCTA GCTGCTGGGG AAGCGGGGAG 60
 AGGGGTCAGG NAGGCTAATG GTTGCTTTCC TGAATGTTTC 100

配列番号: 2398
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02750
 配列:
 GATCAGGGTT TNGGGTCTGT GTTCTTTCTA CCGTCAGCAC CTGTGTGGTC AATTCTGGAC 60
 ACTTCCAGAG GAAGTCTTTG AGTAGAGAAAT CCTACTCAA 100

配列番号: 2399
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02751
 配列:
 GATCATGAAA ACAATGTAGG TAAAGTAAAG TATGTATTTG TCTGTGCTTG AAAAATATTG 60
 TAAAATGTTA TGTATTTGGA ATATATTTTG TGGTTTGTCT 100

配列番号: 2400
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02752
 配列:
 GATCCGCCCTG CCTTGGCCTC CCGAAGTGCT GGAATTACAG GCATGAGCCA CTGCTCCTGG 60
 CCTAAGATGT TTTTAAATA ATGTTTTTAA CTAAATTTTA 100

【0528】

【配列表438】

配列番号： 2401

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02753

配列：

GATCTAATTA ATAGCTGACC TCCCAAATCT GACAGGATAG ACACTGCCAC GTGCAAGGCC 60
TGCCAGCCCC TCAGACGCAC AAAATGCGTA AAACAAATGC 100

配列番号： 2402

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02754

配列：

GATCCATGTG CAGTAATGCC TGGTGGCTCC AGGTCTGCCC CGCCGTCCTG TGGGGCTGTG 60
AGCTTTCCCA GCCTCCTGCC CGTGTGTG AATATCATTC 100

配列番号： 2403

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02755

配列：

GATCTTGACC GGGAAAAGGG ACTTGAGAGA ACCTTCTAGG ATAATTTNAT TTCTTGATTA 60
GGTGGTGGTT ACATTTGTAA AAATCATCGA CCTCTAAATT 100

配列番号： 2404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02756

配列：

GATCTGGAAT CGGGGTCAGC GGGGCTACAG TCCTTCCAGG GGCTNTGGGG CAGCTCCCAG 60
CCTCTTCCCA TGCTGGTGGC CACCGTGTCC CTTGCTGCGG 100

配列番号： 2405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02758

配列：

GATCCATTTT TAATGGTTCA TTTCTTTTAT GGTATATATA CTGCACAGCT GAAGATGAAA 60
GGGGAAAATA AATGAAAATT TTACTTTTTC ATGCCAATGA 100

【0529】

【配列表439】

配列番号： 2406
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02760
 配列：
 GATCAGAGGA ACTTTNAGGT GTCTGCCGGC TAACATTGTG TCATTCTGG AGTCCACAGT 60
 ACACGTCCCC TGCCTCAACA GGCACAGCTC TCACAAAGCT 100

配列番号： 2407
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02761
 配列：
 GATCCATTTC TACCTGCATT TCCCAGAGGA CTAGCAGGAG GCAGCCTTGA GAAACCGGCA 60
 GTTCCCAAGC CAGCGCCTGG CTGTTCTCTC ATTGTCACTG 100

配列番号： 2408
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02762
 配列：
 GATCTAAATG TAAAAGCAAA TGAAAAATGC ATGTTTTTTT TCCTGTCAAA CATGTATACC 60
 CTTATNTATA GACACCAGTA GTCACGTATG GTGACTGAAA 100

配列番号： 2409
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02764
 配列：
 GATCCAGAAA TTCAAACCTC GAGAGCAGAT GGAACGACAT CTAATCTNT GAATAAGCA 60
 GCAGGCCTGT CCTGGCCGGT TGGCTTGA CTCTCTGTC 100

配列番号： 2410
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02765
 配列：
 GATCTATTAA AGTGTCAACT TTGCATTATA GAACTGAACA TGAAGTAAAT TGAGTGTTC 60
 TGAGTTTCT ATAGAAAATT TATGCTACCT CTCATCTTT 100

配列番号： 2411
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02767
 配列：
 GATCGAGAAG CTGCTCAATT ATGCACCCCT GGAGAAGTGA CCACGCTGAA ACCCACCAC 60
 CCGCTGTGCT GACCATGGGC CCGAGCGTC CTACCCCGAA 100

【0530】

【配列表440】

配列番号： 2412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02768

配列：

GATCAGAGAT GCACCACCAA GCCAAGGGAA CCTGTGTCCG GTATTGGATA CTGCGACTTT 60
NTGCCTNGAG TGTATGACTG CACATNACTC GGGGGTGGGG 100

配列番号： 2413

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02769

配列：

GATCAGACAC CCCTTCACGT GTATCCCCAC ACAAATGCAA GCTCACCAAG GTCCCCTCTC 60
AGTCCCCTTC CCTACACCCT GACCTGGCCA CTGCCGNACA 100

配列番号： 2414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02770

配列：

GATCACCCAC TTA CTGTATT CTACATTATT ATATGACATA GTATAATGAG ACAATATCAA 60
AAGTAAACAT GTAATGACAA TACATACTAA CATTCTTGTA 100

配列番号： 2415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02771

配列：

GATCGAATGA AGGATTCAAA ATTAACCACT CCAAGGGGGG ATTGAAGGAA GAACCACTCT 60
TAATGGACAA AAAGAAAGAA AGGGGAGGGA GTAACAGGGA 100

配列番号： 2416

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02772

配列：

GATCTATAGA CATTAGGAAG GGAGTNAGAC GGCTCCTCCA CCATCCTCAG CCAGTGCAAC 60
CCATTCCTC TGCTTCTNTC TCTCTCTCTC TCTCTCCCTC 100

【0531】

【配列表441】

配列番号: 2417
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02773
 配列:
 GATCTAGCTA GGGCTTTGTC TTTTCATCTT TGTGCATAAC TTACCTGTTA CCAGTATAGG 60
 TGGGATATAC ATTTATCTTG CAGGAAATTC CCCAAAGCTC 100

配列番号: 2418
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02774
 配列:
 GATCCACCTC ATATGTGAGT CCGTCCAAAA GATGTTACTG CTCTGGGTGG GCCAGTGTTT 60
 TATATCGGTT ATACTAACIT TCATTTAAAG TATTTATTCT 100

配列番号: 2419
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02775
 配列:
 GATCTCTGAT GCATTTGTTG ACTCCTCTGT GGGAGAAAGG CTTGGTCTAC TGCAGGTGTT 60
 AACGCTAAGC CAGGCTGGAG CTGCGGACGT NAGTTTCCTC 100

配列番号: 2420
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02776
 配列:
 GATCTGAATG TGAATTTCTA ATTGTATCAG ACGTTAATGT TTTAAAGCTA TAACAAAGTT 60
 TAAAATTTCT ACTTTTGTI TTINATTTAT TTTAACTGTT 100

配列番号: 2421
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02777
 配列:
 GATCCCAATC TGAGAAAAGG CAAAAGAATG GCTACTTTTT TCTATGCTGG NGTATTTTCT 60
 AATAATCCTG CTTGACCCTT ATCTGACCTC TTTGGAAACT 100

配列番号: 2422
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02778
 配列:
 GATCTTTAAC TGCCTGCTGA TAAGATATTG GGCCAACTGA AAATAGAAAT TGTTCTTTCT 60
 TAGAAATATT TTAATGCTAA CTTGTTAGTT TTCCTCAGAA 100

【0532】

【配列表442】

配列番号： 2423

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02779

配列：

GATCAAAACG CTCCATCTTT TTACAGTGGC ATAGGAAGAC GGCAAAAATT TCCTAAAGTG 60
CAATAGATTT TCAAGTGTAT TGTGCCTTGT TCTAAAACCT 100

配列番号： 2424

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02780

配列：

GATCTGCCCA TTGCTGAAAC TTCAGTACTT AAGTCCCCTA TTATNATTGT ATGGCAATCT 60
ATCTGTCCAC TCAGAAGTTA TTATATTTGT TTTATATGAT 100

配列番号： 2425

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02781

配列：

GATCTTGAAT CACTTGACAG TGTCTGTGTTNG AATTGTGTTN GTTTTNCCT TTGATGGGCT 60
TAAAAGAAAT NATCCAAAGG GAGAAAGAGC AGTATGCCAC 100

配列番号： 2426

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02782

配列：

GATCCAAAGT AACTAAACAG GAGCCACAA GACGGTCTGC CAGATTGTCA GCGAAACCTG 60
CTCCACCAAA ACCTGAACCC AAACCAAGAA AAACATCTGC 100

配列番号： 2427

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02783

配列：

GATCCCAGGG GTGCACATGG GCCCCTTGGG TGTCTGAACA GAAGGGCATG GNAGGAAGGG 60
CTGCACCCCT GCAGTCTTAC TCTGCTGGTG TAGCGGGCAG 100

【0533】

【配列表443】

配列番号: 2428
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02785
 配列:
 GATCCCATCC ATCAGCTCCC TTTTCTTTT CCCTTGAAC GTTCTGGCCT CAGACCAACT 60
 CTCTCCNNNN HTAATCTCTC TCCTGTATAA CCCCACCTTG 100

配列番号: 2429
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02786
 配列:
 GATCTNTGAT TGGNTGGTTA ATGGGAAACG GTTTTTTNT TTGGCTGCAG GTGTTCTGCT 60
 GATATCAACA GCTTCCCTAT TTTAAATGCA GAAAACAGGG 100

配列番号: 2430
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02787
 配列:
 GATCACAGAT TTCCCTGCCA GGGTGTCTGT GGTATCAGC TGCAGGCTCA GCTNGGGTCG 60
 GCCGNTTAC ACAAGCCACT CTGTACCAG TGCCTACCT 100

配列番号: 2431
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02788
 配列:
 GATCTTCCTA CGCACAACAC AAACGTCAGT TAATGTTCCA TCCATGCTGC TTAAAGAGCA 60
 TTCCTGTCCT AGTAAAATGG GCAAGTCCCT CTACCCCCCA 100

配列番号: 2432
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02789
 配列:
 GATCAAAACC CAGCAGACTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGA CTTGAGGATA 60
 ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGA 100

配列番号: 2433
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02790
 配列:
 GATCAGACCT CAATAATTTT ATACTGTAAT AAGCTCTTG AATGNTATA TTATTATTTT 60
 TNACAATCAT TTCATTTTGT ATTTAATATC AATGGACTGA 100

【0534】

【配列表444】

配列番号: 2434

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02791

配列:

GATCAGGGTT TCAAGAATGA CTGCAGTGGG TTTTGGAAAC AGACTTATCA TTATTGATT 60
 GAGGTTTCCC AGAGATATAG TTCACAGTTA ATTGTTGCGC 100

配列番号: 2435

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02792

配列:

GATCNTTTAT NTTCTATTAT TTATAACTTC AGACTTGGGC CCCCTGTTCT TTCTTTCCCA 60
 TTAACCTGAG TGACCTGTGT GAGAGACAGA CAGATGCCCC 100

配列番号: 2436

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02793

配列:

GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTGATGGG CGGCATTGGG AAAACCATGA TGCAGAGTGG 60
 CGGCACCTTT GGCACATTCA TGGCCATTGG GATGGGCATC 100

配列番号: 2437

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02794

配列:

GATCGAGACC ATCCTGGCTA AAACGCCTGG AATGCAGTGG CACAATCACT GCTCACTGCA 60
 GCCTTGACCG TNTGGACTCA AGTAATTCTC CTAATTCAAC 100

配列番号: 2438

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02795

配列:

GATCAATCGT GCATCCTNAG TGAACCTCTG TTGTCCTCAA GCATGGTCTN NNTACTTG TG 60
 AACTATGGTG TTCAGTTTTG CCTCTGTTAG AAATTCACAC 100

【0535】

【配列表445】

配列番号：2439
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02796

配列：
GATCTCGITT TTAACCCCAT CCTGCCCCAC CTGCCCTATA GTTATGNCCC GTGTTCTGCT 60
CTCCTGGTCC CAGTGCACCG TCTGCTCTGT GAACTCCTCC 100

配列番号：2440
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02797

配列：
GATCTATGTT TTCTGAAAAA AATTGGTTAA TGGAAGTTAT CTAATATATT TNAACTGTTG 60
CTGTTAAAAA CAATAGGCTT CAAGATGACA TAACACCAAA 100

配列番号：2441
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02798

配列：
GATCCCAAAG GGGTTGGAGG CAGGGAATAT TTGAAAATTC AGACTGGAAT TCCAGGCCAA 60
AAGCTCAAGA CCACCAGCCT CTCCTCCTGC CTGGA AAAAT 100

配列番号：2442
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02799

配列：
GATCATAAGT NAAAAATGTA TTTAATATAC CTAACCTACC AAACATCATA GCTTAGCCTA 60
GCCTGCCTTA AACATGCTCA GAACACTTAC ATTAGCCTAC 100

配列番号：2443
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02800

配列：
GATCTGGTGG AGGGAAGTGA AGATGAAGGC CTCTCAGGCA CCATGGATGG NATGGGTGTG 60
TGTNAAGGGG GCAGGGTCCC CAGGAGCTGC CCCAGGTCTG 100

配列番号：2444
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02801

配列：
GATCTATTTT TCCTAAAACA TTCCCTCCC CACTCCTCTC CCACAGAGTG CTNNHNTGTT 60
CCAGGCCCTC CAGTGGGCTG ATGCTGGGAC CCTTAGGATG 100

【0536】

【配列表446】

配列番号: 2445

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02802

配列:

GATCTTCACC AATGGCAAGT GGAATGACAG GGCTTGTGGA GAAAAGCNNN TTGTGGTCTG 60
 CGAGTTCTGA GCCAACTGGG GTGGGTGGG CAGTCTTG 100

配列番号: 2446

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02803

配列:

GATCTAAAAA TTCAATGCAA ATATCTTTA TTTGGTAGTT TTGTCTACAT ATTTTATGCT 60
 CTAGCATGTG CAATATATCT TNGTAAAGCA CGATGATACA 100

配列番号: 2447

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02804

配列:

GATCCAAACT AATTTTACAT TTAACAAAAA AGTTAACTA AACTTCTTTA CTGCTGATAT 60
 GTTTCCTGTA TTCTAGAAAA ATTTTACAC TTTCACATTA 100

配列番号: 2448

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02805

配列:

GATCTAAAAT AAATATTGTT AAAAGCATT CCTCTAGGGA ATGGGATTTA GATTAAAAA 60
 GGGTGGGATG GGAACTGTG TTTTTCATT TAAGTCCTTC 100

配列番号: 2449

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02806

配列:

GATCANCCT CAAGGGCACA TGCCAAGGGC AGAGCAGCCC ATNTAGACAG CTTTCGNAGGG 60
 CATGGGGGTG TAGGGAGTTC GGGGTAGCTC CTCATTAAC 100

【0537】

【配列表447】

配列番号：2450
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02807
 配列：
 GATCGGCAGC AAGAGTAAAG ACACAGCTCC AGAGGCCAC ACTGTGGGGN TCTGGGCCCT 60
 GCCTTAGGCA GCGCCCTCT TTGGCCCTT CCCGTNAGGC 100

配列番号：2451
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02808
 配列：
 GATCCCTTCA CTGGCCCCCT CGGGAGNCCT GGGTTGGACT CAGGGNCTCC NCCAGCTGGG 60
 GNGGNGGACC GCAGCACCTA TCTGAGCAGT TAGAGCGTCT 100

配列番号：2452
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02809
 配列：
 GATCTTGTCT GAAATGCTAG TTTCTGACTA CAAAACTAC AGGACATAGT AGATATGCTC 60
 AGTAGAGCTG CTTAAAATAA TTCCCTTTT TTTTCTGTTG 100

配列番号：2453
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02810
 配列：
 GATCAATGTC CCTGGTTACC TATGTGTTG AATTATCTTC GTGTTACAGG TGTTTAATGA 60
 TTTTCTCCT TCTAGCTTAT TTGTATTCA CCTGTTTTT 100

配列番号：2454
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02811
 配列：
 GATCGTAAAA TTTTAAGCAC TAAAAATTT TTCATAACCT TTCATAATAA AGTTAATAA 60
 TAGGTTTATT AACTGAATTT CATTAGTTTT TAAAAAGTGT 100

配列番号：2455
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02812
 配列：
 GATCTACTTT GAATTCCACA CTCTCATTAA TAAATTGANT AAAAGGGAAT ATTTTGGCAC 60
 CTGATATAAT CTGCCAGGCT ATGTGACAGT AGGAAGGAAT 100

【0538】

【配列表448】

配列番号：2456

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02813

配列：

GATCAAAATTT TTTTCTTGCA ATNATGTGAT GAGTTGCCAA ATAATTGANA TTATTTTAAA 60
 ATGTTTTGTT CATATTCTTG TTTTATAATT AAAATTTTACA 100

配列番号：2457

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02814

配列：

GATCGTTAAT GCCCTTGAAG TGGTTTTTGT GGGTGTGAAC AAATGGTGAG AATTTGAATT 60
 GGTCCCTCCT ATNATAGTAT TGAATAAAG TCTACTTAAT 100

配列番号：2458

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02815

配列：

GATCAGCTCC GTGGGGCTGG TTTTGGTCCA CAGCATAACA GGCAGTGCCT CCTTACCTGT 60
 GAGGAATGCA AAATAAAGCA TGGATTAAGT GAGAAGGGAG 100

配列番号：2459

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02816

配列：

GATCTGTCAC TTTGTATAAA AACAAGAAAC GATTAGTTCA TTAAACTTTT TCITTACCTT 60
 CTGGTAGTAA AAATAGATAA AATAATTCCG TNTCAACTAC 100

配列番号：2460

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02817

配列：

GATCATAAAA TGTATCTTTT CCATGGCCAA CAAGGNGCAT CTNTTATAAA TGCATAATAA 60
 CCCAGTTNGT ATCAAAGGGT ATCGACTTAA GTGAAATTC 100

【0539】

【配列表449】

配列番号： 2461
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02818
 配列：
 GATCTGTGCA ATAAAGTGTT TGCAGTCTTA TTTTCTCTAA GAAATTCCTT ATGGACGTCA 60
 TAATTGTTGT ATATTGAACA AAATATTTAT ACTTATGCAG 100

配列番号： 2462
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02819
 配列：
 GATCCTGCCA GAAAATTTCA AAGACAGTAG ATTGAAAAGG AAAGGCTTGG TAAAAAAGGT 60
 TCAGGCATTG CTAGCCGAGT GTGACACAGT GGAGCAGAAC 100

配列番号： 2463
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02820
 配列：
 GATCAGNAGG CATCACTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCCATGA ACCTGTATCC CACGTACTCC 60
 AACTTCCATT CCTCGCCCTG CCCCCGGAGC CGAGTCCTGT 100

配列番号： 2464
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02821
 配列：
 GATCCGGTTT CTNTTGTCTC GCCCCTGTTT TTTGTAGAAT CTCTTCATNC TTGACATACC 60
 TACCAGTATT ATTCCCGAGC ACACATATAC ATATGAGAAT 100

配列番号： 2465
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02822
 配列：
 GATCTGTNAT TGGCATCTTG GTTCTACCTT TTATCAGATG TTGTTGCCTT GTGCAAAATNA 60
 CATTTTCTCT GAGTCTCCAT TTTCTCATTT ATAACATGCG 100

配列番号： 2466
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02823
 配列：
 GATCCATGCT AATATTGTAT TTTTNTTAA AACATAGCTT TCCTGTAATT TAAAGTGCTT 60
 TTATGAAAAT ATTTGTAATT AATTATATAT AGTTGGAAAT 100

【0540】

【配列表450】

配列番号： 2467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02824

配列：

GATCTTGTTA GAAGGCAGTA GGTCTGGGGT GGGGCCTGAG ATTCTGCATT TCTAACCAGG 60
TCCTGGGAGA TGCTGATGCT ATCGAGCCAC AACCACACTT 100

配列番号： 2468

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02825

配列：

GATCAATGCC AGATTTTNTT NTTGGGGTAA GTTAGCTGAA GTCATTTAAA GATGGAAAGG 60
TGGGAAAATN CTTTGATATT TGATGTCATT GTATCCACAT 100

配列番号： 2469

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02826

配列：

GATCCCTTCT GCCCTGGCAG AATGGCAGGG GTAATCTNAG CTTCTNCAN TCCTTTACCC 60
TAGCTGACCC CTTACCTCT CCCCCTCCCT TTNCCTTTGT 100

配列番号： 2470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02827

配列：

GATCCAGAAT ATTTTCATTT AAAGCTCAAC CATTAATTGG AACATGGTGA AACATTGTAC 60
ACATTGTAAA AGTAGGGAAC AGTACAAAAG AATGGAATCA 100

配列番号： 2471

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02828

配列：

GATCAAAAAC CTCTATAGTA GCCACTAGGG CAAAAACTGT GTGTATGTGT GTGTGTAAGT 60
GTGTGTACAC TGTTCATAT GGTTCATAT GGTACCAATA 100

【0541】

【配列表451】

配列番号: 2472

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02829

配列:

GATCTTCACC TCTCTGCCTC CCTACTGCCC CAACATAGCC TTGAGGAGGN TTCTCAGCCA 60
CCAAAGGGTT CTGGCCCTT CTCACTCTCC TCTCCTCTCA 100

配列番号: 2473

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02830

配列:

GATCAATTTA AAATATTTNA TTTCTTAAAA GCCTTTTTTG CCTGTTGTAA TGTGCAGGAC 60
CCTTCTCCTT TCATGGGAGA GACAGGTAGT TACCTGAATA 100

配列番号: 2474

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02831

配列:

GATCTATTTA ATTTGAGGTT GATGTTCTAT CCAATGGCCG AAGATAGCAG CAGGTTTTTT 60
TTTTCATATG TTGATTTGTT TCATTTGGAT TTTTTTTTA 100

配列番号: 2475

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02832

配列:

GATCTGAAAT GTGATGATTA TTGGAATGCA TAAACATTGA CGTATTTTGG AATGTATTAA 60
AACTGAAATG GATAAAAATA AGTATATATG TTTATTTTGT 100

配列番号: 2476

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02833

配列:

GATCTTGTGT CTACTCTAGG ACTGGGCCCG AGGGTGGITT ACCTGCACCG TTGACTCAGT 60
ATAGTTTAAA AATCTGCCAC CTGCACAGGT ATTTTTGAAA 100

配列番号: 2477

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02834

配列:

GATCTTCTCC TTTGTGAAGC ATCCCTCACC ACTACTACTG TGATGGGTGG GGGCCTTTCA 60
TCTGTTTTTC CACAGCATCT ATGCTTCTNT NCACTGTATC 100

【0542】

【配列表452】

配列番号: 2478

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02835

配列:

GATCTGCATT TATCATGAGT TCCTTTTTTT TTTAACTTT ATTTTGGGA AAGTAACACA 60
 TGANGTAGTT CAGTCATGTC AGGTTTGTCT GGGGTGGANT 100

配列番号: 2479

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02836

配列:

GATCCACCCC CTGCCCACAA AAAATTGCTC CTAACCTCCAC CGCCTATCCC AAACCTACAA 60
 GAACTAATGA TAATCCCACC ACCCTTTGCT GACTCTTTTT 100

配列番号: 2480

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02837

配列:

GATCCTAGCA AATTTGCCCA ACCANCTTTA CTAAGGGGG AGGAAGGGAG GGCAAAGGGA 60
 TGAGAAGACA AGTTTCCCAG AAGTGCCTGG TTCTTTTAC 100

配列番号: 2481

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02838

配列:

GATCGGGCCT AGCCCGGCAA CACTAATGTA GAAACCTTTT TTTTACAGAG CCTAATTAAT 60
 AACTTAATGA CTGTNTACAT AGCAATGTGT GTGTATGTAT 100

配列番号: 2482

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02839

配列:

GATCACCCGG GGCTGTCTGC ATACAGACTT CTCAGGGGAG TTCTCAGCTT GGACCCTTAT 60
 CTCCCCAGAA TCCTGGAACC TGCTCCTTCT GCTCTCGTGA 100

【0543】

【配列表453】

配列番号：2483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02840
 配列：
 GATCTTAAGC CCAGCTCTGT TCTGCCCCCG CTTTCCTCTG TTTGATACTA TAAATTTCTT 60
 GGTTCCTTGG GATTTAGGGA TAGTGTCCCT CTCCATGTCC 100

配列番号：2484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02843
 配列：
 GATCACAGGC CTGCTTTTG TAACAATGAT GACCCCGGCC TGTCTCATAT TCTGAAGAGG 60
 AAAAGTCAAA GTTGTGCTGN GGCTCCATAT TTCAACTAAA 100

配列番号：2485
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02844
 配列：
 GATCGTATTC CCTGCTTTAA GGAAGTCTTA GNCCTGTTTG GGTGATGAGA CAAAGTTCTT 60
 GAGACATTTA AACTGTATTT ACCAGTGTGA AAAATGTCAT 100

配列番号：2486
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02845
 配列：
 GATCCAATCA GCTGTAAGTN TTAAGCACAG GGCTGAGGCT CCCTCCAAGT ACCCACTGGG 60
 AACAGCAGCT TCAACCTGAG CCTGNGTCC CAGCCAGCCC 100

配列番号：2487
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02846
 配列：
 GATCCAGAGA GTCTGAAGAC ATTTCTNATG CCTTTATATA TTGGAGAACC CTTCCTCCATT 60
 TTNATATCCT TTCTTCAAAA ATCTAAATNA TGTGCCTAAA 100

配列番号：2488
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02847
 配列：
 GATCCAGTAC CTGAAAGATT TGATAGAAGA GGTCGCAAG GCAAGGGGGA AGAAAAGGGT 60
 CCCCTAGTTG AGGATAGTCA GGAGCGTCAA TGTGCTTCTA 100

【0544】

【配列表454】

配列番号：2489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02848

配列：

GATCCTTTTG GAGTCAGACA GATGTGGTTG CATCCTAACT CCATGTCTCT GAGCATTAGA 60
TTTCTCATTT GCCAATAATA ATACCTCCCT TAGAAGTTTG 100

配列番号：2490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02849

配列：

GATCTCCAGT GATTGGCGAT TTGACCTGGT TTCTNCCTGG ACTATTTGAA TGGGTGGATT 60
TGTGGGTGCA TCTCTTGTCT TCTTTCCTTT TCCATTCTCC 100

配列番号：2491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02850

配列：

GATCGAGCTC ACAGGGGGCA CCCATCCTGN TAGTCAACAG AGTCTGAAGC AGTCAGGGTG 60
TTGGATTCTT CTGTTGTTGT CATCAATTCC TGCTGAGGGG 100

配列番号：2492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02851

配列：

GATCCCGGCC AGCCAGGTGA CCCCCACGCT CTGGATGTCT CTGCTCTGTT CCTTCCCCGA 60
CCCCCTGCCC CGGCTCCCCG CCAAAGCACC CCTGCCCACT 100

配列番号：2493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02852

配列：

GATCCAGGCA AATTCATGTT CTTTCTTTGT AACTCACTTT CTTGTCACAC ATTTCTGTGA 60
CTCAATGGAT AGCATATTTT CATCAAGTAG CACGTATAAC 100

【0545】

【配列表455】

配列番号: 2494
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02853
 配列:
 GATCCTTTTG ACTGCTGTAG TACTAAAGTG TACTTAATGT TACTANGTTN AATGCCTGGC 60
 CATTITCCAT TTATATATAT TTTTAAAGAG GCTAGAGTGC 100

配列番号: 2495
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02854
 配列:
 GATCCTTATG AGATGTACAT AGTTTTTTTT TTTACCATAA CTGAATTATT TNATCTCTTA 60
 TGTTAACATG AGAAATGTAT GCCAAATNAT TAGTTGATGT 100

配列番号: 2496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02855
 配列:
 GATCCTTATC AGGTNAGAGC AGGAATCCTT ATTCCCGGTG TCGCTAGTAC TCATCTCTGC 60
 CGCCTCCNGT CTGCCCCCAG GCTGCTGCTC CTNCTGCCCT 100

配列番号: 2497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02856
 配列:
 GATCATACAT TTTATATGGT TGGGACTTCT CTCITCGGGA GATGATATCT TGTTTAAGGA 60
 GACCTCTTTT CAGTTCATCA AGTTCATCAG ATATTGACT 100

配列番号: 2498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02857
 配列:
 GATCCAACCC CACCCTCCTG GGTGCGGCCA GAGGCAAGGC AGTCGCCCCA GCTCCTGAAT 60
 CCCAAGAATG GTTCTGGCAA GTACTGCTGT TTGTTTGTAG 100

配列番号: 2499
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02858
 配列:
 GATCTGCCGG CTCCCGTCCA GCCTGTGTGG AAAGGAGGCC CACGGGCACT AGGGANNCNG 60
 AATTCTACAA TCCCGCTGGG GCGGCCGGGT CGGGAGAGAA 100

【0546】

【配列表456】

配列番号：2500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02859

配列：

GATCTTCAAT GCCTCTGAGT CATTGTTATA AAAAATCAGT TATCACTATA CCATGCTATA 60
GGAGACTGGG CAAAACCTGT ACAATGACAA CCCTGGAAGT 100

【0547】

【配列表457】

配列番号：2501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02860
 配列：
 GATCATGGTT CTCTTTGTAC GATAGTTGGG CATCTGTATT TCCACTTGTN TGAATNTGNC 60
 TTTAAATTTT NGTTATGGGT TTCACCTTTT AAAATAATCA 100

配列番号：2502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02861
 配列：
 GATCTGCCCC TGCATTGTAG CTTGCTTAAC GGAGCACTTC TCCTTTTTC AAAGGTCTAC 60
 ATTCTAGGGT GTCGGCTGAG TTCTTCTGTA AAGAGATGAA 100

配列番号：2503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02862
 配列：
 GATCTTTAAA TTTTGAGACA GTATAAGGAA AATCTGGTIG GTGTCTTACA AGTGAGCTGA 60
 CACCATTTTT TATTCTGTGT ATTTAGAATG AAGTCTTGAA 100

配列番号：2504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02863
 配列：
 GATCCAAATA TTTTCAAGCC ATGTAATCCA TTGGTTTTNT GGGCAGTTTA ATAAACCTGA 60
 ACCTTTGTGT GTTNTCTAAT TGTACCTGAG TTGACCATCC 100

配列番号：2505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02864
 配列：
 GATCATGCCT CTTTCCAACA CGTGTTTACA ATCTCCAAAG GGA CTGTATT TNTNCTCTGT 60
 GCTTAATNTG ATTTGAAATA TGTGAATCA AAGTGAAATA 100

配列番号：2506
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02865
 配列：
 GATCGAAAAC AAACGNTAGA TAATNCCCAA GGAGCTTACC AAGAGGCATT TNATATAAGC 60
 AAGAAAGAGA TGCAACCCAC ACACCCAATC CGCCTGGGGN 100

【0548】

【配列表458】

配列番号： 2507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02866

配列：

GATCATGCCA CTNCACTCAC ACTGACACTG CCTCGGACAA CAGAGCAANA CTNCATCTCA 60
AAAAACAAACA AAAAAAATCA CAGNCTCATT TTAAAGGAGC 100

配列番号： 2508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02867

配列：

GATCATTAAC ATGCCAGGGC AGTTCCCACT GATTTAGATG GTCCAAGATA ATCTCATTCA 60
GGAGGCTTGA AACATTAATG GTTTAGTCTT GTGAATTTTA 100

配列番号： 2509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02868

配列：

GATCATGCCA CTGGACTCTG TGCTGAGCAA CAGAGTTAGA CQCTGTCTCT AAATAAATAA 60
ATAAACAAAT AAACAGTAAA AAAATGTATA GTTCAATCCT 100

配列番号： 2510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02869

配列：

GATCACAATG GGGCCCGTGT CTGGCCGCCG CCGCCCNCGC CCGTCCCTGC GGNCACCACC 60
TAATTTATTG CCGTGCGTCC TGCTGCTGTG ACTGCTTTTG 100

配列番号： 2511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02870

配列：

GATCCTGGAC ATATTTTATA TTTATACCAA ATATTTTATA TATTTNCTAC TGTTGTCAAT 60
GGTAGTGGTT TTTAAATTTT CAAACATTCA TTACTAGTAT 100

【0549】

【配列表459】

配列番号：2512
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02872
 配列：
 GATCCTGTTT TTTCTTAACA AGTTGAGCGG TGGGTAGAGC AGGAATTGGT TTTCCAGCAT 60
 TGTGTCCGTA AACCTGAGTT AGAATAAGAT GTAACGGAAG 100

配列番号：2513
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02873
 配列：
 GATCCTGGAT GGAAGTGGCT TCTTTATCGA GAAGAATATA ATTCTCCATG AGGACTTAAT 60
 GAATCCAAAC CTGTGTCATG CCTGGTTTGC ATACCCAATT 100

配列番号：2514
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02874
 配列：
 GATCTCTGCT CTTTGTGAGA GATTTGCAAA GACTCACGTT TTTNTTGTIT TCTCATCATT 60
 CCATTGTGAT ACTAAGAAAC TAAGAAGCTT AATGAAAAGA 100

配列番号：2515
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02875
 配列：
 GATCAAAAAA GGCAGATGNA ANTACTTAAN ACTCAGTGTT TTGGAGAGAT TTCCTTTNAG 60
 TTTGTTGGTT GGCTGGTTTG AACGATAGAA ATATGCAGCA 100

配列番号：2516
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02876
 配列：
 GATCCCCAC CTGGCAGAGG ACCCAGTACA AAATAGGCAC TCAATAGATG TTACACCAAC 60
 TTTGGAAGGG CAAACATATT TCTTAATGAG AGGCAGTCCT 100

配列番号：2517
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02877
 配列：
 GATCTTCTCC GAGGCCACAC GAAGGTACTG AAGAGCCTCA CCTGGGGGCA TTTTGTGGGT 60
 GGAGGGCCAG AGTGTGTATA CCCAGGCTTG TCTGGAAGGA 100

【0550】

【配列表460】

配列番号： 2518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02878

配列：

GATCTAAATA AGTGTTCCTAA GGAAAGTTTT CTAAGCAAA TGTAATATTA CCTCATTGG 60
GCATCATTAC TCTGTTAATT CTATATCAAA GGAAATAAAC 100

配列番号： 2519

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02879

配列：

GATCGTGCCC CGGGGCGCCG GCCCCTGNAG GGGCTCACCT GGATGGGGCC TGCAGTGGCT 60
TCCCGCTTTG CTTCTTTCCC TGGACGGCCC GCTCCCNAA 100

配列番号： 2520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02880

配列：

GATCACTCTT GTGGTTTTGG GGGATGGCAT TATAAGAGAG GAGACTGGAN ACAGGGGGGC 60
TATTGTNATG CAGATTTGTT GGATGTCCAC CCAGCATTCA 100

配列番号： 2521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02881

配列：

GATCCCACGC AGCGCTGAAC CGAACCGAGT AGGAAGCCTT TCTCCCCANG GCACGTGGCT 60
TCAGGGCGTT TCCCATTGAC CAAGTTTGAC CCTGNTTGA 100

配列番号： 2522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02882

配列：

GATCGAGCTT CTCCTCTGAG TTCTAACAAA ATGGTGCTTT GAGGGTCAGC CTTTAGGAAG 60
GTGCAGCTTT GTTGTCTTT GAGCTTTCTG TTATGTGCCT 100

【0551】

【配列表461】

配列番号：2523

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02883

配列：

GATCTCTGAT TTAACCGTGT ACTATCCACA TGCATTACAA ACATTTCGCA GAGCTGCTTA 60
GTATATAAGC GTACAATGTA TGTAAATAACC ATCTCATATT 100

配列番号：2524

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02884

配列：

GATCTTCCAT CTCCTCAGCA AAAAAATAGG AGCCCTGGCC CCCCAACTTT TTNCANAGTA 60
ATAGCCCTTAN TTCCTTCCCT ATCTCCTTAC CAAAGTACAN 100

配列番号：2525

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02885

配列：

GATCTACAGA TTCAATGCAA TTNCTATTAA AATCTNATCT GGCTTTTTTT GCATAAGCAA 60
CAAAGGAAAA ANTAAGACAT CAAAATTTNA AGANCTTTTG 100

配列番号：2526

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02886

配列：

GATCAGAAAA TTCATATTTA AGCAAAGTGA TACAAACACA GNGATTTGGG ANTGCCTNCA 60
TNTACAATGC AATACTTACA TTTTAATACT CTTGTAGGAG 100

配列番号：2527

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02887

配列：

GATCTNTACC CCACCCCTAT CTAACACCAC CTTGGNTCC CACTCCAGCT CCCTGTATTG 60
ATATAACCTG TNAGGCTGGC TTGGTTAGGT TTNACTGGGG 100

配列番号：2528

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02888

配列：

GATCCAAAAT TACCTTCCTA TTGCATTTCC TACTCCTTTG CTACGNGTAT TGGACCTCTG 60
GCCAAATNAC AAAAGATGTA CTCCTTGTNC TCTAAAACCA 100

【0552】

【配列表462】

配列番号：2529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02889

配列：

GATCAACCAA CCTTAAATAT ATGTATGTAT ATATGTATAT GTGAAAAACA GTTTGTATAG 60
TTGGAATATT TGTCTTTGTA ATTACTTGTG ATGTTTTTAAA 100

配列番号：2530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02890

配列：

GATCTGGCAC CCCCTGGGTG GAGTGTCCCT CGGGGGCTTT GGGAAAGCAT GGCACCCTCA 60
GACCACACAG TAGCCAAGTT CTGGAGCAAA TAAAAGGCCT 100

配列番号：2531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02891

配列：

GATCTCAAAG ATATGCACCA GTTTGAATAA ATGCTTGTTT AAAGATTAAA TTTTACAATT 60
CATTTTAAAT TATCATTTTG TGACAATATT TCTAAACAAC 100

配列番号：2532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02893

配列：

GATCATAGGA TAGCTGACTT TGACAGTCAC ATTTATAAAG TAATTCACCT AAAGATATAT 60
ATTTTTTTCA AACAAGTTTT GCTACTTTTG AAAATAAATC 100

配列番号：2533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02894

配列：

GATCCAAACC CATCTTCCTG GACCTGAAGC TTAIGCTTCC AGGCACCCCA CTCCTGAGCT 60
GAATAAAGAT GATTTAAGCT TAATAAATCG TGAATGTGTT 100

【0553】

【配列表463】

配列番号：2534
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02895
 配列：
 GATCTGCACA GTGTTATGGC ACCCTACTTC CTGCAGCAAC GGGACACNCT GCGGCGCCAT 60
 GTNCAGAAAC AGGAGGCCGA GANCCAGCAG CTGGCAGATC 100

配列番号：2535
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02896
 配列：
 GATCCTATCT TTNCTGGCAG GACTGGNAGC CATGGTGGGC TACGTTNTGN TCAGCGGCAT 60
 TTTTTCATC CAGCGGGCAA CGCTGCTCGG GCCCCAGGCA 100

配列番号：2536
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02897
 配列：
 GATCTAGTCC GGAATTGCTG TGTATATTGT AACGTTAAAT GAAAAAGAA CCCCCCTTTG 60
 TATTATAGTC ATGCGGTCTT ATGTATGATN AACAGTTGAA 100

配列番号：2537
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02898
 配列：
 GATCGTNATT NAGAATCCAT GTGAATAGAC CTGCGATGGC CAAGGCTGTT TAAGCNACAC 60
 TGGGTTGGAA ACACTTGGC TCTCTCATNA TTATTAAAT 100

配列番号：2538
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02899
 配列：
 GATCCTTTTC NTTCAAGACT AAGTTAATAG AGAAGATGTT TGTAACNTG GCCCAAGCTT 60
 GGNCCTCCAG TGTATTGAAG CTAATCCTT TNAGAAGCAC 100

配列番号：2539
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02900
 配列：
 GATCTCTGGG TAAAGAGGCC GTTTATCTTT GTAAACACGA AACATTTTTC CTTTCTCCAG 60
 TTTTCTGTTA ATGGCGAAAG AATGGAAGCG AATAAAGTTT 100

【0554】

【配列表464】

配列番号： 2540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02901

配列：

GATCTAGGAA GACTTTGGAA AGAGTAGGAA GACTTTGGAA AGACTTTTCC AACCCATC 60
ACCAACGTCT GTGCCATTTT NTATTTTACT AATAAAATT 100

配列番号： 2541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02902

配列：

GATCCCCAGG AGGCCTGGNC CGCCCAGAGG CTCCTCTCAG GCTGGGCCCC GACGTTTGGC 60
NCAGTGTTC TTGTGCCCCG GGGGCCGGA GCNAGTAAAG 100

配列番号： 2542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02903

配列：

GATCACGTTT CAGGGTCCTC CAAAANGCTA GCCCGGCACT AACTAGGGA ATTTNCCCT 60
CTCCTGTCAC TTGTCATGGT CTCCTTGGT ATTAAAGGCC 100

配列番号： 2543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02904

配列：

GATCCCAGAA ATGTAGCTTG TTTCATATTT TAGTCTTCTT ATTTTGTAA AATGTGTAGA 60
ATTTGCTGTT TTTNTTTTTC TTTTGACAAC TCAGGAAGAA 100

配列番号： 2544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02905

配列：

GATCAGCCCC CAAAGAAATG GGGGTGCATG CTGGGCCTGG CCCCCTGGCC CACCCCCACT 60
TTCCAGGGCA AAAAGGGCCC AGGGTTATAA TAAGTAAATA 100

【0555】

【配列表465】

配列番号: 2545
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02906
 配列:
 GATCTTGGCT TCTCAACAGG GCAAAGATAC CAGGCCTNCT GCTGAGGTCA CTGCCACTTC 60
 TCACATNCTG CTTAAGGGAG CACAAATAAA GGTATTGGAT 100

配列番号: 2546
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02907
 配列:
 GATCAAAATG TTTGAAGAAA GGAACTTTAT TTTTGCAAGT TACGTACAGT TTTTATGCTT 60
 GAGATATTTT AACATGTTAT GTATATTGGA ACTTCTACAG 100

配列番号: 2547
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02908
 配列:
 GATCTGATGG TTTTAAAAAT GGGAGCTTCC CTNCACAGAC TCTNTCTCTC GTGCCGCTGC 60
 CATGCCCATG TAAGNAGTCC CTTTACCTT CCCCCGTGAT 100

配列番号: 2548
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02909
 配列:
 GATCCCAACA GGACAAATCT GTGTACCTAT CTTTCTATCC TCCCTGAGCC TGTACCAACT 60
 AGATTCTTCA TATGTATTG TAACAGATTA AATTGGAAAG 100

配列番号: 2549
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02910
 配列:
 GATCCCAAC TGCTCCAGCC TCTGCCCAAC TGAATCTTCA GCATGTTCTC ATCGGCGGAC 60
 TNTCTTGTG AATGTAACT GTGCCATGTT ATTAATAAAT 100

配列番号: 2550
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02911
 配列:
 GATCTGTTTG GAAAACATAG ATTGTTTTCC CCTCAAATAA GGGGAAAAAA AAANACCCTT 60
 TTNCAATN GNTTCTTTTG TAAAAATTA TTTTAAAGG 100

【0556】

【配列表466】

配列番号：2551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02912

配列：

GATCTTTTAA ACTCTACTGT GTCATTAAGA TGCTTTGTAC AATGCCAAAC CATAGTTGGA 60
GAAACTAAGT TTAATAAATA TCAAAATAGAT TTTCTGTATT 100

配列番号：2552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02913

配列：

GATCTCCCC ACCCTTGGAT TAGAGTTCCT GCTCTACCTT ACCCACAGAT AACACATGTT 60
GTTTCTACTT GTAAATGTAA AGTNTTTAAA ATAAACTATT 100

配列番号：2553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02914

配列：

GATCTCCTNT CCCTCACTCA GTGCACGGGA CAGCTNCTCC TCCGTCACAG CTTTGGNATG 60
AAAGACAGAA GACAGCATGA TTGGCCTCAC CCACGTGCAG 100

配列番号：2554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02915

配列：

GATCTGTCAC TCAACTTGCT GCGTNACCTG AACACGTCAC TTTACCTCTC TGTGCCTCAG 60
TTTTCCCATG CATGAAAAAT AAAATAAAAT AAAACGGGGA 100

配列番号：2555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02916

配列：

GATCAGTAAG GATTTACCT CTGTTTGTA CTAAAACCAT CTACTATATG TTAGACATGA 60
CATTCTTTTT CTCTCCTTCC TGAAAAATA AGTGTGGGAA 100

【0557】

【配列表467】

配列番号: 2556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02917
 配列:
 GATCATAGAA GGTGGGGTT CCAGAAAGGC ATCTGTGTGA TGGTTCCATN GATGTGGGAT 60
 TTCCCTACTT GCTGTATTCT CAGTTTCTAA TAAAAAGAAC 100

配列番号: 2557
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02919
 配列:
 GATCCAGGAG ATANTTTTT CATTATCCT GACCAAGACT GAGCCAGCTT AGCAACTNCT 60
 GGGGAGACAA ATNTNAGAAC CTGTCCAG CCAGTNAGGA 100

配列番号: 2558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02920
 配列:
 GATCGAGCCC AGCGTCAACT TCCTCAAGTC GCCCAAAGAC AACGTGGACA HCCCCACGGG 60
 GAACITCCGC AGCGGGCCCC TGACGGGGTG GCGGGTGTC 100

配列番号: 2559
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02921
 配列:
 GATCCTGCCG TGCCCCATC CTGGCTGTTG GGGGTGTCCT GAGCCACCT NNNTNCGCCT 60
 GTTCCCTTCA GCCAACCCTT TTCTGCAGTA AAATTAAGCC 100

配列番号: 2560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02922
 配列:
 GATCACTGAA CCAGACACAG CATTGCTGAC ACATGAGACT AACACGTGCA ATTATTTAAA 60
 AAGATTTCAA TAAACTNCC TGGCTGGCTC CGGGCCGCC 100

配列番号: 2561
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02923
 配列:
 GATCCTGTCG GTTTAGTATC ATTATCTTCA GCTCTTTGAT ACNCTGTGTT AGAGTAATAG 60
 CTAAAGGAAG TTCATGTCAA TAAATTCATA CTTATATCAC 100

【0558】

【配列表468】

配列番号： 2562
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02924
 配列：
 GATCCAGAGC TGGGGTGGAA GGAGAGCCAT TCTGAACGNC ACGNCTGGCC CGGTCAGTGC 60
 TGCATGCACT GCATATNAAA TAAAATCTGC TACACGCCAG 100

配列番号： 2563
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02925
 配列：
 GATCCCNAGG CTCTGTTCCA TGAGCCTGTT GCANGTTTTG GTACTTTAGA AATGTAACCT 60
 TTTGCTCTTA TAATTTTATT TTATTAAATT AAATTACTGC 100

配列番号： 2564
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02926
 配列：
 GATCGATGAG GCAGGTCAGT TGTAAGTGAG TCACATTGTA GCATTAAATT CTAGTATTTT 60
 TGTAGTTTGA AACAGTAACT TAATAAAGA GCAAAAGCTA 100

配列番号： 2565
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02927
 配列：
 GATCATATCT AGTNTTAAA TCTCTAGGAA CAATAGAGAT TATATCATAA CTCTGAAGAT 60
 GGACTCTAAA CTTTGGTTTA CCTCCATGGA AAATAANCGN 100

配列番号： 2566
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02928
 配列：
 GATCGAATGA GGGTTAAATG AATTATTTCA TGTAAGCTC TTAGCCCTGT GCCTGGTACA 60
 TAGTAAATNC TAAATAAATA GTGGTATTCT TACTGTTTAA 100

【0559】

【配列表469】

配列番号: 2567
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02929
 配列:
 GATCCAGCTT ATTCTTTAT TTTCAGTCC ATTCTGGGG CTGGTGGGA GGCAGGAGAA 60
 TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT 100

配列番号: 2568
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02930
 配列:
 GATCTATCCT CAGCACTGCT GAGTGTGCAG TCACACTTTC CTACCAACCC NCTTCTTACC 60
 ATCTCTAGCT GCCATTTGTG GGGGGAACAA AACAAGGGA 100

配列番号: 2569
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02931
 配列:
 GATCTTCAAA AATAATGCCT CTGTCTAGCA TGCCAACAAG AATGCATTGA TATTGTGAAC 60
 ATTTGTGATA TATGTATTAA TAAATAGAGC AATTACAAGC 100

配列番号: 2570
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02932
 配列:
 GATCTTTCTT ACACAGTGAT TCATTCCTCT ATTTGTACAG TGGCTTTATG AAATATTGTG 60
 AATTGATACT GTAATCAATA AAGTGCTTTT AACCAGAAA 99

配列番号: 2571
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02933
 配列:
 GATCCTGGTT CCCTGTTTGG AAAATTCACC ACCTCTAGCT CCTCACTGTT CTTTGTAAAT 60
 AACACGCTGT TGGTAATCTT ATTAATTATT TAACCAAA 98

配列番号: 2572
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02934
 配列:
 GATCTGGGGA CCCTCACTGC ACAGAACAGT GGGCGHTTA CAGACCACCG ACCGCCCCGAG 60
 GGTGAATTAC ATCTTAATAA AGCTACTGTG AGAGAAA 97

【0560】

【配列表470】

配列番号： 2573

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02935

配列：

GATCGCCGCC AACATCCAGG CTGACTACTT GTATCGGTGA CGCCCCACCG GCCCGCAGCC 60
CCTGCTGCCC AATAAAACCA CTCCGACCCC AAA 93

配列番号： 2574

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02936

配列：

GATCATCCCT TGACAGTAGT TTGCTTTCAT CTCACCTTTC ATTTGTCCCA AANNACCTA 60
TATTTAATAA AGTCCCCCCC NGTNGTCTCA AA 92

配列番号： 2575

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02937

配列：

GATCCACAAA ATGAGACAAT GCATGTGAAA ATCCATGCTC ATGTTCTAAA CATGGAAACT 60
AGGAGCCTAA TAAACTTCCT AATTCAGTAA A 91

配列番号： 2576

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02938

配列：

GATCGTATTT TTATATCATA TTCACATATT TTTTTTTTTT ATTGGTGTGA GATGACATGA 60
TTAATAAAAA AGGCAAGATA TTTTCAGAAT TTGAAA 96

配列番号： 2577

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02940

配列：

GATCGCGCCA TCGCACTCTC AGCCTGGGCA ACAAGAGTGN AACTCCATCT CAAAAAATA 60
AAAAATAAAT AAGTAAGNAA TACCTAAA 88

【0561】

【配列表471】

配列番号：2578
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02942
 配列：
 GATCTAATAT ATATCATCAG AAAATATATA TTGTATGTTT ACTCTTATTT TCAGAAAGAG 60
 AAAATGAATA AAAATGATGA CATCAAA 87

配列番号：2579
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02943
 配列：
 GATCATNAGG TCAGGAGTTC AAGACCAGCC TGGCCAAGAT GGTGAAACCA CATCTCTACT 60
 AAAAATACAA AAAATTAGCC AGGCGCGGTG GCAGGCGCCT 100

配列番号：2580
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02944
 配列：
 GATCGCTTGA NCCCAGGAGT TTAATAACCAG CCCGAGGAAC ATGGCGAAAC CCCATCTTTA 60
 CAAAAAATAC AGAAATNAGC CAAGAAA 87

配列番号：2581
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02946
 配列：
 GATCTAAGGG GTTGCCATGG TGTGAACAA TGCAACTTTT TATTTAAAAA AGCTCTGCAC 60
 TGCCATGTAT GAAAGTNTCT TTATGX 86

配列番号：2582
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02947
 配列：
 GATCCNGGAT TGCTGGGAAT GGAAGCCAGG TGGGGTCATG GCACAAGTTC TGTAATCTTC 60
 AAAATAAAAC TTTTTTTTGG TACAAA 86

配列番号：2583
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02948
 配列：
 GATCCTGGCC ACTATGCCAG TTCTGACCTC GCATCCCCCT ACCCCGAGCC CATGCAGTCT 60
 GGGAACATGC CGCCTTCTCT CCAAA 85

【0562】

【配列表472】

配列番号：2584

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02949

配列：

GATCAAATTG TACTAGTGTG TGCAGGGTTT GTCAGTACTC GTCAAAGCCA AGTCCAATTA 60
AAAAAAAAAG TCTTTGCCCT CCAA 85

配列番号：2585

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02950

配列：

GATCTTTTCT TTAAATTTTCT TCTGCACACA CAGGACTTCT CATTTTCCAA TAAATGGGTG 60
TACTCTGCCC CAATTCTAG GGAA 85

配列番号：2586

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02951

配列：

GATCTTTTAC CCCTTTCACT CTTGGCTTTC TTATGTTGCT TTCATGAATG GAATNGAAAA 60
AAGATGACTC AGTTAAGGCA CCAA 85

配列番号：2587

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02953

配列：

GATCTGCCTG ATGGGAGGGC TCCTGTGAG GGAGACAGAC ATATCCCCAC TGAATAATTA 60
ATAAATTGG TTTTACATAT CAAA 84

配列番号：2588

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02955

配列：

GATCTGACTG GAAAACAATC CTGTATCCCC TCCCAAAGAA TCATGGGCTT TTTTTTTNAN 60
TTAAAAGCA GACAAATAGA CAAA 84

【0563】

【配列表473】

配列番号： 2589
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02957
 配列：
 GATCAAAAGA AACTTAAAA GTGGAATGGG ATATGGCTTT TGGTACCTGA AAATAAATNC 60
 TTTAATAATT GTAAGCCAGA AA 82

配列番号： 2590
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02958
 配列：
 GATCAAAAAT ATAGTTATAA TTTTNTAAAT TTNAAAAATG TGATTGCNCT AATAAAGAAT 60
 AAAANCTATG CTITTAACA AA 82

配列番号： 2591
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02959
 配列：
 GATCACTGCA GCTTCTAGGA CCCGGTTTCT TTTACTGATT TAAAAACAAA AAAAAAAAAA 60
 AAAAAAAAAGT TGTGCCTGAA A 81

配列番号： 2592
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02960
 配列：
 GATCTCCCAT AATTTGAAAT TGAAATCGTA TTGTGTGGCT CTGTATATTC TGTAAAAAA 60
 TNAAGGACA GAAACCTTAA A 81

配列番号： 2593
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02961
 配列：
 GATCAGGAGG CGGTGACTGC AATNAGCTGA GATTGTCCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA 60
 CAGAGGGAGA CCCTATCTAA A 81

配列番号： 2594
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02962
 配列：
 GATCCACCAT CTTATCTTGG TGCCATCCCT GACTTGGCTT CTGTTCAATA ATGCCTATTA 60
 AATGTTTCTT TCTGAGAAA 79

【0564】

【配列表474】

配列番号：2595

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02963

配列：

GATCCAATTG CTGGTTACAT TTTGGGAAGC TCTCATTTTA GTGCTATGTA GTTTCATTGA 60
ATAAACTGTT TAATATAAA 79

配列番号：2596

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02964

配列：

GATCTAAGAG GAAAGTGGTT ATCGGTTCGN NTTTTATTAT AAAGGATGCA AACATAAAAT 60
TAGATTTTTG GCAAA 75

配列番号：2597

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02965

配列：

GATCAGCCTT TTTGTTTCAA TGAGGTGTCC AACTGGCCCT ATTTAGATGA TAAAGAGACA 60
GTGATATTGG AAA 73

配列番号：2598

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02966

配列：

GATCCCAGAG TGGCCTGCCT ATCACAACCA CATCCCTTCC CCCCACAAGG CAATAAATCT 60
CATTTCTTTA AA 72

配列番号：2599

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02967

配列：

GATCAACGAC AAAATGCACT TCTCCCTCAA GNAGTGAGGC TTGGTCCAAT ACATGGCTCT 60
GCCCCCAGA AA 72

【0565】

【配列表475】

配列番号: 2600
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02968
 配列:
 GATCAATCTT GTATTTTCTG ACCACATAAA GGCTTCTTCT CTTTGTAATA AAGTAGAAAA 60
 GCTCTCTCA AA 72

配列番号: 2601
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02969
 配列:
 GATCTTGTTT CTGAAGATGG TTTAAGTTAT AGCTTCTTAA ACGAAAGAAT AAAATACTGC 60
 AAAATGTTTT TAAA 74

配列番号: 2602
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02970
 配列:
 GATCATAGGA GAGACCCATT NGCTAGCTAC TTCATTCTTAA CTGACCTAAT AATAAAAGTT 60
 AGAACCATAA A 71

配列番号: 2603
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02971
 配列:
 GATCTGACGT TCCTTGTGAC TTAAGGGTCC GGCTTGGGAA TTAAAGTTTG TTTCTGGCCT 60
 TTAGCCTACA AA 72

配列番号: 2604
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02972
 配列:
 GATCTGGCCA GNCAAGGGTC CACAGNGTGC CAGCCTCTCA CCCTCAGAAT AAAGACATCA 60
 GCCATTAAA 69

配列番号: 2605
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02973
 配列:
 GATCATCTAA ACTGAGTCCA GCTGCCTAAT TCTGAATATA TATATATATA TATATCTTTT 60
 CACCATAAA 69

【0566】

【配列表476】

配列番号：2606

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02974

配列：

GATCCTTATT ACAGGAAAAG CATGAGTGGT GGCTAACCTG ACCAATAAAG TTATTTTATG 60
ATTGCAAA 68

配列番号：2607

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02975

配列：

GATCTTAGAT TTTATGTAGT ATTAAGTGAA AAAATACGAA AATAATAAAC ATTGAAGAAA 60
AAAATAAA 68

配列番号：2608

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02976

配列：

GATCACATTT TCTGTNGGTT AACATTGTTC CTAGCTTATA TGATGGAATT AGNTATATTC 60
TGTGTAAA 68

配列番号：2609

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02977

配列：

GATCACATTT TTTTTTGGTT AACATTGTTC CTAGCTTATA TNATGGAATT AAATATATTN 60
TNTGTAAA 68

配列番号：2610

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02978

配列：

GATCCACCTA ACAAGAAACC TAAAGTGTAG AGATTGCCAT TTNATTGT AATTTTTTTT 60
TTTTTTX 67

【0567】

【配列表477】

配列番号：2611
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02979
 配列：
 GATCCATATT TAGTTTTATA AGCTTCTCCC TGGTTTTTTT TTTTTTTTNGG TTTTTTTTTT 60
 TGGCCX 66

配列番号：2612
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02980
 配列：
 GATCACACAC CGGCTGTATT TAATATGTAA CATTTTCACA NATATTAAAG ANACAGAAAGT 60
 ATTAAG 66

配列番号：2613
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02981
 配列：
 GATCAGCATG GGCCACGTAG CGCGACTCCA TCTCTACAAA TAAATAAAAA ATTAGCTGGG 60
 CAAA 64

配列番号：2614
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02982
 配列：
 GATCCAATTT ATGTTTTTTC TTTNTTTATA TTTTGGGGAA AATTAAAAATT TTTTAAAGGT 60
 AAA 63

配列番号：2615
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02983
 配列：
 GATCAGCAAT AATNACTATG TAATCTCAAA AAACAAATAA AATATTCTTA ACANCGNCAA 60
 A 61

配列番号：2616
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02984
 配列：
 GATCCAAGCA GTGTGTCACAT ATATAACTGA TAAAAGCACT TGGTCTTNGA TTATCAGAAA 60

【0568】

【配列表478】

配列番号： 2617
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02985
 配列：
 GATCATTTTG CACATAGCTT TATCAACTTT TAAACATTAA TAAACTGATT TTTTAA 58

配列番号： 2618
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02986
 配列：
 GATCTTTGCA GTTTTNGAC AATTACAAGT AAAGCTGCTA TAAACATTTG TATGCAAA 58

配列番号： 2619
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02987
 配列：
 GATCGACACG CAGCTAGCCT CCTGCATTGT ATGGTTATAA ATAGCACCCCT AGTGAGTNCT 60
 GTCGTCCAGT CAAA 74

配列番号： 2620
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02988
 配列：
 GATCCTGGGG CAACCCAGTC TGGTCTCTTG AATAAAGGTC AAAGCTGGAT TCTCAA 57

配列番号： 2621
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02989
 配列：
 GATCACGTTT CGTGTTTATA CTCAACGTTA ATAAAAGGAG AGAGTTTGTA GTGAAA 56

配列番号： 2622
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02990
 配列：
 GATCGCTGTG CCTGGCATAT AGTAGGTGTT CAATAAATGC CCTGTGACTC TCAA 55

【0569】

【配列表479】

配列番号： 2623
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02991
 配列：
 GATCTATCCT CAACAACAAC AGAAAAAAGG AATAAAATAT CCTTTGTTTC CTAGTGAAA 59

配列番号： 2624
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02992
 配列：
 GATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA GTTTTTTTTG TTGTAAACA TAAA 54

配列番号： 2625
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02993
 配列：
 GATCTTGAT TCAGTCAGGT TAAACAACG GACAATAAAA GAATGAACAC AAA 53

配列番号： 2626
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02994
 配列：
 GATCTGGGGT GGGAGTAACA GGGCAGAAAT GATTAAATG TTTGAGCACA AA 52

配列番号： 2627
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02995
 配列：
 GATCCTTTTT TTTTCCACA AAATTTTAC AAATAAAAAA TGTTCCCTA AA 52

配列番号： 2628
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02996
 配列：
 GATCTCAAAG TGCCTTCTGA AGCATCAGAG ATTAATATT GTTCAAATA AA 52

【0570】

【配列表480】

配列番号： 2629
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02997
 配列：
 GATCTGAATG GGGCTTNCCT GATGTTGGTA TCTAAGGCTT AGGCCTATAG AT 52

配列番号： 2630
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02998
 配列：
 GATCGCACCA TTGCACTCCA GCCAGGCGAC AGGGGGAGAC AACGTCTCAA A 51

配列番号： 2631
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02999
 配列：
 GATCTTGAAT GTATTTTCTT AAGTTTATTA ATAGACATTT TCACAATAAA 50

配列番号： 2632
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03002
 配列：
 GATCTATCTG GAAAATGNAG GACTCCGAAT AAAAAGCTAT TACTAATAAA 50

配列番号： 2633
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03005
 配列：
 GATCAGGGGA AATNTTTAAG CTAAATAAAT CTGGGGGGTT TTTTATTCAA A 51

配列番号： 2634
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03028
 配列：
 GATCGAATGG TATATATTAG AAATTACATC TGTGTAATT AAAATTGTGT GAGCAATTAA 60
 ACATGGTTGA NTTTTTCAAG CAAAAATCAG TTCATCTTTT 100

【0571】

【配列表481】

配列番号：2635

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03030

配列：

GATCACATTT TAAGCATCTN TCTCTCCTAC TCCATTTAGA AAAATAAGTA ACAGGTGAAA 60
TGTGGTCTCA GTGTTAACGG GATAATTCTG CTACCGGCTC 100

配列番号：2636

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03031

配列：

GATCAACCCC AGACTGGGCC AGAATGTTAG TGAAGGTTTT ATTGTGCCCG GTTGGAGGAT 60
AACGTTCTTT GGGTACTTTT TGTGGGTTGC AAATNAACTC 100

配列番号：2637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03053

配列：

GATCCACAGC TTAAAGATGG GAATTCAGGT ATGAAAGAAA ACAGGCAAGG AGGCACTGAG 60
GGAGAAAGAC ACAGACTTTA TCGCTCTGTG GCTCATTGTT 100

配列番号：2638

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03055

配列：

GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATN ACCTGCCCAT TCGTNAGGAN GACCCACCCA 60
CCCAGTGTTA TATTCTGCCT CGCCGGAGTG GGTGTNCCCG 100

配列番号：2639

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03056

配列：

GATCACCATT AAATCTGAAA GTACCTTTAA AAATACTGAG ATTNCCTTCA TACTGGGCCA 60
GGNATTTNAC GAAGNACCTG CAGATGACAG GAAAGTCAAG 100

配列番号：2640

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03058

配列：

GATCTCATCA GGGGAAGGCT CTGTGATGCT GCAGGTTGAT GTAGACACAG TAAAAGGAGG 60
GCTGAAGTTC AACCCCACT NNCTGGTGA CTTCGGGAAG 100

【0572】

【配列表482】

配列番号：2641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03059

配列：

GATCCAGGCG GGATGGAGTG TGGAGTGTGG GCACAGTGGC TTGTACAGGC CTGGNCTGGG 60
CAGACTTGCC CCGGAGTCTC AGGCCACTGC GGAAGGAGGA 100

配列番号：2642

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03060

配列：

GATCTGCGGC CCATCTACAT CTCTGTGCAG CCGCCTTCAC TGCACGTGCN GGAGCAGCGG 60
CTGCGGCAGG CATACTGA AACCGAGGAG AGCCTGGTGA 100

配列番号：2643

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03061

配列：

GATCTCAACG AGACAAACGA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTTN GAGGACCCAG 60
TCCTTTNTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCACG 100

配列番号：2644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03062

配列：

GATCACAGCT GGGGGAAAAA AAGCTTTTTA ATTCTGTACC TTCCTAGTAG ATAAGTGAAG 60
AGCAGGGAAA GAGACCTTTA AATATTTTNC TATAAAAAAA 100

配列番号：2645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03063

配列：

GATCGCACCA TTACACTCCA GCCTGGGTGA CAGAGAGAGA CCCTGTGCCN NTCAAAAAAA 60
TGTTTTTTTT AAACAAGAAT CTCTCAGGCA TACTGAAATN 100

【0573】

【配列表483】

配列番号：2646
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03064
配列：
GATCTGTAAT NATCTCTATT GGCCTGGGGT GCCTGTGCTA TAAATAAGTT TCTTCACATG 60
AAAAACACAG CCAGCCCAAG ATNACTTATC TGGGTTTAGG 100

配列番号：2647
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03065
配列：
GATCGGGGCC CTGGGGCTGT NAGACCCCGA CCNTCTCGAG GAACCCCTGCC TGAACGCCT 60
CCATTACCAC TGCGCAGTGA GATGAGGGGA CTCACAGTTG 100

配列番号：2648
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03066
配列：
GATCCCGGCGN AGTNACAGGT GCCGACGTGA TGTCGCTTCT NTGGTGCCCA GCTCCCTTCC 60
TGGTCTNANA CTAGCTCTGG GGGTGGCGGG GGCCCCCACA 100

配列番号：2649
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03067
配列：
GATCGCAAGG AACTGGGCGG CCTACTACCC CGACCTGCCC ACCCCAGAAC AGCAGCAAGA 60
CATGCCCCAG TTCATACATT TATTTTCTAA GTTTTACCCC 100

配列番号：2650
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03068
配列：
GATCCGTAAG TCCATGACCA AGGAGGCCAT CCGAGAGCAC CANATGGCCC GCACTGGCGG 60
CAGGAGACAG ACCTGTNCAC CTGCGGCAAG TGCAGGAAAA 100

配列番号：2651
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03069
配列：
GATCTTCTTC AAGCCATTAT TTTAACTCAA GAAAACTCTA GAGAAGAAAA GTGAAGAAGT 60
CATGTTGAAG AAGATGTAAG AATGTGTCAA GACCATCCAG 100

【0574】

【配列表484】

配列番号：2652

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03070

配列：

GATCCCTGGT CCAGAATTCC ATTTACCTTC TGGGCCAGGT ACCACCAGAA TCCCCGCTCC 60
AGATTCCCTC AGACCTTTGC CGGTCCCATT ATTGGTCCTG 100

配列番号：2653

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03071

配列：

GATCGNCAAG AAAATTNAGA TTGGCGATGG GGCAGAGCTG ACGGCAGAGT TCCTCTACGA 60
CGAGGNGCAC CCCAAGCAAC ACGNCTTCAA GCAGGCCCTC 100

配列番号：2654

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03072

配列：

GATCTGTCTG CHTTCCTCAA GACCATTGCA CTGAATGGTG TGGAGGACGT GCGAACCGTG 60
CTGGAGCACT ATGCCCTGGA GGATGACCCG CTGGCGGCTT 100

配列番号：2655

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03073

配列：

GATCCAGTTG TGAACAAAGA GTCCTCTTNG TGGAAAAGAA AAAAAATACAT NTCCCTTTAA 60
ACGGTGGATT GAAAATAACT TTNATTTATA AAGAGAAGAC 100

配列番号：2656

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03074

配列：

GATCAAGAAT TTGGTGTGGA CGTTGGCCCT GTTTGCTTTT TATAAACCAA ACTCTATCTG 60
AAATCCCAAC AAAAAAATT TAACTCCATA TGTGTTCCCTC 100

【0575】

【配列表485】

配列番号：2657

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03075

配列：

GATCAAGCCT GCCTCAATCA GTATTCATAT TTATAGCCAG GTACCTTCTC ACCTGTGAGA 60
CCAAATTGAG CTAGGGGGGT CAGCCAGCCC TCITCTGACA 100

配列番号：2658

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03077

配列：

GATCAAAGGT TTAAAGTCTA ACTTCTAAGA TATATTTGCA GAAAGAAGCA ACATGACAAT 60
AGAGAGAGTT ATGCTACAAT NATTTCTTGG TTTCCACTTG 100

配列番号：2659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03078

配列：

GATCAAACAG CTCTAAGTAT GAAGCAAGAG TAAAGACTAA GGTTCGAGA NCATTCCTAC 60
TCACATAAGT GAAGAAATCT GTCAGATAGG AATCTAAATA 100

配列番号：2660

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03079

配列：

GATCTTTGGC TGGAAACTA GAATTTATAG CAGTTTATTA ATGATACCTT AAATNACTCA 60
GGACTTAATG TAGCATTGCA CTTCTGTGTA CAGTAAACT 100

配列番号：2661

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03080

配列：

GATCCCTTCG ATGTGGATTC AGGGAGAGAG TTTGGAAACC CCAACAGGCC TGTGGCATGC 60
ACCCGGCTGC CCTCGGACAC TGATGACAGT GATGCGTCTG 100

配列番号：2662

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03081

配列：

GATCCAGACG CAAGANGGCT GTCCTCTCTA AGGAATATGG TTTTTTNCCT CTAACCTGGT 60
CTGCCAGCTT TATAATGGTG GCCCACCTAG CCATCANTGT 100

【0576】

【配列表486】

配列番号：2663

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03082

配列：

GATCCTTCTT GGCCCCAGAA AGTCATTTGG CATGGCTCCA GCCCCCATGG CATCCGCTTN 60
TGGATAACTA CTGTGAAGCA TGGCGAACCG CGGACACAGC 100

配列番号：2664

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03083

配列：

GATCACTGTG GACAGGGTGC AGCTCTACCA GTTCCTGTTT CTNCTGAGCC AGACCCTCTT 60
CAGGGAAGGG ACCAATTAAT TTTAAACTC ACTTGAAGCA 100

配列番号：2665

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03084

配列：

GATCTATTAA GCTTGANACA TTANGTNTCA TCACGCACTG AAGACAGGAA GCAGTTCACT 60
GAGTCAGCTG GTTCCCAAGC TCGCACAGAA GGTGATAAGT 100

配列番号：2666

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03085

配列：

GATCAGCAGC CCCTGAGCGG AGAAGAGGAG CTAGAGCCTG AGGCCAGTGA TGGTTCAGGC 60
TCCTGGGAAG ATGCAGCTTT GCTGACGGAG GCCAACCTGC 100

配列番号：2667

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03086

配列：

GATCAGCGAG CTACCANGAC CAGAGACCAA CTCAAGCTAC AGCAGAAGNA TTTTCCCAAG 60
CCTGCTGACC ACAGTCACAT CACCCATCAG CACATGGAAG 100

【0577】

【配列表487】

配列番号: 2668
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03087
 配列:
 GATCCCAGCT GATGTAGACC CTCTCACCAT TACTTCATCC CTGTCATCTG ATGGGGTCCT 60
 CACTGTGAAT GGACCAAGGA AACAGGTCTC TGGCCCTGAG 100

配列番号: 2669
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03088
 配列:
 GATCTCAGCT GGAAGTTCTG TTGGAGCCC ATTCTGTNA GACCCTGTAT TTCAAATNIG 60
 CAGCTGAAAG GTGCTTGTAC CTCTAATTC ACCCCANAGT 100

配列番号: 2670
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03089
 配列:
 GATCTNACGG CCAGGCCTCT NTCCTGCTGC TGTITTTAAT TTCCAGGT AGTGGGAGAG 60
 AGGAAAGGAG GGAAGGCAAG ATCTTTTCCC CCTCCCTGCT 100

配列番号: 2671
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03090
 配列:
 GATCTAAAGG GTGAAAAAT ATTGATACTT CAATATTTCA CTGCTGCCA GGAAAAACAA 60
 AATTCTCAAT CTTTTGTAA TGGGAGGAGG ACTTTTGCAT 100

配列番号: 2672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03091
 配列:
 GATCTGTCCT CAGCTCTGGA CCCAATTCCC CTACTTCAT TTTGGCAAAC ACTAAGTCAA 60
 ATAGTGAAAT GCCTGTCACT ACATAGAACC TATTACCTGG 100

配列番号: 2673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03092
 配列:
 GATCTGACCG GCTTCAAGCT CAAGCCCTAC GTGAGCTACC TCGCCCTNA NGAGCGAGGA 60
 GACGCCCTG ACGGCCGCGC ACTCTTTCAG CGAANCNGTG 100

【0578】

【配列表488】

配列番号：2674

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03094

配列：

GATCGTGGAG GAGGGACAAC GCTGCCACCG CTTCGCCTGC AACACGTGCC CCTACGTGCA 60
CAACATCACC CGCACGGTAA CAAATCGGAA GTACCCAAAA 100

配列番号：2675

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03095

配列：

GATCCACAAG GTTGTCTGCT AAACCTGCTC CTCCAAAGCC ACAGCCCAAG CCTAAAAAGG 60
CCCTGCAAA GAAGGGAGAG AAGATACCCA AAGGGAAAAA 100

配列番号：2676

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03096

配列：

GATCTGAATG TNCAGTTCTA GCCAAGGTAG ATTTTACTTT CAACTTTTTA ATCAGTATCA 60
CTTTCTGTGC TTAATAATTT GGTGTTACCT TGTCTGTTTT 100

配列番号：2677

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03097

配列：

GATCTTTTCT AAAGCAAGCC CTTGAGCAAG TAGGTTGCTG TCTCTAAGCC CCCTTCCCTT 60
CCACTATNAG CTGCTGGCAG TGGGTTTNTA TTCGGTTCCC 100

配列番号：2678

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03098

配列：

GATCTGCCTG CNTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCACCCCCAG 60
CCGCCTCTAT GCTTTTGGNT TCTTTGATAT ATCTAAACTT 100

【0579】

【配列表489】

配列番号：2679
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03099
 配列：
 GATCTGTGTT TGTAATACTG GTTGTAAATTA ATTTTITTTAA TTCATGAACN AGCGGAAAAT 60
 TTATTAAATT AACTATTAAC CACATTCACC TTGTAAATGA 100

配列番号：2680
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03100
 配列：
 GATCTATCTG GNNITGTGNT TAGACTNGAT GAGAAGGTGT GAACTCTGCA GAAAGTCTCT 60
 CCTTCATCAC TGAATTCAGT CACTTGGAGA TGACAACTTC 100

配列番号：2681
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03101
 配列：
 GATCATGAAT CAAGCCCTGG AACAGATGAA GACAAAAGCG GATGAGTGAG TTATATAAAC 60
 TTACTTCCAT TCTGTTTCGG ATTTTAAGTT TGAGAGACTT 100

配列番号：2682
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03102
 配列：
 GATCAAAATA GTAATAAATC AACAAATAAT TTTTGATTGA CTGGTGAAT TAGATTACT 60
 AAATAAAAT GGCTTAAAT TTGACTGTAC TAACATATAA 100

配列番号：2683
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03103
 配列：
 GATCCGAATC TGTGCCCAGC GCTAAAGGCT CAGTGTTAGC ATGGCTTNNH CTGNCCGGTG 60
 TGCCATATTC TTGTTGGAGA TGAACCGTAG CACCAGAGCC 100

配列番号：2684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03104
 配列：
 GATCCTCCCT GTCATGCCAC ATTTCACTGA TTGGAATGTG GAAATGGAAA AGGAATTTAG 60
 GATGTGCATT TTCACCTGAG GTTCCCTGC ATCCCTGCAG 100

【0580】

【配列表490】

配列番号：2685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03105
 配列：
 GATCCAGTGT CCATGGAAAC ATTCCCACAT GCCGTGACTC TGGACTATAN CAGTTTTTGG 60
 AAAGCAGGGT TCCTCTGCCT GCTAACAAGC CCACGTGGAC 100

配列番号：2686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03106
 配列：
 GATCAACCAA GGCAGATGTG ACAGCAAGGG CCACGGACCC CATGGCAGGG GTGGCGTCTT 60
 CATNAGGGAG GGGCCCAAAG CCCTTGTGGG CGGACCTCCC 100

配列番号：2687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03108
 配列：
 GATCTGGCCT AGGTCCCCC TTTNTNCTGT CCCCTGTNTT TAAGTCGGGA TTTTACAGA 60
 GGGAGCTGTC TCCAGACAGC TCATCAGGAA CCAAGCAAAG 100

配列番号：2688
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03109
 配列：
 GATCCACCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACACCTGG 60
 TCAACTTTCT TTTGATTAGT GTTTTGTGG TATATCTTTT 100

配列番号：2689
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03110
 配列：
 GATCAGATGT NGCTCAGAAA CTTTCATTGT TTACCTAATA ATTTAATATC ACTAGTTTCC 60
 TAGTGGGTCA AGCAGATGCA AAANCCAGCT TATTTCTTCC 100

【0581】

【配列表491】

配列番号： 2690
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03111
 配列：
 GATCAATTAC TGTCCTCACT TAGAACAAAG CCTGAGTCCG AGAATATTTA TATTTTACCA 60
 ATATATGCCT GTTACAAGAG AAGGAAATAT GAGTTATTTA 100

配列番号： 2691
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03112
 配列：
 GATCTGGAGA GGATTAGGGA CGGCTCTTGT GGGCACATTT TNNCTCTAGT TTCATGGGTG 60
 GAGATGGCAT CTCCTGTGGT CTGCAGCATG CAAGTAAAGA 100

配列番号： 2692
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03115
 配列：
 GATCTACCTT GGTGATTGG ACCCTGGTIG CTTTGTGTCT AGTTTTCTAG ACCCTTCATC 60
 TCTTACTTGA TAGACTTACT AATAAAATGT GAAGACTAGA 100

配列番号： 2693
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03116
 配列：
 GATCAGAAGA AAGAAAGACA ACTTTCCTCT GCGCGGAACA CTCACACGGA AGGGCTGGCC 60
 GCCTCCCTGA GCGGCTGGG AGTNGACGAC AGGACCTACC 100

配列番号： 2694
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03117
 配列：
 GATCTGAAAA AGATGGTCAT TCCGGACTCC TGACGCCGCC AGTCCCGCGG TGAGACGTGA 60
 GCNCCATTGG GTCCAGTGGC CTCTNTTTC CTGGCAACCT 100

配列番号： 2695
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03118
 配列：
 GATCAAAACC ATCCTGGCCA AAATGGTGAA CCTGTCTCT ACTAAAAATA CAAAAATTAG 60
 CTGGGCATAG TGGCACGCCG CTGCAGTCCC AGCTACTCAG 100

【0582】

【配列表492】

配列番号： 2696
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03119
 配列：
 GATCAGCAGG GCTACCATCT CACTCTTCTG TAATTTTACA ACATTCTAAA GGAAGTAAAT 60
 CACCAGATTT GCTGATGTAT CAGGGTCCAC CAGACACTGC 100

配列番号： 2697
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03120
 配列：
 GATCTGGCCT GGAGAGGCCA TCCTATACCC CTTATTAGAG CCATGACAGC CTACAGAGTG 60
 AGGTGAGGTG CTCCACCTT CCCAGATGGT TCCTTTCTGC 100

配列番号： 2698
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03121
 配列：
 GATCCCAAC AATGTGAAAA CGGCTGTCTG TNACATCCCA CCTCGGGGGC TAAAAATNTC 60
 CGNCACCTTC ATTGGCAACA GCACGGCCAT CCAGGAGCTG 100

配列番号： 2699
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03122
 配列：
 GATCTGCGCA CGGTGCACAG CCCACCAGAG CACTACAGCC TTTTATTGAG TGGGGTGGGG 60
 CAAGTGCTGG GCTGTGGTCG TGCCCTGACA GCATCTTCCC 100

配列番号： 2700
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03123
 配列：
 GATCACCTGG GGACAGAGGT GAAAGGCCTG CTGGGCCTGC TGGAGGAGCT GGCCTGGAAC 60
 CTGCCCCCGG GACCCTTCAG CCCCCTCCC GACCTTNTCG 100

【0583】

【配列表493】

配列番号：2701
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03124
配列：
GATCGGCATG GTCATTACCC AAGTGAAGC CAAACCTCT GTGTATTTCA TCAAGTTTGA 60
TGATGATTTC CATATCTATG TCTACGATT GGTGAAAAAG 100

配列番号：2702
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03125
配列：
GATCACACAT ATCCTTCCTG AGANGAGCAG TGAATAAAAT GGAATATCTT TTTAAGANCA 60
GCTCCTCTTT AACAAAAAN CTAAAAAGAC AAATGTGAGA 100

配列番号：2703
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03126
配列：
GATCAATCCC TCAAGATTTT AAATCCTGAA GAAATTGAGA AGTATGTTGC TGAATTNAA 60
AAAGAAAAAG AAGAAAAACGA AAAGAAGAAA CAAAAGAAAG 100

配列番号：2704
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03127
配列：
GATCTAGGCC TGGCAAGANC TCTGGCCCCA AGGCCTCCTC TTCCCAGGGG CTGCCAAGTC 60
CTGGCCCTGG CCCTGGCATA TNACCCCGNA CTGTGGGGCC 100

配列番号：2705
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03128
配列：
GATCCATGAG GTCCTAGCCC CTGGCTGCCT GGATGCNTTC CCCCTGCTCT CAGCATATNT 60
GGGGCGCCTC ANTGCCCGGC CCAAGCTCAA GGCCTTCCTG 100

配列番号：2706
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03129
配列：
GATCAGAAA TGTNATAAAA CTTTAAATGT ATAAACTTT ATCAAATAAA GTTTTATTTT 60
CCCTTTAAA ATGTATTTNT TTAGAGGCAT TACTTTTTTA 100

【0584】

【配列表494】

配列番号：2707

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03131

配列：

GATCCCATGC CCAGGTGTCC AGCAGACCTC AAGGCAGAAG GGTCACCTAA CCCAGGAGTC 60
CACAGACTGA TGTGACCTCA GGTTCACACA TCANTGGCCA 100

配列番号：2708

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03132

配列：

GATCCGCCCT GGAGAAGTGA GTGGCTGAGA CCCGGGTGGG GCCCTCCTAA CCTTGGNTCT 60
GGGGGCTTCC NTTCTGGGTC TTGTCCGGA TATGGCCTTC 100

配列番号：2709

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03133

配列：

GATCCACCTG CCTTGGCCTT CCAAGGTGTT GGAATTACAG GCGTGAGCAA CCGCGCCTGG 60
TCTATATGTN ATTTCAAATN AGGTGGCCTT ATAAATATAA 100

配列番号：2710

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03134

配列：

GATCTGCCCCA CCTCAGCCTC TTGAGTAGCT GGGACTACAG GTGCATACCA CCACACCTGG 60
CTAATTTTTT AATTTTNATT TTTATTAAAG ACAAGGTCTC 100

配列番号：2711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03135

配列：

GATCTTTAAT AAAAATTTGA TATGAAAAGC ACAATGTGCA GANGTTATGG AAAACCTATA 60
GAGGATTACA ACAGGTAAAC GTTAAAGAGA ATACATTGCT 100

【0585】

【配列表495】

配列番号： 2712
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03136
 配列：
 GATCTNGCCC CTGCGCTCTN GCCTGGGTGA CAGAGCAAGA NTCTATCTNA AAAATGTTTT 60
 TAAAAAATAC TTCCTAGGGA AACACACATT TNGCCCTATT 100

配列番号： 2713
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03138
 配列：
 GATCCTAATC CCTTCCTCTC CCATTCACCC TGTGTAACAG NACCCCAAGG ACCTGCCTCC 60
 CCGGAAGTGC CTTAACCTAG AGGGTCG6GG AGGAGGTINT 100

配列番号： 2714
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03139
 配列：
 GATCAAAGTC TTAAGTGTGT TTGCAGCTCA AAAATAAAGA TGTATTAAGG AGGGGAAAAC 60
 CTGGTCTAAG TGCAAGGCAC ACTTACAGCG AGTTTTACTT 100

配列番号： 2715
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03140
 配列：
 GATCAAATTG TGTTTAGTAT CACTATCTTC TCTCCTCGTT TCTCTCTTAC TCCTCATCCT 60
 CCCAGAATCT ACCAGTTTAT GGTAGAAAGA TGGGAACCTT 100

配列番号： 2716
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03141
 配列：
 GATCTCAAAA GTATTCCTCA GGGTAGTCTC CATTCCTGTC ATTTTNCCTC CTATTCATGA 60
 GACGGAAAAA TTATGACCAT GGTACAGAGT TGTATCAAGG 100

配列番号： 2717
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03142
 配列：
 GATCAGCAAA CAGGAATACG ATGAAGCCGG GCCTTCCATT GTCCACCGCA AATNCTTCTA 60
 AAACACTTTC CTGCTCCTCT CTGTCTCTAG CACACAAC TG 100

【0586】

【配列表496】

配列番号： 2718

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03145

配列：

GATCACGAAC ANTAGCTTGC GCTCTACTCT GTAGTTATGT GGATTGCCGA GCAATNACCC 60
TTTTCAATNT CTTATTTCTG TGTTACTGAG GACCCTAATC 100

配列番号： 2719

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03146

配列：

GATCCATTTT TNACACACAC TGCCAGAGAT ACTCTAGGCA TGTAAGCAC AAACATACAT 60
ATAAAANCTG CGGGCTTCAA AAAATATAAG TAGGATGTCA 100

配列番号： 2720

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03147

配列：

GATCTAAAAC TGGGGTTTGG GGGAGGGTTT CACCTCTCC CCACTCCNCT TGCCCCACAC 60
CCTTTACTCC CCAGCCCAGA GAGACGCTGC TTTTACCAGG 100

配列番号： 2721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03148

配列：

GATCTTGTTA ATGCATTTTT GATGGGAAGA AAAGGTACAT GTTTACAAAG AGGTTTTATG 60
AAAAGAATAA AAATTGACTT CTTGCTTGTA CATATAGGNG 100

配列番号： 2722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03149

配列：

GATCCTGAGG CTTTGATGCT ATTTTNTTAA TCCAGCTGGT CTGTGGAGAA GCCTGGGACA 60
GAAAGAAGCA GCCAGACTCC AGAATCCCC ATTTTAATAG 100

【0587】

【配列表497】

配列番号： 2723
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03150
 配列：
 GATCTGAAAA AAATACGGTT GAAAGTGGTG CAGGTAATTA CAATGTGTAG GCAAACCAGA 60
 AAACCATGGC TTTAACCAGC AGCTTTTGTN AGAAATNATT 100

配列番号： 2724
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03151
 配列：
 GATCCAATGC TAAACTCCAA TGGTTCAGTG ACTGTGGTTG CTCITCTTCA AGGCAGCTGA 60
 TACCTGTGCA TACTGCAGGC ATCTAAATTA GAAGACCTGC 100

配列番号： 2725
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03152
 配列：
 GATCCATATT CCTATTAATA ACATCATTGT TGGTGGCTGA ATACATTTTG GAAGAGAGTT 60
 TTTCATCTTA GAGATTGGTG AACAAGTGTG AGGGTGTGAG 100

配列番号： 2726
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03153
 配列：
 GATCTATTAG TTTAGTGTTC ATNAAAGAAT CAAATGTATA GAATTACCAA GCATTCGTGG 60
 GGAATNCTGT GTAGCAAATG TAAACTNAC CTGCTCGGAA 100

配列番号： 2727
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03154
 配列：
 GATCTACAAG NATTTTCTTT TAGTAGTTAT ACAAAGANT ATTACATTTA TTGGTCTGTA 60
 CAGTGTAATA AACCAGCAAT AGGGACAACA ACAAAGAGAA 100

配列番号： 2728
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03155
 配列：
 GATCAGTGT GCAACATANT GNAAGATG GCTACTGTGC CTTGTGTTAC TTAATCATAC 60
 AGTAAGNTGA CCTGGAAATG AATGAACTA TTAATCCTAA 100

【0588】

【配列表498】

配列番号： 2729

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03156

配列：

GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATGTAT TTGTTGCTAA ATTTCTAGC ACTGTTTACA 60
GTTTTCTCC ATGTTATTTA TGAATTTNAT ATTCCGTGAA 100

配列番号： 2730

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03157

配列：

GATCCAGAAT GGNGACTGGA CCTTCCAGAC CCTGGTGATG CTGGAACAN TTCCTCGGAG 60
TGGAGAGGTT TACACCTGCC AAGTGGAGCA CCCAAGCCTG 100

配列番号： 2731

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03159

配列：

GATCTTCCGG AAAAATAAG CCCCTCCTTC ACCCCCGCAC ACCTGCATCC CTGCCGGAGT 60
CNTGNTGAGG CACGAACCCT GCCTCCCTAG GCCGGACCTT 100

配列番号： 2732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03160

配列：

GATCCCATAG TTTTACATTT TNCCTGTTA TTTTGATTTT TTNCACTGCT TTATTTCTTA 60
AAGTNTAGC ACATCTGTNA CTCCTCCACT TCCACATTTT 100

配列番号： 2733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03162

配列：

GATCAAATCT CTCCTGGCTG TAGTAACCCA GTGGAATGAA TTTGGNCATG CCCCAATGCT 60
TCTATATGCT AAGTGAAATC TGTGTCTGTA ATTTGTTGGG 100

【0589】

【配列表499】

配列番号：2734
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03163
 配列：
 GATCCAAGGG CACAAGGAGA TGAGCAAGGT GTGGAACGAC CTGAGGCCCA AGCTCAGCTG 60
 CCTCTTTGCG GGACCACACA GCACCCTGAC CCCACCGTGC 100

配列番号：2735
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03164
 配列：
 GATCCTCCTG TTTACCTGT ACCTCCAATG TGTGGCACTT GTAGGTGCTC AAATATTTCG 60
 TGAATGAATG AAAAATCCAT ATTGTAATTN ANGTCCTCTG 100

配列番号：2736
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03166
 配列：
 GATCTGCCCC CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCATGAGCCN TCGCGCCCGG 60
 CCGGATTTTT TTTTTTTTG ATTCAGCTTA TACCAGGGCT 100

配列番号：2737
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03167
 配列：
 GATCCAAGTG GCCCAGCAGA AACGGAATTN TNGTNAAT GACTGATTCT GGTGCATGTM 60
 AAAGGCTCTG GGAATNAAT ACCTGTTTGG TCCAACTTA 100

配列番号：2738
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03168
 配列：
 GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAATCTTTCC TCTAGGGCAA TCCTGAAAGC CCAAGGCCCT 60
 TCNCAGTCTG GCCTTGGCTT CAGCTGGAGA AGGGTAACAT 100

配列番号：2739
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03169
 配列：
 GATCCTCACT CCACTGTCAT GTTGAAGA GGTATTGGTG TTCTGGAGTG GGGGTCAACC 60
 CCTCCCCAGT CTCTGTGCTA AGTTCATTG GGAGGATGGC 100

【0590】

【配列表500】

配列番号：2740

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03170

配列：

GATCCTAAGG CAAAGAGGTG TTTTTCCTTC TGGTTGATTC ATCCCAAAGC TTTCCCACCC 60
AGGTTTTCTC TGAAAGCTTA GCCTTAAGAG AACACGCAGA 100

配列番号：2741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03171

配列：

GATCACCATG CTGCAACATG GATTATATTA ATGCTGCCCT AGAAACTTAT GGTAAATNATT 60
TGTTGCAAAT NTGTGACTGT CCTTATNAAC TTTCTTTTAT 100

配列番号：2742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03172

配列：

GATCCTGGAG CCCCCGTGTC GGGGGGGCGAG GGNNGGGGCGG TGNCCGACGA GTTGANCTTC 60
TNAACATGAG TGTCAACTTC AGGACTTGCT TCCAAGCCCT 100

配列番号：2743

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03173

配列：

GATCCTTTTG AATTTTGCAC AGCCCTAGAT ACAATCCCTT TTGATAAAAG GGTCTTTGCT 60
TCTNATTACA GGAGCACTGT GGAACGTCTG TAAATATGTT 100

配列番号：2744

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03175

配列：

GATCCAAAAC ACTCAATCCT CGTAAAAGGG TACAGGTCCT ATTGTATGTT AACACACGTG 60
ATGATGTGAG CCATGTGAGA TGANCAATCA CCAGTTGTTA 100

【0591】

【配列表501】

配列番号: 2745
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03176
 配列:
 GATCTGAGCC AGGATGGGAG TGAATCCCAG GCGGAGGCCA GAGCTGGCAG CCAGCTCTGC 60
 CTTTCCACTG CCGGGAGTGC TGGGGGCCCA GCCTGGCCCC 100

配列番号: 2746
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03177
 配列:
 GATCTGTTH CCNACCTCCT TCTCCTCCCC TGTACTCCCC AGTGCCTTCC ATTGTCCTGG 60
 TGGAGCTGGG GTTTCTCTCC TCCCCAGTCC CACAACACTG 100

配列番号: 2747
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03178
 配列:
 GATCAGAGGA AAGATGAGAA AGAGAACAAG CATACCTATC TNACTCCTTC CAGTGGTCTC 60
 TGTTCCTTCC GTCTCCTGGA CCACGGCTAG AGTTCCCAGT 100

配列番号: 2748
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03179
 配列:
 GATCGTCTGG GAGCCCAGTG TCAAGTCTGC TGAATGCAG GAAGTAGAAC AGAATCGCCA 60
 CAGGACTGTN CTGGGGCCAG CTTCCTTAA CTCTGTAGCC 100

配列番号: 2749
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03180
 配列:
 GATCTNCGGN CTGTCGTTAG CAGGCTTAAT NAAGAACAAT TCTCAACAGT TTCCTTTTTH 60
 TTTTCTTTTA TAATTCATA AAATAAAGCA TCTATTAGTG 100

配列番号: 2750
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03181
 配列:
 GATCTTACCA AAGAGGTCAA CACATGGGAC CTTTGTGTCA CATGAACCAT TTTTTTCTCT 60
 CTTCTATTAA GTGTATTNT GTTTAAGNTA CAGTTCTCTA 100

【0592】

【配列表502】

配列番号： 2751

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03182

配列：

GATCAGGAAA CGGCAACAAG CCTCCCAGTA CTGACCTGAA AACTTGTGAC AAGAAGAACA 60
CCAACAAGTG CTCCCTGGGC TGAGGACCCT TTNTGCCTC 100

配列番号： 2752

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03183

配列：

GATCTGGATT TATGTATTTC TTAGATACAT ACGAATTGTT AAAATGGAAT GCAAGTTTTT 60
CAAAAGCCCA GGTCTAAATG TAATGGTTGG TTTATTGTTT 100

配列番号： 2753

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03185

配列：

GATCCGCCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTGCAG GEGTGAGCAN CCGCACCCGG 60
CCTCCTGAAT TAACATTTTC TAAAGATGCC TCCGGCGTGC 100

配列番号： 2754

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03186

配列：

GATCTCAACT ATGTNCCACT AAAGGCACAG GAATGGAAAA CTGAGAAAAG ATTTATTGGC 60
CTCACCAATT CCTTTGTTT TGGTGGTACT AATGCAACAC 100

配列番号： 2755

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03187

配列：

GATCCTGCCA CCCTGTAGCG CCAGTNTAAT CCCCCAGGAG AACATCTTTG AACTCTGCA 60
GACTGCTAGT GTTCTGTCTA AAAACCAGAC AAGGAAATAC 100

【0593】

【配列表503】

配列番号: 2756
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03188
 配列:
 GATCTGCCTT ATTGCATATN CCATGCATCA GATAATGGAT GCATCAGATA ATGGNGTTAG 60
 ACAAAGCTTC ATTGTGAACA ACCTAATGCA TTTNNGAGAA 100

配列番号: 2757
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03189
 配列:
 GATCAGANGT TTCACTTGT TCTCAGTTAT TGGATATGTA TCTTTGTGTA CATATCTTTG 60
 CAAAANTGGA TAAGTACAAA NCTTGATGTA AATNGTACCA 100

配列番号: 2758
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03190
 配列:
 GATCCACTGG AATTAGCCAA TACACTATAT AACAACTACTA TTAAAGTATT TTTTCCTGGA 60
 ATATAATTGG TATATGTCTT CCACTTTCCA TCATGTATGT 100

配列番号: 2759
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03192
 配列:
 GATCTTNAAT GCTTTGGAAA TCGGTGTAAC AGTACTGCAA TAATCACAGC TCTGGGAAAA 60
 ACAACGAAAC TTTCCCTTGT GGAGAGGAGG GATTTCCCTG 100

配列番号: 2760
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03193
 配列:
 GATCTTNCTN ATCCAAGCAA TAACGGGACG AGGGAGCCAG GGCCAAGGAC ACTCAGGGAC 60
 ACTGTTGGGG CAGCGGCCCC ACATGGTAAT GTTTTNTTTA 100

配列番号: 2761
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03194
 配列:
 GATCGTNTTT TTNCTTGTTA AATAATTAAT ANTCATCTTA AAATTCATAC TTTGACTTTA 60
 ATTTAGACAC AAGGAGATGT AATCNCTGTG TAACATCAGA 100

【0594】

【配列表504】

配列番号： 2762

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03195

配列：

GATCGAGTTG GCCGAGGATG GATGATTNTG NGCAGCAGAA GCCGTTGCAG CCCACGTTG 60
TGCTCTAGGC AGGGACCTTT GGCCCTTTG GGGAGGGAGA 100

配列番号： 2763

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03196

配列：

GATCCCAGGT CTGGGGATGG GGGACACCTT NGGCCACAGG ATACTGGTTG CTTCAGGGGT 60
ACCATGCCC NCTGCCCTNG CCTGGAATCA GTGTTACTGC 100

配列番号： 2764

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03197

配列：

GATCACTCNT AGAGTNGCCA TTCTGCANCT TCCTAAAAAT AJTTTAAAAA TACATTTATT 60
TTACTAAATA CTGACTACAT TTNTNTGTTA ATATTGAGCT 100

配列番号： 2765

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03198

配列：

GATCCATAGT GTGCATGGGC AGACACATTT TGCCTCTATG TCTCTTAAAA TTTTAATTAA 60
AAATACTCTT TCCAGTAATC CTAATTTGCA CGAAGATATA 100

配列番号： 2766

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03200

配列：

GATCTCACAG GACTGAGAAC TCGTTCACCT CCAAGCATTT CATGAAAAAG CTGCTTCTTA 60
TTAATCATAC AAACCTCTAC CATGATGTGA AGAGTTTCAC 100

【0595】

【配列表505】

配列番号: 2767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03201
 配列:
 GATCTTTTCA TTTCTTACTA GCTTTTAAGA AATNAAATAC TTGCCTGAGA TAGAAATACT 60
 TTATTTTTGT AACTTTAAGG TCTAAATNAC TAACTTCAA 100

配列番号: 2768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03202
 配列:
 GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTANA ACGCCACCTT 60
 GAGCTGCTGG AACCTATTCC CTATGAATTC ATGGCATAAT 100

配列番号: 2769
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03204
 配列:
 GATCCTATTT TCNTACAACC TTTCAGTGAC ATCGTTCAGG NTTCTTTCIT GGCCATTTAA 60
 AAAACAAAT TTTTTTTTNC TCACCTGTAA GTCACCGCCA 100

配列番号: 2770
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03205
 配列:
 GATCAGTAAT AGATNTAGAT ATACTATTTT NATATTGTAA GCAGTTACNT ACTCAGGATT 60
 AGNATTCGAA TTCATTGAT TTAATATGTA ATAGGTAATA 100

配列番号: 2771
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03206
 配列:
 GATCAGACGT CGCTGAGGGG CTGTNCACCA CCATCCTCGT TCTCCAGGGT CAAGGAAGTG 60
 TTTTAACATG TCGTGTITTC GACTTGACCT TGTGGTATTT 100

配列番号: 2772
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03207
 配列:
 GATCACTGTA GTTTAGTTCT GTTGACCTGT GCACCTACCC CTTGAAAATG TCTGCTGGTA 60
 TTTCTAATTC CACAGGTCAT NAGATGCCTG CTTGATAATA 100

【0596】

【配列表506】

配列番号： 2773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03208

配列：

GATCGTTATA TTTNACATAA TATAAACAAA ATNACTAATG CATCTATATN CTGGGTTTCC 60
TTAAACTACA ATNAACCACA GAATGGGTGA AAATGCAGGC 100

配列番号： 2774

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03212

配列：

GATCCGNCCG CCTCAGCCTC CCTATATGTT TAAAAATATA ANTTTATTCT TATAAAANTA 60
AATTNAANCT AGATTGAGGT AGTAATTACA ACAGTCCAGC 100

配列番号： 2775

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03213

配列：

GATCTGATAT TTNGAGATTT TGGAGACCAT TTCCTGTGCC AGANTCACTG CTCTATTCCA 60
TACCGTGCCA TGGAGGCTGT TTTAGAAGTG GTTGGATAAC 100

配列番号： 2776

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03214

配列：

GATCCACCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTCCT GGGATTACAG GTGGGAACCA CAGCACCTNA 60
CCCAGAATAT AAAGACACTT TTNTAATGTG CAATGAAAAA 100

配列番号： 2777

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03215

配列：

GATCCACCGT ACCAGGNAGC AGAAATATTT CTACAAAGGG GGCCTAGTTT GGAATGAGAA 60
CANNTCTGAC GGCCGGTATG TGAAGGAGAA CTGCAAACCT 100

【0597】

【配列表507】

配列番号: 2778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03216
 配列:
 GATCATGTTG GGATTAACCT GCCTTTTTC CCAAAAAATA AACTCTCAGN CAAGCATTTT 60
 TTTAAAGCTA TTAAGGGAGT ATATACTTGA GACTTTATNN 100

配列番号: 2779
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03217
 配列:
 GATCTAGGAA AGAAGGCAAC TGAAAAACCT GAAAGAAAAA AAATNAAAGA TTAAGATAT 60
 ACGATATTCT ATTTTGATT AGCAATTACT TGTTHCNAG 100

配列番号: 2780
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03218
 配列:
 GATCGGCAGG CTGAGGACCA GGTCTGAGG AAGCTGGTGG ATTTGGTCAA CCAGAGAGAT 60
 GCCCTCATCC GCTTCCAGGA GGAGCGCAGG CTCAGCGAGC 100

配列番号: 2781
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03219
 配列:
 GATCCTTGTT GGTCTAGCTA AATACTGTTA GGGGAGTGTG CCCCATCTCA TCATTTTGAA 60
 GATAGCAGAG TCATAGTTGG GCACCCAGTG ATTGGGTCA 100

配列番号: 2782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03220
 配列:
 GATCTNCCGC TCCCTCCCTG AAGGGCATGG GGCCAGGGNA GTCTGGACAG CCGCCCCCAG 60
 CCTGCTGACC CCCAGCTTC TACAGACACC ANATTTGTAA 100

配列番号: 2783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03221
 配列:
 GATCTTTTGA GGCCTTCATT TTATGTTTT CCTTAACTGT TATATTATGA TTGTNACATA 60
 GATTATNCTA CTAATAATNT TNGGATGTTT CAAAAGGNCA 100

【0598】

【配列表508】

配列番号：2784

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03222

配列：

GATCTCTGCA CAGTTTCTTG TTTAGTCTTA TGCCTTTTAG TTGAAAAACA AATTGTATTT 60
TTTTCTNCT AAGTTTCATG GCCCTAGAGA AGAAGCCAAT 100

配列番号：2785

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03223

配列：

GATCCTGGTT TCAATGACGG TTGGAAATAG AAATTNCCAG AGAAGAGAGT ATTGGGTAGA 60
TATTTTTTCT GAATACAAAG TGATGTGTTT AAATACTGCA 100

配列番号：2786

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03224

配列：

GATCACTTAG CAACATGCTT GGNAATTTGG NATCTNTAAA GGTAGGAGAG TGGTGAACAG 60
ATAATCTATG CATATATNAC TAGTGCCAAG ACATAAAGCG 100

配列番号：2787

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03225

配列：

GATCAATTAC CTAAGTGTTT CTGGGTCTAT TTATGTATAA GAATGCTTTT TAAAGCACAT 60
GTCTCATTTT AAATNACGCA CAACTGAAG ATGTTAATAA 100

配列番号：2788

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03227

配列：

GATCCATTTG TCTGGCAGGA GGTTTTTGAT GATAAAGCAA CGCTTGCGCC AAGGCACAAT 60
AGTTGAAGNA TGGAAAGACA GCGCATATCC TGAGGAACTC 100

【0599】

【配列表509】

配列番号： 2789
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03229
 配列：
 GATCGATGGA CCGTAAATAA GCTGCCATTA ACACATCTGG TTA CTGCTGT AACATGACTA 60
 ATAAAACCGA ACGCCTGTNC CCCTTACCCG TGTGGGGGAC 100

配列番号： 2790
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03230
 配列：
 GATCAGCACA GGAAGAGCCT TCCTAAGCAT GTGGTCCCAG GGAAGGGTGA AAAGTAGGAG 60
 TTATGAACGT AATCCACCTA CTACAATGTT GAATTAAGT 100

配列番号： 2791
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03231
 配列：
 GATCCGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT TGGATTACAG GCATGAGCCA CCGCACCCAG 60
 CAAGAGTTAT TTNNTTAACT TGAAATTTTC TACTAGCCCT 100

配列番号： 2792
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03233
 配列：
 GATCCAAGGT GATACAGCTG GTAAC TGATG GAGATGTTGG TAGTGAAATN CATGTACTTT 60
 TAGTCTTTTC TATGGAATCT AGAGGNAGAA TACATGTACA 100

配列番号： 2793
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03234
 配列：
 GATCCCAGCT GTNTGTCACC AGCAGCTTTC CCAGCTTCTN TGTGAGGGTC ACTNCTGCCC 60
 ACTGCAGGGT CCCTGAGGTG AAGTAAACGC CGGCNCTGGG 100

配列番号： 2794
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03235
 配列：
 GATCATTTCC ATTTTCATAGG TTTTATTGCT GGAATAGTCA ACTTAATATA GATTCACTTT 60
 CAATTTGCAT GTATAANGTA ATACTCAATA AAATTTTTTC 100

【0600】

【配列表 510】

配列番号： 2795

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03236

配列：

GATCCTGGGG TTGGTCTGCT TTGTGTATGG TACTTGAAAC CACGCTGTAA TTATTGTCCT 60
GTTGCCAAAC AAAAGCCAGT CATGTAATC TAGAAGCAGT 100

配列番号： 2796

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03237

配列：

GATCCTNAGC AACGAACACC TGCACCTAGA AAAAGTGGAC AGCTTCTNCC AACCACACCC 60
TACCCATGGN ACTGTATGCA ATTAATCCT GGAAACGCC 100

配列番号： 2797

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03239

配列：

GATCCAAAAT TACCTTAAAT GGAGTTAAGT AGGCTTTGCA CTAAATGGAT ATAAAAGAGG 60
CTGTCTGGNC TNCIATGAAA TNATGATTAA AATCCTTTGT 100

配列番号： 2798

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03240

配列：

GATCCTTAAA GAAGGTGTGG GGTCTTTCCC AACCTGAGGA TTTCTGAAAG GTTCACAGGT 60
TCAATATTTA ATGCTTCAGA AGCATGTGAG GTTCCCAACA 100

配列番号： 2799

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03241

配列：

GATCTAGGGC AGGCTGTCTT CCAGTCCATG TGTCTCGGT CGCCGTAGAC AGCGCTCTGG 60
CTACCACCGT GAGGCTACTT GAACTGTCAG GGGCATCTGC 100

【0601】

【配列表511】

配列番号：2800
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03242
配列：
GATCACTCAA CAGCACTGTN ATGTATTATT TNNAATGAGG TGCCTTTTTT AACTGACCAA 60
ATGCTGCCTT GTTGGCCCC TAANTCAATA AAATATGTTA 100

配列番号：2801
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03243
配列：
GATCTAAGAA ATAGAATTAG GGAGAGTTTA CACTTACTTA CCTATATAAA AGCAGATTTT 60
CNTGAAGAA ACCCTTTTTT TTTTTTTTTT TAAAAAGNA 100

配列番号：2802
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03244
配列：
GATCCAGAAG CTGGNGGACG TNACCACGGN ACAGGTGTAA CCNTACCATA ANCCGTGTGA 60
GCAGAGTCCC TACCAACGGG CAGGTCTGCA TCCGGGGAGA 100

配列番号：2803
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03245
配列：
GATCTTTAAG ACAACAAGTT AGGTTCTAC TGGAGTTACC TGCCAGANTG GCCTCTTAAT 60
TAACTCAGGT AATGAAGAGC TAACTGTGTT ATAATCATCT 100

配列番号：2804
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03247
配列：
GATCTGCTAA AAATGGCAAT TGTAGAATNA TGTGTATGT AATGTACATA TGGAGAAAGA 60
ATGTATTTTN TCCATTTCTT TAATAAAATG TTATATATGG 100

配列番号：2805
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03248
配列：
GATCTCTGAG GCTNCGGTCA CCACCCACAA GTTGTGGCCT TGGATACCAC ACTNCAGTTG 60
GGTGGTGATG GGGTNGTGCC TTCTAACTTT TNCNTATCT 100

【0602】

【配列表512】

配列番号：2806

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03249

配列：

GATCAGAAGG ATACTGGTCG TTTTCTGACT TTTACAAAAT TACTTGTTCG TTTTCATTTA 60
AAAAAAGCA TAAACTATGT TTCTNGTTAC TATTAGAATT 100

配列番号：2807

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03251

配列：

GATCGATTCT NTGACACAAA CCCACCAAT TGTNAATGCA AGTTTTFATT TGGCTGTATA 60
TACAATTTAA GCTATTAAAA TTTGTACAAT ATTTACAAAT 100

配列番号：2808

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03252

配列：

GATCATTACA TCTNAGATGT ACGTNGGTTT AGTCGGAAAG GTGGGACGAT TTGAAGGGGA 60
GGNACTTTCA GGTATAGGC GGATTAAAN ATGTCCTGAT 100

配列番号：2809

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03253

配列：

GATCCAAGCT ATGANATANC CAACAGTATT CAAGANGCAA CCAGCACCAT CATGTGATAA 60
TGGTACTATG GCATATATGC AACATTAAAN TTTTAANTTA 100

配列番号：2810

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03255

配列：

GATCCAGTCT TAATTTGAGC ATGAGAGCAA AATTTAGTCA TCTACACAAG AAGCAAAAGC 60
AAGGAATAGT TGTGGGTTT TTNTTTTNG GTTGTNGTTT 100

【0603】

【配列表513】

配列番号：2811
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03257
 配列：
 GATCCAGGTG GTGTTACATG TCCATTTTCAT GTTTGGGGG CTTTtagccc NACAAAACAC 60
 CTTcAGTAGA GCCTTGATTA AAAGGAAACC TGNAGACTCA 100

配列番号：2812
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03258
 配列：
 GATCTTCCCC TAGGGGGCCC TCTTACTCCT NCCTCTCTCC TCCTCCTTCC CCATTGCTGT 60
 AAATATTINA ACGAAATGGA AAAGAAAAA AAAAGACAAA 100

配列番号：2813
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03259
 配列：
 GATCACACAT CANGACTATC TACAAAAATT TATTATATAT TTNCAGAAGA NAAGCATGCA 60
 TATCATTAAH CAAATAAAAT ACTTTTATC ACAACACAAA 100

配列番号：2814
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03261
 配列：
 GATCTAAATA CAAAGGATAT ACAGTCTTGA NTCTAAATA ATTTGCTAAC TATTTTGATT 60
 CTTcAGAGAG AACTACTAAT AAAATCTAA AAGGTAAA 98

配列番号：2815
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03263
 配列：
 GATCGTNCCT ATAAATAGTA GGACCAATGT TGTGATTAAC ATCATCAGGC TTGGAATGAA 60
 TTCTCTCTAA AAATAAAATN ATGTATGATT NGTTAAA 97

配列番号：2816
 配列の長さ：96
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03264
 配列：
 GATCACTAAA GTATATCTTT AATTCTGGGA GAAATGAGAT AAAAGATGTA CTTNTGACCA 60
 TTGTAAcANT AGCACAANTA AAGCACTTGT GCCAAA 96

【0604】

【配列表514】

配列番号： 2817
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03267
 配列：
 GATCTGCTGT CTCCGTCCCT CCTGGGTCCC AGCAGCTGTC CTGCAGCTGT CAGCAGGAGG 60
 GCCTGGCTTT AATAAAGAGT GGACAACTG AAA 93

配列番号： 2818
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03268
 配列：
 GATCAAGTTC GAGGAGGCAG TCATCGCTCG AAACCGGGCC CTGGAGGGCC GCTNACCCTG 60
 CCGGANATAA AGNATACAGA GAGCCCCTCC AAA 93

配列番号： 2819
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03271
 配列：
 GATCCATTCT TGTATTGATA GATATTGAA TGTTCAGT TTTTCCTATT ATGAATAAAA 60
 CTGCTATGAA CATTCTTGTA TAAATCAAA 89

配列番号： 2820
 配列の長さ：95
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03274
 配列：
 GATCGACAGC GTCCTGGCCT AGGGTGCCGG GGCCTGAAGG TCAGGGTCAC CCAAGCAACA 60
 AAGTCCCGAG CAATGAAGTC ATCCACTCCT GCAAA 95

配列番号： 2821
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03279
 配列：
 GATCTCTACA GAGAGAAGTG GAAAATNCTG TATCAAGGGT GGGCTTAGCT GTGCCTTTCC 60
 AATAAAGATG TGAGAAGCTT CAAA 84

【0605】

【配列表515】

配列番号：2822
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03281
 配列：
 GATCTTTGCC CCTGGTATGC ATTTNTGGAC TCCACTGAAT CCTGNGAAAA AAAATTAAAC 60
 TTCCTTCTTA CTTGCCAAA 79

配列番号：2823
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03282
 配列：
 GATCCTGTCA GTTCCATNAG CTATTCCTCT TTGGTTTGGC TTTTGTATAT NATTAAAAATA 60
 ATNTTTAATT CCTTTTAAA 79

配列番号：2824
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03283
 配列：
 GATCAATTTT TATAAAAATC GAGACAGTTC TGTGGTTAAA TCTACAAATT AAAGGGAAAT 60
 TAGAAGTTGG CGTGAAA 77

配列番号：2825
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03284
 配列：
 GATCTATTTT ATGCATATTG TTTATAAAGA CACATTTACA ATTTACTTTT AATATTAAAA 60
 ATNACCATAT TATGAAA 77

配列番号：2826
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03285
 配列：
 GATCACCATT AATCTGAAG TGNTTTTAAA ANTACTGAGA TTTCTTCAT ACTGGGCCAG 60
 GAATTTAACG AAGACX 76

配列番号：2827
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03286
 配列：
 GATCTTCAGT AAGTCTCTCA GGCTCTCTGA GCTTGTCAT CCTTTGTTTT GAAAAAATTA 60
 CTCACCAAT CCAA 75

【0606】

【配列表516】

配列番号：2828

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03289

配列：

GATCCCTTCA CAGCAGTAAA CCAGCTCTTT GGAACCGATT CCATCACCCC AATAAAGGAG 60
CTCTTCACAG CAAA 74

配列番号：2829

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03294

配列：

GATCTGTTTC TTTTTTNATT TACACTTTTT CTTTCCGGTT TGCCGGAATA AACAGGACCT 60
TTGACATTTG AAA 73

配列番号：2830

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03296

配列：

GATCCATTCT AAGACTTATT GGCTGTTTGG AAGTGATAGC AAATAAAAAC CACCTTGAAC 60
TGAAA 66

配列番号：2831

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03297

配列：

GATCCGAGGG AGAGGGGTGG GAAGGGGAGA AAATGAAATA AAAGATAATT NCTGAACACG 60
CCGAAA 66

配列番号：2832

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03299

配列：

GATCATTGAA TTTAAGGCCC ACCCCAAGTC CAGANTGACC TCGCAAGACC CTTAACCTCAC 60
AAA 63

【0607】

【配列表517】

配列番号： 2833
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03300
 配列：
 GATCTTTTGT ACTTNTNATA ACCTAATGTC AGACTAAGAA AAATAAAATA TCTGAGAGTA 60
 AA 62

配列番号： 2834
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03304
 配列：
 GATCCCTTCG AGACTAANTC TGTTACCACT CATGAAACAT TAAACCTAC AAGCCTTAAA 60

配列番号： 2835
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03305
 配列：
 GATCTTTGTC TTTTGTGATG ACAAAGCATT TATTTAATAA AGTTATGCAN TCAGTTAAAA 60
 AAANCAAA 68

配列番号： 2836
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03306
 配列：
 GATCAGATTT TTTATGCCAT CCTCATTAGT TTTCCAATAC AATATAAGTT GAAACAAA 58

配列番号： 2837
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03307
 配列：
 GATCTCAGAC TTCTGGCTTC CACAACTGTA ACAATAAATT TATGTCGTTT AAGCCAAA 58

配列番号： 2838
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03308
 配列：
 GATCCACTGG GTGAATCCTC CCGCTCAGAA CCAATAAAAT AGAATTGACC TTTTAAA 57

【0608】

【配列表518】

配列番号：2839
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03310
 配列：
 GATCTGTGGT CATTGTCCCT CTGCAGAATA AAGATTGCTC AGGCCTGCCT GGCAAA 56

配列番号：2840
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03311
 配列：
 GATCTTTGGT TTGTTTCCAG GTTTGGTTAT TATNAATAAA GTTGCTGTGA ATACTTAAA 59

配列番号：2841
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03312
 配列：
 GATCTTCATT GGGGGATTGA GCAGCATTTA ATAAAGTCTA TGTNTGTATT TNAAA 55

配列番号：2842
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03313
 配列：
 GATCTAAGAA ATAAAGAGAA ATGTTTCANT TTGCATTGAA ATAGGAAAAC GAAA 54

配列番号：2843
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03315
 配列：
 GATCATNACT GGCTTTGCGC ATCGAGGGGC CATTAAAGAG TCTACTTTTC AAA 53

配列番号：2844
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03317
 配列：
 GATCACGCCA CTGCNCTCGA GCCTGGNCGA TGAGAGTGAA ACTCCGTCTT AAA 53

【0609】

【配列表519】

配列番号：2845
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03318
 配列：
 GATCTTTTAA AACTGCAAG TGTGAATAC TAGAGTTGT TAGACNTTA AA 52

配列番号：2846
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03319
 配列：
 GATCTTGCCA CTGTAGTCCA GGCTGGGCTA CGGAGAGACC CTGCCTCCAA A 51

配列番号：2847
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03324
 配列：
 GATCCTTGCT GATAAATATA ACCATCAATA AAGAAGCATT CTTTCCAAA 50

配列番号：2848
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03325
 配列：
 GATTCACCA CACTGCAACC TCTGGCGACA GAGCGAGACT TGGTTTCAAA 50

配列番号：2849
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03326
 配列：
 GATCCACCCA CTCTCTGAAA CTTCTTTGCT AATAAAACAT TCCTACTAAA 50

配列番号：2850
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03331
 配列：
 GATCTTTTTT TTTCTTACA GACACCCATA ATAAAATATC ATATTAAAAT TCAAA 55

【0610】

【配列表520】

配列番号: 2851
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03332
 配列:
 GATCCAGGGG GAAATGCTGG AAGTCAATAA AACTGAGTTT TGAGAGCTTG AAA 53

配列番号: 2852
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03356
 配列:
 GATCCACATA AAAAGAAATG TGAAGTTTTC TTTTACTATC TTTTCATTTA TCAAGCAGAG 60
 ACCTTTGTG GGAGGCGGT TGGGAGAACA CATTCTAAT 100

配列番号: 2853
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03374
 配列:
 GATCTGCTGA TTGCATTATT TTAATTTGCT TTTCTGGGAA AGCAGTTTTG CTAAAAGCTG 60
 TACAGACTTT TNCCTTTGTA CCTAGCAGTA CTTTATATAG 100

配列番号: 2854
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03375
 配列:
 GATCCCATGG GTGGCACATT GGGACTTCTN TCCCTCCCCC ATCTACACAG AAGACTGTCA 60
 CCATGCTGAC AGAAGCCTGT CTTTGTAAAG CCCAGCCTTC 100

配列番号: 2855
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03376
 配列:
 GATCTGGGCT TCCTNACTTC TGGAGAAGTG GCCATCCCAT GCCCACCTTT NCCATGGAGG 60
 AGTGGGCCCCT GCCAGCTGCC ACAGCTGCAT GACCTGCTTC 100

配列番号: 2856
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03377
 配列:
 GATCCTGATG CTGCCAGAGC CATTGTGGAT GCTTTACCAC CACCCTGTGA NTCTGCCTGC 60
 ACNGTACCAA CAGACGTGGA TAAGTGCTTC CATCACCAGA 100

【0611】

【配列表521】

配列番号：2857

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03378

配列：

GATCAAAGAT GAGGCCACAA GGACACCAGC AACTGAAGAG GCTGCCTACT TGGTATCAAG 60
ACTGAAGGAG AACTACGTTT TGCTGAGCAC TGATGGCCCT 100

配列番号：2858

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03379

配列：

GATCGCACAC ATGCTTTGTT TGGATATGGA GTGAACACAA TTATGTACCA AATTTAACTT 60
GGCAAACCTT CTATTGCCTG TCCCATGTGC ATCTTATTTA 100

配列番号：2859

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03380

配列：

GATCCACCAG CTGAGCAGGG CGGGGCTGAG TAAATGCCGG CTACCATCT CTACCATCAT 60
CCGGTTTAGT CATCCAACAA GAAGAAATAT GAAATTCCAG 100

配列番号：2860

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03381

配列：

GATCTTGCTG AAAGTGTTTC TAAAGATAGC ACCACTTTTT TTTTNAAGC TTTTATATAT 60
NAAAAAACGT ATCATGCAAA 80

配列番号：2861

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03382

配列：

GATCTTAGTC CTAGCCTTTT TGCTTTTGCA ATTTCACTAT CTTTCATCTCT AAACCTAGGGA 60
AACACTGGGA TTCTTTCTTA GCTGTGGGGG AAGGTATTTC 100

配列番号：2862

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03383

配列：

GATCCAGGGC AAGGCCATTG GGATATTCTG AAACCTGAAT ATTTTGTTTT GTGCAGAGAT 60
AAAGACCTTT TCCATGCACC CTCATACACA GAAACCAATT 100

【0612】

【配列表522】

配列番号：2863

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03384

配列：

GATCCCAAAC CTAGCCCCCT AGTGGGACAA GGACCTGACC CTCCTGCCCC CATACACAAC 60
CCATTTCCCC TGGTGAGCCA CTTGGCAGCA TATGTAGGTA 100

配列番号：2864

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03385

配列：

GATCTGTCTAT CTGGTGCTGC CAGCTGTGCT CACTCTGGTT TTCTGCTCAG GGTCTGAAGC 60
AGCTGCTGTC TNCCTCCTCT GGGGGCATCC CCTGGCTCTC 100

配列番号：2865

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03386

配列：

GATCTCCAAC ACTATCCGAT AAAGTAGAAG CAACTGAGGT ACCGTGAAAG AGAAAGGAGC 60
TGGAAGTGAG AAAAAGCAGA GGATTCGGAC GGAGAGCGCG 100

配列番号：2866

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03387

配列：

GATCCCCCA AGGNGAAGTG TGAGACAATG GTCTATCACC CCAACATTGA CCTCGAGGGC 60
AACGTCTGCN TCAACATCCT CAGAGAGGAC TGGAAGCCAG 100

配列番号：2867

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03388

配列：

GATCTAGAGT ATGNTGAAGA AGATGGACAT GTGGTGGTAC GAAAACAATT CCCCTGTGGC 60
CTGCTGGACT GGGTGAACC AGAACAGGCT AAGGCATACA 100

【0613】

【配列表523】

配列番号: 2868
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03389
 配列:
 GATCTGGGGA GGCAGGCATT CCTGAAGGGA ACTAGAGGTG TTACAGAGGA CCCTTACGTG 60
 AGAAATAGCT GAAAAGGGCA CTCGCAACCC TGGGCTGGGG 100

配列番号: 2869
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03390
 配列:
 GATCTGGGTG TGGCCAAAAA CAATTTTNTT TATTCTGTCT ATCAAATAGT ACTTCTACCA 60
 CTGTTTGGAG AAAATTGAAG AAAAGAATAA GATGATTAAA 100

配列番号: 2870
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03391
 配列:
 GATCTNTCTC CAAGACCTTG GCCTCTCCTT GGAGGACCTT TAGGTCAAAC TCCCTAGTCT 60
 CCACCTNANA CCCTGGGAGA GAAGTTTGAA GCACAACCTC 100

配列番号: 2871
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03392
 配列:
 GATCTAGTTC TACGTATTAC ACAGGTGTAA TATCTGTGAG TGTAAATAAC TGGAACGTGA 60
 CACTGATTAA CATGHCAGTT TCTCTTTTGT TGTCTTATC 100

配列番号: 2872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03393
 配列:
 GATCTATGAG CCTGTNTNGG ACAGCCAGAT GGTCAATATA GTCACGGTGG TGTCCGTNTT 60
 GCTGTCCCTG TTCGTNACAT CTGTCCTGCT CTGCTTCATC 100

配列番号: 2873
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03394
 配列:
 GATCTCAAGA CCAAAGACAG ATGTCAGTGG GCTGCTCTGG CCCTGGTGTG CACGGCTGTG 60
 GCAGCTGTTG ATGCCAGTGT CCTCTAACTC ATGCTGTCTT 100

【0614】

【配列表524】

配列番号： 2874

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03395

配列：

GATCTTACT TTTTACTTT TTATTCATCT TTGTGTTTT ATTTATCTAA AATGGGTATT 60
GATTTTAAGG ACGGTTTGA AAAAGAAAAG TCTTGGAAT 100

配列番号： 2875

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03396

配列：

GATCCGCTGT ATTGTGGAGT ATCAGAACAA GGGCCGCGGG AACGAGNGCG TGCAGTACCA 60
GCATGTGTTA CATAGAAATC TCATTTATTT GGCTACCATT 100

配列番号： 2876

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03397

配列：

GATCGGCCTG CTGCTCCGCA ACTTCGACCG CTACGGCGTG GAGTGCTGAN GGACTCTGCC 60
TCCAACGTCA CCACCATCCA CACCCCGGAC ACCCAGTGAT 100

配列番号： 2877

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03398

配列：

GATCCTGGGT GTTNTGTAA GGGTNTGCC AAAGGAGGTT AACATTGGAC TCANTGGGCT 60
GGGAAAGGC AGACCCACCC TTAATCTGAG TGGACACCAT 100

配列番号： 2878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03399

配列：

GATCGAGTCT ATACGCTGAA GAAANNTGAC CCGATGGGAC AACAGACCTG CTCAGCCCAT 60
CCTGCTCGGT TCTCCCCAGA TGACAAATAC TCTCGACACC 100

【0615】

【配列表525】

配列番号：2879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03400

配列：

GATCCTGGGG GCCTGGGTTG GGGGCTAGGG AGACGCCATG TGATGGACAC TCCAGGGACA 60
CACAGCCTAG CACAGCAGCT TATAATGGGC TCTCCGGGGC 100

配列番号：2880

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03401

配列：

GATCTGAAA GGACATGACT TCTGAAATAG CCGCTGCTGG GTTTTAAAG CTGAGGTCTC 60
TCAAAGTGTG GAGGAGACGT TGCCGTCAGN GGGAGCCAAG 100

配列番号：2881

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03402

配列：

GATCTAAAC CCAAAGTACG AGAAATGTTT CTGTTGAATG TAATGCTACA TGAATGCTTG 60
ATTTATCAAG CGCCAAAAAG GCATTGTATA GTAGGAAATG 100

配列番号：2882

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03403

配列：

GATCCAAAGT GACCCACCA GGGGACAGCC AGAGGAAGGG GACCATGGGG TATCCNHAGT 60
GTCTGGTCT ATCACCACAG CTTCTTTGTC CCCCAGTACC 100

配列番号：2883

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03404

配列：

GATCTTATTT TCTGAGAAAT TGATAGCAAA TATGCCAGAA AGTGGACCTA GTTATGAATT 60
CCATCTAACC AGACAAGAAA TAGTATCATT ATTCAACGCA 100

配列番号：2884

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03405

配列：

GATCACTTCA GCTGCCTGCT GTGGACAAAG AACATCAAAT TACAGCATCA CGAGTGCTAT 60
TNTTGCCTGT GGTGGTCTCC CTGTCCAAGC GGGNCCGCTT 100

【0616】

【配列表526】

配列番号： 2885

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03406

配列：

GATCGGCGTG ACCACCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTNA AGCACCTNTT TGCCAGCCAG 60
AAGGCACTGA AGGAGAAGGA GAAGGCCTCC TGGAGCAGCC 100

配列番号： 2886

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03407

配列：

GATCTACAGA GTTAGAAATT CGAAAACTAT TCCAGGACTA ATTCTTAATC GGCATTATTT 60
ATACAAGAGG TCAAGTAACA TTTACTAGCG CAATACTGCA 100

配列番号： 2887

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03408

配列：

GATCACCTC CTCCCAAAA GCAAGAGCTT GTTTATGGCT GAGGAATCGG CGGATTGTCT 60
GAATGACACA TATACAGAGC CCCCACGGAT TTCTNCACAC 100

配列番号： 2888

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03409

配列：

GATCCAATCA CCTCCACCA GGCTCCACCT CGAATACTGG GGATTACCAT TCAGCATGAG 60
ATTTNGGCAG GAACACAGAC CCAAACCATA CCACACACAT 100

配列番号： 2889

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03410

配列：

GATCTATGGA ACAGAGGAGG AGCGATGCAG TTGGGAGAGG AAGCTAGAAG GGTATGGTT 60
GGAGTTCTGT ACAGTGTGA GTTTCGACA GGGAAAGAGG 100

【0617】

【配列表527】

配列番号: 2890

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03411

配列:

GATCTTCAGA AACCTTGCTA GGAGAAGTTA ATGAAAATAG AGTATCAATA GCATTGAAAA 60
 AAACCTCTGA AATCCTTCAC GATATTGACT GTCTTCTATC 100

配列番号: 2891

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03412

配列:

GATCCAAGCG GAGATTGACG CTGCAGCGGA NACTCATCGA CTTCTTCCGG TTCAATGCCA 60
 AGNATGCCGT CGAGCTGGAG GGGCAGCAGC CCATCAGCGT 100

配列番号: 2892

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03413

配列:

GATCCTCCTT CTAGCTCATC TGTAGATACT AGTAGTAGTC AACCAAAGCC TTTCAGACGA 60
 GTAAGACTTC AGACAACATT GAGACAAGGT GTCCGTGGTC 100

配列番号: 2893

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03414

配列:

GATCTGCCCC TCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTATGAGCCA CAAGGCCCAN 60
 CCATCATTTA TCTTTTTCAC TCATTTTTC ATGAGTATGC 100

配列番号: 2894

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03415

配列:

GATCACCTNT GGCCTGTTCC TNCCAAAACN GCATAGCCCC AATCTAATAT CATCCCGAGG 60
 AAATACCAGA CACACGCAAG GGAAAGGACA TTCTACAAAG 100

配列番号: 2895

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03416

配列:

GATCTCCCTT CGTGGAGACG ACACCGGGGT CCTCCTGCCC ACCCCAGGGN AGGCCCAGGA 60
 TGCTGATTTG AAGGATGTAA ATGTGATTCC AGCCACCGCC 100

【0618】

【配列表528】

配列番号：2896

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03417

配列：

GATCTCTGCT GTGNCTCCCA GAGTTACTGC TGCCAGACTG AACTGGAAGG GGAGGATGTA 60
GGAGCCTGCA CAGCTCACAC CTACTCCTGT GGCTCTGGAG 100

配列番号：2897

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03418

配列：

GATCTTGACC ATGACAGTTT TNCACITTTA ATGAAACGGG GAACCAAGAG GAACTTACTT 60
GTGTAACINA CAATTNCTGC AGAAATCCCC CTTCCTCTAA 100

配列番号：2898

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03419

配列：

GATCTAGAAG ACGATTAAGG GAAGGTCGTT CTCAGTGAAA ATCCAAAAAC CAGAAAAAAA 60
TGTTTATACA ACCCTAAGTC AATAACCTGA CCTTAGAAAA 100

配列番号：2899

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03420

配列：

GATCTTGAGG GCAGACAGCA GAATTCCTCT TATAAAGAAA ACTNTTTNGG AAAATACGTT 60
GAGGGAGAGA NGACCTTGGG CCAAGATGCT AAATGGGAAT 100

配列番号：2900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03421

配列：

GATCTGCCGT GTCCTTATAA AGTGGATGAA AAATNTTTTG TACCCATCTN GAAAACCAAC 60
AACTTGAAAT CTNAGGTATT CCAGGTCCT NACATGAATT 100

【0619】

【配列表529】

配列番号：2901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03422

配列：

GATCCACTGA TGGCTCCAGA CCCCAACTTT AGCCATTGCA CGTGTGAAC TCCAGGTTGA 60
GCCTTTGCTG GAGCCGCCGT CAAGGNGCAT GTTGACCAA 100

配列番号：2902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03423

配列：

GATCAGGAAA GTCATACTGT TCACITTCAG GNTGGCTGTC CCCCCGCCG AGCCCCCCA 60
CCCCCATATG TACAGATGAT ATAGGGTGT GGAATGTCGT 100

配列番号：2903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03424

配列：

GATCACCGGA CACAATCCTG CAGAAGGACA CACGACTCTA TTTCCTACAG TCGGAAACTT 60
GTCATTCTAG ATGTTCTGTT GCCAGTATCA AAACCGGCTT 100

配列番号：2904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03426

配列：

GATCAGATAG GAGCACAAGC AGGGGACGGA AAGAGAGAGN CACTCANGCG GCAGCATTCC 60
CTNCCAGCCA CTGAGCTGNC GTGCCAGCAC CATTCTGGT 100

配列番号：2905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03427

配列：

GATCGGGGGA GGGTAAATAA TGCAAAAATT GCACAGTGGA AGAAGGGGTC TCACAAAAAG 60
CAATCCATCC TGTAGTATAG GTANNNGHT TGGGGGAAGC 100

配列番号：2906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03428

配列：

GATCTGGGTG CCTTGGGAGA NCCAGTCCTT CCTTTTACC CACCCAGGA AGATGGAGTH 60
CTCTTTNCTA GGCCCATGTC CTGCCAGCAA CCGGGATGCC 100

【0620】

【配列表530】

配列番号：2907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03429

配列：

GATCTGTGCN GTGGTCCTNA GGCAGTTGTN TCCACACAAG TACTACTTCC TCGTGGGCTA 60
CAGTNAAACT TTGCTGTCCT ACTTTAACAA ATGTCCTGTG 100

配列番号：2908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03430

配列：

GATCTACTCT GTATGGGTAC CAAAATCACC TTCTCTCTTC AAGTCAAAGT TGAATTTAGA 60
ACTTTGAATA CAGGTCAAAA AATGTAGAAA ATATCATTTT 100

配列番号：2909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03431

配列：

GATCCCAAAC CAAATCTTAG AATCANTTCA TTTAAAATAC TGAGCGGTAT TGANTACTTC 60
GAAGCAGAAC AGGCAATGTG CAGCCCTCAT TTATGAGAAA 100

配列番号：2910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03432

配列：

GATCTGAAAT AACATTAATT TGATTGTAAC CCTATTGGGG TTAGTTCCCA CCCTTTGTTT 60
CATCTTGAGC AGAGATGNGC TGCATTTCTT AACGTTTGGT 100

配列番号：2911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03433

配列：

GATCTTCCCA CACCAGCCTC CAAAATACT GGGATTACAG GCTTGAGCCT CCATGCCTGG 60
CCCAGGTAAC ATGTTTATTG AGCTGTACAT GCATATGAGA 100

【0621】

【配列表531】

配列番号：2912
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03434
 配列：
 GATCCAAGAC CAGGGTGGTT GGGGGCTGCC CCTGGCCGAG TCACTGAAGC GACTNATGTC 60
 CCTGTNTCCA GGACGANCTC CTCTCCTACT TTGGGACGCC 100

配列番号：2913
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03435
 配列：
 GATCTGCNCG GGCNTGTNCA GCTGCAGCAT TCCTGAAAGA TTTCGTAACCT CATCCTAAGT 60
 GGGCACATTT AGACATAGCA GCGGTGATGA CCAACAAAGA 100

配列番号：2914
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03436
 配列：
 GATCAGCTCT TTCTATTTTT ACTCGTAAAA ATTATGGAAA TAAATAATTT TGCTAACAAC 50
 TTGAAATTT CAACTTCTG GAAANATGA AAATATTCAT 100

配列番号：2915
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03437
 配列：
 GATTCCTTG TTAGTGGTGG TAGGGAGCTA GACAAGGATG GCAACTATTT CTGTATCTTA 60
 CATACCTTTT ATTTGAGGC CCTGTCAATG TTTTATATAA 100

配列番号：2916
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03438
 配列：
 GATCCCGGGA GACCTGGGGC TGCCGAAGAA GCTCTGCTCC AAATGGAGAG TGTAGCCTGA 60
 GGGCTGGTGT TGCCTGCCTC CCCTGTNCTT GTNCTTGTG 100

配列番号：2917
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03439
 配列：
 GATCCCTTCC CCAAGATAC TCTTTGTGGG GAAGAGGGGC TGGGGCATGG CAGNCTGGGT 60
 GACCGACTAC CCCAGTCCA GGAAGGTGG GGCCCTNCCC 100

【0622】

【配列表532】

配列番号：2918

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03440

配列：

GATCTGCTTA CCAAGCATAT TAGGAAATAC CTCTTAGGAA GCATTAGCGG TCTCAGGCCA 60
ATTACTGTGG AGCAGCTTTC ATTCCTACCC ACTTGCAAAC 100

配列番号：2919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03441

配列：

GATCAGTGTT ATATTTTACT GGAGAAGCTA TTGAAGATGA TGATGATGAT TATAATGAAG 60
AAGGTGAAGA AGCGGATGAG GTAATGTTTA CCAAATAAGC 100

配列番号：2920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03442

配列：

GATCCCCACC TGCCATCCTA TAGTGTGTG TTCCTGTGTG FTCCGGGGCT TCTGGGCAGC 60
TGGGCTGCC CGGGGAAGTC CTTGCAGGTG GGAGGCCATA 100

配列番号：2921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03443

配列：

GATCTGGTTA AGTTGTGTAG TAAAGCATTG GGAGGGTCAT TCTTGTGACA AAAGTGCCAC 60
TAAACAGCC TCAGGAGAAT AAATGACTTG CTTTTCTAAA 100

配列番号：2922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03444

配列：

GATCAGAGCA CAGTTGAAAT TCATGGAAC TGCATTATTT AAGCAACCAG AATTCACAC 60
TGTAGGAAGG TTTTGAAAAT TGTTTCGTTA TAGATTTTAT 100

【0623】

【配列表533】

配列番号：2923
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03445
 配列：
 GATCGGTAGT GTTGTGTGTA GGCCATTCTT CTGGAGAGCC ACAAGCAGGA AGAGCAGCGC 60
 TGTGTTGCAG AATGGAGTTC CATGCATTTC TACCAGACCA 100

配列番号：2924
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03446
 配列：
 GATCCATAGT GAAATTGCCA GAGTTTTGCC TGCTGCTTTC CTCGTGGCCT CTTCTTGGGT 60
 AGTGAAATNA AGTGACATTT GGATTTTAAT TTGGGTGGGA 100

配列番号：2925
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03447
 配列：
 GATCGGACAT GAAAGNACCC TGNGAGTCCA TTGTCTTANC TCCAGCGGCC CTGTCATCCA 60
 GCTCACTCAT CAATGGGGCC AGTCAGGCC AGGCACTGGG 100

配列番号：2926
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03448
 配列：
 GATCTGCTTT CAACACTTTT AGCTCTTCTA GAATTTTACA AAAATGGTAT CGGATGTACA 60
 GCATGGACCC TTCTNTGGTG GGCTTCTTTA CTGTAATGCT 100

配列番号：2927
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03449
 配列：
 GATCCATCCG CTTTGGCCTC CCAAAGTGCT GAGATGACAG GCATGAGCCA CTGCACCCGG 60
 CCATATAATC AAATTTTTAT TGATTTTAGA GCAAAGGACT 100

配列番号：2928
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03450
 配列：
 GATCTAATTA AAAAAAAGGC AATATTTTGA TATTAAGTA CTATACTAGG AGAGAATGTT 60
 TCANAACCTC CTGATGAATT TCTAAGTGAG CAACTTGATA 100

【0624】

【配列表534】

配列番号： 2929

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03451

配列：

GATCAAACCA GCTCTTNTNA CCCAAACCAN TGCCGCTGCA TTAAAGGGAG GCCCAGCTAC 60
TCCTTCCCAG CTGAGATGTG GGTACAGGTC AGATTNTCA 100

配列番号： 2930

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03452

配列：

GATCTGCCCT GTACAGCCAT GTAGGCTGTG CGCTGCATAA CTCCAGGGAC ATGAGTCACA 60
CAGACACAAT GTGAGTGTGC TCCCCGTCA TGCAACATCT 100

配列番号： 2931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03453

配列：

GATCCCCAC TAGTNCCCTC CCTCTNCCCC TGTAATCCTG GTCTAATAAC CCCCCACACA 60
TACACCTCTG GTGACCTATT TGCACAGACC GTNGTCTTCC 100

配列番号： 2932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03454

配列：

GATCAAACCG GTTCTNTCCT TTCTTGTTT GCCATGTTAC TATGCCTCAA GCCCAGTTTN 60
CTTTTNCCGC AGCGATGGGG CCAGTCTCAT TCCTCCCCAG 100

配列番号： 2933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03455

配列：

GATCCGGGGC ATGCAGAAGC TGAGCACACC CCAGAAGAAG TNAGGGTCCC CGACCCAGGA 60
GAACGGTGGC TCCCACAGGA CAATCGCTGC CCCCCAACCT 100

【0625】

【配列表535】

配列番号：2934
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03456
 配列：
 GATCCTTGTT TTGTTGTCAT GGAAACTTCG GGGCTGGTGG GACTTAGGCC AAAAGCTCAG 60
 AGGCACAGCC AAAATTTAGA AGCTTGCTAC TCCTACGACT 100

配列番号：2935
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03457
 配列：
 GATCCAGGCC GGGCCTATAC AGAGGTGCTG GCTGCTTGTT TACATTCTCC TCTGGGGCTC 60
 TACCTCTCCA CACTTCCCCA GAAGGAAAAA GGGCACCCCTG 100

配列番号：2936
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03458
 配列：
 GATCACAGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGAGAGAA TCATGCTGTT 60
 GCATTTAGAA CTTNCTNCTT TGCACAGGAA AGAGTCACAC 100

配列番号：2937
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03459
 配列：
 GATCTCCTTT TGTGAAAACC AGTTTGATGT GCTAAAAGTA AAAAGTCTAN TTTCCAGTGT 60
 GGTCTTGTTT AGAAGCAGCC AGATTTCCAA TGTGTTTTT 100

配列番号：2938
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03460
 配列：
 GATCTATCCC TCGGNCCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
 GCCTAGCGGA NCCAGCCTGG GAGCCCAGAG GGTGGCAAGA 100

配列番号：2939
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03461
 配列：
 GATCAGGAAA CCAGAAATAC CACATTTATG GACCATGAAN GGTGTTTCT TGA CTCTGAA 60
 GGGACTTTTG AGTTAATCAG CGTAAGGGGA TTTCTAAAGC 100

【0626】

【配列表536】

配列番号： 2940

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03462

配列：

GATCCCAGCA GCCCTCCCTT CACCGTGACC CCTGACCTTT GTTAGGAAGG TGCAGTTTTT 60
NTTCTCAATC TAAATNCCTT TNAGGTGGGC CGCTTCCTTG 100

配列番号： 2941

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03463

配列：

GATCCCTAGC AGCTCATCCT GCCCTTTGAA TACCCTCACT TTCCAGGCCT GGCTCAGAAT 60
CTAACCTATT TATTGACTGT CCTGAGGGCC TTGAAAACAG 100

配列番号： 2942

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03464

配列：

GATCACCGGT TTCCGACTGA GTCTGGGGAT TTTGGCCTTG TTGACCCTCC TAGGTGCCCT 60
GGGAATTGCA AACAGCTTTC TGGATGAATA TCTGGACCTC 100

配列番号： 2943

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03465

配列：

GATCTACTGT GTGGTGTCTG GGCAGATGAA AGTACACTGC TTAGNGTGAT GCTTAGCATG 60
GGGCAGATGC TTGGTAAATT GTAATCACTT TTGTTGTCAG 100

配列番号： 2944

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03466

配列：

GATCTATGGT GCAGACTGCC TTCGTCGGGT GCAGACTGAG CGACCGNAGC CCCAGACACT 60
ACAGCTGGAT TNCTTGATGA AAATCTTGCC AAATTACCAC 100

【0627】

【配列表537】

配列番号: 2945
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03467
 配列:
 GATCCTGTGA TATGGITTTT GGGCCAGCAA ATCTAGGAGA AGATGCAATT AAAAATTCA 60
 GAGCAAAACA TCACTGTAAT TTTGCTGTA GAAAGCTTAA 100

配列番号: 2946
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03468
 配列:
 GATCCCGCAT GCCTGAATTC ACTAAAGCCA AGGGTCTNTA AGCCACGCTN NNTCTTCTGA 60
 GACTTCCATT CTTTCTGAT TGGCACACGT GCAGCTCATG 100

配列番号: 2947
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03469
 配列:
 GATCTAAAT GITTATTCCT TCCTAGTGT ATTAATCTCT GTGTGTTTTT TTTGGTTTTG 60
 GAGGAGGGGT ATGAAGTATC TTTGACATGG TGCCTTAGGA 100

配列番号: 2948
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03470
 配列:
 GATCCATCTN CCCTCATAAA AGTGTTGAGG TACAGCAGCT GAGGCTGCCC TGAGGAATCA 60
 NGGGGCCATT ACCAAGGGG AGGTAAAGG TATNTAAGAG 100

配列番号: 2949
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03471
 配列:
 GATCTCAAAT CCTGGAACCC CGATTTCAT CTACCTTCTA GTCAGTGGCC TCAAAGGACC 60
 CCACAGCACC TGGGCCAGAC CAACAGCTCG AGGGAGAACC 100

配列番号: 2950
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03472
 配列:
 GATCAGCAGA AAGCACAAAC ACAACTGCTT CTGTATTGAG GAGGTTGTGA GTGGGCTGCG 60
 GCANCCGTTG GTGCCCTGCA TAGTGGGGAT GGCTCGCAAC 100

【0628】

【配列表538】

配列番号：2951

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03473

配列：

GATCAGCAAA AATAAAGGGG CTACAGAAAC ACTCATTTTT ATGCTGTTCC CTCTTGGGCT 60
TCATGCAAAG ACAATTCTNT GTAAATNTAC AGTTGACTCT 100

配列番号：2952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03474

配列：

GATCCCACCC CCAGCCATTT GCATTGCTGG CCCAGCGCCT GGCCTGGGGG GCGGGGAGAG 60
GCAGCAGAAG GGGCTGGGCA GGGGCGGTGG AGGACTCAGG 100

配列番号：2953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03476

配列：

GATCAGCCGG AAACCCCTGG CAGCCAAGAA CAGATAAGGA AGGGATTGGC ATCGGCTGGC 60
CTTCCAGCAC CTTCTCTCTC CAACACTTCA TTCTCTCTTG 100

配列番号：2954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03477

配列：

GATCTTGCCC GGTGTCCTGG TCCTCTTGCT TCCGTGCGGG CCGCATGTGC GTGTGTCCAA 60
GCAGGTCCTG GCGGCCTCAA CTGCTGCCCC TGGTTGAATG 100

配列番号：2955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03478

配列：

GATCCGAGGG CGATGGGACA GTGCACCGCA GATAGAAGAG GAGGACGTGC AGCATGGTGG 60
GAAACGGGGA CACCACCTCC CAGGACGACT GTTTCAGCAA 100

【0629】

【配列表539】

配列番号：2956
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03479
 配列：
 GATCACCTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG TCTGGCCAAC ATGGTGAGAC CCCATCTCTA 60
 CTAATACTAC AAAATTAACC AGGTGTGGTG ATGCATGCCT 100

配列番号：2957
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03480
 配列：
 GATCATGCCT GCGTGACAAA GCCTCCAGAA AAATCCTTGA AAGACAGGAC ATGGAGAGCT 60
 GCTGGGTTGG CGAACACATC CATGTGCCGG GAGGATGGTG 100

配列番号：2958
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03481
 配列：
 GATCTAAACA GTGAATAGTA CATGCAAAGG CATAGTCTAG AGGATAAAAG TGAATAAAT 60
 TAGTAGCAAA ATNAATGCCT TGTGGATGAG GTTAGGGGC 100

配列番号：2959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03482
 配列：
 GATCCCTTTG CTGTGAGGGT AGAAAACCTC ACCAACTGCA CCAGTGAGGA AGAAGACTGC 60
 GTGGATTTCAT GGGGAGCCTC ACAGCAGCCA CGCAGCAGGC 100

配列番号：2960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03483
 配列：
 GATCTTAGAT TTGATGAAGC ACAGTATGCA GGTAGGCCTA ATGGGGGAAG ATGGTAATAT 60
 AAAAGCAAGA AGTATTTTTT TTTTGNAATG NCTGAAAGCT 100

配列番号：2961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03484
 配列：
 GATCTCGGGG GTGTGGGGCC CTGTGCCTTC CTGAAGTGCT GGCAGCCCAG TGGCACCTCC 60
 TTCAGGCCTT TGGGGTATTC CCCTAGTGTG CCAAGTNAG 100

【0630】

【配列表540】

配列番号： 2962

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03485

配列：

GATCCTCTCC CCTAGTATNT TCAGCACATG CTCACTGTTT TCCCCATCCT TGTCCCTTCCC 60
ATGTTCAATTA ATTCATATTG CCCCAGCGCT AGTCCCATT 100

配列番号： 2963

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03486

配列：

GATCTTTTCA GAGTGGTGT TCTAAAAGAG CATGTACAAA AGTGGCCTGT GGACATTTAG 60
GCCTAAAGTG ATGCATTTNC TCTTCCTNTT TGTGCCAATG 100

配列番号： 2964

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03487

配列：

GATCAAGGAT GAGGATTAGC ATCTGCAAAAT TGAACCTCTAT CTAATTNCA TTTTATTTT 60
TTAGAATTGT AATTAAATTT GTGTAATAAA TGTNTTCCAT 100

配列番号： 2965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03488

配列：

GATCTATGTA AAAGAATACA ATTCTTTTTT ACATAATTAG TGAAATTTTA TTTTTTATTA 60
GGAAACACTA AATAGTGTA TATTTCTTTT GCTTTTAAAA 100

配列番号： 2966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03489

配列：

GATCAAGGAA CTTTTCTTAT AACCTGCAAT CAGCTACTCA GCCAAAAAAC AAAACAAAAAC 60
CTTGACTGCC TATGGAGGAA GACTGTGTTT GGGGGAGCTG 100

【0631】

【配列表541】

配列番号：2967
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03490
 配列：
 GATCTTCTCT GTGAATCCAC CCCTGGCTAC CCCACCCCTG GCTACCCCAA CGGCATCCCA 60
 AGGCCAGGTG GGCCTCAGC TGAGGGAAGG TACGAGCTCC 100

配列番号：2968
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03491
 配列：
 GATCACACTT HGGCCTTCAC TGCAGCGTGG TGTGGCCACC GTCCGTTTCC TCTGGCCTT 60
 CCTCCGAGTC CAGGTGGACT CTGTGGATGT TTGGATGTGG 100

配列番号：2969
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03492
 配列：
 GATCTGAAAA TTCTTGAAA TTGTTCATG TGATTAACAT GGAAGTGCCT CTACTTAATC 60
 ATTCTGAATH ATAAATCGT TTCATTTTCT AAATGCNTTA 100

配列番号：2970
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03493
 配列：
 GATCTTNTCT GTNTGGGTGG GGAGCCGGCC GGCCGTGACC CAACGGCATC CCAAGGCCAG 60
 GTGGGCCCTC AGCTGAGGGA AGGTACGAGC TCCCTGCTGG 100

配列番号：2971
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03494
 配列：
 GATCGTATAT GTGGGTCCCT TCCCTAGAAG AATGGTTGCT GATATGGCTA CTGCTTCTAC 60
 ATCTNGAGTT TTNAATTTA CTTTTTNAC ACTGTAGCAT 100

配列番号：2972
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03495
 配列：
 GATCACAGCC GGAATGCAGC TGAAAGATTC CCTGGGGCCT GGTTCGAACC GCCCACTGTG 60
 GACTCTAAGG CCTCTGCATT TGTGGGTGGT CTGCTGTAA 100

【0632】

【配列表542】

配列番号：2973

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03496

配列：

GATCTCTAGT TTTTNTGGTT TAATTTTNAG TAGCAGGTCA AAAACCTGCC CTCCTGTNAC 60
TTATTCCTG AGACTTTTCA GGAGAGCCAG CCCACAGATG 100

配列番号：2974

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03497

配列：

GATCCTTAAT GCAGAGCTAG AGGACTTCTG GCAGGGAAGT GGGGAAGTGT TCCAGATAGC 60
AGGGCATGAA AACTTAGAGA GGTACAAGTG GCTGAAAATC 100

配列番号：2975

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03498

配列：

GATCTGTTTC ATTTATAAAA GGTCCAGTTT TTAGGACTAG TACATTCCTG TTATTTTCTG 60
GGTTTTATCA TTTTGCCTAA AATAGGATAT AAAAGGGACA 100

配列番号：2976

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03499

配列：

GATCCAAGAA TGTGCCAAGA GTCCCGCCAG CCTCAGCCAG GTGGGCCTGT ATATAGGGTC 60
CATGTGCAAT AGGGAGGGAC GTCTTCTATT TTTTNTCTGCC 100

配列番号：2977

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03500

配列：

GATCTGGGAG CAAGCTACCA ACAGGGGAGA CTCTTTCTCTG TATGGACAGC TGCTGTGGAA 60
ATACTGCCTG CTTCTCCAC CTNCTCANAG CCACAGGAAA 100

【0633】

【配列表543】

配列番号：2978
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03501
 配列：
 GATCAGCCTG GGCATCATGG TGGCCTGCAC CTGTAGTCCC AGCTACTCAG GAGGCTGAGG 60
 TGGGAGGATA GTTTGACCCC AGAAAGTTGA GGCTGCAGTG 100

配列番号：2979
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03502
 配列：
 GATCTGCTTC CCACTGTGAC TGGGCTATGG GATTCTGACT ACCTTGCTTA CAGATTCATG 60
 GTTTGATAAA TTTGTGTAT TCAAAACTT GAAATGCAGG 100

配列番号：2980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03503
 配列：
 GATCTTGCCC CCTTTGACCT TCCCCAAAGG ATGGTCACAC ACCAGCACTT TATACACTTC 60
 TGGCTCACAG GAAAGTGTCT GCAGTAGGGN ACCCAGAGTC 100

配列番号：2981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03504
 配列：
 GATCAATCTG AACTATCTTA GCCCAGTCAG GGAGCTCTNC TTCCTAGAAA GGCATCTTTC 60
 GCCAGTGGAT TCGCCTCAAG GTTGAGGCCG CCATTGGAAG 100

配列番号：2982
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03505
 配列：
 GATCCAACGA GGAATATTTT GCCACACGGC AAATATATAC CGTATAATTT TCTGTACCAC 60
 TTGATAGAAA GGTAAAGAAT GAATATTGTT TTTNAAATAA 100

配列番号：2983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03506
 配列：
 GATCAGAAAT GGAGCATGGC CTTGTCCTTT AATGGGGATG CAAATAAAGT TTGTGGGGTT 60
 AAAAGTTATA AGACAGNAGT GATACCCAC TCTCTCCATT 100

【0634】

【配列表544】

配列番号： 2984

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03507

配列：

GATCACAGNG NTGGTGCAA ATNCTATTNN AGGTTTGAAC TCTTGAGCTG GAACCTCAGC 60
AAACTAGAGT ATATATTGTT CAGTATTTCT TTGGAAACAT 100

配列番号： 2985

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03508

配列：

GATCTGAACG ATGCCGTGTC CAGTTTGGCA AGTCCTATTC CCCTCCTCCT GTCGTGTGCC 60
TTTGTTCAGG TGGGGATGTA TTTCATGTAG AAGGTGGAAG 100

配列番号： 2986

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03509

配列：

GATCTGCTCT GCTGCCCTGA ACTCTTACGG CAATTTAGGT TTCTCATTTT NNTTTTCTTT 60
TTACATATGT ACAAATTGTT TTAAGCTTG GCCTCTATCC 100

配列番号： 2987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03510

配列：

GATCTCTAAT ACAGTATCTA ACACAAAAGA AGCTTTAAAA AGACAGTTTC TTTCCTTATT 60
TGATTAGCTA GAAGTTTATC TAGGTAAAAG CAAAAAAAAA 100

配列番号： 2988

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03511

配列：

GATCCAGGCG GGAGCAGAAG CTAAAGCCAA AGCCCAAGAG AGTGGCAGTG CCAGCACTGG 60
TGCCAGTACC AGTACCAATA ACAGTGCCAG TGCCAGTGCC 100

【0635】

【配列表545】

配列番号：2989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03512

配列：

GATCTCGGAT GCCATCCCCG AGCTGAAGGC CTCCATCAAG AAGGGGGAAG ATTTCTGTAA 60
GACCCTGAAG TGAGCCGCTG TGACGGGTGG CCAGTTTCCT 100

配列番号：2990

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03513

配列：

GATCACAAGA GGCCCATTTG TAGTGGCTGG TTGACAACGG CTGGNGCAAA TTAAATAAAT 60
AAAATAGCTC TTTCTTTCAA A 81

配列番号：2991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03514

配列：

GATCTHAGAC ATCCCCATCT TTGTAAGCAG AACAGTACGG CACTTCACCA CATCTNCTTC 60
CCACCATGCT TCTAAGCAGC TGTNTTCCCC CTGCTAATGT 100

配列番号：2992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03515

配列：

GATCTCATTG CTGCTTTTCT TTTATGTCCT TTTGTCTCCA TGGGAGGTTG AGCTTCTTTT 60
CCTACAAGTT TACTTACTGT TTGCATTTAC TTTTTCITTG 100

配列番号：2993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03516

配列：

GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGNTCCAC ATTAAGTCTA CAGACCAAAC CATTTGTATC 60
TGGCATCACT TACTAACACA CGNCATGCGG CTTTTCTGCA 100

配列番号：2994

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03517

配列：

GATCTTCTGT GGTGCTTAAG GAACTTACT AGAGCTNCAC TAACAGTCTC ATAAGGAGGC 60
AGCCATCATA ACCATTGAAT AGCATGCAAG GGTAAAGAATG 100

【0636】

【配列表546】

配列番号：2995

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03518

配列：

GATCCCAACT CCCATGACCT CTGGCTTCAG TGGTGGGTGG GGCAGGGCAG ATGAAAGGGC 60
TTCAGTGGGA ACCTCTGAGA GCATTTTCCT GTTCCCCCTA 100

配列番号：2996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03519

配列：

GATCAGNAGC CCACTGATAA GGGGCCCTAG GGTACAGGGT GCTGCCCAGC AGGTGCCCAC 60
CGAGTGTCTT CTCATTTTAT TTCAGCTCCA TTTTGCCCAT 100

配列番号：2997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03520

配列：

GATCATTCCTC TCTTTTNGGA TGTATAAGAN CCTTCCGGAC AACAGAACCT ATTTNTGGAA 60
TTGCAGAAGA TAACATATTT CCCTTATTTN NATTTAATCA 100

配列番号：2998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03521

配列：

GATCGACTGC CAAGCAGCAG CCGCTGCCGA GGGGCTGCGT CTGACATCCT GACCTCCTGG 60
ACTGTAGGAC TATATAAAGT ACTACTGTAG AACTGCAATT 100

配列番号：2999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03522

配列：

GATCTGGGCG GGGTGGTGCG CTCCTCAGGG CGGATGCCAC CGGGTTCCCC AGGGGAATAC 60
ATGTCCCCAG CTCTGGGAGG GGTGCTAC TGGCCTCCTA 100

【0637】

【配列表547】

配列番号：3000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03523

配列：

GATCAGTGTC	AGATATTGTT	GAGGGAAGTA	ATTTTATAAA	GTTACACAAA	GGTAGTTATA	60
AAAAAAGCCC	AGTTTGTTTT	TCAGAAGGTG	ACTTTNATGT			100

【0638】

【配列表548】

配列番号：3001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03524
 配列：
 GATCATGAAA TAATGTGCTT TGTAAGGAGA TTCAAGTTA TTAGGAAGCA TACTCTGTTT 60
 TTNAATCATG TATAATATTC CATGATACTT TTATAGAACA 100

配列番号：3002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03525
 配列：
 GATCCGCCTG CTTCGGCCTC CCAAAGTCTT GGGATTATAG GTGTGAGCCA CCCTGCTCAA 60
 CCAGGTTTNA TTATTAAANT TAGTTAACT TTGGATAGAT 100

配列番号：3003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03526
 配列：
 GATCACTTGT TGTITTAATA AAGAAAGATT ACTTAGAGGA AATAAGAAAA ATCATGTTTG 60
 CTCTCCCGGT TCTTCCAGTG GTTTGAGACA CTGGTTTACA 100

配列番号：3004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03527
 配列：
 GATCTGAGGT CTAACATTGT TATCTATAT CATTTCATC CCAAGTAGTG ATATCTGTGA 60
 AATCACAGGT TTGATGTGTG CTAATNATGT ATTCTTCTAA 100

配列番号：3005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03528
 配列：
 GATCTCCATT TGATATTTTC ATTTGTATAA CTCATTTGCA GTCTGAAAAT TTTTTTATG 60
 GCCAGTCCCT GAACATATCA TTGAAAGTTA ATTTCTTTG 100

配列番号：3006
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03529
 配列：
 GATCTGTGCT AGCTGTGAGG CAGCTCTGGA ACGTGAAGAG CTGTTTGTTT TGAACCGTGA 60
 ACAAACCTGT GTTTTGAGTT TAGCTGACAT TATGGAAAAA 100

【0639】

【配列表549】

配列番号：3007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03530

配列：

GATCTCTCTG TNACTGACTT TGTGACTGTC CTGTGGTTTC TCCTGCCATT GCTTTGTGTT 60
TGAAGGACA TGATGGGGT GATGGACTGG AAAGAAGGTG 100

配列番号：3008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03531

配列：

GATCAAANCA CCTNGGAGTG GTCACCAGGG GGACAGGGAG CCCCCACCA ATGTATCANT 60
GGGTGATTTA TNATGCCTTC TGCCCTTTGG CGAGTGAATG 100

配列番号：3009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03532

配列：

GATCCGAATG GNCTGGGTGA GCACGAATTA CCGAGGCCCTT CCCTTTGNTA CAGTCCAGGA 60
TTTGTAAGGN ATGAAGACCC CTGGNCCCCA TTCTNTTGGG 100

配列番号：3010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03533

配列：

GATCTCCTTA CGTAGCAGCC AAAATAAATG AAGCAAAAGA CTTGCTAGAA ACAACCACCA 60
AACATTGATG CTTAAGGACC ACACTGAAGG AAAAAAAG 100

配列番号：3011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03534

配列：

GATCTGATTT ACAAGAAAAA GTCAGAGCTA AACACTAGTG ATGGCATAGC ATTACTGAAA 60
TCATTGTTTC TTAATTTTAT TTTACTACAT TGTGAACCTG 100

【0640】

【配列表550】

配列番号：3012
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03535
 配列：
 GATCTATTTT TNAGTATGTG GTTCATGCTG TTGTGAAAAA TGTITTACCT TTNACCTTTG 60
 TCAGTTTGTA ATNAGAGGAT TTCCTTTNAC CCTTTGTAGC 100

配列番号：3013
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03536
 配列：
 GATCAAATTA GTAATTNNGT TTATGCTGCT CCTGATATAA CACTTTCCAG CCTATAGCAG 60
 AAGCACATTT TCAGACTGCA ATATAGACAC TGTGTTTCATG 100

配列番号：3014
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03537
 配列：
 GATCTCATTT ATAATTAAAT TATGCTTATT GGATTGTTTT NATTGTACTT NATGTTTTNT 60
 NAAGAAATTG TGATTAAATA TAACTTAACG ACTTTCTATT 100

配列番号：3015
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03538
 配列：
 GATCATATAT GTNTTAGTGG ACAGGGGTCT GAAGTACACT GGAATTTACT GAGAACTTG 60
 TTTGTA AAAA CTATAGTTAA TAATTATTGC ATTTTCTTAC 100

配列番号：3016
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03539
 配列：
 GATCAAAC TA CACATGNGTT TTCATTCCAA AAGTGGGTTT TAAANGCCTG CCTGCATCTG 60
 TATGNAATCA AGGCACACTC CAGGAAGACT GCCGCGTCGC 100

配列番号：3017
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03540
 配列：
 GATCCCAGCA TCTTCTCCAC TTCAGCGCTG AGTTCAGTAT ACACAAGTGT CTGCTACAGT 60
 CGCCAAATCA CCAGTATTTG CTTATATAGC AATGAGTTTT 100

【0641】

【配列表551】

配列番号：3018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03541

配列：

GATCATTGG ATATAGCAAT CTA CTCTGAG AAATGGAACA CAAGGAGTTA CCTATCACTT 60
TCACTTATAA TTCCAAAAGA TGACTACAAC CATGTCCATG 100

配列番号：3019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03542

配列：

GATCCCTGTN TGCNCGNCCC CTCTGCAATG TATGCCCTT GCCCTTCCC CACACTAATA 60
ATTTATATAT ATAAATATCT ATATGANGCT CTAAAAAAA 100

配列番号：3020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03543

配列：

GATCCAGAAG CAAACACAAG CAATGCAAGA CCTCCACAGA GTGAGCTTGG AGAGAGAGAA 60
AGCCAAGATA AGAGAGGAGT ATGANGAGAA ANTCAGAAAG 100

配列番号：3021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03544

配列：

GATCTGGAGA TAANTTTATG CCTTTGGCCA TAGACAGGAC TGAATCCCA GTTCTGCCAC 60
TTACTGGCTG TTTGACCTTA GGCAAGCCAC TCCTCCTTTN 100

配列番号：3022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03545

配列：

GATCAGGGCT GGGGCGGGGA AACAAGGGAA GGACCTTGGA AGGGGCTGNN CCCAGGCCTG 60
GGGGGACGTC GTGGGAGCCC CTCTCANCTG TGGGGCTGGC 100

【0642】

【配列表552】

配列番号：3023
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03546
 配列：
 GATCTCAAAA ATAGGTAATT TTTCTTTGCC GACCTGTAAA AGTGTGCCAA TACACTAAAT 60
 TTGTGATTTT AAATTAATTC CTCCAGCTGT TGAATGAAG 100

配列番号：3024
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03547
 配列：
 GATCCTAAAA GGGAAAATTG CCTTGGAAC TTINAGATTG CTGTGGAATT GTGAATNCAT 60
 ACTAAGCTTT CTGTGCAGTC TCACCATTTG CATCACTGAG 100

配列番号：3025
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03548
 配列：
 GATCCTAGGA TGGTCCCAG ACGCTCAGTC AGAAGTNCCTG GAGGTGGGGC CTGGGAAGCT 60
 GTATTGTAA TNACTCTGG TGTITTTTGT CCATTAAAGT 100

配列番号：3026
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03549
 配列：
 GATCCAGTTC TACTTAAGTC TGTAAACAGGA ATATTTTGCA GAATATAGGT TTAAGTGAAT 60
 GAAGCCATAT TAATAACTGC ATTTTCCTAA CTTTGAAAAA 100

配列番号：3027
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03550
 配列：
 GATCATCGTG CTCTCAGACT CTGATTAGCT GCCTCCCTT CTCCCTGCCT CCAGAATGTT 60
 CTGGGATAAC ATTTGCAGGA AGGTGGGAAG CAGATGACTG 100

配列番号：3028
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03551
 配列：
 GATCAGTCCA CCCAGAGTTA GACATTGTTT TTGTAGAAAA CAGGTATTTA TTATGTCTAG 60
 GGTITTTGTGT TTTTTTTTTT TCCTNANAGG NTAAAAGCCT 100

【0643】

【配列表553】

配列番号：3029
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03552

配列：
GATCGCTGTG GTTCTTATTA TCAAAATTAA GTTTACTTGT ATACGGAACA ACCACAAGAA 60
ATTTGATTCT GTAAAGAATC CTCCTTAGCT GTGGCCTGGC 100

配列番号：3030
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03553

配列：
GATCTTTTTA TTTTGCAATC CTGGGCCAGC TAGAAGCCAG GAGCTGATTG ACCTTTTAAC 60
TTTTTTCAGT GGCCACATTT TGGTTATCGA TGTACCTAGA 100

配列番号：3031
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03554

配列：
GATCATAGAG AATGGTGCTT TTTACTACAG TTAGCACATG CATTTTTAGA AACTACTACA 60
TGTTTTAGAG AATCTTTGCT GTGTATATGT AAACCTGATT 100

配列番号：3032
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03555

配列：
GATCTGCCCT NCTCCTTCTA AAGGGTAAGT CATAATCTGT GTAATACTAC AATTNATGGG 60
NTGCTCACTA TGCCCTGTTT CTNTNCTAAA CAATTTACAT 100

配列番号：3033
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03556

配列：
GATCCCCAGC TGCCTCACTT CTCTCTTGAG AACTTGGCTC AGGGCTCCTG AGGACCTTTC 60
CCAGCATTAC CTTCCCTTCC CTGAAAGGC AATTGTTGGC 100

【0644】

【配列表554】

配列番号：3034
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03557
 配列：
 GATCAAATGT GCCTTAATAA ATTTNTTTC ATTTAGATT CAAACAGTGA TAGACTTGCC 60
 ATTTAATAC ACGTCATTGG AGGGCTGCGT ATTTGTAAAT 100

配列番号：3035
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03558
 配列：
 GATCTAAAGA AACAGTTGGC TGTAGCTGAG GGGAAACCCC CTGAAGCCCC TAAAGGCAAG 60
 AAAAAAAGT AAAAGACCTT GGCTCATAGA AAGTCACTTT 100

配列番号：3036
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03559
 配列：
 GATCCCAGCA ATGAACTGTT CTAGGGAAAG TGGCTTCCTG CCCAAACTGG ATGGGACACC 60
 TGGGGAGTGG GGTGGGGGA GCTATTTCCA AGGCCCTCC 100

配列番号：3037
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03560
 配列：
 GATCTCAGCT TTGAGAAGCC TTCAGCTCCA GGAATCCAA GCCTCCACAG CGAGGGCAGC 60
 TGCTATTTAT TTTCCTAAAG AGAGTATTT TATACAAACC 100

配列番号：3038
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03561
 配列：
 GATCACGAAG GTGGTTTTCC CAGGGCGAGG CITATCCATT GCACTCCGGA TGTGCTGACC 60
 CCTGCGATTT CCCCAAATGT GGGAAACTCG ACTGCATAAT 100

配列番号：3039
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03562
 配列：
 GATCTATCTT NCAGAAAGTA TGTITTTCT CATAAAAGTG CCTCTTAATT GGCCATTGTA 60
 CCAGCCACTT GTCCTAGCCA AATGTCCAAA ACACGCCCTT 100

【0645】

【配列表555】

配列番号： 3040

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03563

配列：

GATCACTGTN ATGTGTGGTC CATCTCTGAC CAAAACGTTA TGCAGTACGT GACTGTATCC 60
TNATCCTCAA TAATCCTTGG TTATTATTCT AGAATTTCAA 100

配列番号： 3041

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03564

配列：

GATCCAGTGA ATATTCAAGA GAGCTACATT TGAAGCCTGT ACAAAGCTT ATCCCTGTAN 60
CACATGTGCC ATAATATACA AACTTCTACT TTCGTCAGTC 100

配列番号： 3042

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03565

配列：

GATCCTGAGA ATTACTTTTA ATAAAATCAT TTTTGTCTG TTATTAAAC TAGNCNNGAA 60
TTGCCTAAAN CCAAGAACTC TGCTTGATAA AATAAGCATA 100

配列番号： 3043

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03566

配列：

GATCATCGAC CCCCAGGGA CCCGCAGACC CTAAAAAAA TCACCCACAA CCCTCTGGAA 60
GTGGCCTTGC CCGGTCCCCT TCCCAGGGGC GAGGTCGGCA 100

配列番号： 3044

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03567

配列：

GATCACCTTT TTTTTTATGC GTTGTGAATA GCAGTCTGCA TCCTAAGTTT AAAATATTTG 60
AGAATCCTCT ATGGGACTCT CTGTAAATNT TTAAATACT 100

【0646】

【配列表556】

配列番号：3045
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03568
 配列：
 GATCAGCTGT CCTCTCTGAA AAAAATTGCA CCNNTTTTTC TTTTAAATA TTTGTTGCA 60
 TCTTCGTAGT AATGTAATTG TATTTTATGC CTGCTTTTTT 100

配列番号：3046
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03569
 配列：
 GATCTAAATN TGACTGTGGT TGCACATATC TGTGNATATA CTAATAACCA NTGATTGTA 60
 CACTTTACAT GGCTGAGTTG TATGGTGTGT GAATTATATT 100

配列番号：3047
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03570
 配列：
 GATCCCAGGA TTCAGTATTC CTGGCCGAGA GGNCNTTGCT GGCTACTGGG TGTTAGTTTG 60
 CAGTCCTGTG TGCTTCCCTC TCTTATGACT GTGTCCCTGG 100

配列番号：3048
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03571
 配列：
 GATCCTACGA CAGGACCCAG ATGCCAGTGA AAGTGACCAC AGCCCTGCTC TAGTCACCCC 60
 GGAAGCTGAC CAGTCTACGC ACGGCCGAAG CTTCGTCAAG 100

配列番号：3049
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03572
 配列：
 GATCTAGAGT ATAAGCTGCG CAAGGCCAGA AGTTTTATC TGGTTTGTTT ATGGATGTAT 60
 TCTAAGAGCT GAGAACAGGG CCTGGACACA ATAAGCATTC 100

配列番号：3050
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03573
 配列：
 GATCCATCTC AGTCACTTTT TCCCCTGCAA TGGCTCTTGT GAAATTGTGT ACAGTGTTTG 60
 TGAGCTTTTT GTTCCCTCAT TCTGCATTAA TAATAGCTAA 100

【0647】

【配列表557】

配列番号：3051

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03574

配列：

GATCCAGTTT TNCTACAAAG AACAAAGTGG TTGACAACAG TGACAGTAAT TNCTGGAGCA 60
AAACCAAAAG ACATAGGTAA AGANCATATA ATTGTTAATA 100

配列番号：3052

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03575

配列：

GATCCAAGTN TTTAACAATT GGGGCTGTTA AGTCTGACCA TACATCACTG TGATAGANTG 60
TGGGCTTTTN CAAGGGTGAA GATACAAGTN TTAACCACAG 100

配列番号：3053

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03576

配列：

GATCAGAGCA AGCCTTGCCT CTTATCTTCG GGAAACCAGA ATATGTTTGG GGTGGTAGGA 60
GCCACACAGA CTCTTCTGAG CCCCCTCACT CACTTCCTTC 100

配列番号：3054

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03577

配列：

GATCTCAAAG ATACACAGTA CCTACTTAAT TCCAGCTGAT GGGAGACCAA AGAATTTGCA 60
AGTGGATGGT TTGGTATCAC TGTAATAAA AAGAGGGCCT 100

配列番号：3055

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03578

配列：

GATCCCTACC TNCCCCCGC TCCTNTNGCC AGCAGCACTC ACTGCACTCC TTTGTCATAT 60
ACTCTGCATC ACTGTCATC TCACAAC TNC GTGAATAAAG 100

【0648】

【配列表558】

配列番号：3056
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03579
 配列：
 GATCAGGGAC CTCACGCATC TTTTCTCAT ATACATGGNC TCTCTGTTGG CCTGCAAACA 60
 CATTNCTTC TCCGCTTATN AGACTATTTA NCTTAATAA 100

配列番号：3057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03580
 配列：
 GATCTAAAGC TNAACAATGA AAATCTTCAG CAGAAATAGA AATNGCCGTG GATTGTAATA 60
 CACACTGAAA TTCTNACTTT CTGAATTTAA ATGTAGAATA 100

配列番号：3058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03581
 配列：
 GATCTGAAAT GTCTGAGAGT AATAGTTTCT GTTGAATTTT TTTTGTTC TTTTCTGCA 60
 CAGTCCATTC TGTTTINATT ACTATCTAGG CTGGAATAT 100

配列番号：3059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03582
 配列：
 GATCAGAATA TGAACATTGC AGTAAAGAGC TTAATAGTT TATCTTTGG TTTTTTTTC 60
 TAGACACTTT TCTTINATCC CAGTNATCTC TNAATTNACA 100

配列番号：3060
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03583
 配列：
 GATCATGACA CTNAAGCGTG ATGAGACGCT CCAGGATGGC TGTNATACTC ACTTCTGCAA 60
 GGTCAATGAG AGAGGAGAGT ACTTCTGGGN GAAGAGGGTC 100

配列番号：3061
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03584
 配列：
 GATCCCTAAA AATGTTGAGG GACTTCTGTT CATTTCATCCC GAGAACATTG GCTTCCACAT 60
 CACAGTATCT ACCCTTACAT GGTITAGCAT TAAAGCCAGG 100

【0649】

【配列表559】

配列番号： 3062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03585

配列：

GATCGGACCG TTCATGCTGC CTATAGGCAT TATGTCCTC AAAAAAAAAAC TCCTTTNCCT 60
GCATCCTGTG TACAACATGA CATTTTAAAC CAATCCAATC 100

配列番号： 3063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03586

配列：

GATCAGAAGT GGCAGTCTAT AACTNAAAAAT GTGGTAAAGT ACTTGANGCA AACATCCCGC 60
ATCGCTGTTG GACCTCTNAN ACTTTCTACT TTAACAGTTT 100

配列番号： 3064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03587

配列：

GATCTCCTCC ACCCTGTACC AGGCAGCAGC TCCAGTCCTC AÇACCAGCCA AGGTCACAGG 60
CAAGAGCAAG AAGAGAAACT GACCCTGAAT GTTCAATAAA 100

配列番号： 3065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03588

配列：

GATCTGAAAT CNNGGTCTTC CAAGGNAGAA AATCGANCTG GGAATAAAAG AGAAGACCTG 60
TGATGGGGCA GCAGTCACGC NCTGTGGGGG GACAGGTGGA 100

配列番号： 3066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03589

配列：

GATCCTGAAG AAATCATATG TTAACATAC TTTNACACCT ACTGTGTTAT AAAATATATC 60
ATCAGATGTG CCTTGAGAAT AGTATATGTA ACATTAATAAA 100

【0650】

【配列表560】

配列番号: 3067
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03590
 配列:
 GATCCTTGGG CTTTGTGTT TTGATTNTAT GTTGATATTC TAAAAACATC TATTTTAATG 60
 TTATTTCTGT TCTAAAAATA AGATAATAAA TATTAACAAA 100

配列番号: 3068
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03591
 配列:
 GATCTCAACA AGAAGCTGTA TTTTAAGTAT TAAGACAGTT CTTTGTTAGC TGGTTTCTAG 60
 TTGGTTATCT AGTTACCAAT GCTGCAGTCC TGCAGTCACC 100

配列番号: 3069
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03592
 配列:
 GATCCTGAGG AAAGACTTGG AAGAGACCAG CATGTCTTCA GTAGCCAAAC TACTTCTTGA 60
 GCATAGATAG GTATAGTGGG TTTNCTTGAG GTGGTAAGGC 100

配列番号: 3070
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03593
 配列:
 GATCTTGGCT TTCTNTTCC TCTTCTCCTN CAGGGTGTCT GTNACTGCNN GGTACTTCCA 60
 GCCAACCTCG TGAGCCAGGC GCCCCAGATA GGCAAACTTT 100

配列番号: 3071
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03594
 配列:
 GATCTGTATA TGCTATCCTA ACTGTTAATT GTATTATTGA TTATNTTGAT TATCTTGCTT 60
 GAAGGTTTCACT ACTTTTCAAT TTGATAGAAA TAAAGTTTTT 100

配列番号: 3072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03595
 配列:
 GATCCTCTCT TCATTTTACT CAGCCAGGTT TTGTACTGAT GTACAGGTGT TAAATNACTT 60
 CAAGTATTTT TGTAAGAGGT GTATATAATT CAATAAAAAA 100

【0651】

【配列表561】

配列番号：3073

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03596

配列：

GATCGACAAG GAGTACTTGC TAAAAATGGC AACAGAGGAG TGAGGAGTGC TGCTGTAGAT 60
GACAACCTCC ATTCTATTTN AGAATAANNN NCCAACCTCT 100

配列番号：3074

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03597

配列：

GATCCGNACC CCAAGCCCAT GCAACCCACG CTCGGTCCCG TTCCGGGCCCC TGCNCCCCGC 60
TGCNCTTCGC TCCCCGNCCT TGCNCCGTTA GTAAACATCG 100

配列番号：3075

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03598

配列：

GATCTAACAA GTTACATTGT ATAGTTTCTG GGACTGTTTG AATATTCTAT TCCAATGGGC 60
ATTTATTTTT TATCCTGTCA TTAAAAAANA AAGACTGTTA 100

配列番号：3076

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03599

配列：

GATCTCCTCC ATCCTGCTGC CCACCCCTCT TGAGTGTCTT AAGGGACAGA NCTTTCCACC 60
CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG GTGGAGTGT 100

配列番号：3077

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03600

配列：

GATCAGAGTG TTNTAAATCA TCACGCCCTT AGCTTATCCC TNGTCGAGCC AGGACACGGG 60
GTGCTTCAGT GGGTCTGTNA CCCTCTCTCC TTGAAGCATG 100

【0652】

【配列表562】

配列番号：3078
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03602
 配列：
 GATCCCTGAA TGTGAACCTG AAGTTCAAAG GACTTGGAAA GCTCTGGAAT GTGTTGGTTT 60
 TTCCCCCCTA AAATGGGTCC TAAGGAGGGT AAAGTGACTT 100

配列番号：3079
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03603
 配列：
 GATCAGTTTC TTTNGCTTCA AGATTGAAA CCAGAAAGGA AAGTCCNACT TGCAGATGAT 60
 TGTCTTAAAC ACCTAATGGA AAANTAAAG ANAGACATAC 100

配列番号：3080
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03604
 配列：
 GATCCATCAT TGTTCACAAA CTTCACTGTC AAGAACCCTT TCGTTGCATA ATGTGCAAAAT 60
 AGTTAAAACC ACTGTACTAT ATACTTAAAA ATGATTAAGA 100

配列番号：3081
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03605
 配列：
 GATCTGCAGC TGAAGCCCGA GGCAGGGTTG GTGTGATGCC AAGGCCAAAGT GGTGAGGAGA 60
 AAACAGGAAA CGGGCTTCT CTGANTTGGT AAATGGGAAA 100

配列番号：3082
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03606
 配列：
 GATCAACAAA ATAACCTGTA TCTCCTGCTT AANTCCTTTA TACTACCTGG NGAAAAGTAT 60
 TTCCCATATT TCCAATAAAT GTCAGACACT ATTGAGAAAG 100

配列番号：3083
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03607
 配列：
 GATCCTGNAT NANGCCCGGG CCAGCGAGTG CAGGGACGTG GAGGGNTTCA AAACCGAGAT 60
 GGCCATGCTG GTGACCCAGG CCAGGAAGAA CACCATCACC 100

【0653】

【配列表563】

配列番号：3084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03608

配列：

GATCCTCACA GTCAAGTGAC GAGGCTGGGG CTGAAAGCAG AAGCATGCAC AGGGAGGAGA 60
CCACTTTTAT TGCTTGTCTN GGTGGATGGG TCAGGAGGGT 100

配列番号：3085

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03609

配列：

GATCCTATCG CCTTTNAGTA GAATATGAAA TATTCTTTNA GAAATCCAAT ATAAATAGGT 60
TATAATAGCC ATATNCTTNA TNACTTTTATT GAGATATAAT 100

配列番号：3086

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03610

配列：

GATCTNAGCT CCCACCTCCC TTCCCACCTA CTGCACTTTC CCCCTTCCCG CCTTCCAAAA 60
CCTGCTTCCT TCAGTTTGTG AAGTCGGTGA TTATATTNT 100

配列番号：3087

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03611

配列：

GATCTCAGAC AGTGTGCGGC GGCACATGAG CGGCTTTCCG CAGTGTCCCTG TTTGAGCCA 60
CTGCAGTCTG GGCCCCATCA TTAAACGGGC TCGGTTTAAA 100

配列番号：3088

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03612

配列：

GATCTCCAGT NAGACTCCAG GGTTCAGAC AGAGGCCAGT NTTGGCCACT CACCCACAC 60
CCCGCGGACC CCAATAAAGG CTTGCATAGC TCCAGAAA 98

【0654】

【配列表564】

配列番号：3089
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03613
 配列：
 GATCCTGAAG CTTNACCGGG CTCCAAAGGG CAAATGGAGC TGCCCTCNC TGTATCAGGT 60
 TTATTGGTTG TACATATAAA TNATACTNC CTTTCAA 98

配列番号：3090
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03614
 配列：
 GATCCTGTTT AACAAAGATA CTTGAGACAT CCATTTGTTT TAATGAAATC TGTATGGATA 60
 TGGAAATNCT TGCCCTAATA AAAGCCTACA TATACCTTCT 100

配列番号：3091
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03615
 配列：
 GATCTNTCCG TTCTCAGGCC AGACCCCTGG TGCTGCCGTT AATTTTTTTT TCTCTGTCTT 60
 TGCTGCAATN TTNAATAAA ATGCCAAAGA ACACAAA 97

配列番号：3092
 配列の長さ：95
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03616
 配列：
 GATCCTAAAC AAATCATCTT TGTCAGTTAA GTATAGTTGC GCAAAAATTG TTAAATCCTT 60
 TGTCTTTATT AAAGAAAAAT TTGAGTAACA TTAAT 95

配列番号：3093
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03617
 配列：
 GATCTAAGTG ATGACTCTAG GTGTGTTATT GTNCAGTTTT TNCAACTTTC CTGAAAACG 60
 AACTTTTCAA AATAAAAAAT TGGAAAAATA GAAA 94

配列番号：3094
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03618
 配列：
 GATCACTTTG AGAAACAAAC TTTTATTAAA TGTAAGGCAC TTTTCTATGA ATTTTAAATA 60
 TAAAAATAAA TATTGTTCTG ATTATNACTG AAAAGATGTC 100

【0655】

【配列表565】

配列番号：3095

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03619

配列：

GATCTGCCAT ATTTGTTTG GTTTTTATTT NCATATCCAG CCTAAAGGTG GTTGTTTATN 60
ATATAGTAAT AAATCATTGC TGTACAATAA A 91

配列番号：3096

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03620

配列：

GATCAGGCTG CCTCCTGGNT TGGNTGTCGG GGGAGCTGTC CGGCAGCCTG GCAGGGAGAT 60
GCAAGGCCTA AAGTAAAATT TTNTCAAGTA AA 92

配列番号：3097

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03621

配列：

GATCTAGCCC CTTCTTCAGG CCGAGAGAAT TTCGAGCGTT ANCCGTCTCT TGGCCACCAG 60
CTAAATAAAC GGATTCTTCA TGTGTCTCAA A 91

配列番号：3098

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03622

配列：

GATCTGCTAT TGTTATTTCT CCTCTTTATT GGAAAAAGGC CTCAGTTTTA ATTATTTTCT 60
TCCCAAAATA AATNACACAT TTGGTTACAA A 91

配列番号：3099

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03623

配列：

GATCCTGCAT CAGCATTGTA TATATGGNCT TAAGTGCCTG GCCTCCTTAT CCTTCAGAAT 60
ATTTATTTNA CTTACAATCC TCAAGTTTTA ATTGATTTTA 100

【0656】

【配列表566】

配列番号：3100
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03624
 配列：
 GATCCCTGCC CTGCACCAGC ACCCTGANAT GGAGCTGAGA CTTTATTTAT TGGGGGTAGG 60
 GGGATGGAGG AGGTCCCTCC AACATGTTTG GACCCAGCTC 100

配列番号：3101
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03625
 配列：
 GATCTGTGTA CTGTNTACTT CCCACTTCCC AGAATCCTTT GTATCTCCAA NNTGGGGAAT 60
 TGTATTTCCT AATAAATGAC ATTTGAGAAA 90

配列番号：3102
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03626
 配列：
 GATCTCTGGA AGTGTAATTN TGAAAGAAAC TTNCTTGCAG CTTTAACAAA ATGAGAAACT 60
 TNCCAAATAA AACTTGTTTT GAAGTTTAAA 90

配列番号：3103
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03627
 配列：
 GATCCTCGGG AAGAACAAAG CTAAAGCTGC CTTTTGTCTG TTATTTTATT TTTTGAAGT 60
 TTAAATAAAG TTTACTAATT TTGACCAA 89

配列番号：3104
 配列の長さ：88
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03628
 配列：
 GATCAATCTT TGATGGTGAG GGTTTTAGAA AGGAAAAATA TAGTAAATG TGTAATTTGT 60
 CTTAATAAAA TCTATCTNTA CATCTAAA 88

配列番号：3105
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03629
 配列：
 GATCTAGATT GGGTGAGGGG GACGGGGATG TCAGGGAGGC AAGTNTGTTG TGTTACTGTG 60
 TCAATAAACT GATTTAAAGT TGAAA 85

【0657】

【配列表567】

配列番号：3106

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03631

配列：

GATCTGAATT TCACAAAAAG TTCATGGAGA AATATATTAA ATAGTACAGT TTTATGTGCT 60
TAATTAAAGA CTGTAAACG TAAAGGAAA 89

配列番号：3107

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03632

配列：

GATCATACCA CGGCACTCCA GACTGGGGAC CAAAGTGAGA CCTTGTTTCT AAAANTTAAA 60
ATATTTAGAA TGTTTCCTAG CAAA 84

配列番号：3108

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03633

配列：

GATCCNAAGG NTGGNGAACA ACTTACCCAG TAGCTAGAAT GTTAATGGCA GAAGAGAAAN 60
CAATAAATCA TATTGACTCA AA 82

配列番号：3109

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03634

配列：

GATCTCCAGA TGTGCATTTT CCTCTCTTAT TTTAAGTTAT GTTAAGATTA CTAAAACAAT 60
AAAAGCTCCT AAAAAATCAA A 81

配列番号：3110

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03635

配列：

GATCCAACCG TGCCTGAAGC TAGAATATCC CCTGGACTTT TCAGTTATGT GAACCAATAA 60
ATACCCTTTT TTGCTTAAA 79

【0658】

【配列表568】

配列番号：3111
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03636
 配列：
 GATCTGNGAN ATATTATGGT AATTGTGTCG GGGCGCCATG AACCGCACCC ATATAACACC 60
 GTAAACTTAA TCAGCAAA 78

配列番号：3112
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03637
 配列：
 GATCATGCTG AAAACCACTC AAACGATTAT ATTTTTTACA TTATAAGAAG TAAAATATAT 60
 TATTCTGAAT AATGAAA 77

配列番号：3113
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03638
 配列：
 GATCTGTGCA TTGCTCCTTC TGATTTGTGC TAAGTTGTTA AATAAGAGGG ACCCTGAGAA 60
 AGGCCTTACT CTAAA 75

配列番号：3114
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03639
 配列：
 GATCACACAG CTAACGAGGC TGCCTCCAGC ATTTCTGAT TTCCTCTGTG GTAATAAAAAG 60
 CTTTCTGTGC TAAA 75

配列番号：3115
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03640
 配列：
 GATCAGAACT TACAAACCAA ACTTTTATTC TGAGAAACTG GCTGTACAAT ATNTGAAAAG 60
 AAAGTGACAT GNAGGAAA 78

配列番号：3116
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03641
 配列：
 GATCTTTTTN AAGTNTTCTG AAAGGAAGTA GACAGTATTA CACCCTGAAT AAATAAGGTG 60
 TTGTTTTCCA CAAA 74

【0659】

【配列表569】

配列番号： 3117

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03642

配列：

GATCTACTTC CCATGCAGAA GAGAAGTCAC ATCTNCCAGG GAATCGCAAT GTTGTGGCGT 60
CTNANTTGTA TGTX 74

配列番号： 3118

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03643

配列：

GATCATGGTG ATGTACGGGG TGAATTCTCT TGCCGTGTTG CAAATGTGTA AAATAAAGAT 60
TATCTGGCAG AAA 73

配列番号： 3119

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03644

配列：

GATCCNAGNT CTANCGTCAT ATAATCATT AATATAATTA AAGTTTAATT GCTGAAATAC 60
TTATAATGAA A 71

配列番号： 3120

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03645

配列：

GATCATGCAA TTCCTTCAAT TATGATGGAA AGACTTGAAC TTTCTGAAAT AAAACAAAAA 60
TACAGCAA 69

配列番号： 3121

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03646

配列：

GATCCATTTA TTGCAATTCA TGCTGAATCT AAATTATAAA ATTTAAAATT AAATGCATAT 60
CCTCAAA 67

【0660】

【配列表570】

配列番号： 3122
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03647
 配列：
 GATCCGAAAC CTGTTAAACA ATAAGATGTG TTCTCGGAAA ATNAAACAAG AGGTATCACA 60
 AGAAA 65

配列番号： 3123
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03648
 配列：
 GATCATCTCT TCTCCATAAG ATAGTGTGAT AAACACAGTC ATGAATAAAG TTATTTTCCA 60
 CAAA 64

配列番号： 3124
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03649
 配列：
 GATCGCTCCA ATAAACATAT ATTGTGAAAA TGCATCCACA ATAAATGGAA TTCCTTCCTG 60
 CAAA 64

配列番号： 3125
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03650
 配列：
 GATCTACCTG TCTTGTGCC ACATGTTTCT AAACCTTTCCA ATAAATCACC TTCTACTGAC 60
 AAA 63

配列番号： 3126
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03651
 配列：
 GATCAGCATC AGGCTGTTAT CAAGTCTGTT GGTGCTAAAA AGTAAANAT GAAATGTTC A 60
 AAGAGAAA 68

配列番号： 3127
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03652
 配列：
 GATCTGTCTG GCTCCNTTGT TTCTATTAA ATAAATTCT GTCTTCTATT GTTCAAA 58

【0661】

【配列表571】

配列番号： 3128
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03653
 配列：
 GATCAGCCTT NNTATAATGT TTTTAAATC ATTTCTAAAT AAAACAGAAA TACAGAAA 58

配列番号： 3129
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03654
 配列：
 GATCTAGACT TATATGAATA AATNAAATTA CATGCCAAGG GCCCTAAAA GCAAA 55

配列番号： 3130
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03655
 配列：
 GATCAGGGCC GAGCAGAACC GCACTCTTCC CAAATAAAGC TTCCTCCTTG AAA 53

配列番号： 3131
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03659
 配列：
 GATCATATTT TTTTATACAG GTATTTCAAT TAAATGTTT TTGTACATAA A 51

配列番号： 3132
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03661
 配列：
 GATCCAATCA NTTAAATAAA CCTGTATGTA TATGCATATG TNTACATGCA TATCCCCTCC 60
 TGCTAAAACT CATAAA 76

配列番号： 3133
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03679
 配列：
 GATCCCTCAG TTTCTTCTTG ATTTACAGCAT GTNTCGGGTT CCTAATTTAT GGTATGAGTT 60
 AGCAAATTTA ACCATTGTGT TTGTGCCCTA CCCAGGGGAC 100

【0662】

【配列表572】

配列番号: 3134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03680
 配列:
 GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCNTG GCACTGAAGA GTCTGAACAN TGGCCTGTNA 60
 TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA 100

配列番号: 3135
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03681
 配列:
 GATCGGCGCC ACTGCTGTCC TGCTGGCTTC HNCTGGCGAG CANGGGGTAC CAAGTGTTH 60
 CCCAGGGAGG CCCCAGCTG GGACGCCCCT TTAAGGGACC 100

配列番号: 3136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03682
 配列:
 GATCTTGAAG TGCTTTTAT ACAGCTCTCT AATAATTACA AATATCCGAA AGTCATTTCT 60
 TGGAACACAA GTGGAGTATG NNAAATTNN TATGAATTT 100

配列番号: 3137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03683
 配列:
 GATCAAAGTA TTATATGCTG TGTGCTTTA AGGTGTTGT AAGTACTGAA AAAGGCAAAA 60
 ATNCTTTCTA CATTGACATT CATTCTATT TNACTGGGCA 100

配列番号: 3138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03684
 配列:
 GATCAAAAAT ATTAGAAAA ATAAANTAA TACAAATAA AATACAGTAT AACAGTTATT 60
 TAAATAGCAT TTACATTGCA TTAGGTATTA GTCTAGGGAT 100

配列番号: 3139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03685
 配列:
 GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA AACTCATCTT TACTAAAATA CAAAAATTA 60
 GCCACGCTG GTGGCGCACC TTGTGGTCCC AGCTACTCGG 100

【0663】

【配列表573】

配列番号：3140

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03686

配列：

GATCTATGAC TTCTCAAAGC CGGGTCATGA ATGTCCATAA AATGCTAGGC ATTCTATTT 60
CCAATATTTT NATGGTTGGA AATAATGCTT CANATTTGGA 100

配列番号：3141

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03688

配列：

GATCTGAGGA CCCTGTACTG GTTACTCCTG TACACGTTCA CAATTTTCNT GTAAATNTAT 60
TAATATACTG AGCAGTCCAG GAGCAGCCAT TAGGCAAACA 100

配列番号：3142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03689

配列：

GATCAGTTTG ATTCTGTAAT GAGCACAGCA CCTAATATTT TGAGGAGCTC TGTTTTGAGG 60
ACCAATGCTT AAGGTGGACT TTGTTCTGTA ACAATATCCC 100

配列番号：3143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03690

配列：

GATCAACATC CACAGCGAGA CCTCCGTGCC CGACCATGTC GTCTGGTCCC TGTTCACAC 60
CCTCTTCTTG AACTGGTGCT GTCTGGGCTT CATAGCATTC 100

配列番号：3144

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03691

配列：

GATCCTTCCT ACTTTGCTTC TCTCCACCCA TGACCTTTTT CACTGTGGCC ATCAGGNCTT 60
TNCCTNACAG CTGTGTACTC TTAGGCTAAG AGATGTGACT 100

【0664】

【配列表574】

配列番号: 3145
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03693
 配列:
 GATCCTNAAT TTNAAAATTT NACACCATCA TAAATNAACA AAGGTAGGAA GGAGTTTGGC 60
 TTCAATAGCT TACAGTAAAA GGAGTAAAGG AGTTCAGCCT 100

配列番号: 3146
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03694
 配列:
 CATCAAGTAA CATGTTGCAT GTGGCTTACT CTGGATATAT CTAAGCCCTT CTGCACATCT 60
 AAACCTTAGAT GGAGTTGGTC AAATGAGGGA ACATCTGGGT 100

配列番号: 3147
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03695
 配列:
 GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCCTG GCACTGAAGA GTCTGAACAC TGGCCTGTNA 60
 TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA 100

配列番号: 3148
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03696
 配列:
 GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC GATTCTCCTN CCTCAGCCTC 60
 CTGAGTATCT GGGATTACAG GCGTGACCA CCATGCCCTG 100

配列番号: 3149
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03697
 配列:
 GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC ATTTCTCCTG TCTCGGCCTC 60
 CCGAGTAGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCAGC 100

配列番号: 3150
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03698
 配列:
 GATCTGCTAG TGCTGTAATA TTGTAAATAC TGGACTCAGG AACTTTTGT AGGAAAAAAT 60
 TGAAGAAGCT TAAGTCTCGA ATGTAATTGG AATCTTCACC 100

【0665】

【配列表575】

配列番号：3151

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03699

配列：

GATCGTGGGT TGCCGAGAGG ACCTGAGCGC TCGGGCTCTG CTGAATGGAN CCGGGTCCCT 60
CAGGCCGTGG ACGCCCTCGG AAGGGGGGTG ACTGTGGCTT 100

配列番号：3152

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03701

配列：

GATCCAACCC AAGGGCAAGG GCATCCTGGG AAATACCATC AAGTGAACT TCACCAAGTN 60
CCTCATNGAC AAGAACGGCT GCGTGGTGAA GCGCTACGGA 100

配列番号：3153

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03702

配列：

GATCTTGGGA AAATTGCGGA GTGTACATTT ACAAAGATGC GTTCAAATAG TGCTCTAAGA 60
GTTTTGTTCA GTGGCTCACT TCGGCTAAAA TGCAGAAATG 100

配列番号：3154

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03703

配列：

GATCAAGAAA TGCATTGACA TTCTAATTGA GAAAGAATAT TTGGAGCGAG TGGATGGTGA 60
AAAGGACACC TACAGTTACT TGGCTTAACC CTTCTGGAAG 100

配列番号：3155

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03704

配列：

GATCCCTGAT TAAGCTGATG ACTAGACCTA CAATTAATTT TCCTGCAGTA TATGAAGTAT 60
TGTACCAGAG TATTAAAAGA TATGTAATAT TTNATTGATA 100

【0666】

【配列表576】

配列番号：3156
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03705
 配列：
 GATCCTGACC AGCAAGCCCC CCCCAGCCC CCCTTCCAAG TGACTCCGTG NCTTGAGTGT 60
 GTCTGCGTGT TTACACCCGT CCCTCTGCTG GCCGCCCCG 100

配列番号：3157
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03707
 配列：
 GATCTGGTGG TCAGCCCTAG GATAAAAAGC CAGGGCTGGA GAACAAGAAA GGGCCAGGAG 60
 ATGGAATTCC TTCAGGCCGG CACCCACACC CTAGGACATG 100

配列番号：3158
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03708
 配列：
 GATCAGGGGA TAGTGAAGTT TACCAACTGG GTGATGTCAG TCAAAAGACA ACATGGCACA 60
 GAATATCAGT ATTCCGGCCA GGCCTCAGAG ACGTGGCATA 100

配列番号：3159
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03709
 配列：
 GATCTCAGTC TCTCTGTCTC TCTTTCTCTC CTTTTCTTT TGCTGTATCA AATATTTNAT 60
 TGACAAAGTA AGGGCCTTGA TTAGGACCAA ATTCTCGTGT 100

配列番号：3160
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03710
 配列：
 GATCTTCAGA ATGTCCGGCC TCATGCTAAA GCTGAAGAGG TGTGCANNGC ACGCTGTCTA 60
 CTGCTCCTTC ATCAGCTTTG CCAACTCTCG GAGCTCGGAG 100

配列番号：3161
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03711
 配列：
 GATCTTGATG AGGGCCAACT TTCCCTCTTC CACAAGGGAT TAATCTTAGA ACTATAGCCA 60
 ATTTATTATA AGTACTATTT AGCTACTCTG TGCTCCACAC 100

【0667】

【配列表577】

配列番号： 3162

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03712

配列：

GATCTGACCA CTGTTCTCCA GCAGGCCTCT GCTGCAGCTT TTNCTCTCAG TGTTCCTGGCC 60
CTCTCCTCTC TTGAAAGTTC TCTGCTTACT TTGGTTTTCC 100

配列番号： 3163

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03713

配列：

GATCTGTTCC AGCTGCAGGT GAACACCCTA CGACGTTATA AACGACACTA ACAAGTTGCA 60
GACCAGACCA GGCTTCAATA AGGCCAGTT AGCAGAAACT 100

配列番号： 3164

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03714

配列：

GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CAGGAGGCT NGCTGGAATA 60
AAGGGATGGG CAGGCTGGCA TGGGGGCAGC CGCTGCCCCT 100

配列番号： 3165

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03715

配列：

GATCACACCT GAGCTTATGC TAAAAGGTGG GATGACTCAG AGCTGGGGCT GGTCACCAGA 60
CAGACTGACC ATGTGATTAG AGGTTTGAGG CTTTGAGTCA 100

配列番号： 3166

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03716

配列：

GATCTGACCT GTGACAAGTC TGTACTATCC ACTATGTAAA TGGCTCACAA GTCAATTGCA 60
AACAAACTGA ATGTACAAAT CTTAGTGCTG GTGCTGAAAT 100

【0668】

【配列表578】

配列番号：3167
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03717
 配列：
 GATCACAGGC AAACCCATCA AGCTGACTCA GGTGGAACAC GAAGCTGGCA NNTAAGTGG 60
 ACATGGATGG GCGGGGAACC ACCCCAGCC CAGGGCTGCA 100

配列番号：3168
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03718
 配列：
 GATCTNCTGC CGAGTGAATG GGGAAAGTNT CCAGAGCGGC AACACCAAAT AGATGGTATT 60
 CAAGACAGAG GACCTGATAG CCTGGGTCTC CCAGTTTNTN 100

配列番号：3169
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03719
 配列：
 GATCTTTTGA GTCTATTTAA ATATTCATTC CATTACATCT AGACTCACCN AGAACTACAT 60
 GTTATGATGT TAAGTTGAAG TTGAAACATG ATGTTTTGCA 100

配列番号：3170
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03720
 配列：
 GATCTNATCA GTCCTAAGCG GGTGATGGG CAACACGGTT AGCGGGGAGA GCACGGGGTA 60
 GCGGAGAAG GGCTCTGGA GCAGGTCTGG AGGGGCCATG 100

配列番号：3171
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03721
 配列：
 GATCCTCTCC CTGGGATAAG CACTCCCAGC CCCGTTTATC AGAAACACAG GCAAGGAAAT 60
 TGGAAGTCCC ACCCAGCCCA GCATGATGGC TCAATTGGTT 100

配列番号：3172
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03722
 配列：
 GATCAGAGGC AGACAATGAC GAGTGAAGAT GGTGTAAAG CCCTCTTCAT TCCTGGAGGA 60
 GCCTGCATCT AATCTNTNAG GCCCTCTTTC TCTGTGGGTC 100

【0669】

【配列表579】

配列番号：3173
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03723
 配列：
 GATCTGCATT CCGACTGCCT ATNAACGGGT GTGGGGGCCG GGGGCTGGAN TTGCTGAAGT 60
 NTTCAACTTG CACTCGGAGC TCCTTTNATA CCTCAAAGCT 100

配列番号：3174
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03724
 配列：
 GATCAAAATT TGTGTACTTG CAGGGCTTTC TTTCTTTTNN TTCAAATTTA CAAGGGTTCA 60
 TTTTGGAAAC TACATTTTAA ACTTTGGAAT CAAATTGTTT 100

配列番号：3175
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03725
 配列：
 GATCTTCGCA AGCCAGCTTC TTCTGCATCT NAGGGGCTGC TGGCGCCCAN AGGAGGCAGA 60
 CAGATGTCTN NTAGCTGAGT TTCTAACCGC ATGATGAGAC 100

配列番号：3176
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03726
 配列：
 GATCTACTGC AAATCCTGCT ACGGAAAGAA GTATGGGCCA AAAGGCTACG GTTATNGCCA 60
 GGGCGCTGNC ACGCTTAACA TGGACCGTGG CGAGAGGCTG 100

配列番号：3177
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03727
 配列：
 GATCGGGCGC ACGGNCCGCT TTGGCAAGAG GGGCCTGGCA GTGAACATNN TGGACAGCAA 60
 GCACAGCATG ANCATCCTGA ACAGAATCCA GGAGCATTTT 100

【0670】

【配列表580】

配列番号：3178
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03728
 配列：
 GATCAAAATTT ACTNGAACAA TTGTTAATTT ATCCATTGTG CTTAGCTTTG TGACACAGCC 60
 AAAAGTTACC TATTTAATCT TTTCAATAAA AATTGTTNTT 100

配列番号：3179
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03729
 配列：
 GATCTGAATT TGGACCAATTT CACTAAAGAG AACATGAGTT TGCTCAGCCC TTTCTCACA 60
 AGAGGGAGGG CCCCGGTTCC CCAGACTTCT CCACGCGCTG 100

配列番号：3180
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03730
 配列：
 GATCTTGGTT TTAATTAAC TATTACTCTA TTAATATAAC CTTGGAATTC TATTCTAATN 60
 ATGTTGTTCT GGCTGCTTGT AGTATCAGTT CGCCCTCTT 100

配列番号：3181
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03731
 配列：
 GATCTGACTT TTTTCCTTCT CAAAAGAATC ATACTTGGGA TTACAGGTAC ATTNATGTT 60
 ATATNATGGA TAAGTGAAAA NTTTTTAAAG CAGATTTTAT 100

配列番号：3182
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03732
 配列：
 GATCTGAAAA NAAACCTTAA TACGCTCATA TGGTTGGAGT GTTAAGTGAA CCTNTGATTT 60
 TTTNAGGGTT TTTNTACGTG TAGGCGTGAA TAGGGGGCAC 100

配列番号：3183
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03733
 配列：
 GATCAGCTAG CTTATTCTTG TGTACNTTTT TNAAACTGTG GGTTTTCCTA GTAAATNTAA 60
 TTTACAGAAA TCAATGCTAG CATTAGTAA TCTACAAAGG 100

【0671】

【配列表581】

配列番号： 3184

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03734

配列：

GATCAGAATT CCGATTTGAC GGGCAACCAA TCAATGAAAC AGACACACCT GCACAGTTGG 60
AAATGGAGGA TGAAGATACA ATTGATGTGT TCCAACAGCA 100

配列番号： 3185

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03736

配列：

GATCTAGAGC CAGGCTGGTC AAGACAAGAA TTGGCTGGAA TAGGCTGCTC TTCCCCCATT 60
CCATCATGTG CTGTCCCCAC CCCTTTGGCC ACCTGGGCTG 100

配列番号： 3186

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03737

配列：

GATCAAGGGC AATGCCAATG AACATCGGCA TGGATTATAA TJATGCCCTC CTGGAACCTCA 60
AAAAGCCCCA CAAGAGAAAA TTTATGAAGA TTGGGGTGAG 100

配列番号： 3187

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03738

配列：

GATCTTGATA TGTTTTAACA TTATCATGGC AGGGAAATAT ATAAAGAAGA AAAATATTTT 60
NACATTAAAC CTTTTCTAAA ANTTGTAAAT AGAAAAATAA 100

配列番号： 3188

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03739

配列：

GATCCTTTAC AGAAAAAGTT TTCTGACCTC AATTCTAAAG TAATTGTAGT AGGGAGCTGG 60
AGGACTTTCT TTCCCTTTAT GGTAATTTTT TGAGCTACAA 100

【0672】

【配列表582】

配列番号： 3189
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03740
 配列：
 GATCATACCC AGAATTCAAT GTTTGATATT TTAAGAATGT ATGTTCTAGT GTTTTINAGA 60
 GTGAGTCTAC CATCTGTATA AAAACACCTT GGGGCGAGGC 100

配列番号： 3190
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03741
 配列：
 GATCTGTCAT GTTTAAACCC CCTACTTCTA AGGGAAGTTC TCTAATCTCT TATCCTCATC 60
 CCCAAATAGT GTTTTCTTCC TCTGGGTTC TATAATNTTG 100

配列番号： 3191
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03742
 配列：
 GATCTCCAGT GGTCAAAAGA CATTACCTT TAATATCAGA CAACATTAT ATTTTAGTGA 60
 AGAAACAAGT TCTCGGTGG GGAATCTATG TTTCACTCAG 100

配列番号： 3192
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03743
 配列：
 GATCTCCGGG AGGGACAGAT GGCCAATNTC TCCCCTTCCA AAGCAGGCCC TGCTCCCCGG 60
 GCAGCTCCC GCCGAGGGGC CCAGCCCCCA ACCCAGAGC 100

配列番号： 3193
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03744
 配列：
 GATCACTTTT NAGCTCTGAA GCTTTGAATC ATTCAGTGGT GGAGATGGCC TTCTGGTAAC 60
 TGAATATNAC CTTCTGTAGC AAAAGGTGGA AAATAAGCAT 100

配列番号： 3194
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03745
 配列：
 GATCAGCAAA CACGATAGAG GAGACCAGTC AGTACTTCTT GGAGGGGGCN GGAGGAGAGA 60
 GGAAAAGGGA GGGCGAGAAT NACCACACAA CACAGCCNTT 100

【0673】

【配列表583】

配列番号： 3195

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03746

配列：

GATCAAAGTT GTCATGAATA CTGACTTGGG CGTGGGACCC ATCCGAGATG TGCTGCACCA 60
CATCTACAGT GCGCTGTATG TGGAGCTGGT GGTGAAGAAT 100

配列番号： 3196

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03747

配列：

GATCTGAATT ACTACAGAAA AATAATTATG TTGCTTGCTT AATNATTCCC AGGAAACTTC 60
GTTGTAGGCA TATATTTTAT AAGAGTATTA TACAGTGTTA 100

配列番号： 3197

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03748

配列：

GATCAGAGTA TGGGTTCTCC ATGTAGCAAT ACTTCAGTGA GATTAAGTAT AAACAGTTTT 60
TGGCAAAAAA CAACACAGTC TACTCTTTCT GCTTACAAAG 100

配列番号： 3198

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03749

配列：

GATCTNATTA CCTTCACGGA AGGAAGCGGA CGCTCACCAC GCTATGCCCT CTGGTTCTNT 60
GTGGGGGAGT CATGGCCCCA NNACCAGCCG TGGACCAAGA 100

配列番号： 3199

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03750

配列：

GATCATCACA TTTCGTGAAT TGAGGCCATG TTCAGGTGCT AAGGAAGTAT GCCTTTNACA 60
CAGAAGATTG AGAAAATTC CTAGATATAA ATACAGATAA 100

【0674】

【配列表584】

配列番号：3200
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03751
 配列：
 GATCCCAGCA CTACTTTTNA TTACTGGAGA AATGGGGGGG ATAGAAAATT CTACTTTGAA 60
 TTATTTAGTT TTTTAAAG AGTGGGTGT GTTGTGCTT 100

配列番号：3201
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03752
 配列：
 GATCAGTTAA TGCCTAAGAG TGAAAGTAGT TCTATTGACA TTCCTCAAGA TATTTAATAT 60
 CAACTGCATT ATGTATTATG TCTGCTTAA TCATTTAAAA 100

配列番号：3202
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03753
 配列：
 GATCCGTGCT GGAAACTCGC AGGGGGACTT TTACATTAGG CAAATCAACA ACGTCAGCGC 60
 CATGCTGGTC CTCGCCCGGC CGGTGACGTG CCCCCGGGAG 100

配列番号：3203
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03754
 配列：
 GATCTGTGGA CTTTNAATTT TTTAAGAGAC TTACTCAATT TNATGACTGT ACTACCTGAA 60
 ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTTC TAAGTNATCA 100

配列番号：3204
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03755
 配列：
 GATCAAGATG ACCAAGATGT ATAAAGGGTT CCAAGCCTTA GGGGATGCCG CTGACATCCG 60
 GTTCGTTTAC ACCCCCGCCA TGGAGAGTGT CTCCGGATAC 100

配列番号：3205
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03756
 配列：
 GATCAGCACT TNANTCGGAA AGTTGGAACC TCTGACAAGA CCAAGTACTA CCTTCAAGGT 60
 AATCCGTGGC TTCCCAAAA GTTCCACATT TAACTTCCTC 100

【0675】

【配列表585】

配列番号：3206

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03757

配列：

GATCCAGATG ACTGAATTC AGATAGCATT TTTATGATTC CCAACTCATT GAAGGTCTTA 60
TTTATATAAT TTTTCCAAG CCAAGGAGAC CATTGGCCAT 100

配列番号：3207

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03758

配列：

GATCCCCAAA AAGTGAATAT CAATGGAGGA GCTGTTTCTN TGGGACATCC AATTGGAATG 60
TCTGGAGCCA GGATTNTTGG TCATTNACT CATGCCTTGA 100

配列番号：3208

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03759

配列：

GATCAGCAGC TGTGGAATA AAGCTTGTNA GCCCTCTGCT GGCCACAGTA NAGGAAAGTA 60
GCACAAATAG GATACAGTTG TATGTAGTCA TTGGCAACAA 100

配列番号：3209

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03760

配列：

GATCTCACCA TTATGACATC CATCCCCCTA GCTCACCACA TAGCACATAG AATGATATTT 60
TTAATTTGTA AGAGGCCATC CAGGTACTAA GGNCCCAAGG 100

配列番号：3210

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03761

配列：

GATCTCGACT CCCCCCTGGC CACAGACCCC CAGGGCATTG TGTTCATGT ACTCTGTGGG 60
CANGGATGGG TCCAGAAGAC CCCACTTCAG GCACTAAGAG 100

【0676】

【配列表586】

配列番号：3211
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03762
 配列：
 GATCTGGAGA AGTAAGATGG CCAAATAAAA GCCTCTACCA ATCATCCTCC CCACAGGAAC 60
 ACCAAATTTA AGAACTATCT ACACAAAAAA GCACCTTCAT 100

配列番号：3212
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03763
 配列：
 GATCTGCTCA AATGCACCAA CACTGCCAAG TGACTAAGGT AGAAAAGAAA AATAACAGGT 60
 ATCGTCATCT GAAGGACAGA TGAATCTTTT TCTGCCCCCTT 100

配列番号：3213
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03764
 配列：
 GATCACAGGG AGCCTGTGTT TGTTGGAGGT GTTCCAGAAT CTNACTGAC ACCACGCTTG 60
 GCCCCAGCA AACCTTCAC AGGCTGCATA CGCCACTTTG 100

配列番号：3214
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03765
 配列：
 GATCACAGAA GCCACTGCAC TCCAGCCTGG GTGACAGAGT GAGACTCTGT CTCAAAAAAA 60
 AATTAATAAA ATTATTATAA CCTTTCAGAA ATGCTGTGTG 100

配列番号：3215
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03766
 配列：
 GATCTCCTGC TGGTCAGTGG GCGGGCGGCA GCACTACCGT GGCCTGGTAC CAGGTGAGCC 60
 CGCTG6CCGC CCGCCTGCTC TACCCCTACC TGGCCTGGCT 100

配列番号：3216
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03767
 配列：
 GATCCCATCT HTTTTCCCTT CTTTCCTCCT GGTTCGGTC AGTTCAGAGG ATTTAACAAT 60
 CACAAGTGTC CTGCAAAAAT GCCTGAACAT TATTCTTAGG 100

【0677】

【配列表587】

配列番号：3217

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03768

配列：

GATCCAGCGA GGGGTCCAGG CCCTCTGCAT CTCCTCAGGC TCCAACCCTG CTCCTCAGC 60
AATNAGCTCT CCTCCAGCTT TGGCTTTGGG AAGCCAGACT 100

配列番号：3218

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03769

配列：

GATCCCCTGG AGCCCAGGAG GNAGGTGTGT NAGCTCAATC CGGACTGTAN CGAGTTGGCT 60
GACCACATCG GCTTTNAGNA GGCCTATCGG CGCTTCTACG 100

配列番号：3219

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03770

配列：

GATCTGAACC TGTCAATTGA AGTACAGGTT AAAGACTGTG TCCACTTTGG GCATGAAGAG 60
TGTGGAGACT TTTCTTCCCC ATTTTCCCTC CCTCCTTTT 100

配列番号：3220

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03771

配列：

GATCTGACTT GGGGAAAGGG TTATCAGAGC CTAGAGGGGC TAAAAAGTA ATCATTGAT 60
GTACATACCA CACTCCTTGG CTTCCTTTCT CTTCCTTAA 100

配列番号：3221

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03772

配列：

GATCTCAGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCT GGGTTCAAGC GATTATCCTG CCTCAGCCTC 60
CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCATGCGCCA CTATGCCAG 100

【0678】

【配列表588】

配列番号：3222
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03773
配列：
GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCANC 60
CACCTTTTCT ATNTTTAGAT ACATAAACAC TCACCACTGT 100

配列番号：3223
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03774
配列：
GATCCCAGCT TATGGCCTTG ACCCAGCCGT CCTCACAGAT GCCGGGTGAC CCTCTAGCTC 60
TCTCTGCATC TCCACCCCC CGACACCCTG GGACCCTCGA 100

配列番号：3224
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03775
配列：
GATCTGCCCCG CGGNGGCCCCG TGTGTGNNT TGTGCTGTGT CCACGCGCTA AGGCGACCCC 60
CTCCCCCGTA CTGACTTCTC CTATAAGCGC TTCTCTTCGC 100

配列番号：3225
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03776
配列：
GATCTGACAC TTCCTTTCCA TTGCTTGCC TGAACAGACT GACCTTGTA ACTTAAGCCT 60
GGAGTCCATG CCTCGTCTC CTTTTGTTCA TTGCTGTTAC 100

配列番号：3226
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03777
配列：
GATCTCTTTT NATCATATAT GACATTAAGG CTACAGAAGT TTTGTGCAAN AATCTTAATT 60
CATATTTATN AATTTCAAGG GAATATTGAA AGGTTTTAAA 100

配列番号：3227
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03778
配列：
GATCCCAATT CGAGAGGTTT TAACCCACAGA ANCGGACATC TCGATTGCAC ACGTTCTGGT 60
TGCCCGAGCC GACCTGTCTT GTCTCGTCCC AGCCACCAGC 100

【0679】

【配列表 589】

配列番号： 3228

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03779

配列：

GATCATGNTT CATGTGCTAA AAATAAACTT GAAACACGGA AGTAGTGGTT GGTCCAGTTT 60
GAAAGCTCTT ATNAGTATTC TTCATCCTGG CTGTAATAAT 100

配列番号： 3229

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03780

配列：

GATCAAGCTG TCCGAACCTA CCAAGAGCAC AAAGCAAGCA TGCATCCCGT GACTGCAATG 60
CTGGTGGGGA AAGACTTAAA AGTGGATTAA AGACCTGCGT 100

配列番号： 3230

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03781

配列：

GATCTTGTGT TCATATGAAA GTNCAAGTCT TTATTAATTT GGATTGCCTG AACAGTGTAT 60
CCCATGATGA TGAAGGAAAA TGGAGAGATT TTCCTNTTNA 100

配列番号： 3231

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03782

配列：

GATCTTACTT GCTCCTGCTT ACGAAGATTN CCCAATNACT GGTCATCTGA CCCTACTTGA 60
ACACTCCTGA ACAGTCATGT TTTTNAAAAT NTTCTTTTAT 100

配列番号： 3232

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03783

配列：

GATCTAGACT GAGAATCAGC CTGAGCTTTA CACAGCTGGG GTCTGTTACT CGCGTTTTGT 60
AGACTTTTGT GTAACATTTT GTACCGTAGA CAGAATGTGA 100

【0680】

【配列表590】

配列番号：3233
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03784
 配列：
 GATCTAACGT GTTCCAGTGT CTGTCTGAGG TGTCTTAAAA AATCAGAACA AAACCTCTAT 60
 TATCCAGAGT CATGGGAGAG TACACNCTTT CCAGGAATAA 100

配列番号：3234
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03785
 配列：
 GATCATAGGT CTGGACACTC CATCCTTGCC AAACCTCTAC CCAAAAGTGG CCTTAAGCAC 60
 CGGAATGCCA ATNAACTAGA GACCCTCCAG CCCCCAAGGG 100

配列番号：3235
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03786
 配列：
 GATCAAAC TG CCATTCACAG TGTAAGGCAG CACTTAAATT TCGAACCTAA AGTTTAGATG 60
 CATTGTATAA AAAAACCTAA AAGCAGTATC TGTNNNTNN 100

配列番号：3236
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03787
 配列：
 GATCGCCACA CTGCCACTCT GCTGCCCAGC CACCAGGATT TCTGCCTGGA GCCCTTTGCC 60
 CTGTCCCTGC TGCCTGAGGT GCGGTAGAGC AGAGGAGAAG 100

配列番号：3237
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03788
 配列：
 GATCTGTATT GGATAAGGAC CAATGACAGC AAAGCAAAAA TGGCTTTAAA GCTTGGTGTT 60
 ACTTTCNTAA ACTNGTTTAA TTATAGTNAA GCAATTNCAA 100

配列番号：3238
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03789
 配列：
 GATCTCGAGT GTTATTTTCT GATTGTGGTG TTGAGAGTTG CACTCCCAGA AACCTTTTGA 60
 GAGATGCATT TATAGCCCTA GGGGTGGTAT GACCCAAAGG 100

【0681】

【配列表591】

配列番号：3239

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03790

配列：

GATCTGCATA GAAAATTTT ATACAATTTT TTGAAAGTNC TTAGGTGAAN CATTACCCA 60
TTAAAAAGGA AGCAGAAATA CTGAGACATG AAAGGCATTA 100

配列番号：3240

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03791

配列：

GATCCAGTGC TCTCCCATCT AACAACTAAA CAGGAGCCAT TTCAAGGCGG GAGATATTTT 60
AAACACCCAA AATNTTGGGT CTNATTTNNA AACTTTTAAA 100

配列番号：3241

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03792

配列：

GATCCACCCG CGTTGGCCTC CCAACGTGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC CACGCCCCGC 60
CTAAAATCCA TATTCAAAGA AGCAATTTCA GTTCCTTTCT 100

配列番号：3242

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03793

配列：

GATCAGATTG CTGAAACACT ATGGGAACAG GTATTGAAGC CCCTGGGTGA TAATNTAATG 60
GAGGAAAACA TAAGGCAGTC TGTAACAAAC TCTATCAAAG 100

配列番号：3243

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03794

配列：

GATCCAGGAG GAGCAGCACC CGAGCCCTGG AGTGGCCCAG TACCCTTCCA AGAGGCCACA 60
GTCCCAGCCA GGACAAAGTA TCGGGCCCAT CCTGGTGCGA 100

【0682】

【配列表 592】

配列番号: 3244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03795
 配列:
 GATCATAACT CATGATATGT TTGTAATCAT GGTAATTTAG ATTTTNATGA GGAATGAGTA 60
 TCTGGAAATA TTGTAGCAAT ACTTGGTITA AAATTTTGGA 100

配列番号: 3245
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03796
 配列:
 GATCTGACCT TTTTITTCCT GTTGAAATGT ATTAACACAC CTTCCACAAT NATTTTATAA 60
 GAGTCAGCAT AACATAGTGG ATAAGAACTG TGAGATGTTT 100

配列番号: 3246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03797
 配列:
 GATCAAAATA TATTTGTCCA GAAACTCTTG GGCCAGTTCT CTGAGAAGGA ACTGGCTGCT 60
 GAAAAGAAAC GCATCCTGCA CTGCCTGGGG CTTCGAGAAG 100

配列番号: 3247
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03798
 配列:
 GATCCTCCCA CCTNCAGCCT CCCAAGTAGC TGGGACTACA GGCACATGCT ACCATGCCCA 60
 GCTAATTAAG AAAAATTTTT TTTTGTAGA GACGGAGTTT 100

配列番号: 3248
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03799
 配列:
 GATCAAAATT NATTGAATGG TTTGAGCTTG TAGCTCTATA AATAGTAGTT TTTAACATGC 60
 CTGTAGTATT GCTAACTGCA AAAACATACT CTTTGTACAA 100

配列番号: 3249
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03800
 配列:
 GATCCAAAGC CATCCAGAC CTTCCCGGGC CCCTCTTCCT GGCAGATGAC TCTCCCGCT 60
 TCTGCTCCT GCCTGCCAT TCATACCACT TTGAAGTGA 100

【0683】

【配列表593】

配列番号：3250

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03801

配列：

GATCGCCAGA GCCCAGGAGT TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GAGGGTGCCT CTTTGCTCCA 60
TCCTAGGCAA CAGAGTGAGA CGCTGTTAA AAAGGAAAAA 100

配列番号：3251

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03802

配列：

GATCAGTGTA TCGGAAAAGG TTTTATAGGAA GTATGGCAAA AATGTTGTAT TGGCTATGAT 60
GGTGACATGA TATAGTCAGC TGCCTTTTAA GAGGTCTTAT 100

配列番号：3252

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03803

配列：

GATCACTAGC TAATNCTCAT ATCCATGCCT TTTTGTCTTG TTTACAGTCT TAAAAGAGGT 60
AAAACAGCAA ATATTTTTTN AAGGGAAC TAACCTTAGG 100

配列番号：3253

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03804

配列：

GATCGGTGCT TTGTGTAAAT ACATCTTTAA CATTGCGGTG GAGAGGGGCC TTAAGAAGGA 60
CAGTTCATTG TAGGAAAGCA ATTCTGTACA TGAGTTTAAG 100

配列番号：3254

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03805

配列：

GATCAAATTT TTNAGACAAT CCTTGGTCTG GATTGGTTAA TGAATATNTN TTGTTTAAGA 60
GGTTCTATTA AAAAATATTT CTAGTGTATT AGTCATAATT 100

【0684】

【配列表594】

配列番号： 3255
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03806
 配列：
 GATCGATACA GAGCATCTGC ACTGGGATTG TCCGCCCCGC CTGTCAAGGA GGCCTCGGGG 60
 GCTAATNGAG CTGAGGGTAT AGTCGGCCTT GGACCCTCGC 100

配列番号： 3256
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03807
 配列：
 GATCAAAAAA ACTTTTCTTC TTTTGCAAAG AAAGCTTTTT GTTTTAAACN GCAACGTACT 60
 TTTCCCTAC CTTGAAGAGA CATGGTGGTC GCAGCTTCTN 100

配列番号： 3257
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03808
 配列：
 GATCTGCATT TNCAGAAGAG GACAATCAAT TGAAGCTAAG TAGGGGTTTN TCCTTTTGGC 60
 AAGACTTGTA CTCTCTCACC TGGCCTGTTT CATTTATTTG 100

配列番号： 3258
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03809
 配列：
 GATCTACTAT AAGGTATTCT ATATTTATAT NACTTCAGAG ACGCGTATGT AATAAAGNAC 60
 GCCCTCCCTC CAGTGTCCAC ATCCAGTTCA CCCCAGAGGG 100

配列番号： 3259
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03810
 配列：
 GATCGGTGCT ACCAAGGAAG AGAGCACACA GATAAGACAG AGGGGAGGAG GTGGGCATTT 60
 CCTACATTCC TCCTTGTTTN CCGCTGCTGA NATTCAGTA 100

配列番号： 3260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03811
 配列：
 GATCTATATG AAGTGGGAAT ACAGCATATA TCTGGATATT CTTATAGTGA TCTTTTAAAC 60
 ATCTTATTTT TTTCATTAAT TACATATCAA CATTAATNTT 100

【0685】

【配列表595】

配列番号： 3261

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03812

配列：

GATCATAAGA CCAGGAGTTC AAGACCGGTC TGGCCAACAT GGTGAAGCCT CATTNTACT 60
AAAAATACAA AATNAGCCAG GTGTGGCGTC ACATGCCTGT 100

配列番号： 3262

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03813

配列：

GATCATCGAG GACCAGAAGA TGGTGGTGGT GGCGNTGCAG CCGACTGCAG AGCTNGAGGT 60
GGGCTCGGCG GAGGTCATTG TGGAGTCCCT GGCCCAGGGN 100

配列番号： 3263

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03814

配列：

GATCTGGGGA GCTNTGACTG AAGGGGCTTG GTCTTCCACT CAGCATCAGC NTGGCAGTCA 60
CCACCCAGT NAGGACCTCG ATGTCCAGCT GCTGTCAAGT 100

配列番号： 3264

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03815

配列：

GATCTCTGTA GACTAGAGTC TTGCAGCAAC ACAGAATGTA ATATAAGGCA AATGCATCTG 60
GGACTTGACC AAAGTTGTTT TGTITTGTTT TTTTAACTGA 100

配列番号： 3265

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03816

配列：

GATCTATTTT TGCAGTGGAA TATCTGAGAA TTGCAAACT AGACAAAAGT TTCACAACAG 60
ATTTCTAAGT TAAATCATTT TCATTAAGAG GAAAAAAGAA 100

【0686】

【配列表596】

配列番号：3266
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03817
 配列：
 GATCTTTTAC CACTAAAAGA GCATTATTCT CATGTCATAA TGAGAATAAT AATTACATA 60
 CTTGGCATAA TAAATGCCTA AAAGACATT TATTNTCTGA 100

配列番号：3267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03818
 配列：
 GATCAGAAGT GGCTAATTTA TTTNATTTCT NATTATTTTA TCCAGAGGGT ACTTTTTTAA 60
 TGGATATTTG TAAATCTNCC ACTTAACCAC TGAAAATAAT 100

配列番号：3268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03819
 配列：
 GATCTCCATT CTTTGCCATG AGGGCCAACA CATGAGACCC CACCTCCCTC CCTGCCTGCC 60
 AGCCCTAGAC TTGTTGGAGC ATAGAGCCCT TCCTCCCCAG 100

配列番号：3269
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03820
 配列：
 GATCCCCAGA GTTGGTCCAA GGAGGGAGAG TGGGTTCTCA ATACGGTACC AAAGATATAA 60
 TCACCTAGGN TTACAAATAT TTTNAGGACT CACGTTAACT 100

配列番号：3270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03821
 配列：
 GATCTGTGTG GTCCCCGACG TAACATCTGG CGAGACCCTG CCCTCTGCTG TTACCTGAGT 60
 CCTGGGGATG AACAGGTCAA CTGCTTCAAC ATCAATTATC 100

配列番号：3271
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03822
 配列：
 GATCTAATTC TNCACCTCTG CTCCAAGGGC TGGGCTGTGG GTGGGATACT GGGATTTTGG 60
 GCCACTGGAT TTTCCTTAA TTTGTCCCCC CTTTACTCTC 100

【0687】

【配列表597】

配列番号： 3272

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03823

配列：

GATCTCATT NAATGATT TAAGTAAATA CTAATCAGAC ATTATTAATA GCAAAACAGG 60
AAAAAGGTAA ACTTCTTAAA TTTAGTTACC TATAAAAAAT 100

配列番号： 3273

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03824

配列：

GATCCCTAAA AGACAAAAGA GTCTTGAAA-GGACTGCTGG CTCGTCTTG AACGTTGCGC 60
CCATCACCAG TGTGAGTCCG TGGGGAAGTC TTCCTCAAGT 100

配列番号： 3274

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03825

配列：

GATCCTAATG GTGCTGCCCT ATTTATACCT GGGTCTGTAT TAAAAGGGAA AGTCCCCCCT 60
GTTGTAGATT TCATCTGCTT CCTCCTTAGG GAAGACTGGG 100

配列番号： 3275

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03826

配列：

GATCAAGCAT TTGCGTTTGG ATGGCAATCG CATCTCAGAA ACCAGTCTTC CACCGGATAT 60
GTATGAATGT CTACGTGTTG CTAACGAAGT CACTCTTAAT 100

配列番号： 3276

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03827

配列：

GATCTTTAAT TTGNATGGTG ATGAATGTCT TAGTCATGAA GAGTTTCTAT GGGGTGTNAA 60
AAAACAGAAT GCATCGAGGT TNATGGGTAC CACAACATCA 100

【0688】

【配列表598】

配列番号: 3277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03828
 配列:
 GATCTAGTAG GTTCTATTT TTCCTTCTC TTTACAATGC ACATAATACT TTCCTGTATT 60
 TATATCATAA CGTGTATAGT GTAAAATNTG AATNACTTTT 100

配列番号: 3278
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03829
 配列:
 GATCCCTTTT TTNCTGGAG CTTCCTGCC TCCCCTGCC CTTCCTAGCC CTGTGAATCC 60
 TCCTTCACAG GCCAGCCAGA TACCTGNTG GCCTNTGGGC 100

配列番号: 3279
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03830
 配列:
 GATCTNAGAG CCTGCCCAAC AGCAGGGAAG CCAAGCACCC ATTCATCCCC CTGCCCCCAT 60
 CTAATGCGT ANTGANAGG GGAACAGTGC CATGTACCAC 100

配列番号: 3280
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03831
 配列:
 GATCCCTTC CTATCAATCA CCTGATAGCA ACAGGGACAG CTGCCAATAC CCTGCTCTTT 60
 ACTCAATGTT ACCCAGGGAG GGAGCATGGG AAGAGGGTGA 100

配列番号: 3281
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03832
 配列:
 GATCAACAAG GCCACGCCCT ACAACTACCC AGTGCCCGTC CGTGATGATG GGAACATGCC 60
 CGACGTGCC AGCCACCCCA AGGACCTCA GGGCCCCAGC 100

配列番号: 3282
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03833
 配列:
 GATCCACCAA TGTTCAAAT AGGACTATAA CTTATTCAA GGCCAATNAT ACTTCGCATA 60
 ATTCAATTTT AATATTATTC ACATTTTCATG TCACAAATTI 100

【0689】

【配列表599】

配列番号： 3283

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03834

配列：

GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CATAGCAAAA TCCTGTCTCA AAAAAAAGT 60
TAAAAAATAT TGCCCGGCTC CTAGAATTTA TTTATTTCT 100

配列番号： 3284

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03835

配列：

GATCTCTCTG TGTGGAATGC CTTGGTGAGA GAGATGCTTA TAATNACTAT NATNATTTCT 60
AACCAAGCTT CTATNAATNT AATTTCTAAT AATACACTAT 100

配列番号： 3285

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03836

配列：

GATCCCTGGA CCATCTGCAT CCAGAGGACC GTCCGTAACG GCCGGGGGTC CAGGCGGACC 60
TTGTGGTGAC CCGGCTCGGG CNTNTCCTCG GTTTCNTTGC 100

配列番号： 3286

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03837

配列：

GATCTAGTTC AGAAGGAAGC AAAATCCCTT AATCTATGTG CACCGTTGGG ACCAATGCCT 60
TAATTAAAGA ATTTAAAAA GTTGTAAATAG AGAATATTTT 100

配列番号： 3287

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03838

配列：

GATCACTTCT CCTTGGCTTC CTTCTTTTCT GTGCTTGCAT CAGTGTGGAC TCCTAGAACG 60
TGCGACCTGC CTCAAGAAAA TGCAGTTTTT AAAAAACAGAC 100

【0690】

【配列表600】

配列番号： 3288
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03839
 配列：
 GATCACTTTA TTNGCTAGGG AGGGAAGTCC TAGGGTGGTT TCAGTTTCTC CCAGACATAC 60
 CTAAATTTTN ACATCAATCC TTTTAAAGAA AATCTGTATT 100

配列番号： 3289
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03840
 配列：
 GATCATAGGA GAAAACCATT TCANATGACA AGAGCACCTC AAAGGCAGCA GCCTCAAGGA 60
 GCAGCCATGG CCCAGACTT GTCGCACGGA TGCAGAAAAC 100

配列番号： 3290
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03841
 配列：
 GATCAAGGGC AAAAAGTGGT CATTAAGTNA TCTAANATTA AATNATTTAG CCACTAAGTA 60
 ATTTNTTTAC TCTNACTTTA AACTCACCAA AGAAGATTCT 100

配列番号： 3291
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03842
 配列：
 GATCCTCCTG CCCAGCATT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCNA CTGCTTGGCC 60
 TGGCCGTAGG TTTGTAAGTG TTTCATAGAA GAGCCCTGGA 100

配列番号： 3292
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03843
 配列：
 GATCAGCTTT GTTTTCCCA GAGTTCATGC AAATAGAATC TGGCTTCTNT AAGTNAGCAT 60
 CATGGACTTG GTTNAATTC GCCCGTNTTG CTGAGTGTAT 100

配列番号： 3293
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03844
 配列：
 GATCAGAGCA TTGTGCAATA CAGTTTCATT AACTCCTTCC CCCGCTCCCC CAAAAATTTG 60
 AATTTTTTTT TCAACACTCT TACACCTGTT ATGGAATAATG 100

【0691】

【配列表601】

配列番号：3294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03845

配列：

GATCTNTTTT TTTCCCTTCT TGTATCATCC CTTTGGGTTT TTCGTTTGC TTTGGTTTTT 60
AATTTTNCCT TGTTTTNCCT ATAAATCCTG TTTTAATCTT 100

配列番号：3295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03846

配列：

GATCTCAGGA ATNACATTTT CCAACAGACC AAAAAATGTT TTCATGTAGC AGCAATGCAG 60
ATTTGGTGAA TATTTAATAT ATATTTAAGT ATGTATTTCA 100

配列番号：3296

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03847

配列：

GATCCCTTNG TTTGCTTAAT AAATTATAAA ATAATGGCTT GGAAAAGCAG GCTAGTCTAA 60
CCATGGTGCT ATNATNAGGC TTGCTTGTTA CACACACAGG 100

配列番号：3297

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03848

配列：

GATCTGTTCT TGGTATTTNN TTTTGTGTTG TTTTGGTTTT TAAATGTAAT CACCCATTGG 60
TCAGGCCACG GACTGGTCAC CATGAGCTCT GCTAGCCACG 100

配列番号：3298

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03849

配列：

GATCTGGGGT CCCTAAGTCC CTCTCTTTAA AGAACTTCTG CGGGTCAGAC TCTGAAGCCG 60
AGTTGCTGTG GCGGTGCCCC GAAGCAGAGC GCCACACTCG 100

【0692】

【配列表602】

配列番号：3299

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03850

配列：

GATCCTAGGA ACTCCTATNT TCAGAAAAGA ATTTTNTTCC TACTATATAA TTACAGTATT 60
TAGCTGTCAA TTTTAAGATG AATTTGCTAG AGCCTTATAG 100

配列番号：3300

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03851

配列：

GATCAAGAAG TAGCCGAGGT TGATAAAAAC ATAGAACTTT TGAAAAAGAA GGATGAAGAA 60
CTCAGTTCTG CTCTGGAAAA AATGGAAAAAT CAGTCTGAAA 100

配列番号：3301

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03852

配列：

GATCGTGGGT CAGGGACACC GAGAGAGTGA GGTCACCTCC ACTTCAAACC TTCAGTGAGG 60
GGGTGGGATG GAGAGAATGC TGAATCTTTT TTTTACGGG 100

配列番号：3302

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03853

配列：

GATCAGGACT ATAATATNT ACAGTTATTA TAGGGCTTTT GGGGAAGGGN AGGATAGCNA 60
GAAGATGCTC TGGGGGTTTT TTTTTCCTT TTCCTTCAGG 100

配列番号：3303

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03854

配列：

GATCGATGGT GGCGCTTTCT CCTGTGCCCA CCCGCTTTCA ATCTCTGTTT TGCTCCCAGA 60
TGCCTTCTAG ATTCACTGTC TTTTGATTCT TGATTTTCAA 100

配列番号：3304

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03855

配列：

GATCTCATCA CAAGATGACC AAAAGAGTTT GAACTGTGTG TGCTATTTAG AAGATTTAAC 60
TTTATGTAT CTATAGATAC CACAGCTGTT GCTTCTAATA 100

【0693】

【配列表603】

配列番号： 3305

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03856

配列：

GATCTGCCCTC ACGTGCCTG TGGTGGCCGT GTGCTACGGC TCCTTCTACA ATCTCCTCAC 60
CCGAACCTTC CACATCGAGG AGCCCCGCAC AGGTGGCCTG 100

配列番号： 3306

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03857

配列：

GATCTCAACA CCTATGCCTC CACGTAATT ATTTTTTCA GCCTTATTTT CCTCAAAATT 60
GTAGAGTCCT AATCTTCTTC TATCTTGTTG TGTGAGACCT 100

配列番号： 3307

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03859

配列：

GATCAGGTGA TTTGTAAAT TGTATTTATC TGTACATGTA TGGGCTTTTA ATTCCACCA 60
AGAAAGAGAG AAATNATCTT TTTAGTTAAA ACCAAATTTT 100

配列番号： 3308

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03860

配列：

GATCTTGCAA CTCCATTTTC GAAGACACCG AGGAAGAGGA GGAAGATGAA GACCAGGACT 60
ACAGCTTTTC TATATCTCCT ATTCTAGAGT GGTAAACTCT 100

配列番号： 3309

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03861

配列：

GATCAGTGGG CACAGTTCTT CAGCTACATT GAGACCCTGA AATAACAAT NATATTCTNA 60
CTCGACATCT TGTCCCAAT CCTTCCAAA ATATTGATGG 100

【0694】

【配列表604】

配列番号： 3310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03862
 配列：
 GATCAGNATT GTACGTATTC AAGGTGTAAT ATNTGATAAT TTGTCGTACA CGTACATTGT 60
 GCAATAACAG TCACAATNAA TTCCTCAGCG CACCCATCAC 100

配列番号： 3311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03863
 配列：
 GATCATAATA GTGACCAAAA TATACATGCA GACTTGTTTT TTATTATTGT TGTTTAAGCA 60
 TAATTTAAGA AAAAAAATTT TTACCTGGTG AACTTGCTAT 100

配列番号： 3312
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03864
 配列：
 GATCTTCTTT CTTTTACAG GAACAATTGG CTTCTTTGCA TGCTTTTGGT TTGTNACCAA 60
 AATATACAGT GTGGTGAAGG TTGACTGAAG AAGTCCAGTG 100

配列番号： 3313
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03865
 配列：
 GATCATGGTG AACTTACCAA AGCAAACAAT GCCTGTNAGA TGGTCCTGCA GCAGCCAACC 60
 AGTGAACCTCT TTTGGTGACA TCCTGTCTT GTTGATAAC 100

配列番号： 3314
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03866
 配列：
 GATCCAAAAT NAGAGCTCAT CAGAATTGTC ATTGAAAGTN TTAACAAAAG TAATATCAAA 60
 TNACATTTGA AAAATATCCT TGTAATAATNA CTATATTAAT 100

配列番号： 3315
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03867
 配列：
 GATCAGGACA CTTAGCAAT GTAAAAATAA AATCTAATC TCATTTGACA AGCAGAGAAA 60
 GAAAAGTTAA ATACCAGATA AGCTTTTCAT TTTTGTATTC 100

【0695】

【配列表605】

配列番号： 3316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03868

配列：

GATCCGNTAG GAGTAGTAAA TGNAGACAC AATNGCTTGA TTATACCTCN TATNTGGTTT 60
AGCTTCAGTA TTAAACAAG GAAATAAACT TGAAAATTAT 100

配列番号： 3317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03869

配列：

GATCTCAGAG GCTCAGAGAC TGCAAGCTGC TTGCCCAAGT CACACAGCTA GTGAAGNCA 60
GAGCAGTTTC ATCTGGTTGT NACTCTAAGC TCAGTGCTCT 100

配列番号： 3318

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03870

配列：

GATCTNCTGT CCTCCTTTCA CTACATACCA ACAACCCTCT GGCATTAAAC TTCCAGTGAT 60
AGTGCTATNA ACTTTGTGTC CTCAGGTCAA CAAGGGACCT 100

配列番号： 3319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03871

配列：

GATCGCCCTC TACATGGCTT CGCAGCCCAA AAACAAATNA GTTAGGCTGC AGAGGACTGG 60
TTTGTTTTTT GGCATAAACC CTTTGAAGTT CCTTTTTCAT 100

配列番号： 3320

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03872

配列：

GATCACCAGG GTCAGTTTNT TTAATAATGG TTTCCAACCTG GCCTAATACA TTAAGTAAGA 60
NTGGNTGATA ACATGACCAG ACAGACATAA AGACCCTGTT 100

【0696】

【配列表606】

配列番号：3321

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03873

配列：

GATCCGCTAC TAAAGTAAA AATAACCGGT TTGTAACA TTAAGAGAAA AANTAGGATA 60
TTAATACAT GTGCTGAGTG GAGANCAAGG TAACITTAAN 100

配列番号：3322

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03874

配列：

GATCTAAAAA AATTAAAAAG AAATATGAAT GAAAGNAAAA AAAATGCNAA AATNAGCAGT 60
TTCTGGAGG AGCAGTTCCA GCAGGGCAAG CTTNTTGCCT 100

配列番号：3323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03875

配列：

GATCATTTTA TTTTACAATC ATTTATAATG AATNAATGTT NCAGTTAGCT TTAAGAGGTA 60
TACGGTGCTA ATNAGTAAAA TATTGAAGGC AATATTTTAC 100

配列番号：3324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03876

配列：

GATCTAGGGT CCTGGGTNTC TTGCATTTAT ATGTCAGAAA AGGGGCGATA TGCTGCTGAG 60
GGGTGAGTGC ATATAANTNT GGCCCTGAGG ACCAGGGCTG 100

配列番号：3325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03877

配列：

GATCTNACCC CCAGCATGAT TGTATTTCTT TCCCCTCCAG TCAAACCGTA ATACAGTTTC 60
CAGAAAATTC GACAGTCTGC AATGCCAAAA GGGTAAAAAT 100

配列番号：3326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03878

配列：

GATCTAAAAA TAACTGTAAT TATTTAAATG ACTAANAGGA AAGTACATTT TTTAAAAATNC 60
TGAAAATTGC CTTTNTGTGT TTATNCAAC TGAAGAGCTG 100

【0697】

【配列表607】

配列番号： 3327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03879

配列：

GATCCTCACC AACCTAAGCA AGAGGAAGTG CCCCTCTCAA CCTGTGCGGG CTGCTGCCGC 60
CCAGGACTGA GACGCAGGCC AGCCCCGGCC CCTAGCCCTC 100

配列番号： 3328

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03880

配列：

GATCAACAAG AGCACTGTAC TCCTGGCAAT NATTACATAT GTNAGAACAT GGATTTTGCA 60
CTGTAGACAA CATTTAACAC CAGTCTATGG GGTACTGCAT 100

配列番号： 3329

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03881

配列：

GATCCCTTTA CTGGAGCCCA GTATGTGCTG TGTGAGTTAG AAGTCATTCT TGCTGAGAAG 60
TGGAATAGGT AGGGATTGCT CTTGTTTTGT AAGTCTACAA 100

配列番号： 3330

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03882

配列：

GATCTGCACA TTTAATCGTG GCTGTTTCTG TATAGCCTAT ACTGCATTAG CCNAAGANAT 60
TGTTGCTTTG TAACTTTTTG CACTATTGTT TTGGCTGGAT 100

配列番号： 3331

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03883

配列：

GATCCCTAAG CCCCCAGCT GTAAATAGGC TGTGGCCAGT GCCTGGTCAT NAGAAGAGNG 60
AGGAGGAGCC CAGGCGTCTG TTTATGTATT TATTTATTTA 100

【0698】

【配列表608】

配列番号：3332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03884
 配列：
 GATCTTGGCC TTCGCAGTGC CCAGTGATGG CATTACTCTG CACTATAGCC ATTTNCCCCA 60
 ACTTAAGTTT AGAAATNACA AGTTTCAGTA ATAGCTGAAC 100

配列番号：3333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03885
 配列：
 GATCTGGAAG ACAAGTAACA TCTTCCTTTT NTTGGTGCTC GCCTGCCGTG CTCTAGGTGC 60
 TTTTAGAGAT GCTGGTCTGT GTGCTAGGGA AGCGATGAAC 100

配列番号：3334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03886
 配列：
 GATCTATCTC TGTGTCCAAG TCTCCTCTTT TTATAAGGAA ACCAGTCATA ATGGACCCAC 60
 CTGAATNACC TCATTTTAAC TTGATTACCT CTGTAAAAAA 100

配列番号：3335
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03887
 配列：
 GATCAACAAA TCTCCTAGGC CTNTKACCAC ATACATTIAC ACCNACTACC NCAACTATCC 60
 ATAAATCTAA GTATAGCCAT TCCACTATNA GCTGGAGCCG 100

配列番号：3336
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03888
 配列：
 GATCCCACCT TCAACACCTT ACAAGTAAAG ACAATGAAGA ACAGTTGAAA CATGCAAAAT 60
 ATGGAGCTTT TCATGTAATT ACTCTTTTAC TGTTTACCAT 100

配列番号：3337
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03889
 配列：
 GATCTGTGTA GTTAATGTAT TTATTAATGC TTGACTTTTA AAATCCTGGG CATAAATAGT 60
 GCAGAGCCTC GTATGTTTGT CAGTTCATGC CGAGATGAAA 100

【0699】

【配列表609】

配列番号： 3338

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03890

配列：

GATCTGTGGA GTGTGTGTTT CAAAGAGAGA ACTACAGAAA TTTAAAGCA GGAAACCTG 60
AATGTNATGT GCACATTTTC ATCCACATG GACAATGTAT 100

配列番号： 3339

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03891

配列：

GATCAAATGT GGGCCCGTTT TTGGCCGCCG CCGCCCTGCC CCGTCCCTNC GGCCACCACC 60
TAATTANTTG CCGTGTCTCC TGCTGCTGTA ACTGCTTTNT 100

配列番号： 3340

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03892

配列：

GATCATTATT ATTGTAATAG TCTCATGTTT AAATGGGATT ATATAATGAN AACAGTTTAA 60
AGAAATNAT AATCTTATAT NTCAAATGTG GATGCAATA 100

配列番号： 3341

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03893

配列：

GATCATATTG CTGTAACCTC TTTTAAGTAG TTGATGTGGA AAACATTTTA AAGTGAATTT 60
NTCAAAATNC TGGTTTTGTG TTTTATCCAA CTTTTGTGCA 100

配列番号： 3342

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03894

配列：

GATCCTCAGT GTAGTTCTGA AACTAAGACT ATAGATATTT NNTTCTTTT AATTTCTCTT 60
TATACTAAAG AATCCAGAGT TGCTACAATA AAATAAGGGG 100

【0700】

【配列表610】

配列番号： 3343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03895
 配列：
 GATCTTAGAG TTTGCACAGC TTAATAAAT GGAATATTG GAATCTGAAT CAAAACAGC 60
 CTGACTCAA ACAATGTNCT TNCCATTATG CAAGGGAAA 100

配列番号： 3344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03896
 配列：
 GATCATAGTC TTAGGAGTTC ATTTAAACCA TAGGAACCTT TCACCTATCT CATGTTAGCT 60
 GTACCAGTCA GTGATTAAAGT AGAACTACAA GTTGTATAGG 100

配列番号： 3345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03897
 配列：
 GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTATAG GTGHNAGCCA CCGCGCCGGG 60
 CCGGTTGCTG GCATCTTAAT GTTCTGTAGG TGAATATTT 100

配列番号： 3346
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03898
 配列：
 GATCTGGTAA ACTTNNAATC AATTAAATTA ATGCANCAAT AGATTATNAA TATTAAGTGA 60
 CCATTTAAGT TTTTNAATAA GTTTTTTACA AAAAAAGTT 100

配列番号： 3347
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03899
 配列：
 GATCTGGAAA TTTTAAATC AGTTAAATG TGCAGCAATA GATTTTAAAC TTAACTGAC 60
 CATTTAAGTT TTTNAATAAG TTTTTTACAA AAAAAAGTTA 100

配列番号： 3348
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03900
 配列：
 GATCCTGTAG TGCCTCTATA GAAGTACCCA CAGAAAGTAA AGTATCACAT TTATAAATAC 60
 CAAAGATGTA ACATTTTAA AATTTTTTAG ATTACTCAA 100

【0701】

【配列表611】

配列番号： 3349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03901

配列：

GATCCATCGC GATACTATGT GTGCATTATT TGAAAGTAT TGGAAATTTT ATTCAAACCG 60
TGGAACAAAT GTATGTNATT TTTTATACT TCTTAATTTA 100

配列番号： 3350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03902

配列：

GATCAGCCCT TTGTACAGAA AAATGTGTCT ATAAAAATTA TGTGTTATTT AATTCTGATA 60
CTTTTTGGCT TGTAATAGC TTCTTGAAC TTTTACAATA 100

配列番号： 3351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03903

配列：

GATCATGACC GGAACATGGN CTGGGTTTCC ACCCAGCTCC AGGCCACATG CAATGTCCAC 60
AAGTNTGCCT TCAATNACTG GTTCAGTGA CACCTCAACT 100

配列番号： 3352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03904

配列：

GATCGATTCA ATGCCCGATG CTTCGTGTTT ATTCCCGACC CTTTCTACTA TGCATTTTCC 60
TTTTATCAGG TGTATAAAGT TAAATACTGT GTATTTATCA 100

配列番号： 3353

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03905

配列：

GATCCTCAGG CGGCCCCCAC CAGGGCACAC CCTACTGTCC TTGTGCCTCA CGCCCCCTCC 60
TCATCCTGCA CCCCTTCCAT CCCACCTTCC CTTTCAATAA 100

【0702】

【配列表612】

配列番号: 3354
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03906
 配列:
 GATCTGATTT TTTCCCCCTT TACCTAGCTG TGCCCCCTCT GGTTATNTAT TTCCTTAGTG 60
 CCAGGAGGGC ACAGCAGGGG AGCCCTGATT TTAAATAAAT 100

配列番号: 3355
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03907
 配列:
 GATCACCAGT GCATCCTTCA TCACAGCATG TGCAATATGC CAAGATTACC CTCGGTCATT 60
 CCTGTCAACA AGGGGTCAAT GTCATAATG TCACAATAAA 100

配列番号: 3356
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03908
 配列:
 GATCCATGAG GAAAAGATGC TCTCCACCT AAGGCCAGGA ATCTGAGAGC AGGACTGGCT 60
 GAGCTCCAG GGCAAGGGGT TCACTAATGC TTATCAATAA 100

配列番号: 3357
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03909
 配列:
 GATCAGATTG CATGTNACTC TNAAGCTGAC GAACTTCCAT GGCCCTCATT AATGACACTT 60
 GTCCCCAAAT CCGAACCTCC TCTGTNAAGC ATTCGAGACA 100

配列番号: 3358
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03910
 配列:
 GATCACCATG AACAAAGNTA TATTCCTAT TTATTIATTA TATGTGCACT TCAAGAAGTC 60
 ACTGTGAGAG AAATAAAGNN TTGTCTAAAT GTCATGTTGG 100

配列番号: 3359
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03911
 配列:
 GATCAGGACT TCAAGGGCCA GACCACAGAC TACTTATAGG AGCATCTTCA AGGCGGTCAC 60
 AGTGAAAACC TTGAAATGGC CTTTTTNAAT ATATATAANT 100

【0703】

【配列表613】

配列番号： 3360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03912

配列：

GATCCAAATN ATGGCCACAG ATGAACTTCC ATGCAAGCNA TGGCTGAGTT TCATTGCTTA 60
AAATNCTCCT CTGTTTAGAG GGGCCTGGTA GAAATAAAAA 100

配列番号： 3361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03913

配列：

GATCCTCCTG GCCGCCCGC AGGTCTNTGG AAGGGCTGGA CGGCAAGTCC GTNTAGCTCA 60
CGGGCCCCCTC CAGTGGAAATG GNTCTTTCCG GTGGAGATAA 100

配列番号： 3362

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03914

配列：

GATCCCAGGT GCGTGNTCT CTGTCTCTCC TAGCCCCCTCT CTCACACATC ACATTCCCAT 60
GGTGGCCTCA AGAAAGGCCC GGAAGCGCCA GGCTGGAGAT 100

配列番号： 3363

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03915

配列：

GATCATGCCG CTGCACTCCA ACCTGGGCAG CAGTGCAAGA CTCTGTCTCA AAAGGGGAAA 60
AAAAAAAANT TNCTGATGTG NCCCATGAAG GGACCTCATT 100

配列番号： 3364

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03916

配列：

GATCGGCCGT ACCAGCCGCC CCGCCCGCCG GTGGGCGCTC TCGGACTACT CGCTGTACTT 60
GCCGCTCTGA GTCAGTGGCC CCTTCGTTCC TTGTAATAAA 100

【0704】

【配列表614】

配列番号: 3365
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03917
 配列:
 GATCCAGACA AGTGGGAGAG CCCGTGGGGG CAGGGGACCT GGAGCTGCCA GCACCAAGCG 60
 TGATTCTTGC TGCCTGTATT CTCTATTCCA ATAAAGCAGA 100

配列番号: 3366
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03918
 配列:
 GATCTCATAA GAAATGTAAT ATGTAAATAA TATCTTGCTT TATGTTGTAA AATATACATT 60
 GTTTCNCCTA GAATAGAAAT AATTTCTTTT CAATAAAAAG 100

配列番号: 3367
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03919
 配列:
 GATCGTTGTG TTGTTATTTT ACTGCACTTT TTAATTTTTT NCGTGTGGAG CTGTATTCCC 60
 GAGACCAACG AAGCGTTGGG ATACTTCATT AAATGTAGCG 100

配列番号: 3368
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03920
 配列:
 GATCAAGGCC AAATAACCCG ATTTGGTTTG GGCACCTCAAG CAATAGTAAA GCCTGTAAGA 60
 CATGATAGGA TTATNTTCCC CTTTGGATTT AAATNTAATA 100

配列番号: 3369
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03921
 配列:
 GATCCTGTAG ACCCTTTCCT TTGGCCAATT TCCCCCTTTT TGGGATGGAA ACATTTACCC 60
 AATCCCTATA CCCCATTGT ATCTTGAAG TAAATAATTT 100

配列番号: 3370
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03922
 配列:
 GATCTCTTCA CTGTNAAAAG TTGCCCCGGT GCAGCGCCTT TCCCTTCTAN CATGGGAAAT 60
 GCAGGCTGGG CCCTTGGGNT NAGCCTGCGG GGCCTCTGGT 100

【0705】

【配列表615】

配列番号：3371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03923

配列：

GATCCACTGT TTGCAGCAGA ATTATATATA TGTATAGGAA AAATCCACTT TGAATAATCC 60
ATGTTTTGTA TTTGGAAATT GTTTTTAAAA ATAAAAAGGA 100

配列番号：3372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03924

配列：

GATCTAGGCA GTGGGTAAAG CCAGACCCCT AAAAGTGACC CTTTCCTCTT CTGCCCTATT 60
CTNCTNAGAC CCTCAGAAAG NNNTCCAATT TTTTAAATC 100

配列番号：3373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03925

配列：

GATCTGATGA ATTGGTTTT GAATCCCAGA AANGGTCTGC CATGGAGTTG GCAGTCATCA 60
CGGTAGATGG CGTATGATT TCCTGAATT TAAATAAAT 100

配列番号：3374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03926

配列：

GATCAGAGCT GTTAGGTAAA GGCCTAACCA CCTCCCTGCA GNCTCTTAAN TCTCAAGCTT 60
TAGGAACCCA TTTCTAAANG TACACTAGCG GAGANTTTAT 100

配列番号：3375

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03927

配列：

GATCACGGTA CGTCCATAAA GCCAGTATTA CACTTAAATN NAGTATTCTT TTTTGTAAATC 60
GTTTTTTTTA GAAGGTAAAC AAATTTAATA AAGCTACCAA 100

【0706】

【配列表616】

配列番号： 3376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03928
 配列：
 GATCTAGAAA NTGCCCTCCT TATACCCCTA CCATGAGCCC TACAAACAAA AAACCTGCCA 60
 CTAATAGTAT GGTCATCCCT CTNANTAAAN CATCATCCTG 100

配列番号： 3377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03929
 配列：
 GATCTTTGCA ATTNAAGGNT TAGCCACGTG GCTTGCTTCA GCNAGTAATG TGAATGGAAA 60
 TAACGTGTAT CANTGCTGGA TAGAAAACCTT AANAGCCAAC 100

配列番号： 3378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03930
 配列：
 GATCCCGTAG AATATATATT TAATAATCCC ACAAACGGAG GCCAGACTTC TGCCTTAAC 60
 TCAGTAACAC AAGCTTCTTT AAGCCAAATA CATCACTTGC 100

配列番号： 3379
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03931
 配列：
 GATCTCCGTG GTGGTCGTGG GCCGCCAGGT GAATNANCCC CACATCCGCH TCCTGGTCAC 60
 CGGCAAGACG GCCGAGTACG ACGTGGCCTA CGGCGAGAGC 100

配列番号： 3380
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03932
 配列：
 GATCATTGGA AGCAATCATT TTA CTCTTCC CCACCACAGT GGTAAAAAGG CGTTTTNTC 60
 TAANACTATG TTTNTTTTTH AAAATAAACT TTTGGAACA 100

配列番号： 3381
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03933
 配列：
 GATCCACTAA TGTAGCTTAA GGTATTAGA TTTGGGCTTT TAATCATGGA ATANTCTTAT 60
 GAATTGGTGT AAGANTTGAT GAATGACTTT AGCTGTGTGA 100

【0707】

【配列表617】

配列番号： 3382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03934

配列：

GATCANAGAT TTCAATNACA GTGCAGGAAA GCAGCACTGA GAAACTTTTA ATTGTNTTNA 60
ATTTCTNCTT TAATGTTTAC ACCACCACAT TCCCATTAC 100

配列番号： 3383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03935

配列：

GATCTTCCCC TGACCTGCTC CCAGGGCTAT AACAGATACG GACTTTGAAA CTGTATGGAG 60
TATAGAGCAG TGCTCTATAA TTTAAATAT ACATATATTG 100

配列番号： 3384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03936

配列：

GATCTTCAGC TTGGTAGATT TAATTGCCCA GTGAATGGCA CTTACGTTNN CATTTTTTAC 60
ATGCTAAAGC TGGCAGTGAA TGTGCCACTG TATGTCAACC 100

配列番号： 3385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03937

配列：

GATCTGGGGA GTNTNAGGAG AGGGTGGCAT CAGNAGCTGC TCAGGCTTGG CGGAGGGAGC 60
GGCATGGCCG ATGTCACTCA GCCCCTTCCC GGTCCGCCCN 100

配列番号： 3386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03938

配列：

GATCGTTTTT TCCAGAGTCG CGGGGACACA GGAGTNTTCC TACAGTACAT NCACGCCCGC 60
NTCCACAGTT TGAAGAGAC TTTTGGATGT GGGTACNTGA 100

【0708】

【配列表618】

配列番号： 3387
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03939
 配列：
 GATCATCTAA AAAATGCCAT GANTGGAAAT NCGAAGGCC AGACACCAAT ATTTCTAGA 60
 AGTAAACAGC TCAAAGACAC TCTCCTATCT NAGGAAATNA 100

配列番号： 3388
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03940
 配列：
 GATCCAGTGG GGTCCGGACA CTGGGCCCCG CAGCGAAAGC ACGNTCCAGC CACCAGGAGG 60
 CCACCTATTN TTTCAAAATA AAGACTGCGT TCCTCTCTTG 100

配列番号： 3389
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03941
 配列：
 GATCAAAAAA GAAGAGTTAA AACAACACAT GTAAATNCCT TTAAATATTT NATGGGAATG 60
 CCTCTCATTT AAAAATAGAA ATAAAGCATT TTGTTAAAAA 100

配列番号： 3390
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03942
 配列：
 GATCCTTTAT CTTTCCATAT GGCACACGTA AGAAAGTGT TTTCTACTAT TAATATTAAA 60
 TTAACCTT TACTTNTGTA TAATAAATNA AAACCTCAGAA 100

配列番号： 3391
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03943
 配列：
 GATCTGGAAG AGGCTTGTA CCTCAACTAN TATGTAGGAA GGCAGTACNA NCAGCCCACC 60
 AGTGTAATCT CCCTGNATTA AGGCATTCTT AAAAATTAG 100

配列番号： 3392
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03944
 配列：
 GATCCGCTCT GGTCAAACCC TTCCAGGCCA GCCAGAGTGG GGATGGTCNN THACCTGCTG 60
 GGAAGGCANN CTGATGGGGC ACACCTTTCG CCTCTCGTCC 100

【0709】

【配列表619】

配列番号： 3393

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03945

配列：

GATCAAAATT TTTTGATAAT TTAAAAATTG TGTGTGATTT TNAAATTTNA AGAAATTGCT 60
GAAACTTAG AAAAATATAA TGGTATACAT ACAATAGNNA 100

配列番号： 3394

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03946

配列：

GATCAATAAT TTAAATGTAA CTAGTTGGGA TTTTATAGTT AAAATNATAT TTNTNTATAT 60
AACATAACTA ATCTGTAAAT TGTAAATAAT ATATTNNCAA 100

配列番号： 3395

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03947

配列：

GATCATTTAG TACTTTTGTN TTCTCCCATG TGCTTGAAGG AAAAAATAAG TGTCCTACC 60
GTATTTNTTG TTTTCATCAA AAAATAAAAA TAATTTAAA 99

配列番号： 3396

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03948

配列：

GATCTTTAGC ACAGTGATAT NACCATGACT TCACAGACAT GGTCTAGAAT CTGTACCCTT 60
ACCCACATAT GAAGAATAAA ATTGATTAAA GGTAAAA 97

配列番号： 3397

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03949

配列：

GATCAATAAT AATNAGGAAA GCATGATATG TATATTGCTG AGTTGAAAGC ACTTATTGGA 60
AAANATTAAA AGGCTAACAT TAAAAGACTA AAGGAAA 97

【0710】

【配列表620】

配列番号：3398
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03951
 配列：
 GATCCCCCTC CTCCCCCCTC TCCCCATTGT ATTTATTTGC CTGCTGGAAA ATNACATCCG 60
 GAAATAAAAT AGAAATATGT CTTTNNATTT TAAA 94

配列番号：3399
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03952
 配列：
 GATCCTAAAC TTTTGGATA ATCTTTTATA TTTNTAACCT TTGAATTTAA TCATTGTNCT 60
 NAGATTAAAA TAAANATGC TATTGAACT AAA 93

配列番号：3400
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03954
 配列：
 GATCTGGAAA TCCCTGCTGT AATCTTTTTA AGGGAATCCA CTGGAAATAA TTAGTTTTTG 60
 TTTTAAATAA AACCATTCTT TACTTAACAA A 91

配列番号：3401
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03955
 配列：
 GATCTATGCC CTCTGGTGCT TTGTCTGTGA TTGGTTTTAA TTTTTTTGTC CTAATCTCTT 60
 CAATCAATAA AATTGTGCGT ATTTAACTAA A 91

配列番号：3402
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03956
 配列：
 GATCAACTNA ATGTTTAAGA CTTTAGATGT CTTGTATTAA AAATTACACA AAAAAAGTAA 60
 AACTTTTTAT ACTTACCCTT TTAACCTCTAA A 91

配列番号：3403
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03958
 配列：
 GATCTCTGTA ATNTTATNTA GAGTTTGAGC TGAAGCCCCG TATATCTAAT NTATTTTGT 60
 AAACATGAAA GTGCATCCTT TCCCTCCAA 89

【0711】

【配列表621】

配列番号: 3404

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03959

配列:

GATCATACCT ATTAAATAA TGCCAAACAC CAAATATGAA TTTNATGATG TACACTTTGT 60
 GCTTGGCATT AAAAGAAAA AACACAAA 88

配列番号: 3405

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03960

配列:

GATCAAGAAG ACGNNTAAGG GAAGAACGTA CACAGTGAAA ANCCAAAAA AGAAAAAAT 60
 GTTTATACAA CCCTAAGTCA ATAACCTX 88

配列番号: 3406

配列の長さ: 87

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03961

配列:

GATCTAGGCA CACCTNGCTC TINGCTGCAT GTGGTTATNA AGANCTTCCA GTGGAAGTCG 60
 AATAACAGT TTTTGGTAAA TCTCAA 87

配列番号: 3407

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03962

配列:

GATCCTGCCC TGAATCTCCA TAGTCTCCAC TGTGAACTGA GGAGGGGAGG GGTGTGCTGG 60
 GGAATAAATC TTGTATGAGA ACAA 85

配列番号: 3408

配列の長さ: 84

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03963

配列:

GATCCATTTA NAGGCCAAAT NTCATTCTGC AGGTGCCTTC CCGATGGATT AAAGGTGCTT 60
 ATNTTTTTTT AAGTTTNAAG TAAA 84

【0712】

【配列表622】

配列番号：3409
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03964
 配列：
 GATCGTGTTT ATTTTGNITT CCGATTCTAG ATATAAGTTT TGNATGGGCA GGAAGACTAA 60
 AATAAAAGTT TTTAAGGTAA A 81

配列番号：3410
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03965
 配列：
 GATCTCCAGA TGTAAATTTCC CCTCTTTAAT TTAAANTAAT NTAAAGATTA CTAAACAAT 60
 AAAANCTCCT AAAAANTCAA A 81

配列番号：3411
 配列の長さ：88
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03966
 配列：
 GATCTTTCTT TCCAAAACAT TTCTGGACAG TACCTGATTG TATTTTTTTT TTTAAATAA 60
 AAGCACAAGT ACTTTNGGCH TTGTTAAA 88

配列番号：3412
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03967
 配列：
 GATCCCCCA CAGCCCCTGG TCAGTCTGCC CTGTCTACTG GTCTGAGGTC ATTAAATNA 60
 CATTGAGGTT CCTAAA 76

配列番号：3413
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03968
 配列：
 GATCACAATC ATTTTGAATC CCTCTTCCTC ACTTTTTTTT CTAAGAAAAT AAACATTTTA 60
 CTGTTTTTAT GAAA 75

配列番号：3414
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03969
 配列：
 GATCACAGCT GACATTTACA AAATATTTTT NTACCTTAGA ATTTCTGCAT TAAATAAAAT 60
 ATTTTGTITT AAA 73

【0713】

【配列表623】

配列番号： 3415

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03971

配列：

GATCTTTTGC TAATGCAATT AGCATTATGT TTTGCATGTA TGACTTAATA AATCCTTGAA 60
TCATAAA 67

配列番号： 3416

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03972

配列：

GATCCTCTAA ATNTGGAATT TTGATGTAAT AACTGCTAAT AAAATNATAT TGAAACTGTT 60
TTATAAA 67

配列番号： 3417

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03973

配列：

GATCAAAGCC CGGAAAGGCA AATGAAGCNT CATGTGTAGT GTAATAAAGN TGTCTGCTGT 60
TCAAA 65

配列番号： 3418

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03974

配列：

GATCGAAGCC TGTGTAAAAT GCTACCAAAT GGCAAAAAGC AACAATAAAC AGTTTGATTT 60
TTAAA 65

配列番号： 3419

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03975

配列：

GATCCCAAT ATATCTACCA TTGTATGTTA AATAAATNAC CATTTTTGTA GAAAAAATTC 60
TAAA 64

【0714】

【配列表624】

配列番号：3420
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03976
 配列：
 GATCTGTAAA TAACTTTAAA AGCTATTTTA GTAATTTAAA TAAATTTACT TTCTTGGTTT 60
 ATAAA 65

配列番号：3421
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03977
 配列：
 GATCTCTATA NTTTTTTTAA AATTTTCTCC AGCCTGGGTG ACAGAGCGAN ACTCCGTCTC 60
 AAA 63

配列番号：3422
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03978
 配列：
 GATCTCCTGC TGCCTTTCCT GGAGTTTCTA AAATTNTNCC TGAATACAAG CCTATGCGTG 60
 AAA 63

配列番号：3423
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03979
 配列：
 GATCCAAGCA TAGTAGAAAA GCTTCATGTG TTTTAAAAAA TAAACAATAA CAAAAAATTA 60
 AA 62

配列番号：3424
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03980
 配列：
 GATCATGTGT TCTGGAGAGT GTTCTTTATT CAATAAAGTT TTAATTTAGT ATAAACATAA 60
 A 61

配列番号：3425
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03981
 配列：
 GATCTAATTT TTCAAACCTT CACTATTTTG AAAATATAAC CAAGGCCGGT TCCGGTGGAA 60
 A 61

【0715】

【配列表625】

配列番号：3426
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03982
 配列：
 GATCATGAAA CTGATTGTAA AGCTTTTGA CAACTAATAA ATGTCTTGGT AATTGCTAAA 60

配列番号：3427
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03984
 配列：
 GATCAATGGA TTTGTTTACA ATGTGATATT TTCTATTAAA TCCAGTATTT TCAAATAAA 59

配列番号：3428
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03985
 配列：
 GATCTTGAC TAACTTATGA TAGAATGTAT CAGAATAAAT ATTTTAAACA GTGTAAAA 58

配列番号：3429
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03986
 配列：
 GATCATNAAA GTATACAAAA TAAATAAAGT AGGAGATTTT TTTGCTGTTT AAA 53

配列番号：3430
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03987
 配列：
 GATCTGTTTA GTGAGATTTA GCATGTGTGA ATAAAGTATA TGCAGGAGGA AATTGCTTTG 60
 TTTTCCCAAT CGGTAGAAAT TCGGGACCAT AAAAATTGTG 100

配列番号：3431
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03988
 配列：
 GATCATTGTT AAAGGATTGC TGCAATAAAA TACACTTTAA TNTCAGTCAA A 51

【0716】

【配列表626】

配列番号: 3432
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03989
 配列:
 GATCTTTAAA ACATTTTAA TGAATAAGT TGAATAAAGG CACAATTAAA AACTGTCAAA 60

配列番号: 3433
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03993
 配列:
 GATCAACAG AAGCAGCCGT GGGCAAAATA CAATTCATT TAACAAATTG AAA 53

配列番号: 3434
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04020
 配列:
 GATCTCATAG GACGGAGGGG GAAATGGTTT CCCTCCAAGC TTGGGTTAGT GTGTTANCTG 60
 CTTATCAGCT ATTCAGACAT CTCCATGGTT TCTCCATGAA 100

配列番号: 3435
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04021
 配列:
 GATCAGAAAT NACTGTGTCA TGGTGCTCAT TCACTGCAAA CTCCCAGTTG NAAGCTCCTT 60
 GGCTCCCCCG GAGGAGCAAG AATCTCATAG TTCAGAGACA 100

配列番号: 3436
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04022
 配列:
 GATCTCAGTG AACTAATACA CAGCTTGAGC GTTCCATGT GCTAATGTTG CACATTTACT 60
 AAAAACTTT GGAAATGGAA AATAATGTAT TAGTGCAACA 100

配列番号: 3437
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04023
 配列:
 GATCTGTTTT TTCATCGAGG TNTCGAGGTA TNCTTTNAAA GATAGTGANA NGCAGACACT 60
 GCTCCTTGTC CAGCTCTGGT ACCTCCTGCC CACTGCTGTC 100

【0717】

【配列表627】

配列番号: 3438

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04024

配列:

GATCAATAT ATTTCAAGCT ATAAAAGCAG GAGGTTATCT GTGCAGGGGA CTGGCATCAT 60
GTATTTAGGG GCAAGTAATA ATGGAATGCT ACTAAGATAC 100

配列番号: 3439

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04025

配列:

GATCGCCAGG CTGATTGAGA AGAACAAGAT GAGTGACGGG AAGAAGGAGG AGCTCCAGAA 60
GAGCTTAAAC ATCCTGACTG CCTTCCAGAA GAAGGGGGCC 100

配列番号: 3440

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04026

配列:

GATCACCTTC CTGTTTGGAG GCCAGAGTGA GGAGGAGGCG TCCATCAACC TCAATGCCAT 60
TAACAAGTGC CCCCTGCTGA AGCCCTGGGC CCTGACCTTN 100

配列番号: 3441

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04028

配列:

GATCTGGAGG GGTCAACGGA AGACGGAACA TGTCCACTTC CAGGCCCGAG CTTCTNAGCC 60
TGCCGTTTGC CACTCTCCAG CATCTGGCCC AGCCTGTCCA 100

配列番号: 3442

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04029

配列:

GATCAAAACT AACCTTTCAG CGTATTCTCA GCTATGACAC AGTGGTGCAA ACAACTGGAG 60
ACTCGTGCCA CATACCATAT GATGAAGACT TGGTAGAAAG 100

配列番号: 3443

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04030

配列:

GATCCCAAGT ATTAGGAGCT ATTTCTTAAA TAGTTTAAAT TTGCCTTTGA AAAAAGTTCC 60
ATTACTTAAA AGTATTAATT TAAGCAAAAT CATGGAACAC 100

【0718】

【配列表628】

配列番号： 3444
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04031

配列：
GATCTTGTA AAATGCTGTT AGTATCCAAC CTTAAAATAT ATTAGTATAT GGGTTTTTAT 60
TAAAAGAATT ACTTTGAATT TNCTATTTAA TTCATATGTA 100

配列番号： 3445
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04032

配列：
GATCTAAGAA ATCATGTGCA TATATCTTTC AGATTTCTAT TTTGGGAAAN TGAAGGTTTC 60
TACAACATAT TGTTTCAGTG TTCAAATAAA CTGAAGGACT 100

配列番号： 3446
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04033

配列：
GATCCAAACC TTACACCTGA GTCTGTTAAG AGCGCCCTGC TACAGGAGGC CACAGACTGC 60
CTGATTCTNN NGGACCGCTG TTCTCAAGGA CGGGTAAAGG 100

配列番号： 3447
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04034

配列：
GATCTCNGAG CTACAATACT CACTANATAT ANTTTTCCAA TCAAAATATN CTATTCTATA 60
TTCTAAGGGT TAATATGTGA TTATAGTGTC CACTTGCCAC 100

配列番号： 3448
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04035

配列：
GATCTTTCCA CCTCAGCCTC CTGAGTGGCT GGGACTACAG GTGCATGCCA CCAAGCCTGG 60
CTAACTTTTT GTAGAGATAG GGTTTTNCCA TGCTGCCAC 100

【0719】

【配列表629】

配列番号: 3449
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04036
 配列:
 GATCTTAGCT TCTTTAATCA GACTTTGIGA CTTAAAAGIT TGGGGGTTTT CTTTGAAAGT 60
 TTCCAGCCCT ATTCAGAAAG CAACTCTTGG CTGTGTGCAT 100

配列番号: 3450
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04037
 配列:
 GATCACAACA CCAGTACCAG CACGAAGAGC CTCCTCCCGA AAGAGTCTCG ACTGGACACC 60
 TTCTGGGACT AGCAGTGAAT CGGGACACAA ACCACCCACC 100

配列番号: 3451
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04039
 配列:
 GATCAAGCTT GTGTACTTGA CCGTTTTTAT ATTACTTTTG TAAGTATTCT TGTCCACATT 60
 CTACTTCAGC TTTGGATGTG GTTACCGAGT ATCTGTAACC 100

配列番号: 3452
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04040
 配列:
 GATCAATCTC AATTCCTTTT CATGCCCTCC TGCATTGCTG CTGCGTGGGT ATTTGTCTCC 60
 TTAGCCATCA GGTACAGTTT AACTACAAT GTAAGCTATA 100

配列番号: 3453
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04041
 配列:
 GATCCTGGAG AACCTAAGAC TCCAAAAGCG TGGTACTGGA GGAGTGGACA CTGCTGCCAC 60
 AGGCGGTGTC TTTAATATTN CTAATTTGGA CCGACTAGGC 100

配列番号: 3454
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04042
 配列:
 GATCGTGGGG TTGTTGGCAG AGGGCAACCC TGGGCCCCAC ACCGTGTGGA CAGGCAGACA 60
 CCAGATTGTC CAGGAGCAGG AGCTGCTGGG ACTCCGCTGG 100

【0720】

【配列表630】

配列番号： 3455
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04044

配列：
 GATCTAGAAA GCAACTTGGG AGTGTAAGA GTCACCTTCA TTTTCTGTAA CTCAATCAAG 60
 ACTGGTGGGT CCATGGCCCT GTGTTAGTTC ATGCATTGAG 100

配列番号： 3456
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04045

配列：
 GATCATTAAAT GAGGAGCTGA TGGCCTCCCT GGACCAGCCA ACACAGACAN TGGTGATGCA 60
 CCGCACTGAG CCCACTGCCC AGCAGAACCT GGCTCTGCAG 100

配列番号： 3457
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04046

配列：
 GATCTAATTT ATTTATTTAT TGCCTGGCCG GTGACTCGGG GGAGGAGGCG ACCCTGTCAT 60
 CTGTCCCACC TGCTGCTGCC CCTTGGAGCA GCCTGCACCT 100

配列番号： 3458
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04047

配列：
 GATCTTGAAT CTCTTTCTTT GTTCTGTTTG TTTAGTTAGT ATCATCTGGT AAAATAGTTA 60
 AAAACAACA AAAAATCTG TATCTGTTTC TAGCATGTGC 100

配列番号： 3459
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04048

配列：
 GATCTGAGCC ACCCTCCCCG CACAGCCCTG CACCCCGCCC CTAGGGTTGG CAGNCTCANT 60
 TGGCCCCTGG CAGAGGAACA AGGACACAGA CATTCCCTCA 100

【0721】

【配列表631】

配列番号: 3460
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04049
 配列:
 GATCTTCCCT GGNGGCCTTC GGCTGCNTGC NTGCCTGAGG TCCGNGCTGC CAGTCCCGGG 60
 CCGTGGAGAG CAGATGCTGT CTTGTNATGT ACAGGAGGAC 100

配列番号: 3461
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04050
 配列:
 GATCCATGTG ATTATTA AAA TGACTGTAGC TGAGAGCTCT AATTTHCCTG ICTTGAAACT 60
 GTATAAGANC TCATGTGATT AAGTTCACAG TTTATTGTTT 100

配列番号: 3462
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04051
 配列:
 GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGGGAACC CCGTTCGTTT TTTNTGACCC 60
 TCCCTTTTAG GTGAAGCCCC TTTNTTTTGC TAAACCGGC 100

配列番号: 3463
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04052
 配列:
 GATCCTTGGG CTGGCCTAGA ACCAGTATCT GTAGTGGATA TAAGCCAACA ATACAGCAAT 60
 ACTCAAACAT TCACAGGCAA AAAAGGAAGA TACTTTTNTT 100

配列番号: 3464
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04053
 配列:
 GATCTGCCGT TNATGTTGCT TTCTCCTTTG TCCTCTTGGG CTTGAGGGCA TTGTGAAAAG 60
 CTTTGCTGTG ATTTAAAAAT GCCAGCAATT TTAATCTAGC 100

配列番号: 3465
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04054
 配列:
 GATCTACATA AAAACTGCTA CATGNC AAAA ACCACACCTA AAGAAATTTT AAGAATTTGG 60
 CACAGTTACT CACTTTGTGT AATCTGAAAT CTAGCTGCTG 100

【0722】

【配列表632】

配列番号：3466

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04055

配列：

GATCAGCCTC TTCCTCTATA AACAATGACC AATTAGACGT TTCCGTAATT CCATGTATTA 60
TGTATAGTAC ACTCTATAAA TGTAATGTA ATGCTTGTCT 100

配列番号：3467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04056

配列：

GATCCAAGAA GCGGGTCCCT GAGACGGGGG GTGGCTGCCC TCCCAGACC ACCCCGGCAG 60
CCTGAGCAGN TCCAAAGCAC TGGCTTGGGG TCCGAGACCT 100

配列番号：3468

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04057

配列：

GATCCAATCT CAGTGTCTAA CTCATCATCC CAGATTATTC TGAAGTGGAA ACCACCCTCC 60
GACCCCAATG GCAACATCAC CCACTACCTG GTTTTCTGGG 100

配列番号：3469

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04058

配列：

GATCCAAAAA AAGCTNGAAG CCTACATTC CCAGAGCCCC TTTCAGCTTG AATTCCAAAT 60
GTGACTTAGC TTCCTCTATG CAGATGTACC TACTTGAAAC 100

配列番号：3470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04059

配列：

GATCCACTAT ATGCCTCAGC ACATGGAACC TTAATGACCA AAGTGAAGAG CAGATTATTC 60
ATACGGTGTA ATAAGCATCT GGAATGGACC CATCCGTGTA 100

【0723】

【配列表633】

配列番号: 3471
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04060
 配列:
 GATCAGAAAA ACTGAAGATG GAAGTTTGG CCGGTGCTCA TTAGACATGA GTCCTCACTC 60
 TGTNTCCTGA GCCCGTTTCA TTCTTCCAAC CTCCTGCCC 100

配列番号: 3472
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04061
 配列:
 GATCTGGCCG TTCTACTTG AGGGCTTCTT TGACCTCATT GCTGTGGTAN GCCGGCGTAG 60
 TCCAGACCAT CCTATACTGT GACTTCTTCT ACTTGTACAT 100

配列番号: 3473
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04062
 配列:
 GATCTGATTT TATGTTGTA ACTTTCTGTA AAGAAAGACA CAAGGACTTT TCAAAGACAG 60
 TTTATATCTT TCCAAGGCAG GAAGCTTTGC ATTTGCAATC 100

配列番号: 3474
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04063
 配列:
 GATCTGGAAG ACAGACGTAC AGCTTGGAGG GCAGGGGGAC TCTAAGGCAA GGAGATTAC 60
 AGTTGGGAAG GAGGCACTG CAGAGGGCTG AGGGACAGGG 100

配列番号: 3475
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04064
 配列:
 GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTGAAGA GTTTTNTNAC CTGTTCACTC TCATCTAACC 60
 TTCCAATGTH TGATGTTTCT GCCAAATTCC TGCCTGATTC 100

配列番号: 3476
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04065
 配列:
 GATCCTCAAA AAACCCAAAA ACACCATTCT CTAATAGTCA TGACAAATGG CTTCAGTATG 60
 GCTTGTTTT NATTTNCCAG ATGGCTTTTN CTCTTATTTT 100

【0724】

【配列表634】

配列番号： 3477

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04066

配列：

GATCTGAGGC TGTGCTCTG CCTTGTTTT AGAGGACTTC AGCGTCCAAG ACTGGGGCCC 60
ACCNTTNTCA CCAGCACTAA ATGCACTAAC AAGGACTCCA 100

配列番号： 3478

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04067

配列：

GATCTTTCCG GGGCCTACAG GCGTGTAAGA CAGCTTGGTC TGGTCTGTCC AGAAGTGGGG 60
AGTGATGGGC AGGTTCCGCA GCCTAACATT GTTCAGGCGC 100

配列番号： 3479

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04068

配列：

GATCAGCACC ATTTGTGGTA TGTTCCTGA TGAGCGTTTA GTGAGCCTNN TGGCTGCAGA 60
GCACTATGAA ATCATGGTAC GTAGTCCCCG GCACCTGTCT 100

配列番号： 3480

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04069

配列：

GATCTAGCTG GTCACGACGA TGTTTTCACC AAGGTCACAG GAGCATTGCG TCGCTGATGG 60
GGTTGAAGTT TGGTTTGGTT CTTGTTTCAG CCCAATATGT 100

配列番号： 3481

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04070

配列：

GATCAAGCAG AGAAANTAAT TAATTTTCATG GGAATAAATG AACTAGTGAG GATAATATTT 60
NCATAATTNT TNATTTGAAA TTTTGCTGAT TCTTTAAATG 100

【0725】

【配列表635】

配列番号: 3482
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04071
 配列:
 GATCAGATAG TTTCCTGAGG CTAAAATGCC CCAACATGTA AAAGACTGCN ACAAGGGTTA 60
 ATGAGCCAGG AACTGCGGAT GGTAACCTAC ATCTCTATAA 100

配列番号: 3483
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04072
 配列:
 GATCAAGCTA CAGATATGGG ATACAGCAGG CCAGGAGCGA TTTCACACCA TCACAACCTC 60
 CTACTACAGA GCGCAATGG GTATCATGCT AGTATATGAC 100

配列番号: 3484
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04073
 配列:
 GATCCGGTCA TACATCCACA TCAGGCCTGG CCAGCTGGAT GTTCTTAAAN AGTCCACAA 60
 GCAGATTACT GCACGGGCAA CAAAGGATGG GACTTTTGTG 100

配列番号: 3485
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04074
 配列:
 GATCTACTTT AACATTCTCA AGTTTTNTN ATCTNCATTA GAGGTGCCCC GTAGGTTCCC 60
 ACGTTCCAGC GTGCCCCCTCC CTCANACACA CGGACACAAT 100

配列番号: 3486
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04075
 配列:
 GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTNATGA CCTCATCAAA AAATAAACAN TTCCCAATGT 60
 TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT 100

配列番号: 3487
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04076
 配列:
 GATCTACGTN ATCTCAGGGC AGTTCCTACA GATGAAGCAA CAGCTTTTNC AGAAAAGAAT 60
 GGTTCGTNAT TCATTGAAAC TTCGGCCCTA GACTCTACAA 100

【0726】

【配列表636】

配列番号：3488

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04077

配列：

GATCCACCTT CTCCTTAGG TCCCCTCCTC CATCAGCAAA GGAGCACTTC TCTAATCATG 60
CCCTCCCGAA GACTGGCTGG GAGAAGGTTT AAAAACAAAA 100

配列番号：3489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04078

配列：

GATCAAAGCA CTGGGCTTGT CCAGGCNCAT AATAAATGCT CCATTGAANG TACTATTCTN 60
GTTTTCCACT GCTGTGAAA CCTCCTTGCT ACTATAGCGT 100

配列番号：3490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04079

配列：

GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTTATGTAT GTTACAAGAC TTCGAAATGT TGGAGTCCAA 60
GTNGTTTCATG AACATATTGA GGATGGAATT CATGGAGCTT 100

配列番号：3491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04080

配列：

GATCTTTTGA TTCCTCTTGG GCTGAAGCAG ACCAAGTTCC CCCCAGGCAC CCCAGTTGTG 60
GGGGAGCCTG TATTTTTTTT AACACATCC CCATTCCCCA 100

配列番号：3492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04081

配列：

GATCCAAAGT CCTGTGGTTA ACGCCTTCAT TTATAGATGA GGCAGCTGAG GCCTGGGGAT 60
GTGAACAACC TGCTCACAGT CCTCATTTAC TGGATTTGAC 100

【0727】

【配列表637】

配列番号: 3493
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04082
 配列:
 GATCCAAAGT GCAAGGNTTT GATTATAAAC ATAATTCCT AGACTGAAAG TTTTGGAAA 60
 AGATGCAGGG TCTGAGTCAG GCCTTCTGGT TATATTGTGC 100

配列番号: 3494
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04083
 配列:
 GATCTGTTTG TCACTGACAG ACTGTAGTAG TGTCTGTGTG CTGACTGATA GATAGACTAT 60
 AGTAAATTT GGGTGTGGC TGAATAACGG TCTAGGGTCT 100

配列番号: 3495
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04084
 配列:
 GATCCCAACA CTGAAGGGGT AGAAGGCCAG GGGGGCATGG AGAGTGCAGC TCCATTATAG 60
 TGAAGAGCCA AACATATGTN AACTGTTTGC TGTGTGGAGC 100

配列番号: 3496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04086
 配列:
 GATCTTAAC TGTTCATTG AAACCTGTG CGTTTGAAGT GGTGGAGACA GGACCTTTAT 60
 CATATTCTGA GCTTTAAATA TATAAACNGG TAAATCATC 100

配列番号: 3497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04087
 配列:
 GATCTTTCCA AATACCCAAA TGTCCCTGCA AGCCCGTTAA ATAATTCCT ATGCTACCCT 60
 TAATAACATA CAATGACCAC ATAGTGTGAG AACTTCCAAC 100

配列番号: 3498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04088
 配列:
 GATCCTCTCN ACCCTCCTCT AGCCATCCCT TGGGGAAGGG TGGGAGAAH TATAGGATAG 60
 AACTGGACA TGGCCCATG GAGCACNNGG GCCCCACTCG 100

【0728】

【配列表638】

配列番号：3499

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04089

配列：

GATCTTGATA TTNGGCCTCT TTGAAGAGAC AGCCCTGGCT GCTTTCCTNN CCTACTGCCC 60
TGGAAATGGGT GTTNCTCTTA GGATGTATCC CCTCAAACCT 100

配列番号：3500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04090

配列：

GATCACCAAC AGGGAAAGAC ATCCTGGTTC TTTTGATGTG GTGCATGTGA AGGATGCCAA 60
TGGCAACAGC TTTGCCACGA GGCTTTCCTAA CATTTTTGTC 100

【0729】

【配列表639】

配列番号：3501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04091
 配列：
 GATCCCTGGA GTGCCTTGGT GTTCAAGCC CCTGCAGGAA GCAGAATGCA NCTTNTGAGG 60
 CACCTCCAGC TGCCCCCGGC CGGGGGATGC GAGGCTCGGA 100

配列番号：3502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04092
 配列：
 GATCGGGAAC AAATGNAATC TGTGGATGCA TCAAGCTATC GTCAGTCAA CCCCTTTAAA 60
 ATGTTGCTTT GGCCTTGTAA ATTTAAATAT GTAAGTGCTA 100

配列番号：3503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04093
 配列：
 GATCTACATT TTGTACATAT TTATATAAAA TTTACCTTTA AGTATTTACT TTAAAAAATT 60
 TAATGGCTTA ACTCGAAGCT GAAGACACAT ACTTCAACTG 100

配列番号：3504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04094
 配列：
 GATCTGAAAT NAGAAATATC CAACATTGCA CGAGTATCTT TTTTATNCC TCCACAGACT 60
 CCGCCAGAGA CACCTAGTCC TGATGAAACG TCTGCTCCTT 100

配列番号：3505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04095
 配列：
 GATCTAGGTG GTTTGTAATT GTGCATTACT GACTGCATAT GTTTGTGTAT GTGTAAATGT 60
 GGGCTCCCTG TTAAGTGGGG CTCATGGATA CGAGGCCTGA 100

配列番号：3506
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04096
 配列：
 GATCCTAGTT CCTTCCTTCC CGAGTGATAC CCATGAACTG CCAGTAGAGG CTGCTATCGT 60
 TCCATGTGTA AGGAATGAAC TGGTTCAAGG CGCGTCCTAC 100

【0730】

【配列表640】

配列番号： 3507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04097

配列：

GATCATACGG CCTTCCAGGA GACGCTGGGA TGTAAGATAC TCTTGGAGGN TGGCTCTGAA 60
CTCGGTGTC TGAATCACAG GGCAAGGGTA GGCCTGGGCT 100

配列番号： 3508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04098

配列：

GATCAAAGAA GAGAGTAAAG CTATGTCTTC AATTTAATTT CAATACCTGA TTTGTACTTT 60
CCTTGAAAGC TTTACTTTAA AATACCTTAC TTATAGGCCT 100

配列番号： 3509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04099

配列：

GATCTGTGTT GTAGAACATG AGGGTGTAAG CCTTCAGCCT GGCAAGTTAC ATGTTGAAAG 60
CNCACACTTG TGNAGGTTTT GTTNACAAA TCACTTGATT 100

配列番号： 3510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04100

配列：

GATCCTGATG ATATTTGGCA GCTGTCCTCC AGTCTTAAAA GGTTTGATGA CAAATACACC 60
TTGAAGCTGA CCTTCATCAG TGGGAGAACA AAGCAGCAGC 100

配列番号： 3511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04101

配列：

GATCCTGCGT ACTGAAAGNC TTAGGGAAGC TGGCCTGAGA GGGGAAGCGG CCCTAAGGGA 60
GTATCTAAGA ACAAAGCGA CCCATTGAGA GACTGTCCCT 100

【0731】

【配列表641】

配列番号: 3512

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04102

配列:

GATCTGGGGA AAGGAGAGAC CATGGTGTGA ATGTAGAGAT GCCACCTANC TCTCTCTAAG 60
GCAGGCCTGT GGATGAAGGA GGAGGGTCAG GGCTGGCCTT 100

配列番号: 3513

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04103

配列:

GATCTGTGTT TCCTCCCCAG TCATCTTTNT TGTTCCAGAG AGGTGGGGCT GGATGTNTCC 60
ATCTCTGTNT CAACTTTATG TGCACGTAGC TGCAACTTCT 100

配列番号: 3514

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04104

配列:

GATCCATAAA AGATTGTATT TTTATTACTA TTTAAACAAG TGATTAAATT TAGTCTGCAC 60
ANNAGCAAG GGTTCACATG CATTCTTTTA TACTGCTGGA 100

配列番号: 3515

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04105

配列:

GATCGACTGT AAATAGAGGA CTTCTGGAAC ATTCCAAATA TTCTGGGGTT GAGGGAAATT 60
GCTGCTGTCT ACAAATGCC AAGGGTGGAC AGGCGCTGTG 100

配列番号: 3516

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04106

配列:

GATCATGGAG ACCTGGCTGG TAGCTGTAAC AGAGATGGTG GAGTCCAAGG AAACAGCCTG 60
TCTCTGGTGA ATGGNACTTT CTTTGGTGGC CACTTGGCAC 100

配列番号: 3517

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04107

配列:

GATCCAGAAC TGAGGTCACT GGGTTCTAGA ACNGNNACAT TTACCTCGAG GCTCTTCCAT 60
CCCCAACTG TGCCCTGCCT TCAGCTTTGG TGAAAGGGAG 100

【0732】

【配列表642】

配列番号： 3518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04108

配列：

GATCTGCAGC CAGGCCTTTC TGAAGGNGTT ATTCTGNTAA AAATGGTCTN AGTTNTCTGA 60
AAAGCCAGCT CTTGAACCTC TTCACAACAG TATCAACACT 100

配列番号： 3519

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04109

配列：

GATCCCAGTT TGCAGCAAAC CCCACACCCC AGCTCACACA GCAAAAACAA TGGACAGGCC 60
CAGAGGGTGA AGCAAACAGT GTCCCTTCTG CCTGTNTTGG 100

配列番号： 3520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04110

配列：

GATCGGGAAC AAGCACGTTG TACCCTTGGC TGGACATGGC CAAGACACAA GGCATTCCAC 60
GGCGGCAAGC TGACCGCACA GCAGTCTGGC TTGATTTTCA 100

配列番号： 3521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04111

配列：

GATCCAAGTT TGATAACATT GGCATGAATG CCATGGCTAA CAAAGATAAT GCAAGTNTCA 60
AACAGCTTAG ATGGGAGGCT GAACGTGATG ACTGGCTACA 100

配列番号： 3522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04112

配列：

GATCTAATTG TATTAGTATT GTGAATAATC ATGTGAAATG TTTTGAGACA GAGTACTATA 60
TTTGTGAATA TAATNNTATG GTTTTTTTC CTTAGAACCT 100

【0733】

【配列表643】

配列番号: 3523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04113

配列:

GATCTGGACA CCTGTCTCC TGAGGAGCGC CGGGCCAGGC TCGGGAAGCG TGAGGCTCAG 60
CTCCAGTCGA GGAAGGAGTA CGAGCAGGAG CTCAGTGATG 100

配列番号: 3524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04114

配列:

GATCATGCCG AAAAAGTGGC GGAAAAGCTA GAAGCTCTCT CGGTGAAGAN GANNCCAAGG 60
AGGATGCTGA GGAGAAGCAA TAAATCGTCT TATTNNATT 100

配列番号: 3525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04115

配列:

GATCTNTTCT TAATGTACAT AGTGCTAACA TGAAGACCTT TTTNTGCACT ATATGCAAAC 60
AGGGTAACTA ACTAAAACAA AGCCACTTTC AATCTTCAAT 100

配列番号: 3526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04116

配列:

GATCTAATGT AAAATCCAGA ACTTGGAATC CATCGTTAAA ATTATTTATG TGTAACATTG 60
AAATGTGTGC ATTAATATG CTTCACACT AAAATCTGAA 100

配列番号: 3527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04117

配列:

GATCAGAGAT GCTGTTTCATC AGTCCCAACA AGATGGCCTA GAAATCGCAT TCTCACCTCG 60
CCTTGCTGCT GCTTTAATTC CAAGTTCTAT TTCTTCCCTT 100

配列番号: 3528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04118

配列:

GATCGAGATN CAAAGCCACA TNCCTCTCTCA CCAAGNTAAA CTATTTANAT TAATTGTTAG 60
CGGTGTTATG CTGCTTTCTT CTTTGACAAG GCCATGACTA 100

【0734】

【配列表644】

配列番号： 3529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04119

配列：

GATCCCCTCT TNAGTCNCT GCCCCITCCA AGGACACTAA TGAGCCTGGG AGGGTGGCAG 60
GGAGGAGGGG ACAGCTTCAC CCTTGGAAGT CCTGGGGTTT 100

配列番号： 3530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04120

配列：

GATCCAAGCA TATAAAAAGC CTNTATATTT TTNAAAAACA CATCTTAACT CCACGCTTTA 60
CGATATTATA AAAGTTGAAT GGTTCTCTT GGTAAGGATA 100

配列番号： 3531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04121

配列：

GATCCGNCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCGTGCCCGG 60
CCTCTTTTAA TTTATNCCTA AAATATTACC TTGAGGCCAA 100

配列番号： 3532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04122

配列：

GATCCCTCAC TTTATTTATA TTCCCACTAT AACCAGTAAG TTCATTTTCAT AGGCCCTATC 60
ATGCATTAAT CATTGNATGN NAGNAGTTAA TGAAAACTT 100

配列番号： 3533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04123

配列：

GATCTAAAAC GGCTATTTAA TATGTTACAA GGCAC TTGAG TATGGTTGCA TGTCCAAATA 60
TAAATGTTTT TAAATTA ACT CTAACATTTG GTTATAAAG 100

【0735】

【配列表645】

配列番号: 3534

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04125

配列:

GATCTCTCTC ATTCATTTC AATGATTTTT ACTTTAAGAT GAACCAAAAT TATTAGACTT 60
ATTTAAGATG TACAGGCATC AGAAAAAGA AGCACATAAT 100

配列番号: 3535

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04126

配列:

GATCCAATTT ACATCCACAT TTTAGGTNCA ACAGCAAGAA GTTCAGAGAG AGATTTCCCA 60
ACCAGACATT GGGTCACTCA CTGGTCACCT TGCCAGTNCA 100

配列番号: 3536

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04127

配列:

GATCTTAGTT TTCTTTTGT TATTCCCAAG CTCATTTTTT TCTTCTGGTC AGTTTTTTTA 60
AGGGGGGGTG TTGTGGTTTT TTGTTTTTGT TTGCTTCTG 100

配列番号: 3537

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04128

配列:

GATCCATTCC CTGCAACTTA AGATTCTAAG GAACTGGGTT TCTCAGTATA CAATGGGAAT 60
GGTTGGNAGG AGGTAAAGAG TAGAAGACAG TATCAACANT 100

配列番号: 3538

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04129

配列:

GATCATGAAT AGGAGCCCAT GCTAGAAGTA TAGGCTCTCA GATTGAACC AGTGAATAT 60
GATGTATTN TGAGCTAAA CTCAACTATA GAAGACATTA 100

配列番号: 3539

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04130

配列:

GATCCAGGCA GCCAAGAAGT TGATGAATGC TGTGGTGCAG ACAGTGAAGN CATCCTACGT 60
CGCCTCTACC AAATACCAA AGTCACAGGG TATGGNTTCC 100

【0736】

【配列表646】

配列番号： 3540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04131

配列：

GATCTCCCC AAAGATTCCA GCGGTGCAA CCCTGCNTGT TCGAGGTGGA GCTGCTCAAA 60
ATAGAGCGAC GAACTGAGCT GTAACCAGAC TGGGGAGGGG 100

配列番号： 3541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04132

配列：

GATCGAGACT CTNCCAGAAA AAAAAACAAA AAAAAAAAAA ATCCGTTTCT AAGGACGGCG 60
GGGATTCCGT TCGAGCCCGT GGCTGCTCTG TTTTGTTTTG 100

配列番号： 3542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04133

配列：

GATCAGATGA CCATTGAGGA CTTGAATGAA GCTTTCCAG AAACCAATT AGACAAGAAA 60
AAGTATCCCT ATTGGCCTCA CCAACCAATT GAGAATTTAT 100

配列番号： 3543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04134

配列：

GATCCCATCC GAGCTAGGGT ATGGAGAGCG GGGAGCTCCC CCAAAGATTC CAGGCGGTGC 60
AACCCTGGTG TTCGAGGTGG AGCTGCTCAA AATAGAGCGA 100

配列番号： 3544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04135

配列：

GATCCTACCT AAGGGGCACA ACTAGTAAGG GAGTAGAGCT GAGATTGGCT CCAGAGTTCT 60
TGTTTTCAGC CACCATTTTA TGCTGCCTCT CCAGTNATTT 100

【0737】

【配列表647】

配列番号: 3545
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04136
 配列:
 GATCGCACTG CGCAGGGGTG CCACGGAGCT CACCCACGAG GACTACATGG AAGGCATCCT 60
 GGAGGTGCAG GCCAAGAAGA AAGCCAACCT ACAATACTAC 100

配列番号: 3546
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04137
 配列:
 GATCTCAGGC ATCGGATTAT TTCTCCTGTA AATATTTTCA AATGTATCTN TCCAAGATGA 60
 GAGCTCATTA AAAGACAATT ACAAAGCTTA TCACATCCAA 100

配列番号: 3547
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04139
 配列:
 GATCAAAANG AGTAAANCTA TCCAAAAAAA ATTTGTATAT TTGGGAAAAA TGGATTTTTA 60
 CATAGCTTTT GTATGCAGAT ATAAACTGT AATTATGAAT 100

配列番号: 3548
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04140
 配列:
 GATCAGCCGA TGACAGAGAT TGTAAGCCGT GTGTGGAAGC GAAAGTTGGA GCCGCCACGT 60
 CGGGGCNCTG GTGCTTNANC TGTGCTGTAA CGACGAGAGC 100

配列番号: 3549
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04141
 配列:
 GATCCATTG AAAGTNATTT TGACATAAGG AGTAAGGTTA CTACTGATTC CTACTCAGGA 60
 GGCTAAANTG GGAGGACCAC TTAAGTATGG NAGGTCGAGG 100

配列番号: 3550
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04142
 配列:
 GATCCTGTGT TTGCAACTGG GGAGACAGAA ACTGTGGTTG ATAGCCAGTC ACTGCCTTAA 60
 GAACATTTGA TGCAAGATGG CCAGCACTGA ACITTTTGAGA 100

【0738】

【配列表648】

配列番号：3551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04143

配列：

GATCAGTCAT CCACCAGGAA CGAAGATTTC CTGAAGAAGA CCTGGTCCCT CTGGAGGTTG 60
CGGTGGCTGA AGGATGCATC ATGTGCTCCT ACCCTGCTCT 100

配列番号：3552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04144

配列：

GATCTCGTGA AGCCCGCAAG GACCGAACAC CCCCACCCCG ATTTAGACCT GCGGGTGCTG 60
CCCCACGTCC CCCACCAAAG CCCATGTAAG GAGCTGAGTT 100

配列番号：3553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04145

配列：

GATCCTTACA GTAGAGGTGA CCCCTGTAAT ACCATCTGCT GCCGTGAGGA CCTGAACTCA 60
CCNAACCCAA GTCCTGGAGG TNGTTATGAC ACAAAGGTGG 100

配列番号：3554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04146

配列：

GATCAGATTA AACCATTGAA GTTGGAAGTT CATNAGGCTA AGCCTGTNCC AGAAAATCAC 60
CCACAGTGGG ATACAGCAAT AGAGGGGGAT GAAGACCAGG 100

配列番号：3555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04147

配列：

GATCCGCCCG ACTCGGCCTC CCAAAATGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT TCAAGTCTGG 60
CGAGAGAGAT TGTCTCTAGA TGAGGGGTGGG GCGGGGTGTC 100

【0739】

【配列表649】

配列番号：3556
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04148
 配列：
 GATCTACAGC AAAACACAGC GGGAGAGGTT CGCCTGGGCT CTCGCCATGG CAGGAGAAGA 60
 CTTTGAATTC TAACGACGAG CCGTGTGAA ACTTCTTTTG 100

配列番号：3557
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04149
 配列：
 GATCTAGGCA ATGATTTAGA GGAAACCTCN TCACAAAAC CCCAGAGGAA GAATATGACC 60
 TGTGTTTCAA ATTTTGCCIT TCTGAATAT TTTAAATTAT 100

配列番号：3558
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04150
 配列：
 GATCTATGAA AGCGGGGAGA GGGAACCTNA ATATNAATTA TNAGCACAAN TTTGAAGGAA 60
 AGAAAACAAA GAACCATTAT CTAATCAAGC TTTGAAAGTC 100

配列番号：3559
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04151
 配列：
 GATCTCTGCT TCCTGTACCT TGACATGCAA AAGGCTCTCC TAATACTCCA CATTCAAAC 60
 GAAGAGGAAA ATTGAAATCT CTAATGAAGC TGCTGTGTGT 100

配列番号：3560
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04152
 配列：
 GATCAACAAC TNGTACTCT CGGGAAGACT CCTCTACTCA CAGCTGAAGA AAATGAGCAC 60
 ACCCTTCACA CTGTATTAC CTATCCTGAA GATGTGATAC 100

配列番号：3561
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04153
 配列：
 GATCAGAGTA AACAAAAGGA ATCTCAAAGG AAATTTGAAG AAGAACTGT AAAATCCAAA 60
 GTGACTGTTC ATACTGGAGT AATTCCTGCC TCTGAAGAGA 100

【0740】

【配列表650】

配列番号：3562

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04154

配列：

GATCGTGGCG CATGGCTTGG GGATTAACT ACCCTTGAG AGGACCCTTG TCCCAAACCC 60
TTCTTGTTCT CTCCTCCAAA AGTAGCTTCC TCCAACCCGC 100

配列番号：3563

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04155

配列：

GATCTTTAAG GACAAGTTTA TCCAGCATCC AAAAACTTT GGACTAATTG CATCATACTT 60
GGAGAGGAAG AGTGTTCTG ATTGTTTTT GTATTACTAT 100

配列番号：3564

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04156

配列：

GATCTGGGTT TTNATATCTT TATCTTCATT CAGTGAAGCA AGCCAAAAGC NCACATTTGT 60
ATGCNTTAGG TCTTCTTAAA ATGGTATCTG TAAACATGTG 100

配列番号：3565

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04157

配列：

GATCAGCAAT GAAGAACTGG NCGGACAAAA TTNAACGTTN ATGTAATGGN ATTCCAGATG 60
TAGGCATTCC CCCAGGTCT TTTCATGTGC AGATTGCAGT 100

配列番号：3566

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04158

配列：

GATCTAAATG GGCCAGGTG TTTACCCTTA TNTNGTTTTT TGCTAAATNA TGGAGGTTTG 60
GGGAGTTCCT TCTCCACTTG TTTGTGGAGG CCTGGGGAGT 100

【0741】

【配列表651】

配列番号: 3567

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04159

配列:

GATCCCTGTA GAGGTGGTAT TAAAGATGGT CACTGAGATT AAGAAGATTC CTGGTATTTC 60
TCGAATTATG TATGACTTAA CATCAAAGCC CCCAGGAACT 100

配列番号: 3568

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04160

配列:

GATCCTAAAA TNNCTACTT TTGTNGCCTT ATCAGTNCIT TGCAATCTGC CTGTGGTTAT 60
CAGCACTTAA AGCACAATTT TGAAGGGGAA AAAAATGATA 100

配列番号: 3569

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04161

配列:

GATCTGGACT GGCTGGGAGT GGGGAGGGCG TGGAGACAGT CTACGGAAAG CGCTANAGGA 60
CCCCCGAGAG GGTGCAGTGG AGCCCTGAGC ATTGTAATAT 100

配列番号: 3570

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04162

配列:

GATCCTTTGC TGTAACCTNG GAGAGACCAG TCCCAAACAG AGGGGAATTT TAAGCCCTTC 60
TCATCACCCA ATTGGATGTT TTTGCTTATA GCAAATTCCT 100

配列番号: 3571

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04163

配列:

GATCTATGGG AAGATACTTA TTTTCTGAG GTCCTTATGT CCTGTCATAT AATTAAAGAC 60
TCAAGAGAAT TTATGTGAAA TGCTTTCTGT ATGCCCAAAT 100

配列番号: 3572

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04164

配列:

GATCTCAGTT CCNTAAAAAA TGATAAAAT TTTTCATGTA TATTACATAT CTACCTACCA 60
GAAATCCITT TTACAATTTT ATATACAATC ATTTTAAGAC 100

【0742】

【配列表652】

配列番号: 3573
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04165
 配列:
 GATCACGGGG TGGNAGGNAA CCGNGGCGTC CCTGCNTGGG GCCCATGGGT GANACACTCC 60
 AGTACTGAGA CCTAGAGTCC AGATGCTTGT AGGAGCCAAG 100

配列番号: 3574
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04166
 配列:
 GATCCTTAAT TNTAGCCTTT GAAGGATGCC CTGTNTAGAT TATTCAGTGC CACANATTGA 60
 AAGCTTCCAT GNTTAATGTT ATCCTCTTGC TATATAAATA 100

配列番号: 3575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04167
 配列:
 GATCCCAAGG GCCCAGATAA CGCCCCCAAC TTCTTGGGGT TCACACGGGT CCTGAGACAT 60
 CTGGGAAGTG CCTCTGCCTG GNCCAAAGCT ATTCCATTAA 100

配列番号: 3576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04169
 配列:
 GATCTGTGTA CAATTTTNGT CACTANGACT TTCCTCCAAG AACTAAGCCA ACTTGATGTN 60
 NCAAAAGCACA GCTGTATATA ATGCTGATGT CATAATAAAG 100

配列番号: 3577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04170
 配列:
 GATCAAGGAC TCTGGATAAT TGGCATAACA TCCTGGAATA GCTGAAACAG AGATATTATT 60
 CTCTGCTGTC CTCTGTTGTC TTTGTCTTTT CACGCTTAA 100

配列番号: 3578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04171
 配列:
 GATCAGAGCC ATACCCCTCT TCACCAATGG GAAGTCAAGA CACCTATGGG TAAAAGTTCT 60
 CTCTGATGCA TGAAACTCA GAGTGATAAA GTAATTTTAA 100

【0743】

【配列表653】

配列番号：3579

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04172

配列：

GATCTAAAAG TTTTCACACA TAAATTTTCAT TAATTTGAAA GATTATTTTT AAACCTGCATA 60
GGTCCACTTG CCTCTAAATA AAATNAACCT AAAATAAAAA 100

配列番号：3580

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04173

配列：

GATCTCCCC AACCCACAA AATGCTTAAA AGATAACTTA GCTCTTTNTT CAGGGCTCAG 60
TCCTTTGGAT GTAATCCGAC TAGGCCAGTN AACCTAAATA 100

配列番号：3581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04174

配列：

GATCCTGAGT TTTCTGGGAC AATTCCAGCT TTAATCAATA GATTTTGTGA AATGTGCCAT 60
AAAATGAGAC TTTTACGCC TTTATAAGGC CTTAGATGTA 100

配列番号：3582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04175

配列：

GATCATTGTA TTCAGAGATT GTAAATGAAA AAATATAGAA ACTATTTAGT TTTGGTAGAT 60
TTTTTTTCTG ACAATGTGAC CAGACTGAAT TTCCTCATAA 100

配列番号：3583

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04176

配列：

GATCCAGCA TTTTCCATCG ACTTGTAATT GTTTCTGCTA CCTGACAATC ATCGCCTTGA 60
GTA CTGGGAC AACCTTTGAT TACTCATTAT ATCCTCAATA 100

【0744】

【配列表654】

配列番号：3584
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04177

配列：
GATCCTGGCT AGANTGNTAA TTAAAAGTAT TTAATTTGAA GCACCATTTH ANTGTTTCGTA 60
CTAGTAGAAA ATGATGTGAA TTTCNTTCT GTTCGGCTCC 100

配列番号：3585
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04178

配列：
GATCCCAGCT ACTTGGGAGG TGGAGGCAGG AAAATCACTC GAATCCGGGA GACAGAGGTT 60
GCAGTGAGCT GAGATTGCAC TCCAGCCTGG GCGACAGAGG 100

配列番号：3586
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04179

配列：
GATCATAGTC GGGCATACTT ATCTATATCC NTAACCTCTA TATCTTTAAA TAAATGTGAG 60
NACTGTTCTC ATGGAGANGA AA 82

配列番号：3587
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04180

配列：
GATCTNAAGC TTATNTGTCA GATTATTTAA TATGATGACT TCATGCTTNA TTATGCCTTA 60
TTATGGCTGA CGTATTACTG TGGNGAAACA AAATATCITT 100

配列番号：3588
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04181

配列：
GATCCCCNAA TGTGTATGAA TGAATGAGGC TTTGTAAATT AAGGGACGTT TGTITGAATA 60
AAGTTATTTG ATGGGGTCAA AGAAGCCATA TGTGATTTGA 100

配列番号：3589
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04182

配列：
GATCCTCTCC TTAGTCTTAG CTCATGGGGC TCTTTATAAA GGAGTTGGGG GGTACAGGCC 60
GNAAAATNGG AACCGAGCTG AANGCAGAGG CTCAGTTAGG 100

【0745】

【配列表655】

配列番号： 3590

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04183

配列：

GATCTGCACT GCTTCACTGG AAATAATTTA TTCATTGCAG ATACTTTTAA GGTGGCATT 60
NATTCATTTC CTGTGCTTTA AATAAACAAA TGTACCAAA 99

配列番号： 3591

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04184

配列：

GATCACCTG GGCACATGTT GTCAGGACCT CCTGGGGTTG TGTGATGGAT GCGTGTCTC 60
AACCTTAGCA AAATAAACTT TCTAAATTAC TGAGAAA 97

配列番号： 3592

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04186

配列：

GATCTTCAGT GTGTCTGCAT AAGCTAACTT AAGATGAATT TAAGTACANN TTTCTGAAAT 60
ATTTCTATTG AAATAAATTA CTAAAATTA NHAAT 95

配列番号： 3593

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04187

配列：

GATCTTTGTG AATTCTATGA ATGTATTAAG TTATCATATG TACTCCCCAA AATAGGTACA 60
TCTATTATGT ATCAATAAAA AANTTTAAAA CAAA 94

配列番号： 3594

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04188

配列：

GATCCCTTGA GCCGAGGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GGTCACACCA CTGCACTCCA 60
GCNTTGGTTA TNATGCAAGA CCCTGTTTAC AAA 93

【0746】

【配列表656】

配列番号: 3595
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04189
 配列:
 GATCGCACAC CTTTGCAACA GATGTGTCT GATTCTCTGA ACCTACAAA TAGTTATACA 60
 TAGTGAATA AAGAAGGTAA ACCATCAA 89

配列番号: 3596
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04190
 配列:
 GATCAGTGTCTCTAGTCCTA CCCAGTTTAAAGTTCATGG TAAGATTGA CCTCATCTCC 60
 CTCAAATAAA TTTATTGGTG ATTTTNGAAA 90

配列番号: 3597
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04191
 配列:
 GATCCGCCAG GTGCGGGCGC TACTGCAGGC ACAGCAGGCC TAGGTCTCTCC CACACCTGCC 60
 CCCTAATAAA GTGGGCGCGA GAGGAAA 87

配列番号: 3598
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04192
 配列:
 GATCCACCCA CACCTAAGTC ACAGAATTTT TAAGTTCCTC AACTACTCTC ACACCCNTTT 60
 AAAGATAAAG TATGTGTGTA CCAGAAA 87

配列番号: 3599
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04193
 配列:
 GATCAAACTG AATGAAACCC CCACACACAC ACACATGCAT ACACACACAC ACACAGCCAC 60
 ACACACAGAA AATATACTGT AAA 83

配列番号: 3600
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04194
 配列:
 GATCCCTATT CTGCGTGTAT GTGTTTGCAC ATGAGTGTTC GTAGACCATA GACCATTAAA 60
 AAATACGGAA TTCAAAAGTT AAA 83

【0747】

【配列表657】

配列番号: 3601

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04195

配列:

GATCTATGAA TGTTTTCTT AAAATTTACA AAGCTTTGTA AATTAGATTA TCTATAATAA 60
AATGCCATTT GTGCAAGAAA 80

配列番号: 3602

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04196

配列:

GATCACATAA AGGCAAGAGG ATACTTCATG AATAATACAT TTNAATGCAA ATAAACAGAT 60
GGTTCAC TTC TAGCTAT NNCCCTGTCT TNNTATACAC 100

配列番号: 3603

配列の長さ: 74

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04197

配列:

GATCTATGTC TGTTGGTGGC AATGTGAGGG TGATACTCTC TCACTCTAAT AAACCTGGCA 60
CTTCTCCGAG TAAA 74

配列番号: 3604

配列の長さ: 74

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04198

配列:

GATCCTGTAT GTGTGTTGAG ATTTAGAGGT TTCATTTATN TTGCTGCTA ANAAATTGTT 60
ACTCTAATAA TAAA 74

配列番号: 3605

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04199

配列:

GATCACTGTA TAGACTGTTA AATTTGATTT CTTATTACCN ATTGTTAAAT AAACCTGTGTG 60
AGACAGACAA A 71

【0748】

【配列表658】

配列番号: 3606
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04200
 配列:
 GATCTATTTT TCTGTCTACT TTGGANATGA TTGCATAATA AATAAAATTT TACTGTITTT 60
 TAAAAAGGAA A 71

配列番号: 3607
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04201
 配列:
 GATCTAAAGA TGTTTAGGGA AGAGCTCGAC TAAAGAACAA TGAAATAAAN GGTCCAAGGG 60
 GAAGTCAAA 69

配列番号: 3608
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04202
 配列:
 GATCAAAAAT GTAAGTCTAT TGGTAGAGAT TAAGTAAAGT ATTTATTGCT ACATCATAGT 60
 TGAAA 65

配列番号: 3609
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04203
 配列:
 GATCTGIGTT GCATTTCAAA ATAACTGGT GTGTGCTCTG CCTGGNTTTG AAATACCTAA 60
 AAAAX 65

配列番号: 3610
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04204
 配列:
 GATCTCAGCC CAGGACGNC AAGCAAGCAGG TCTTGTGAGC AAGATTTGTC CTGTTGAGAC 60
 ACTGGTGGA GAAGCCATCC AGTGTGCAGA AAAANTTCCC 100

配列番号: 3611
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04205
 配列:
 GATCCAAATA AAGGTAGCTG CTGACCACTG CCTGGTTTGT TTTGTGGACT AGGGGATAGA 60
 GAAX 64

【0749】

【配列表659】

配列番号: 3612
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04206
 配列:
 GATCTCTCTA CAAGAGCCCC TCCCCCTCTG TTGGAGGCAC AGTTTTAGAA TAAGGAGGAG 60
 GAGX 64

配列番号: 3613
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04207
 配列:
 GATCCTTTGC GTGACAGTCT TGTATGAAA ACAGATGCTG ACAGAATTGT AGACTACCAT 60
 NCCX 64

配列番号: 3614
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04210
 配列:
 GATCTCGCCT TGTTTCTTAC AAGCAAACCA GGGTCCCTTC TTGGCACGTA ACATGTACGT 60
 ATX 63

配列番号: 3615
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04211
 配列:
 GATCTTTGCG AATTACAATG CATATATGTC TATTTATTCA ATATCTGTCA TATAATANCT 60
 ATX 63

配列番号: 3616
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04212
 配列:
 GATCGCGCCA CTGCACTAAA GCCTGGGTGA CCGANCGAGA CTCTGTCTCT AAAAATAAAA 60
 X 61

配列番号: 3617
 配列の長さ: 58
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04213
 配列:
 GATCTTAAGA AAACCTCATA CTGTATGAAT AAGAAAATAA AATATTTAAA ACTTGAAA 58

【0750】

【配列表660】

配列番号： 3618
 配列の長さ： 58
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04214
 配列：
 GATCGCCAAG TTCAAAGCTG TGCACATGTG GACACTCAAT AAATNTTCAT TGGTGAAA 58

配列番号： 3619
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04215
 配列：
 GATCCAAAAA GAGTCGACCN GCATTNTTTA TATTA AAAAT AAAGTCAAGA TTAAAA 56

配列番号： 3620
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04216
 配列：
 GATCITTGTT AATGTCTTGA TTCTGTTCCG AAAGCACAGA CTAGTGCTTA AA 52

配列番号： 3621
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04218
 配列：
 GATCGCACCA CTGAGCTCCA GCCTGGGCAG CTGNATGAGA CTNCATCTCA AA 52

配列番号： 3622
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04219
 配列：
 GATCTGGAGG GACACACAGG AGACACCTGG CATAACCAAA AAATGATTAA A 51

配列番号： 3623
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04220
 配列：
 GATCGAAAAC ATATAGANAA AATAAAATGT GTGGTTGCAC CTGTACTGAA A 51

【0751】

【配列表661】

配列番号：3624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04247

配列：

GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGACCAN CAGAGTGGTT 60
ATGGGAAGNT ATCCAGGCGA GGTGGTCATC AAAATAGCTA 100

配列番号：3625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04248

配列：

GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAT AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAAAGTTTCA AATCTAGACA CTAAATGTGT 100

配列番号：3626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04249

配列：

GATCTGTTGT TTGTTTTAA GGTGGTGTC TGTTAACTTC CAGCAGGATG CAGAATCTAA 60
CTGGTAAACC TATAAATTGG TCAAATTNA CCCATGTTGT 100

配列番号：3627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04250

配列：

GATCTGCTAG TTCCAGGCCT CTAAGACAGG AACGTATGTG CCATAAGTGN GTCTACTTCA 60
CAGACTCAAT GAGGCAGAAA TTATTGTAGT TTTCTCCTAT 100

配列番号：3628

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04252

配列：

GATCCGACAC AGAGAACAGG AGGHACTAGA GCGACANAN AGNAGGGCTT TAAGCCAAAC 60
TACATGGAAG ATGGTGATAA AAGAAAATNT GGCTGAAGTT 100

配列番号：3629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04253

配列：

GATCCATGAA TTAACAGAGG CATATATTTA AAATGAAATT TAATGAGCAC TTAGTGACTT 60
CATTTGTTCA AGAATATTTG ATTTCTTATT GTGTGCATGG 100

【0752】

【配列表662】

配列番号: 3630

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04256

配列:

GATCTTACTT CGTTGACCCA TATTTTCCCT CTGACCAAGT TACCTGTAAA CTGGAATTGG 60
CAAGGGGATG CTGTGATGAT AACCCCTTTC TATTGCTGTA 100

配列番号: 3631

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04257

配列:

GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACATGAGCCA CCACGCTTGG 60
CCGGGATAGT ATATTTTAT AGCACTTCCC CTACTGATTG 100

配列番号: 3632

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04258

配列:

GATCCGCCCA CCTCCGCCTC CCAAATTGCN GGGATTACAG NCCTNAGCCA TNCCCACCCG 60
GCCAATAAAA ATTTTTTTAA AGCTAAAATT GACTCTCATG 100

配列番号: 3633

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04259

配列:

GATCCTAAGG GGTTCAGGGG GACCCTACCC CCACCTCAGG TTGGGCTTCC NTGGCCACTC 60
ATGCTCCACA CCAAAGCAGG ACACGCCATT TTCCACTGAC 100

配列番号: 3634

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04261

配列:

GATCCGACCG CGTGNTGCCG CTCTGCTCTC TCATACGCGT GTATGTTTGG TTCCATGTCA 60
CAGCCCCCTA GGAGCCAGTN ATGCTCGGCC TTGCGCCCGT 100

【0753】

【配列表663】

配列番号: 3635

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04264

配列:

GATCCCTTTG GGGCATGAAG TGTGACAAGT GTGGGCTCCT GAAAGGANTG TNCAGAGAA 60
ACCAGCTAAA TCATGACACC TTCAATTTGC CATCATGACC 100

配列番号: 3636

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04265

配列:

GATCCTAGAC CAGCATGCCA GTGTGCCAAG GCCACAGGGA AAGCGAGTGG TTGGTAAAAA 60
TCCGTGAGGT CGGCAATATG TTGTTTTCT GAACTTACT 100

配列番号: 3637

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04266

配列:

GATCTAAATA TATATTTTGT ATATTATAAT ATTTTAGGAA TAGCTTAATT AAGANCTCAC 60
AGACTTTCAC AAAGTGGTAA CTAGACTTTT AATTACTAGA 100

配列番号: 3638

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04267

配列:

GATCTGAACT CCTTATACAT AAGAAGGTGT GSTATATTAAT CCAATTATGG ACTTAAATA 60
TTTTAAAGT ATAAATACCC TTATTGCTG CAAAGACCAG 100

配列番号: 3639

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04268

配列:

GATCCCATTA TATAGTATGT ATAGCTGAAA TCTGTAATTC AATCACTTTT TCTCTTTTAT 60
CCTCTAACCA AAAAAATTGTT TAATTTTGCA TCCCAATGT 100

配列番号: 3640

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04269

配列:

GATCCCTGCT CAAGCAGCAC AGAGGAAGGG GCAAGACGTG GCCTGTAGGC ACTGTNTCAG 60
CCTGCAGAGA AGAAAGTNAG GCCGGGAGCN TGAGCCTGGG 100

【0754】

【配列表664】

配列番号: 3641

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04270

配列:

GATCGGCCCA GCTCCTGAAC TGTGAGGAGG CCATTTCATAT GGCATTTCCTG GAACAAAACA 60
CTGCACAGGT ACCAGCCTCT CCACTCCTGA CCGGGTTGGT 100

配列番号: 3642

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04271

配列:

GATCTGAAGC CTTCCATAAA TNAGAGGCCA TTCATATGGC ATTCTTGAA CAAAACACTG 60
CACAGGTACC AGCCTCTCCA CTCCTGACCG GGTGGTGGT 100

配列番号: 3643

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04272

配列:

GATCCAGGAT GTACTTGGAT GAGGAGGCCT GGCTTATCTA GGAAGTCGTG TCTGGGGTGC 60
TTATTGCTGC TCCATACAGC TGTACGTCAG CCCCTTGGCC 100

配列番号: 3644

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04273

配列:

GATCCAGATN CTTTCGGATG TCAGGGATAT TCACATTGAC ATGTCTNNNN AGTGTTCAG 60
GAGATTTTAG TTTGAATAGT ACAATTTTTT CTTCTTACAA 100

配列番号: 3645

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04274

配列:

GATCTACAGC AGCTGCATCG AGGACTCCCA CAGAGGTGCT ATAGGGCTGC GCATTGCACT 60
GGCCATCTCA GCTATAGCCG TCTTCCTGGT CTTGGTGTCT 100

【0755】

【配列表665】

配列番号: 3646
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04275
 配列:
 GATCCCCCT GACAGACACC AAAGCTGTGA ACAGAANGAC TGCCTGGCCN AGTAAACCTT 60
 GGGACATCAG CCTGGCCCAG CCTGAAAGCA TCCGCAGTGA 100

配列番号: 3647
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04276
 配列:
 GATCAGAATT AAAC TAGTAC TATGAAATGT CCTTTTGAAT GTNAGGTCAA GAAATCCATG 60
 TACAGAGTCG TGCATTTCAT TGGCTGTAAC TGTCAAACTT 100

配列番号: 3648
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04278
 配列:
 GATCTCCAGT NGGCCTTTGC AGGCCCCGCC TCCTGCCCTCT NGAAGGCCA NCACGGGGCC 60
 GGCCTCGGCC TCGGCCTCAC AGCAGACTCT CCACGCCCAG 100

配列番号: 3649
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04279
 配列:
 GATCTTTATT AAGACAGTGG AAAGTATACT ATTAAGTCAT CATAGTCTTT TGCAGACTTG 60
 TCAAANACAG CAATNAGAAA ATAAGACCTA GCATACCGTG 100

配列番号: 3650
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04280
 配列:
 GATCAGAGGA GGAGTGTGAG TGTCTCATA CTCACAGCAA AAGGAGGGAA TTCAGGAGAG 60
 GATTGAAGAA GCGGTTCTG TTTTAAAGGC ATTTGCAATC 100

配列番号: 3651
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04281
 配列:
 GATCGACCTG TCATGTTTTT AAGGTTATCC AGGCTGTATA TCTCTGGAAN AGAAGGGAAT 60
 GGCAAAGAGT GGGAGTCTGA GTCAAGTTG GTTTTGTGTTT 100

【0756】

【配列表666】

配列番号: 3652
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04282
 配列:
 GATCATGGAA CCCCTCTTCC GGCAGTTGGC CAAATGTGTC TCCAGCCCAT ACTTCCAGGT 60
 GGCAGAGCGA GCTCTCTATT ACTGGAATAA TGAATACATC 100

配列番号: 3653
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04284
 配列:
 GATCTGCCAC ATGTTTGAGG GTTGCAGAGC CCGCTGTGGA GGTAAAGATTG GAAACACATG 60
 NAGCAGAGGG AAGACATTGA AGAAAACATC TCINCTGGAA 100

配列番号: 3654
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04285
 配列:
 GATCCAGCCA GTATAGAACT AGCTCTGTAG GGGTGAGGAG GACTNTGCTA TGTATCATCC 60
 TNGATTGTNT TCCTTCAAGG AGCATTGCAC TTGCCTTCCC 100

配列番号: 3655
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04286
 配列:
 GATCAGAGGG GAAACAAACG CCAAGGGGTT GGGAAATGGGT CGGCATCTGG AGTCTGAGAC 60
 AGCTGCCCTC CTGCGTCAAG GGCTGGGGGC CTCAGCTTCC 100

配列番号: 3656
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04287
 配列:
 GATCCCTGTA TGCNGCCAAG GATGGGACTT CCAGCTAATG AATTTGTACA TGCAGCCAAA 60
 TTTACAGGAA TTTTTTTAAA AGGCAGAAAA ACTTGAATA 100

配列番号: 3657
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04288
 配列:
 GATCCCACTG ATTGGCCAGC CGAGCGAGAA CCAGGCTGCT GCATGGCACT GACCGCCGCT 60
 TCCAGCTTCC TCTNAGCCGC AGGGCTGCH ACGCGGGCAA 100

【0757】

【配列表667】

配列番号: 3658

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04289

配列:

GATCTGGCCA TTTGGTACAT AATCCAGCAC AGATAAGCTG GGTGGTAATG ATAATAAAAA 60
TGGTTTTCTC AAA 73

配列番号: 3659

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04290

配列:

GATCACCTGG GTTTCTTTAT TTATCGACTG TGTCATGACA AGGAAACTTA CAAACTGCAA 60
CGCAGAGAAA CTATTAAAGG TATTCAGAAA CGTGAAGCCA 100

配列番号: 3660

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04291

配列:

GATCCTGTGA ACCGTTACTT TGCCTAAATC ACTTGAGACT TGAGTNTTTA ATAACAAAGC 60
ATCAATATTC ACTAAAGTCA ATCTNTTTTN ANTTTCTGTN 100

配列番号: 3661

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04292

配列:

GATCCTTTCC CTGGATACAT AACCCCTAGTA GATAATGTGA CTGCAAGATG TAATGNCCAA 60
ATCCAACCTA CTGCAAATNT TACTATGGAA ATCTCAATGC 100

配列番号: 3662

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04293

配列:

GATCTGTTGT ATGTAATAAG TAACACAGAG TTTTAAAACA AATTAATTAT TTAGCTTTAT 60
TGAAGTTTGT NTTTTNCCTT CCGAACCTGG AGTATCATAT 100

【0758】

【配列表668】

配列番号: 3663

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04294

配列:
GATCCAAGAG TTTAGTGATT TCAAAAGCCT TGGTCTCAGG AGAAGATTAA ACTTTCATAT 60
TGGGCAGTGG TTCACTTTAA AACACACACA TACACACACA 100

配列番号: 3664

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04295

配列:
GATCGGAATT TCCACCAATC AGCGGGAAGC CTCGGCCCTG TAACTGCTAA TGGGAGACAG 60
CAGCGCCACG CCACAGGCTT TTCCCCTGGT TTCGGGAGGG 100

配列番号: 3665

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04296

配列:
GATCCAGTCA ATACATGCAG ACCAGTAAAA TCTGATTGT GCAGAGTTCT CCATCTGACT 60
CTCAGTTATT TCTGTAGATA TATACATATA TAAATACAAG 100

配列番号: 3666

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04297

配列:
GATCCAGTCT AGGCCCGTAT GTTGCATTTT GCTGTCTATGT CTTCTTAGTC TCCATCNCAT 60
CTCAGTGGTC TTTTCITTTT CATGACTGTG ACAGAAATGA 100

配列番号: 3667

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04298

配列:
GATCTGGAGC ACAAGGAACT CCCATACATT CCTAGTGGGA ATGCCTAATG TTACAGTCTG 60
GAAGACATTT TGGCAATTNC TTAACCAAGC TCTTCTTACC 100

配列番号: 3668

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04299

配列:
GATCGGGATT AATATTAGTG CATTITTTAA ACACCTAAAA GTTTTACAAN TGTATTTGTG 60
TATTICCTGT TTTGGTGCCT GTTTTATAGA AGATGATTGA 100

【0759】

【配列表669】

配列番号： 3669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04300

配列：

GATCATAGAA GAAGAANCCA GTAATTGANC AAATCCTATT TAATGACATC CTTGTAGCAT 60
AGATGGTCTA TAATGCTGAC CACAGATTTC TTAGAAATGC 100

配列番号： 3670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04302

配列：

GATCCTGAGG CTTTGGCTGA AATTCTGCTT GAAACTTGTA AATCAATCAC ATATTCTTTA 60
GAAAATAAGA CCTACTCATC TGTGAGAACA GAAGCTTTAT 100

配列番号： 3671

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04303

配列：

GATCCTTCTC CTTCCCTGGG ATACAGCACC TCCACCCTGC CAGGCCACCC NTGTAAAGGC 60
AGCCAATTCA GAGCCACCTC TTATGCCTGC ATCTCCCCCA 100

配列番号： 3672

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04304

配列：

GATCTACACG CGGCTGGCCA CCATCTACCA CAACTNCCTC CTGGACCGTG AGAAGTCGCT 60
CTTNTTCTAC CAGAAGGCCA GGACCTTCGC CACAGAGCTC 100

配列番号： 3673

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04305

配列：

GATCTATGCA ATTTTAAAC TAGTAATGGG CCAATTAAAA TATATATAAA TATATATNTT 60
NCAACCAGCA TTTTACTACT TGTTACCTTT CCCATGCTGA 100

【0760】

【配列表670】

配列番号: 3674
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04306
 配列:
 GATCTGAATT CTAAAGCGTC TTTCATTGTT TACTTTTAGG ATGAGGAAGT ACAGACAATT 60
 GGTCTAGATAG AACTGTGCCT CACTAAGCAA GACCAGCAGC 100

配列番号: 3675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04307
 配列:
 GATCCTTGGG TTGTAAAGAG AGTAGAAACC CTAGGNAGCA GTGCTTTTGG GTCCTAGAAC 60
 CTGTTGAGTT TCTAATGAAT ATTTGTAGAA TCTNATAAAA 100

配列番号: 3676
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04308
 配列:
 GATCAGGACC AACCTGGAAG ATGCCAGATT TGGCTATGCT TTTTAANACA TTNATTGGAA 60
 CAGCTCACCA ACCCCTGAAG GGGCCGTAA GCGTGTAG 100

配列番号: 3677
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04309
 配列:
 GATCTAATGC AGAACTTATC AGATATTGTA AAAATCAGTG TGGGAGGTAT TCAGTCAAAA 60
 GTCAGAAGGA AATGTATTAT CGTTATAATT TCAAACCTTA 100

配列番号: 3678
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04310
 配列:
 GATCCAAGAA GAACTAGAAA AAAAGTTGTT TGCAGGCTTG CAACCTCTCA NAAATTTTAA 60
 GGCTAGCTCT TCAACTATGT CTTNAAAAA GAATATGTCT 100

配列番号: 3679
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04311
 配列:
 GATCCGTGCC CGCNTCCAGG AGAAGTTGTC ACCTCCCTAC AGCTCCCCAC AGGAGTTTGC 60
 CCAGGATGTC GGCCGCATGT TCAAGCAATT CAACAAGTTA 100

【0761】

【配列表 671】

配列番号： 3680

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04312

配列：

GATCATAACT GAACCAGAAT TTGGATTATA GANGTGCACT TCCTAGCTGT TTTTATTTA 60
GGTATAGGAA CACACAATGA GAACCTTATG TTTAGAATGT 100

配列番号： 3681

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04313

配列：

GATCTTAAAA GTGGAAGCA GAAAAAATAC TGTTCCTGA AATTNAAAAG TTTTGGCAGT 60
GCCAGCAGG CCCTCAACAT TCTCACAGGC AAGGACTGGA 100

配列番号： 3682

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04314

配列：

GATCCCCAGA GAGGTGGCCC TGGACCTGGA GTCAGGAGGC GGTGTCCAGA AGAGTCGCTC 60
ATCAACCCCG GGTTCAGAG TAAGAAACCA GCTGGTGGCG 100

配列番号： 3683

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04315

配列：

GATCCCCTGA GCAAGTCAGA AGTACTCTC ATCAGTCGTT CATGGTCACA ACCTGAGGTA 60
CTCTGCTGAG TGGGCAAGGC TGAAGAAGAG GCCTGTGGAA 100

配列番号： 3684

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04316

配列：

GATCTGTATT GATATTTGAT AGTGAAAATG TTTATTCAAT TTTTCCCCAA AATGTATTG 60
TTCCTCTTAC TTGTTTATTC AGCTGTGGTG ACTTCAAAT 100

【0762】

【配列表672】

配列番号: 3685

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04317

配列:

GATCTGCGGT GGGCCAAGAG TATCCAGGGA GAAACCTGTC CCTGGCAGGG CTGGAGCAGG 60
GACACTCCAG GCCCAGCTGA GGCTTCCTGC TCTGCATGGC 100

配列番号: 3686

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04318

配列:

GATCTGAAAG ATTACATTTA GAACATTTAG TACTATTACA CTCACAGAAA CTGTNGTAAA 60
AAGTCACATT TTCAAAACTT CATGCATATT GTATTCTTGT 100

配列番号: 3687

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04319

配列:

GATCCTCTCA GAGTGCCAGG CATCCCCCCC GNACCAGCAG AGGCTCATCT TTATNAGGCA 60
AGCAGCTGGA AGATGGCCGC ACTCTTTNTG ACTACAACAT 100

配列番号: 3688

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04320

配列:

GATCTGAAAA ATGAAGTTTG GTATCAAAAA NGTCATGACC CTGTATGTAA AGCAGAAAAAC 60
TTCAAACTCTG ACTGTTTCCC ATTACCTGCT GAAGTATGTC 100

配列番号: 3689

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04321

配列:

GATCACTAAT GGTCAAGTGG AACAAGCACT ACACCGACTAA CCCCTATTGG GGTTTTTAAC 60
TTAAGGGAGG CTAATTTTTA ATTTAAACTG CTCGAGATAT 100

配列番号: 3690

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04322

配列:

GATCTTTCTG GCTCCACTCA GTGTCTAAGG CACCCTGCTT CCTTTGCTTG CATCCCACAG 60
ACTATTTCCC TCATCCTATT TACTGCAGCA AATCTCTCCT 100

【0763】

【配列表673】

配列番号： 3691

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04323

配列：

GATCTCTGAA AGCTCAAATG GATGGAATTT AGTTTGCGGG AAAGAGGCTT TGCTTTGCGC 60
ATATCAGGCT TAGGACTGTG GGAGGCTTAA GAAGCAGATG 100

配列番号： 3692

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04324

配列：

GATCATCTCT ATATCTAATT TGTATTATNA CTAATCTTAT TCCAACATT TNCCTTATNA 60
TACTGAAACA GTTTGTNCCT TCAGTCTCTG CTTCGGCTAC 100

配列番号： 3693

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04325

配列：

GATCAAGAGG CCACCAGTTG TACTTCAGCA CCAATGTGTC TTACTTTATA GAAATGTTGT 60
TAATGTATTA ATGATGTTAT TAAATACTGT NCAAGAAGAA 100

配列番号： 3694

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04326

配列：

GATCTATAGT ATTTTAATGT GCATCTACTT TAAATNAGTC ATCTTGGGGT TTNATAATT 60
CCCTTATGTT CTTGCCCTC TACACTTGAA ATAACAAAT 100

配列番号： 3695

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04327

配列：

GATCAAGGAT GCAACCTCAG GTTGAGAAAG AAACAGGGT CCCTGGGCCC ATTAGACTGT 60
TTGCAGGGCA TCACTGCTTC CCCCTGACAC CTCACAATA 100

【0764】

【配列表674】

配列番号: 3696
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04328
 配列:
 GATCTAAAGG CTCTGGNTTT GCCTTCTTTC AGTCTGACAC TGAATAACAA CCTCGACAAG 60
 GTGGGCATAT ACCTGGATTA TGAAGGAGGA CAGTTGTCCT 100

配列番号: 3697
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04329
 配列:
 GATCCCAAAA GCTGTTTTNA GGTATAAGGA CAAGGAGAGG AGACAAGTGA CGACAGCCAT 60
 TCCCCTTTGC AGCTATCTAC TGTAGTGACA GCCATTTCTT 100

配列番号: 3698
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04330
 配列:
 GATCTATCCC TGTCTCACTG AAAGCCCCCTG TGTAGTGTCT GTGTTGTTTT CCCTTGACCC 60
 TGGNHTTTCC TATCCTCCCA AAGACTCAGC TCCCCTGTTA 100

配列番号: 3699
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04331
 配列:
 GATCAACCCC TGACCTAATC GGTATGTTA TCTACAGATT ACAGACATTG TATAGAAATG 60
 CACTGTGAAA ATCCCTATCC TGTITTGTTT TAATCTAACT 100

配列番号: 3700
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04332
 配列:
 GATCACAAAA ATGGAACCCC CTGTTTCATG CTCTACAGT CCAGCCAGCC AATCTGAAGA 60
 TGTATTCTT ATAAAAAGT ATGACCAAAT GGCTATCTNC 100

配列番号: 3701
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04333
 配列:
 GATCTCTGTG TTTGCAGTCA AAGGGCGGCT CACACATGGT CAAGTATTAT AAATNTCCTG 60
 TGTATCTNAC AATGGAATCT ATTCTACAAT TTAAAGTATA 100

【0765】

【配列表675】

配列番号： 3702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04334

配列：

GATCTGAGGT GATATGTTCT GAATGTAAGC ACCGTCAACA TCAGACACCT ACTCATGGAC 60
ATGTGGTTGC CGGATTTTCT TAAGATGTTT CCAGAAATGA 100

配列番号： 3703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04335

配列：

GATCACTGTG CAGTGGGACC ACCCTCACTG GCCTTCTGCA GCAGGGTTCT GGGATGTTTT 60
CAGTGGTCAA AATACTCTGT TTAGAGCAAG GGCTCAGAAC 100

配列番号： 3704

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04336

配列：

GATCANAGAN TNACAACTGT TCATTATAGT GGTGCCTTAG GCAATCTTTN CAAAGTAAAT 60
TCAGGGCCCC ATTGCTACTT ATGCCATATT TGGACATACT 100

配列番号： 3705

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04337

配列：

GATCTTTCTT TACTTGATGT GTCCTTCTNT TCGCAGATTG ATAACAGAGC TGTGCTAGAA 60
CTGAATGCAA GCTTTCCAAA ANTNTTCATA AAAAAAGCT 100

配列番号： 3706

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04339

配列：

GATCTCCGCA GTCTTCAGCG CATTGGCCCG AAGAAGGCC AGCTAATCGT GGGCTGGCCG 60
GAGCTCCACG GCCCCTTCAG CCAGGTGGAG GACCTGGAAC 100

【0766】

【配列表676】

配列番号: 3707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04340
 配列:
 GATCAGGCCA GTAGTTGTG AATGCAGGCT GGAGCCCCCG AATGCCCCAN NCACACTGCA 60
 GCATTGACCA GACCATCCGA AACCTGCGTC CCTGGTGATG 100

配列番号: 3708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04341
 配列:
 GATCTACTTT CAGGATTATT TTTTGTNTT GAACGTGACA GTNTGGATGA GGCAAGTNAG 60
 TTAGATGCT GCGACCTGC GAGAAGCAAT AGCTAGTGAA 100

配列番号: 3709
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04342
 配列:
 GATCTCCTTC AGTNGTCTAC CCACTTCCGT CATTGTCTC CGCTAGAATA ACACAGTAGT 60
 TGGTAGTCAT GCCAGAAGG GGGGTGGGG CAGTGTGAGG 100

配列番号: 3710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04343
 配列:
 GATCTCAGCT CACTGCAACC TTCACCTCCC GGGAGCATGC TGCTCTATCT TTTTTTNCAG 60
 ATGTTTGAGC TATTCCAGGT TTTTGGGAT TTCTGTTGNT 100

配列番号: 3711
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04344
 配列:
 GATCCTCAGT GCAAAATGTC TTGTGTANTT NTNTGTGAAT CCATGGGTCT GGCTAGAGGG 60
 CCCAAAGCTT GTAAATATGG GGATAGTCTG GGTGAGACCC 100

配列番号: 3712
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04345
 配列:
 GATCTAAATG TGAACAGTNT ACTAATGCAC TACTGAAGTT TAAATCTNTN GCACAATCAA 60
 TGTAAGCATG GGGTTTCTTT CTCTAAATTG ATTTCTAATC 100

【0767】

【配列表 677】

配列番号： 3713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04346

配列：

GATCTAAAAA GCTGAATAGC ATGTNAGTTA CTTGGTTTCA ACTTGAGTTT NCTTTTAATG 60
TTAATAAGAT TGAAACTTTA GTATTTAGTG GGAATGGAA 100

配列番号： 3714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04347

配列：

GATCCCAGAC CTGTNGTCTC TCCCACCCCC TCCCCAAAGC CACTGGAAGG AGCACATACT 60
ACCTAGAAGT AAGANGNNGA GCCTCAGAAG AAAACAAAGT 100

配列番号： 3715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04348

配列：

GATCTCAGAT AACTCAGTAC AGATAGCAAT TAGTCAGCTG ATTTGATTAC AATGGAGTAA 60
CCGACAATAT ATTTATTTAT AAAGCACATA TTCATAATAA 100

配列番号： 3716

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04349

配列：

GATCCTGGTT GGAAGGATGG GGACTCTCTC AAGGGGCTTT GGAAGAGCTC TTCTAGCCCT 60
TTATAAAAGG AGGGCAGCAG CTGAGACTGA TGAGAGGAGG 100

配列番号： 3717

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04351

配列：

GATCCTATTT TNATGAAATG TCCAGAACAG GCAAATCCAC AGAGACAGAA ACTAGACGAA 60
TGTTGCCTG AGGGTGAGGG GAAACAGGGA GTGACTGATG 100

【0768】

【配列表678】

配列番号: 3718
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04352
 配列:
 GATCCACTCC GCCATCGATG CATCCCAGAC CCCCAGATGC GTGTTCCGAA GCATCCTAGC 60
 AGCCTTCTCC AAAGCCACAT GTAAAGACTT GGTATGTTT 100

配列番号: 3719
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04353
 配列:
 GATCTCAAAA CCACTATTTT TATTATTTC TTATTTTTC GAGGCCTTAA AATTCTGGAT 60
 AAGAGAATGG AGGAAAATAC TCANCGGTAC TTCATTATT 100

配列番号: 3720
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04354
 配列:
 GATCTNTCCA CGGTAGCACT TGNCTTTTC GACGCTTAAC CTTTCCGCTG TCGCCCCAGG 60
 CCCTCCCTGA CTCCCTGTGG GGGTGGCCAT CCCTGGGCC 100

配列番号: 3721
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04355
 配列:
 GATCAGCACT GCACTNTTAC CTGAGAGTGC GGGCAAGACA TAAACTGTCC AGAGTTTAA 60
 GNTTCTNGGA AAGACCGGAG GGCTTCTCCC CACAGAAGGC 100

配列番号: 3722
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04356
 配列:
 GATCACAGGT GATTACACG TACACACATA AACACACCCA CCAGTGCAGC CTGAAGTAAC 60
 TCCCACAGAA ACCATCATCG TCTTGTACA TCGTATGTAC 100

配列番号: 3723
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04357
 配列:
 GATCCATCCT TTATCAGGAA GTCTGAAGCG ACTATAAAGG TTTTINANTT CAGATTTAA 60
 AACCAACTTA TAAAGCATTG CAACAAGGTT ACCTCTATT 100

【0769】

【配列表679】

配列番号： 3724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04358

配列：

GATCCGTGTT CTCCATTTAT TAATGCATTG TAGACCAATT TAACTGCTGT GTTTCAGGAA 60
AATTCTTCCT AGTTTAATAA GCAAGCTAAA AGTTTTATT 100

配列番号： 3725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04359

配列：

GATCCATCTG AACTATGAAG TGAGTACCTG GAGGAACCTC TACATTTAAG GCTTTCAAAG 60
GTTACAGGCT TTTCGTGTGT GTGTGTGTGT GTGTGTGTGT 100

配列番号： 3726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04360

配列：

GATCTGGAGT TGAGAGCCAT GGGTTTGGAC ATGACTGGCA CAAACAGCTG TCATATGTTC 60
ATGGTCAGAT GTCATACATT CTCAGCTGTC TTGTTCCACC 100

配列番号： 3727

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04361

配列：

GATCATCAAC AAGATTTCTT TGTGCAAAT ATTTGACTAT NCTGTATCTT TNATCCTTGA 60
CTAAATTCGT GATTTTAAAG CAGCATCTTC TGGTTTAAAC 100

配列番号： 3728

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04362

配列：

GATCAAAATT GAACCATTTG ACAGTTTGGN TTCTGTTTGC TTCAAAATAT GTAGAATTGT 60
GGTTGATGAT TAATTTGCGA GACTAACTTT GAGAGTGTAA 100

【0770】

【配列表680】

配列番号: 3729
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04363
配列:
GATCGCTACC CACCTTCCTT CCATGGTTCC CACCCTCCAC GTTATTTTCC CTTTCTGCAG 60
CGGTTGCACT ACAGGTAGCT ACTGTGTATT ATGGACAAAT 100

配列番号: 3730
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04364
配列:
GATCCTCATC CAATTGGTGT TTTTCAGAAG TTTTCCAATA TTATGAATTC TGTGTTGTGG 60
AGAAAAGCAA CCATGCATTT ACTGGTCAAT GCCTTCTGT 100

配列番号: 3731
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04365
配列:
GATCTATGAA AATNTGTTTT GACCAAACTT AGTATTAGGC AGGTACACAG ATAAGATTTT 60
CCATTCTNAA CATTCTCACT GTAATGCACG ACATTTGANG 100

配列番号: 3732
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04366
配列:
GATCCTGAGA GCTTTGAGAG GGTGTTGCCA GTTTTAAGCT GAGATGGCCC ATTTGGAGCC 60
TTACAGAACT AGACCAGAAG ACATTTGTGG ATAAATCTGA 100

配列番号: 3733
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04368
配列:
GATCTGGGCA GAATCCGCCA AGCGGCTGGG CCCAGGCTGT GGCATGATGN ACCGAGNAAN 60
GAAGCACCTG GACTTCTAGG GATTCTCCT TAGTCGCTGC 100

配列番号: 3734
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04369
配列:
GATCGTATTC NTNATAAACT ATTACCAGTA CAGTAGCTAG TAGATATNNT GTGACTGCCT 60
CATTGTTTAT CTGCTGCTT TGGTCCCTAT GGCTCTAGTA 100

【0771】

【配列表681】

配列番号： 3735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04370

配列：

GATCAGTTTG CGAGTTTGA TGAGNTTGT AAGGTTTNN TTTTACAAAC TATGAATCAG 60
CAAATNTTTA AGATTGTACC ACATAGCAAA CATACAGCTG 100

配列番号： 3736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04371

配列：

GATCATTTCTG TATATACATA TTTTAAATTA TGCAAGCAAA CTAGGAGGAG AATGTNCAAT 60
TTTAAGGGAT ACCTAATTTT CNTTCGGTTA GGGGATATTT 100

配列番号： 3737

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04372

配列：

GATCCAAAAN ATAAACTTG AAGCTATTCT GGAACAAACA TGGAAAAATG AAATGGCTAT 60
TGTTTAAAAA AATGATAGAA ATACATTGTT GATGGGATAT 100

配列番号： 3738

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04373

配列：

GATCAAAAGT GAACACCCTG GCCTATCCAT TGGGGATACT GCAAAGAAAT TGGGTGAAAT 60
TGGGTCTGAG CAGTCAGCCA AAGATAAACA ACCATATGAN 100

配列番号： 3739

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04374

配列：

GATCAAAATGT GCTGCAGCTT TTGCAGAAAA CAACTCAGAA ACACAAAACC CCCCAACAGC 60
TCAATTATTA TTTTTCAT GTTTCCTAC AAGAGCCAAG 100

【0772】

【配列表682】

配列番号: 3740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04375
 配列:
 GATCAAGAAT TCTACCATCC CTGGGTCTT TGTGTATAAA CAATGTATAA TACCAGGTAG 60
 ACTCAGTCTT TAAGATATTA GACAGTTTTT TTAGTCCATG 100

配列番号: 3741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04377
 配列:
 GATCTTAGAG CTGAGGAATT GGCCTCCAA TCCGAACAGG TGTATAATC CTTTCTNAAT 60
 AGGTTGTGCT GTGGACCCAA TGTNAGGCT GTNCTGGTGT 100

配列番号: 3742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04378
 配列:
 GATCTCCTGA GCTCAGGCAA TCCGCCACC TCGGCTGTC AAAGTGCTAN GATTACAGGT 60
 GTGAGCCACC ATGGGTGGCA TCTTTAATAT AGATTTATAA 100

配列番号: 3743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04379
 配列:
 GATCTAGGAT TACTCTGGAC CTCATTCGGG TGTATGAGT ATCCCACGAA GGCCAGACGC 60
 TGATTNATT TNCATTTT CACAGATTGA CAAGGATAAG 100

配列番号: 3744
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04380
 配列:
 GATCCAAGGA ACGTTTGGG TTTCTAGGT GGCCACATC CAATCAGTGG AAGGTCTTAA 60
 GAGCAAAANC TGAGGTTTCT CAGAGAAGAA GGAAATGTTT 100

配列番号: 3745
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04381
 配列:
 GATCCTTTCC CCATGGACAG TGACAGAGCA ACTGGGCCGC AATGGCATAG GCAGAAGAAA 60
 ATNTAATCAC TCTGGGGTG ANTGGTGGT AAAACGACTC 100

【0773】

【配列表683】

配列番号： 3746

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04382

配列：

GATCACCCTG GAGCTGTGGC TTCCCCGAGC AGCTGAGAGT GAAAGGAGGC AGTTCCTTTA 60
CTGTGAGCTC TCACGGCACG GTGCTCACGC CCCACACAGG 100

配列番号： 3747

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04383

配列：

GATCCACGTA CAGTTTGGAT TTTCCTTCTA GCCTTCATGT GTGGCCCAAG CATCTATTTT 60
AGACTGTCAT GGTGGCATT GTTCTCTGAG GTTCTGTCTT 100

配列番号： 3748

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04384

配列：

GATCAAGCAG GCACTTCAAG CCTCAATAGG ACCAAGGTGC TGGGGTGTTT CCCTCCCAAC 60
CTAGTGTTCA AGCATGGCTT CCTGGCGGCC AGGNCCTGCC 100

配列番号： 3749

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04385

配列：

GATCTCGAAC TGTACCAAAA TACATGGAGA CTAACAAACA GAACCACATG GAACTTTCAA 60
ACTGAAAAAA AAATTTGTCA CAAAACTTT GTTGTATAG 100

配列番号： 3750

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04386

配列：

GATCCAGAAG GCTTACGAGT ATTNATTAT CTTGTCCAGG ACCTGAAGTG TTTGGNCTTC 60
AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAN CCAATCTAGA 100

【0774】

【配列表684】

配列番号: 3751
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04387
 配列:
 GATCATATTT AGAGGATATA ACAATTAGAA ATCTAGAAAA TAATTATCAC TTTNATAAAA 60
 TTTNAGTCA ACTGTACAAA TAATTACATA AAACATCAAT 100

配列番号: 3752
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04388
 配列:
 GATCAGCCGA ACTCTAGGGA CTGGGTGTG CTGGAAGGC ATCCATACCT GCATTTTGCA 60
 TTCTTCGTAT GTAATCATAT TGCCAAAGAC AAACATTTTC 100

配列番号: 3753
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04389
 配列:
 GATCTAAGAT TAATTCCTCA ACTGTTTTC ACTCAACAAA GACATACCTC TGAGTTGGCA 60
 ACCAGCAGGG TGCATAACGG GCCAGTGCTG ATAAATCAA 100

配列番号: 3754
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04390
 配列:
 GATCCAAAAG TTTAAATTAG TGCATACATC ATGTCATTTC ACCTCCTGTT CCTAGGAACT 60
 CTCCATTCCC AAGCATTGCC AGTGTITTCC AGATAATCTT 100

配列番号: 3755
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04391
 配列:
 GATCTAAGGG AGTCCACTAT CTGTGCAATT GTATTTGGNT TTTTITGCA CTGTTTCAAT 60
 GCTGGTAATT GAAACCATTT TAATATATTT GGTGTATTTC 100

配列番号: 3756
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04392
 配列:
 GATCCACGGA GCAGAGGTCA TCTGTCCCA GCTTGGCCCA CTGAGGCCAG CATGGNTGGG 60
 CCCAGGATGC TTGTCTCTCA GCTCCCATCC TGTGTACTTC 100

【0775】

【配列表685】

配列番号： 3757

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04393

配列：

GATCAACTCC CCCAAGGCCC GAAAGGTGCT GCATACCACG TACCANAGCC AGGAGCGTGG 60
CACACACAGC CTGGACATCA AGTGGTGAAG TNAGGCCAGG 100

配列番号： 3758

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04394

配列：

GATCCTGTGC CCTAGGAGCA CCTAGGAAGA CTTGCTCCAT CTCCGCCCCG ATATCTGGGG 60
CACCAAGAGA GACAGAGTCG TGAGCCAGGC TCGCCTCATT 100

配列番号： 3759

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04395

配列：

GATCTGGCCC TCCCCAGAAC AATCTGGATT TCACGGAGAC AGCAACCAGA AGTTAAACCA 60
TGTGACTAAA AATGCATCTG GCTACTTTTT CATGTATGTA 100

配列番号： 3760

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04396

配列：

GATCATAAGT AGTGGAGGAT TTTAAACCAG GCTGGCTGGC TCTTAAGGCC TATGCTCTTA 60
ATTNACCATG TNGAATTAAT TTACCATATT GAATTACACT 100

配列番号： 3761

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04397

配列：

GATCCTCCGC ATCCCGTGCG AGGAAGAAGA TGTGGAGATG AGTGAGGACG CCTACACGGT 60
GCTGACCCGC ATCGGGCTGG AGACGTCAT CCGCTACGCA 100

【0776】

【配列表686】

配列番号: 3762
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04398
 配列:
 GATCTGGCCC TAAACTTGAA ATACCTCCTG CTCCTTTGGG GACTGGNCTT TGCNAAGAGC 60
 ACCTGGGGAG GAGACTGGTG CTAAC TAAGC CAGTAAGTAA 100

配列番号: 3763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04399
 配列:
 GATCAAGTTC TGCGNCTGAN GAGGCTGCCA AAAGTCAAAA GNCGGGCCTG GGAAGGCAAG 60
 CTCATTCTC ACAACGGCCT TTCCAGGCCC NGTTTTTCCC 100

配列番号: 3764
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04400
 配列:
 GATCTGCCTT CCTGCTGAAA CTTGTTCCAC CTCAGTCCCC TCATCTGTCA CACGCATGTG 60
 GGGTGGAGTA GGGAGATGCG GGGAGCAGGG TGGGCAGGAA 100

配列番号: 3765
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04401
 配列:
 GATCCCATCT NTACAANAAA CTTAAAAATT AGCCAGGCAT GATGGCACAT TCCTGTAGTC 60
 CTAGCTACTC AGGAGGCTAA GGTAGGAGGA TTGCCTGAGC 100

配列番号: 3766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04402
 配列:
 GATCAAAGTC GTAAAGACAA TGTAATAATT AACATTTTAA TACTGATGTT GTACACTGTT 60
 TNTACTTAAC ATTTTGGGAA GTAAGTGCCT CTGACTTCAA 100

配列番号: 3767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04403
 配列:
 GATCTTCGGA ATGATGAGCA CACAAGGCGG GAGCTAGCCA AGATGAAGCA GGNCGCCGGTG 60
 AACCTGAAGA AGGCAGAGAT ATGGCAAACA GGATTNGCGC 100

【0777】

【配列表687】

配列番号： 3768

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04404

配列：

GATCTGAGTG CCTCAAGATG GTTTTCAAAA AAATTTTTTTT AAAGAAAATA ATTGTATACG 60
TGTCAACACA GCTGGCTGGA TGATTGGGAC TTTAAAACGA 100

配列番号： 3769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04405

配列：

GATCCGAGTT CCTCACCGCG GGCCGGGATG TGACCACCCT NTTCAGAGGT TGGACCCCAG 60
GCTTCAAGCA CCGAGTGAGG GGTCTGTTGG GCCCCCTGGG 100

配列番号： 3770

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04406

配列：

GATCTNNATA CTGTGAATAG CAGAATGTAC AGATGAAGAA TATTAAAATN AGGGGCGTCC 60
ACTCCAAAAC ATATCACCAG AGTGACAACT TCAGCCCTCA 100

配列番号： 3771

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04407

配列：

GATCAATAAT AGTACCTTTN ATTATACATT TATTATTGTN TCTCTCTCTG ATGTACTGTG 60
GATTGTACAT TTAACCTTGG AATGGCTTTG TAATAATCAG 100

配列番号： 3772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04408

配列：

GATCCCCAGT GGATGCCTGA AACC GCAGAT AGTACTGAAC CTTATATATA CTGTTTGTTT 60
TCCTATGCAT ACATATCCCT ATGATAAAGT TTATGAATTT 100

【0778】

【配列表688】

配列番号: 3773
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04409
 配列:
 GATCAACAAT GAGCAGAAAC ATCATCAGTC CTTCCCAAGG ACCATGGCGT TTAATGTCTT 60
 GGGCACCCCT TGGAAATCAC AGAAAGTCAG CNGTACTGGC 100

配列番号: 3774
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04410
 配列:
 GATCAAAAAA TGTITATNCT GAATTCTNTA ATTTAAAAA NTCATACCTA TNAGGTGTGC 60
 TACAGGAATT CAGATACAAT AAGTTGCATA TAAAACCCGA 100

配列番号: 3775
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04411
 配列:
 GATCTGACCA ACAAGGCCAC AGGAAAATTA ATAGCACAAG GAAGACACAC AAAACACCTG 60
 GGAAACTGAG AGAACAGCAG AATGACCTAA AGAAACCCAA 100

配列番号: 3776
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04412
 配列:
 GATCTNCTTG GCCAGCAGGA CGTCCAAGGA CCAGAGCCTG TGTCATGTCC TNGAACAGGT 60
 NTGGCGCGTC CTCAAGCAGG GGAGCTGAGC CTTCCANAGG 100

配列番号: 3777
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04414
 配列:
 GATCTGGGCT GTGGGGCCCT TGGGCCACGC TCTTGAGGAA GCCCAGGCTC GGAGGACCCT 60
 GGAAACAGA CGGGTCTGAG ACTGAAATTG TTTTACCAAC 100

配列番号: 3778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04415
 配列:
 GATCTATGAT TTATNATGTC TTAATAGACC CTAAATTGTT CTTTAATTAC AAGAGTGGCA 60
 GTCTCTGAAG TCATTTGTGA GCTTGTATGA CTTTGTATT 100

【0779】

【配列表689】

配列番号: 3779

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04416

配列:

GATCAAAACA TAATTGTTTT AATTCTACAG CTGTAGGAGC TTTGTATTGC TGAACITTTCA 60
TCTGGA AAAAG TTTCACAGTG ACATTTTAA AAGAGAATT 100

配列番号: 3780

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04417

配列:

GATCTCAAGA AGCCCCACAT CTTCCTAAGG GGCCCCATGG CCTNNTTTGG GNGCAGGGTA 60
GGTCTGGGG CACTGTGGGC CGCCTGCCTG CTGATGTGGG 100

配列番号: 3781

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04418

配列:

GATCCTGGGT GACTTTGGGT GCACAGGGTG ACCGAGCATT TCTGCCCTG TGAATGTGGC 60
ACTAACCTG NGCACTGTCT CCACCAAGCA AGGTTTCCAC 100

配列番号: 3782

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04419

配列:

GATCAATAAG AAGANCCTAG TCTAGAGACA ATGATGCTAG TTTGCATATG TTTTCCTATG 60
CAATAGTTGT TTTCCAGTN ATNCAAAGCA GCTTTCTATA 100

配列番号: 3783

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04420

配列:

GATCAGATTT GTAATTTNCC TGTATTAAAT GCCTAGAACT CTACAGTCAA CAGATGGCGC 60
TCTAGTTCCA ATTGTNACAG AAGTNCTCTG CCCATCCGCA 100

【0780】

【配列表690】

配列番号: 3784

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04421

配列:

GATCTGTATG GAACTATAAA ATACTTATTT AATAATNTTT TAACCGTATG GCAGTGTAT 60
GCCAAAANTG TATAAAGNGC AATAGTTTTT TINGCTTACT 100

配列番号: 3785

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04422

配列:

GATCCCACCC TCTNTCCCAC CTGGGCMACT GACGCTCTGG CCTCTNTGGN AATNACACTG 60
GGCTGACCTG GCATTGGGAG AGGGAGGGAG GAAGGAAGGG 100

配列番号: 3786

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04423

配列:

GATCCAAGTC CCCTGCCTGG TCCCCACAA GGNCTCCCAT CCAGGCCCCC TCTGCCCTGC 60
CCCTTGATAT GCACCATGGT CGTGAGGAAG GGCTCATGCC 100

配列番号: 3787

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04424

配列:

GATCATTTTN CATCTGTNCA TAGCGTTTCT NCAGAAGGAA CAGTAGTCTC AAATCTTTCC 60
TCATAATCAT AACAAAATGC TCTTGCATGA TTTTNTAACA 100

配列番号: 3788

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04425

配列:

GATCGTGTGT TGCCATTNG TCTGGCTGTG GCCCCTCCTT CTCCCCTCCA GACCCCTACC 60
CTTTCCCAA CCCTTCGGTA TTGTNCAAAG AACCCCTC 100

配列番号: 3789

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04426

配列:

GATCTTGAGG TTGTTTGATG CTTTAAATTT TTNAATTATA TTATTTNNTA GGTGTTTATT 60
GGTACATTGC AGTTTTTTTT TTNAATTTA AAAATTTCTG 100

【0781】

【配列表691】

配列番号： 3790

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04427

配列：

GATCCGCAAG AACAAGTACC GCCCGACCTG CGCNGGCAGC CATCCGCAGG CCAGCGCATC 60
CTGCGACAGA AGCCTGTAAT GGTAAGAGAA GCGACCCGCC 100

配列番号： 3791

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04428

配列：

GATCCCAAAA CATCATNAGG CATTTTNAAG TTGGTCACGT CGCAAGTCCG ATATCACAAC 60
TTAATTGTAA AAGGAGGGAA TCTGGTTTTG TNACTTGGCA 100

配列番号： 3792

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04429

配列：

GATCTATTTG ATAATTTTNT GGGTTTTTTG AAGAATTAAT GAGCATGTAC ATAGAAATAG 60
TGACTGCTTG ANTACTGTAT TTNCTTGCAC TCTTTCAGTA 100

配列番号： 3793

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04430

配列：

GATCGGCACA AGATGCTCAG CTAGATGGGC TGGTGTGGTT GGGTCAAGNN CCCAACACCA 60
TGGCTGCCAG CTTCCAGGCT GGACAAAGCA GGGGGCTACT 100

配列番号： 3794

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04431

配列：

GATCTGAAGT GTGAGTAGAA TGTATTCAGC TGTTTAACAT GTAGTTTAGA TATTCAAAAG 60
TATGCATGTA GAGTTTAAAG AATATGTAA AANTNATTA 100

【0782】

【配列表692】

配列番号: 3795

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04432

配列:

GATCTGGHAC TCCTTGTAGT AAGCTGTTTT CTGCTCAGCC ACTGGGCTCT TTCACITTTT 60
TAGTTCCTAA AAATTTATTT TTAAGTTCIA AAATAAAATA 100

配列番号: 3796

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04433

配列:

GATCGCAAAT CACAGCTCAG ACAGCCAGCT CTAAAGTGAG ACCTGAGTGC CAGAGAGGGG 60
TGGATACAAG GCCAACAGTT ACTAAATGAA TGAAAATTGT 100

配列番号: 3797

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04434

配列:

GATCTAGCCA TAAACTAGT AATCTTGAAT TCCTCTTGAG CTGGATGGTG ATTAGCCATT 60
GTGAAAACAG ATTATATGGA AATTGTGCAT ATTGCTAAAT 100

配列番号: 3798

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04435

配列:

GATCTTTAGC TGCCTTTGTA TCAACTTCTN TGGAGCTTAT GTGATTTTCC AGAAAATATC 60
CAAGGCATAG TTTTGTCCCT AAGTCCCATG AATATGTAAT 100

配列番号: 3799

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04436

配列:

GATCCATCAA AAGGTTCTTT TTTNATAATC CCTTTTGAAG ATAATAATCA AAGGAAGAGA 60
TGTGGTGTIT GGTGATGTGG AAAACTCAAT GTATAATTAA 100

配列番号: 3800

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04437

配列:

GATCCNAAAG CACACCAGGA AGATGCTAAA GATGCTTATA CTTTTCTCA AGAATTGAAA 60
GAAAAACCCA AAGAAGAGCC AGGAATACCA GCAATTCTGA 100

【0783】

【配列表693】

配列番号: 3801

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04439

配列:

GATCAGAGAA GTTTATGCTC ACTGTCTGAT GCAAATGTCT GGTCTATTTG TNAGTAAATA 60
ACAGGGAAAT CATTNNACT TTTTGTAAA AATAAGGTAT 100

配列番号: 3802

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04440

配列:

GATCTGACCC ACCAGTTTGT ACATCACGTC CTGCATGTCC CACACCATT TTTTCATGACC 60
TTGTAATATA CTGGTCTCTG TGCTATAGTG GAATCTTTGG 100

配列番号: 3803

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04441

配列:

GATCGGGACC TGACCTGGGG CTGGCCTCAG GCCCACGTGC ACGTAACTGC CCTCTGTGGA 60
AGCCAGCTTA AACCTAGCC CTNTNAGAGC TTCCTGTGCC 100

配列番号: 3804

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04442

配列:

GATCTAGGGG GAAAGAGGAG CATTTCATCAC AAGTTTCCTA GAGAGAGGAG ACAAATCGGT 60
GTGCCATTGA CAACATGAGC CAGGGTAAAG GCACCCTTNN 100

配列番号: 3805

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04443

配列:

GATCTATGAC TCATTTGACA GAGAAGCCAA GGAAAAAAG CTTGCTTGGC CCATTAAGTC 60
AAATCCACCA AATACTTTTG TCTAAGTTCT CATTCTTTCA 100

【0784】

【配列表694】

配列番号: 3806
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04445
 配列:
 GATCTGTGTC TTGAAGCAGC TGCCCTCATT CCGACTTCAG AAAATCGAAG CAGCTGGCTC 60
 CTCCCCTTGT TCTCTCTCCC ACCCTCCCCC AAATCTGTTT 100

配列番号: 3807
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04446
 配列:
 GATCAAAATA AAAATGTACA TGACGGGGAA GGGAAAAACC TGTGGAGTT GCTTCCAGCC 60
 AGCCACGCTC CGGGCCAGCA TGTGGAATC CAGCGTGGAG 100

配列番号: 3808
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04447
 配列:
 GATCTCTCTC TCNTTTTACC CCCCTTAGGC TGAGGGTAAA AAGCTGGGAT TGGTAGGCTG 60
 GGTCCAGAAC ACTGACCGGG GCACAGTGCA AGGACAATTG 100

配列番号: 3809
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04448
 配列:
 GATCGGCCAA GTATGCTNIT NTTTAGAGCA ATGTTTTGCC CTAGAGANTT GTAAAATTTA 60
 TGTNATGACT CAGTACATAT GTGTTGCTAC ATATATGATN 100

配列番号: 3810
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04449
 配列:
 GATCTGTGTG ACCTCACCTG CATTGTATTG AAAAAAGTAT GCGCGTAATT GTACCCACCC 60
 AGTTCAAACC CGTGTGTAAG GGTCAACTGT AAAAAAAGT 100

配列番号: 3811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04450
 配列:
 CATCAGTATT TAANATTATA CCAGTTTTNA ITAAACCCCTT TCCCTCCCCG ATAAAGAATG 60
 TTCTATTTCT GCCTCCCTT AAAGGGGAGA CCTCAGAAGT 100

【0785】

【配列表 695】

配列番号： 3812

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04452

配列：

GATCCCCCTT CACCTTTTGC CATGGTCATA AGCTTCCTGA GGCCTCCCTG GAAGCTGAGC 60
AGATGCCAGC ACCATGCTTC CTGTACATCC TGCAGAACCA 100

配列番号： 3813

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04453

配列：

GATCCNCCAT GGTGGACACG TCTGTNCTGT ATGTAAAAGG CATTACAAAT GTTTTTTAGC 60
AGATGAGACT TGAAGCCTTT CCACAGTCCT TGTNCTCTGA 100

配列番号： 3814

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04454

配列：

GATCCCTACC CCTCANCAAC TAGCTCCCCT GTCGGCCAGC TAAGAGAGCT GGGACANTGG 60
AGGCTGGCAG AAGCTGAGAC GTGACTGTCT AGGAGTAACA 100

配列番号： 3815

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04455

配列：

GATCTGAAAA AGCAACCCAT TTCCTAAATT CATATTTTNC CTAAAACTTT ACTATGTTTT 60
NATTTTAAGA GGTTCCTGT TATATACACT TTTNACACAT 100

配列番号： 3816

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04456

配列：

GATCTGTTTA GAAAATACCT TTGAAAACGA GGGTAACTTT AAAAAATGGA AACTTTCAAA 60
TCCATTTATA TTTNNTTAT AANCAAACT TAATTAAGA 100

【0786】

【配列表696】

配列番号: 3817

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04457

配列:

GATCACTGAG CTGCCCNTCA AGGGGACCTG GANNCCGGGT CCTGGGGTCA TGCTGCCTCC 60
NAGGCTCCAA GGTGAGGGTC ATCTTCACGA GCAAAGAGAA 100

配列番号: 3818

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04460

配列:

GATCCAGGGC TTTCCAGGGC TCTCCTCATT GAGTTCAGAG TCACATATCA GAGGNTTAAA 60
TCCAAAAGAA ATATGCACAC CCTCTCTCCT CCTCCCAGTA 100

配列番号: 3819

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04461

配列:

GATCCCAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGCGTG AGAATCACTT GAACCCAGTA GATGGAGGCC 60
GCAGTGAGCT GAGATTGTGC CATTATACTC CAGCCTGGNC 100

配列番号: 3820

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04462

配列:

GATCTCTGTG CTGTAACTA AAACAAATTG TGCATTCTTT CCGGGGCCAT CGTCTTTGTT 60
TTCTTTTTTG TCTTGAATGA ATTTTAAAG GAAATATATA 100

配列番号: 3821

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04463

配列:

GATCTGGGGG CCCCCCAGC TGGCGGGAAC CCCAAATGGA CACAACTGT ACATTGCCA 60
ATGGGTTTTT TTCAGACCAT GGTTTTTACT TGCAATAAA 100

配列番号: 3822

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04464

配列:

GATCTAAAH NATACTNTGT TCCCTCATAT GCATGCCCTT CCTTTCTATA TCCTTGACAC 60
CTTACTTTCC CATTGTAACA ATAAAAAAG TATCAATAAA 100

【0787】

【配列表697】

配列番号：3823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04465
 配列：
 GATCCTGCAG TGATGGAATG TTCTGTCTTG ATTGTAGCAA CACCAATATN CTGATTGTNA 60
 TATTATACTA TAGTTTGCA TAACAGTTAC CATTAAAGGA 100

配列番号：3824
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04466
 配列：
 GATCTCTTAG CAAATAGGAA TCTAGGTGTA GAATTTATAC ACATATATAT TTTTAAAAGT 60
 ATAAAAATGA GAAAGTATGT ACAAAAAATC ATCTAAATC 100

配列番号：3825
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04467
 配列：
 GATCTGGGAG CCAGCAGCTG GATGCTGTGG CTGGCCAGAN ACACCTCCAG GCTGTGGCCT 60
 GGGGGCTGGG GGGAGCCCCA GGCTGAAAAG GGTCCAATTA 100

配列番号：3826
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04468
 配列：
 GATCACATTC CAGCCCTCGC TGCTGGGGTG CACACCCCTT CCTTAGHTGA TGTGCTTGGG 60
 AAACCTCCCTC CCCCTCCTC CCAAGAGAGA AATAAANCA 100

配列番号：3827
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04469
 配列：
 GATCCTGACC TCCTCCAAGG AAGAAATCCA GAAAGCCTTA AGACTAAGAC AACTTGACTC 60
 TGCTGATICT TTTTTCCTTT TTTTTTTTNN AAAAAAATAA 100

配列番号：3828
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04470
 配列：
 GATCAGAACT CCAAAACCAC TCCACCCCT GAAGGTCGGG AGGGTCTGAG CAGCCCTGGT 60
 GGCTNCTTGT GCTCAGGTCC TCAGCTCCAT GGGAAATAAA 100

【0788】

【配列表698】

配列番号：3829

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04471

配列：

GATCAACATA TTTAGCTTAT ACAGAAATAA AATTAAGTCA ATCCACTCAC AAAGAATTTC 60
TATTTTGTAA AAATGTAGCT TGTATTTTCA TATAATAAAA 100

配列番号：3830

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04472

配列：

GATCANAGCT NTCCCAAAGA GGGAAAGCGG TGAGGTTTNA GGAGGGGCGAG AAGCAGGGCC 60
GGCAAAGNTT GTACCTNCAT AAGGTGGTAT GGGGGGTTGG 100

配列番号：3831

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04473

配列：

GATCGAAAGA CTCAGGGAGA GCGGTCCTNA CCACCTGGAA GTAAGTCCCA CCTGGACCTT 60
ATNAAACTA CTCACTCCAC CTGGGCCCTT GCTGAAGCCN 100

配列番号：3832

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04474

配列：

GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCACC CAAGCTTGGC ANACTAANTN TTGTATCCTG 60
GGGCTCCCTT CATCTCCAGG GAGACCAAAC CCCGGCCCTA 100

配列番号：3833

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04476

配列：

GATCAAGACT AACAAATAAC TTTGTGATGA AAATNCTTCA AAAATATAGC TACTCTTTTC 60
AAGTATACCA TTAAAAATAT TTCATCAGGC AGAGCCCTGA 100

【0789】

【配列表699】

配列番号: 3834
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04478
 配列:
 GATCAAGAAN ANTNAGGACA ACGAGAAAGT TAAAAAGTTC GAAAGCAGCA AGATNCCTTT 60
 CCCCCCTGGT CAATCNCCTGA CACAAGAGAA GGCAGAGACC 100

配列番号: 3835
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04482
 配列:
 GATCTTCAAG CAAGGGAAAT GATTCTTAA AGGATTATCT GAAATTGAAA AACTAGTAAG 60
 CAAATAAATG ATAAACATAA GTAAATTTAA NCTGTTGTTT 100

配列番号: 3836
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04483
 配列:
 GATCTCCCCA AACTAAAAAG TACAGTACTT GGAATTGTGT TCTTTATGGT TGTAGTGTG 60
 GTAAAGCACT AATATGCAGA AAATAAAGGA ATTACACAGT 100

配列番号: 3837
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04484
 配列:
 GATCCNAAGC AGTGAACATG CTGTTAATAC TTGTAAGACT CCTAGCAAAC TGCATTTAAT 60
 TTTTAAAT AGTTTTAGTG TACATAAAGG CATGTNTT 100

配列番号: 3838
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04485
 配列:
 GATCCATGGG ATTNATAATT GAAATAGAGA TTGGAGACCC TCCTATTTCAN TTCATAAGCA 60
 ATNGCACCA AGGTCANATG CAGTTATCTN AACTCCAGGA 100

配列番号: 3839
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04486
 配列:
 GATCTTGCTA AATTATTAGT TCTAGTAGCT TTTTGTAGA TTCATTAGGA TTTNTACAT 60
 ACACAATCAT GCTATTTGCA AATAAATAA TGCTTTTATC 100

【0790】

【配列表700】

配列番号： 3840

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04487

配列：

GATCGAGTCC AAGGNAGACT ATGTCCTCTN CTACCAACGN CAGGNCGTGG CGCGACGCCT 60
GCTGTCCCCG GCCGGCTCAT CTGGCGCCCC AGCCTCCCCT 100

配列番号： 3841

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04488

配列：

GATCAGCACT GTGGTGAGCT CCAAGGAAGT GAATAAGTTT CANATGGCTT ATTCAAACCT 60
CCTTAGAGCT AACATGGNTG GGCTGAAGAA GAGAGACAAN 100

配列番号： 3842

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04489

配列：

GATCCCAAAC CTNAGCTCAA TCAGTATTGC CAGANAGGGG TAAGACTGGT TGGAAGCTGA 60
CTGCAGACTT NNTTCCCCT TAGTATGTNC TGTGTTGTAA 100

配列番号： 3843

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04491

配列：

GATCACTAAG CAAAGCTGCT AGTGGGATTC TATATTTTCGT GTCATCTTTT TTATNATAAT 60
NTATTGCAAA TATTTTTCG AATAAATATA TGTGTGTGA 100

配列番号： 3844

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04492

配列：

GATCCTGCCA CCAGGGTTNT TTTGAAATAG TACCACATGT AAAAGGGAAT TTGGNTTTNA 60
HTTCATCTAA TCACTGANTT GTCAGGCTTT GATTGATAAT 100

【0791】

【配列表701】

配列番号: 3845
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04493
 配列:
 GATCTTGTC AATCGGAAAC CCCCCTTACC TCCTCTTTT CTTTCTCTT CTTTTTTTT 60
 TTTAACTNAA ANATTTTAT GATGATTAAG ANGGAAGTNC 100

配列番号: 3846
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04494
 配列:
 GATCCCAAAC ACTCNATCCT GTAAGNCGGG TACAGTCCTA TTGINTGTTN NCACACTGAT 60
 GATGTGAGCC TGTGAGATGA GCCAATCACC AGTTGTTATG 100

配列番号: 3847
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04495
 配列:
 GATCTCATGT ACTGAAAAA AATTCTTAAT TTTATTGGAG TTTATACCAC TGTGAAACTG 60
 CAATATGACT GTAAGAGAGT AAAAAGATTG THACATCTAA 100

配列番号: 3848
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04496
 配列:
 GATCTGGGAG TCTGAAATGG TAGCNTTTTG TCCCTGTCTT CACACTATCA TAGGGAGAAT 60
 CAAAAGANCT AACAAATATA ANCATGCTTT GTGAATHNCC 100

配列番号: 3849
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04497
 配列:
 GATCTNTTTT NTNTCTATTT TTTGAGGTAC ATGCTACATA CATTITNTNT GTAAACAACT 60
 ATTTAGCATA TTGAATAAAA TAACATTTTA AAAATAGAAA 100

配列番号: 3850
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04498
 配列:
 GATCCACGG CNAACACTCA CCACNCGCTA CCATACGCCN TCCCAGAGCT AGGGGCTGCC 60
 TTAAAGGAAA TTGTAGCCTA AGTAGTCAT GGCAAGX 97

【0792】

【配列表 702】

配列番号： 3851

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04499

配列：

GATCAGCCAC ATCAACTCAG TTGTCCACCA CAGGGGAATT TTNAATGTCT TTTGTTTTTG 60
TNTTGTITTTG AAAAATAATA AACAGGCAAC TGTAAG 96

配列番号： 3852

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04500

配列：

GATCTATTTG GCCTCTCAAA TGAAGTGAGA TTCCTGTAA AAAAGATTGA TGTATTGTC 60
TCTTGTAGAG GAAACTAATA AAGCTGCAGG NGAAA 95

配列番号： 3853

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04501

配列：

GATCTATCAT AATTGCTTTT CTGATGCATT TAAAAATAAA TGGAACTT AAATGTATAT 60
TACCGATGCA AACTGTGGAT AAAGTTGAAA GAAA 94

配列番号： 3854

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04502

配列：

GATCAGGCGC CTGGCCGCGG TAACAGACTT TTACATGGAA TTGTTTAATT ATTTGTACTT 60
TTCATGCCAG AAAATAAAG TTCAGAATCT TAAA 94

配列番号： 3855

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04503

配列：

GATCACTACG ATTAACGACG GTCGTAATGT TAAGACGTCG TCTCCATGAN CTTTGGGGGG 60
ACTTTAATNT GGAATAAAGA AACTATCACT NAAA 94

【0793】

【配列表703】

配列番号: 3856
 配列の長さ: 93
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04504
 配列:
 GATCCAGATN AAGTGCTGAA GAAAAGAAAA AAGAAGTGA GAAGAGTATG NTTATNCTTC 60
 TCCTTATTAA AGAAATTTNC TCAAAACAGC AAA 93

配列番号: 3857
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04506
 配列:
 GATCTATCCA GTGACGTGGC CTGGTGGGCG TTTCTCCTTG TACTTATGTG GTTTTTTGGC 60
 TTTNAATACA GACATTTTCC TCCAGAAA 88

配列番号: 3858
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04507
 配列:
 GATCCCAAAA TATGGTAAAG TGAACCCATC TGTCTGCATT TTCTACTCTG AGCCCATTTG 60
 TTAATAAACA CTTATTTTAA TATAAA 86

配列番号: 3859
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04509
 配列:
 GATCCGGGCC CCAGGCTGCT GCCGCTTTT ATAACITTAT ATTATTTTNN TTTTAAGAAA 60
 AAAAGCTCTT TAAAATACCT CAAA 84

配列番号: 3860
 配列の長さ: 82
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04510
 配列:
 GATCTGAGGA GCAAACCTCC GTGGCACACA TTTACCTGCA TAACAAACCT GCACATCCTG 60
 CATGTGTACC CCAGAACTTA AA 82

配列番号: 3861
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04511
 配列:
 GATCCAGGAG GCTCAAAGAG AAGCCAAGTC AGCTTTGTTG TGATTTGATT TTTTTTAAAA 60
 AACTCTTGTA CAAAACCTGAA A 81

【0794】

【配列表 704】

配列番号： 3862

配列の長さ： 81

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04512

配列：

GATCGCTACT GTTATGTGGG ATTATTATTT CTAAATNTTA CTCATTGAAA TAAGCATACA 60
ATAANANGCA TTTATTGCAA A 81

配列番号： 3863

配列の長さ： 80

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04513

配列：

GATCAAAACA AGACCCAGCT TATTTTCTGC TTGCTGGTAA ATTAAGCAAA CATGCTATAA 60
TAAAAACAAA ATGAAGGAAA 80

配列番号： 3864

配列の長さ： 78

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04514

配列：

GATCTGGTTG AAAATTGTAT TTCTATGTAA ACTCAACGAT ATGTTTGTT TNCCTGAAAA 60
TAAATGATT TAAATAAA 78

配列番号： 3865

配列の長さ： 75

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04515

配列：

GATCCTCACA CCTCAGCGTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG TTGTGAGCCA CTGTGCCTGG 60
CCTTTTTTTT TTTT 75

配列番号： 3866

配列の長さ： 74

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04516

配列：

GATCAGAAAT CTGAGGTTCA ATGAGGCCAG AATAACTCAG CTTCAAAATG AATAAATGTG 60
GAAGCCAGCA CAAA 74

【0795】

【配列表705】

配列番号: 3867
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04517
 配列:
 GATCTCCCT TGGACTGATA CCCTTTTCCC ATTCAATCAC AAATAAATTA CAATGGGTGC 60
 TGAGAACTTA AA 72

配列番号: 3868
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04518
 配列:
 GATCTGTGC ATGGTTTTAT AACCTTTNTN TTTTGTAAA CTGAATGTT CAAAATTAAC 60
 ATGCTGTTTA CTCTGAAA 73

配列番号: 3869
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04519
 配列:
 GATCAGGAAG AACTAAACAA AACCCACACT CAAAAACTA ACAAAGAATA AATAAATAAT 60
 ATAAAAATAA A 71

配列番号: 3870
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04520
 配列:
 GATCTCAGAA CAGANTTAAA ATATTGTGAA AATTACAGCT TAATAAATGT TTATTGTAAT 60
 TTTTGTGAA A 71

配列番号: 3871
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04521
 配列:
 GATCTAGGAC TTGCCTTATT TTATCATTTT TCITTAATAA TCTCCAATAA ACTTCTTTA 60
 TTCATTAAA 69

配列番号: 3872
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04522
 配列:
 GATCACCCT AAAGAACTTA CTCATATAAC CAAATACCAC CTGTNCTCCC AAAAACCTAT 60
 GGAAATAAA 69

【0796】

【配列表706】

配列番号： 3873

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04523

配列：

GATCAGTATG CTGTTTAAAT AATTATGTGC CATTTTAATA AAATGAAAGG GTCAACGGCC 60
CNNTTTAAA 69

配列番号： 3874

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04525

配列：

GATCTACACT GATGATTAAA TCAAATTGGC TAAGATTATT CGTTCTAATA AAAGCACTGA 60
CTCCAAA 67

配列番号： 3875

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04527

配列：

GATCTCTTCC TGTITTGTAC ATAGATTAT TTTTCAGTTC CAAGAAAGAT GAATACATT 60
TGTNAAA 67

配列番号： 3876

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04528

配列：

GATCTAGCAT ATGTATCTTT TTTAAAGGTA TTGTTAATAA ATATNCTGTC ATTTGTAAAG 60
ATANAAA 67

配列番号： 3877

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04529

配列：

GATCCATCTT CAAATCAAGG GCTCCCTGGC TACCAAATNC TGTCTAGTAA AAATNATTGG 60
AGCAAA 66

【0797】

【配列表 707】

配列番号: 3878

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04530

配列:

GATCTATTCA ATGTACAAA TATTTTGAAG GTTCTGTGA TTAATGTNC TTGAAAACA 60
TAAA 64

配列番号: 3879

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04531

配列:

GATCTGTAT NAACACCTTT GTTGGCTTG TTCAGTAATA AATATGTAG ACTTTTCATT 60
TAAA 64

配列番号: 3880

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04532

配列:

GATCTGTGA AGCTCTGAAT GAACTTCTT ACTCAATAA ATTAATTTT TGGCTTCTTA 60
AA 62

配列番号: 3881

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04533

配列:

GATCCAAGAT ACGTCANITC TGTATTGGCA AAATGCCACT ATTAAGTGT AATNCTTGAA 60
A 61

配列番号: 3882

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04534

配列:

GATCTCAAGT GCTTAATGAT AAGGTGTGA CTGTGTAAT TAAACCATTT GGAATACAAA 60

配列番号: 3883

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04535

配列:

GATCAAATGC CCTAAAATGT AGTGACCCGT GAAAAGGACA AATAAGCAA TGAATACAAA 60

【0798】

【配列表708】

配列番号：3884
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04536
 配列：
 GATCTGAGAC TTTGAGTCTC CAGAACTGTG AGAAAATAAA TTTCTGTTTC TTAAGCCAAA 60

配列番号：3885
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04537
 配列：
 GATCTTTCCT GTCTTCCCA AGTTTGCATT TCCGACATTA AAGTTTACTT TTNAGTTAAA 60

配列番号：3886
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04538
 配列：
 GATCAATCAG GGAGAAAATA CAGAAGAGAA TAAAAAGAGA CTCATTTCAGT GGAAGCCAAA 59

配列番号：3887
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04539
 配列：
 GATCTGAATT AAGCTGTCTG CCATTTCGAG AAATTTAAAT ACTATTTTAA ACACACAAA 59

配列番号：3888
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04541
 配列：
 GATCCACCCA GGCCTTTCNG TGAAATAAAA GCTCCCAAGT TGGGTACAAA CCAGGAAA 58

配列番号：3889
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04542
 配列：
 GATCCCAGTC TGAAGGATTA TTGTGAAGAA TAAATGAGAG AATGTGTAAA TGGCAAA 57

【0799】

【配列表 709】

配列番号: 3890

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04543

配列:

GATCTGTGTA TTTGATTTTG TACTTTAAAT GTGACAAATA AACCTTTTGG GAGAAA 56

配列番号: 3891

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04544

配列:

GATCGCGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAGCGAGACT CTGTCTCAAN AAGAAA 56

配列番号: 3892

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04546

配列:

GATCTAATTC TGAAAACATT GTAATAAAAT AATNAGCTAT AATGGTATTT TCAAA 55

配列番号: 3893

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04547

配列:

GATCTCGAGC GTTTATCTCG GCCTTTAATT TGCTAAAGCT NTGCACATAT GTAAA 55

配列番号: 3894

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04548

配列:

GATCTGCCAT GCACTCCAGC CTAGGCAACA AGAGTGAAC CTGTCTCAAA ATAAAATAAA 60
ATAAAAATAAT AATAGTAATA ATAAA 85

配列番号: 3895

配列の長さ: 53

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04549

配列:

GATCATGCCA TTGAACTCCG GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCTGTATC AAA 53

【0800】

【配列表 710】

配列番号： 3896
 配列の長さ： 53
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04551
 配列：
 GATCACACCA TTGCACTCCA CCTTGGGCAA CAAAAGCAAN ACTCTGTCTC AAA 53

配列番号： 3897
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04552
 配列：
 GATCAAAGGT CATTGTGTA GATGAGTAAT TAAAAATAT-TTAAATCACA AA 52

配列番号： 3898
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04556
 配列：
 GATCAAATAG AAACAGGGTT TGCAAGTNTC CATACAGATG CCTCTACCAA A 51

配列番号： 3899
 配列の長さ： 50
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04557
 配列：
 GATCCTATGT AAAATATATA TTTATGTATT AAAAATACTG AAAACATAAA 50

配列番号： 3900
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04597
 配列：
 GATCCTATTT TATAAGGAAT CTTTTTTATA CGAATGTACT TATTCITTTA GATATCAGTT 60
 CTTGAATGTA TACTCCTTAT GATATACAGC AAGAGATTCT 100

配列番号： 3901
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04598
 配列：
 GATCTATGGT ACAGTTCATT GGCAGAGAAT CCAAGTACTG TGGACTTTGT GATTCCATAA 60
 TAACCATCTA TCGGAAGAG GGCATTCTAG GATTTTCCGC 100

【0801】

【配列表 7 1 1】

配列番号： 3902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04599

配列：

GATCCAAATN ACCATCATCT CTGATGGAGA TGGGTGGGT ACCTGGCCTT CATGGCACCT 60
TCACTGCTAG GGATGCTCAA GGGGCAGGCC TGGGGCCTTC 100

配列番号： 3903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04600

配列：

GATCCACCTG CCTCGGACTC CCACAGTGCT GGGATTACAG GTGTTAGCCA CCACCCCGAC 60
ATTATTTGAA ACTTTTATTT TATCATGAGA GAGTTCCAGG 100

配列番号： 3904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04601

配列：

GATCCCAACA ATGGAACCTT CTTTCTCTGC TGTCAACAAA GGACTAAAAA ACTTCTGTGT 60
GATTTGATAC AGACAATTTA GAAACTTTT GTTCAAAGT 100

配列番号： 3905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04602

配列：

GATCTTGTC AAAAAATCTA ATTTATATCA AATTTATGAG AGAAAGTATT TTCCTAATNA 60
TGGTCAAATA AATTTGGTTA ACATCCTAGT GATTCTCTTT 100

配列番号： 3906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04603

配列：

GATCTNAAGC TTNCTNCTTG GACACCCCAT ACCCANAGTC CTCCAGGCCA CCCTTAAGTA 60
CAATGTTCTC CTACCTAAGA AGGCATCTGG ATTTTNTCTT 100

配列番号： 3907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04604

配列：

GATCTCACCA CTGCACTCTA GCCTGGACGA CAGAGGGAGA CTGTCTCCAA AAAAAAACAA 60
AGAAAGAAAG AAAAAACTGT AAAAAAAT TTNCTGCAAT 100

【0802】

【配列表 7 1 2】

配列番号： 3908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04605

配列：

GATCTTAAGG TAATTACAAA AGGGAAATTC CAAGAATGCA TAACACAATG ACAACATGGT 60
GAGAAAAGTG CAGTACTACT TCCAAGGTAG CTAGTGTAAG 100

配列番号： 3909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04606

配列：

GATCTATTTT TCAGTAATGA GTGTGTNCTC ATGCCTGTTT CAATATTGGG TTTTGGAGCA 60
TTATTGTACC AGGCTGTTGA TTGCATACTG TAGAAGATTT 100

配列番号： 3910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04607

配列：

GATCTGAAGC CAGAAGGGCT GAGTGTATTG TNAACTTATT CTTGCATGTN GCTGTCTGGG 60
AATGGACCAC ACTACAGCAG GTAGTNCTGG GGGCGATACT 100

配列番号： 3911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04608

配列：

GATCTGTTCA CAAGCTGGTG TTCAGGAACC AATGTGTGAC TGGTCCATGC CCACTTCTGA 60
TTATATGGAC TCAGAGACAA TGTACATGGG AGTGCTTTGC 100

配列番号： 3912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04609

配列：

GATCAAGGTG AAGCTCACAG TGTGAGGCTT TCTGGGAGAG CTCACCTCCA GTGAAGTCGC 60
CACTGAGGTC CCATTCCGCC TCATGCACCC TCAGCCTGAG 100

【0803】

【配列表 713】

配列番号: 3913
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04610
 配列:
 GATCAAAGTA GCTTACTATA TCTAAACTGT AAAACAATAT AGTTTCTCCT GAACACCTGC 60
 TTTCCTTCTG GGAGTCTGGA ATTTTGGTAT GTGCCAGGCA 100

配列番号: 3914
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04611
 配列:
 GATCGCAAGT GACTGCTTCC GCTTCCAGGA CTGGGCCAGC TAGTGGGGGT GGCAGAGGTC 60
 TCTTTGCTTC ATTCAAGCCCT AGCTCTGTAG AGAAATGCAA 100

配列番号: 3915
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04612
 配列:
 GATCACTTGA GGCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGAGAA TGCATCTCTA 60
 CAAAAAATAA AAAAAATTAG CTAGGCATAG TACCTGAGGC 100

配列番号: 3916
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04613
 配列:
 GATCTAAAGG GGACACTGTA CTCAAGCTTT TACCTCATG CCTTGTGTAG TAAAAAAGGA 60
 TTTCGGGGTT TTGTTTGGTT CCTCAGAGGC TTGTGTTTTG 100

配列番号: 3917
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04614
 配列:
 GATCIGATGG GCTCTAACAG TGCTTACTTG CAGCCTTGTG TCCACCACCA ACTTCTCATC 60
 ATGTTTCTCT CCGTTGGCCG TTGGGTTTCC AACTCTTCAA 100

配列番号: 3918
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04615
 配列:
 GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
 TAACGTAATC TACCATTTC TACACTATT GAGCATGGAA 100

【0804】

【配列表 714】

配列番号： 3919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04616

配列：

GATCTACAAA TGTACGTTGT TACAGGGCTG CTCCTAAAG ATTTTTTTTA CCTCAGGTTT 60
CTCTTAATAT AGTTCTCCAG TCACTGACCT TGAATTGACT 100

配列番号： 3920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04617

配列：

GATCTCATTC TTNTTATGGC TGCATAGTAT TCCATGGTGT CTATGTACCA CATTTNCTTN 60
ATCCGGTCCA CCACTGGTGG CATTTAGGTT GATTCATGTC 100

配列番号： 3921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04618

配列：

GATCTTCTTG TAAGCACATC CAGAGTGAGA CTTTTCTATG TTTGAAAGAA GAATGTGTGT 60
ACATTTCAAG AATTTGGGTT TTTTGGAGGG AGGAGGAACT 100

配列番号： 3922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04619

配列：

GATCCATAGG AGGGTAAAAT GTCCGTTTTT TCATTAAAA CTTCTCAGCT CAAATTTATA 60
CTAAAGCATA TCCAGGAATT AAAAAAAG GTTTTGATGA 100

配列番号： 3923

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04620

配列：

GATCCCAAAT ACTGCCATTG TGTGTCTAC TTATGAGTTA ATTGTGTACC TGTTAGAAGA 60
CCGTACTCAG TAACAGGCCG GAAAATTGTG CTCTAGAAGA 100

【0805】

【配列表 715】

配列番号: 3924
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04621
 配列:
 GATCTAGAAT CTNTNCTNGG NTAAGCATAT AGGATGCCAC TTCTTGCTAC CTCCACAGCA 60
 ATACATCACC TGGACAGCTT GCCACTCTTT GTTGCCTTGA 100

配列番号: 3925
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04623
 配列:
 GATCAGTGTA CTGTTACCCG GACATACCTA TTCCTTCACA AGTTCTGGTT CTTCAGTGCT 60
 GCTTACTATT TTGGTAACTG GGCCTTCTT GGGGTATTTT 100

配列番号: 3926
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04624
 配列:
 GATCTGGTGC CCCTCTTCTC CTGGATTAC ATCCCCACCC AGGGCCCGCT TTTACTAAGT 60
 GTTTCGCCCT AGATTGGTTC AAGGAGGTCA TCCAAC TGAC 100

配列番号: 3927
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04625
 配列:
 GATCAAGATA TAGAGCATCT CCATTATATA AGTTCCTTCA TGCTCCTTCC CAGCCAGCAA 60
 TTCTNCTTAC TGTCTGCTG ACTCCTGTTT TCACCTTCAT 100

配列番号: 3928
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04626
 配列:
 GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGAC AAAAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGNGGC 60
 TATGTGATTT CATAATACAA AAAAAAGAA AAAAAATTAA 100

配列番号: 3929
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04627
 配列:
 GATCTCTATA AGTTATTAAT TTAACCTGAA ACCAAAGTGG TCTCCATTTA AAGTTACTTA 60
 ATCCCTTTGT ACCACCTATT TCTAGTTAAA TATATGTNGC 100

【0806】

【配列表 7 1 6】

配列番号： 3930

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04628

配列：

GATCCAACT GTGTTGTTCT TAAATCAAAA ATTGGATAAT TTTTAATATT TATGTATTAA 60
TCACACAGTG TGCTCTCTGA AGTTCTCTTA AGCCTTCAGT 100

配列番号： 3931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04629

配列：

GATCTGCCGG AGTCTTGAAA TTCAGCTGAT TGGAAGTGGT TTCTTTGACT TTCAAGGTCA 60
TTCCCTATCA GTTACTACTA AGAGTTCTCT TACTGTCAGA 100

配列番号： 3932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04630

配列：

GATCAAAGAC CAAAACATTT TCTTAAATAT ATTTTATGTA ATATTTTATT TGTATACAGT 60
GTTGTTGATG AAATATTTAA CTAGAGCATG ATATTTTAAA 100

配列番号： 3933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04631

配列：

GATCTAATTA AGCTAAATTT TGGTGCACAG CAGGTTGTAC ATGATTTTCAT GTTTATGTAG 60
CAAAATGCAT TGAAATGTAT TAGTGTTGAA ACATACATGT 100

配列番号： 3934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04632

配列：

GATCTGGCCC GAGCTCTCCT CAGACCTCCC CAGACCTGTC TTCTCATCAG CCACCGCTGT 60
TTTCTTTTGC CGAACGATGG TTGCATCTCT CGGACACAGT 100

【0807】

【配列表717】

配列番号: 3935
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04633
 配列:
 GATCAAATAC CGAAATTGAA CTTTCTAAAA CCTACACATA GCATGCGTTT AAATTCTATT 60
 ATATAAAGCC CCAAGTGCTT TACCTTCTAA AACATGCTTC 100

配列番号: 3936
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04634
 配列:
 GATCTGAGCA AAATGTGAAC TCAGTATGTT TACTATGCT CTTACTTGAA AACTTTTTTT 60
 CAAAAAAGC ACAAATTAAA GTAGTAAATT CATATCCATA 100

配列番号: 3937
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04635
 配列:
 GATCTACTCA GATGTCATNA TACTCCATAC CTGCTTTTCC CATGGCCGCC CTACGGAAAA 60
 TCCCATCCAC AGAGGCCAGG GCTACCCAAG MCCCTCCAGG 100

配列番号: 3938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04636
 配列:
 GATCAAAGGT TCTTCATTCA AAAAGAAGCA ATATCCTTTT GCCTGATATG GGGTGGGAAG 60
 GGTAGGTGGC GATCATATTT CAAATGAATT AGAAACCACC 100

配列番号: 3939
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04637
 配列:
 GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGAC AAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGAGGC 60
 TGTGTGATTT CATAATACAA AAAAAAGAA AAAAANTTAA 100

配列番号: 3940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04638
 配列:
 GATCCACCTG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGTGCCCGG 60
 CCAACCATT TTTGTTTAA TTTATTCTA CATGGTCGTC 100

【0808】

【配列表 718】

配列番号: 3941

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04639

配列:

GATCACCAGC TCACGTCATG TTGCCTTCTC TTTTCTTTGT GTGTGTGTTT ATTTAAGTNA 60
TTTTTCTTCC TCCTCTCCCT TTTCTTTTTG GCCCTCCCTC 100

配列番号: 3942

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04640

配列:

GATCTAGAGG AAGTACAGCC ACCCACTGAC ATCTGANTTT ATATACCTNT TGAGTTTTGA 60
GTGCACCCAA AACTCGATA AACCAGGTGA AGAAATTTAG 100

配列番号: 3943

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04641

配列:

GATCAAATCT AAAATAAGTA TAATGCATTG TAATTCAGG GATAAATCCT AGACCCTTCT 60
TGGCCTCCTT CTNACATAAT TCTAATCCTA CAGTCTCAGA 100

配列番号: 3944

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04642

配列:

GATCTAATGC ATCCTATATC CAGTAAGTAG AATTATCTCT TCATCTGGGA CCTGGAAATC 60
CTGAAATAAA AAAGGATAAT GCAATAAACA CAGTTGCAGG 100

配列番号: 3945

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04643

配列:

GATCAGCTGC AGCAGGNTGG GTCCCTCTGC ATCTGTCCAT CACTGCGACT GATGGCAATG 60
ACTGAGTATA ACACCTTTCT TCATGGTCAA CTCTACCCAG 100

【0809】

【配列表 719】

配列番号: 3946

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04644

配列:

GATCCTCCCA GCTCTGTCTC CCAAAGTTCT GGGATTACAG GCATGAGCTA CTNTGCACAA 60
GCTAAGAATA TGTGCTTTTA AATCCCATAA GGAAAAAAT 100

配列番号: 3947

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04645

配列:

GATCCTGTTA TGAAAAGCCC TAAAAAATAG GGTATAGAGT TTGGGCATAT TTCAGAGGTA 60
ATAAGAAAGC ATTCTGCATT TTAAAGTAA GGTTTAAAAA 100

配列番号: 3948

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04646

配列:

GATCAAGTAA TTCTTTCAGT AGGTTGGGTT TGGGGAGGGG GGAAAAGAGG GGCTTTTCCT 60
AGGAGAACGA TAAGAAATGG AAAGACTCCT TGAAGTGTG 100

配列番号: 3949

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04647

配列:

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GAGATTAGAG ACGTAAGCCA CCATGCGTGG 60
CCAATAAGAC TGACTTTTAA TTTTCCTTTC TTGTAAGTT 100

配列番号: 3950

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04648

配列:

GATCTCAGTT GGATAGTTGT ACCTCAAAAA AGTAGGTGAG AACTGGCTTC CTCATTGTCC 60
CAGGATGTCA AATACTAATG ACATAAGAGC TCACTTACGT 100

配列番号: 3951

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04649

配列:

GATCAGAAAG GTGAAATGTT TCGAATTTAA AATGTTTAAA GCATGTTTGG TTTTATTATT 60
TTTACATAAT TGTTTACCAC TAGTTTTTCC ACTAGCTTTT 100

【0810】

【配列表 720】

配列番号： 3952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04650

配列：

GATCTGGTGA AGGCCTNCTG GCAGCATCTT CTCAGTAAGA CCTCATGTGG CAGAAGGAAA 60
GGGAGCTATC TGGAATCTCC CTTATAAGGG CCCNNNGCC 100

配列番号： 3953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04651

配列：

GATCCACCCG TCGTCGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGACATG CATGCCCCGGC 60
CAACATATAA TTATTATACA ACCCAGCCAC TGCACCTCTG 100

配列番号： 3954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04652

配列：

GATCCTATCT AAAAAATATGT AGTTATTAAA CATTCTGTGG ATATTGTNA ATAAGGTAGT 60
TNCTATGGTC CGAATATCTG GGCCTGCCCC CCCAAATNAT 100

配列番号： 3955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04653

配列：

GATCTCACAG AAGTTATTCA ATCTCTAGGT TGCTTTAGCA TCTACTTGTG TAGTGAGAAG 60
AGTTATTTAC TTATATTGTG CATGAGGCCG TTTAGATATG 100

配列番号： 3956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04654

配列：

GATCTGGGAT GTGAGTGTAT CAAATCTTAT CAAATCCATT GACAAATCAG TGGTGCTATA 60
CTGGAAATGG CTACTCCTTT GGATGAAGGA CCTCATTTCC 100

【0811】

【配列表721】

配列番号： 3957
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04655
 配列：
 GATCCCAAGA TGACTGGGGT GGGAGGTCCT GCTAGAATGG GAAGGGTCAT AGAAAGGGCC 60
 TTGACATCAG TNCCTTTGTG TGTACTCACT GAAGCCTGCG 100

配列番号： 3958
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04656
 配列：
 GATCCTGAAG GGAAGGGGCA GGGATTTCTC CTCTCTTTG GTCCTGGCTC CCAAGGGCTT 60
 CTGTCTTCAT CTCTGCATGA GCTCTCCTTC CCAGAGACCA 100

配列番号： 3959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04657
 配列：
 GATCACCTGT TCCTACAGTG ACAACTGGAC CTGGCCCGAA CECCTGGCAT CTGGCAACAT 60
 TATTACCTGT CGAAACAGAA GTAGAGATTG GAAATAGAGG 100

配列番号： 3960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04658
 配列：
 GATCTAATTG TGAATCGTT CACCTTGTTA AACATCTAAG TAAGTCTGTA GTCGCTCTGC 60
 AAACAGCCAT TATATTTATT TACTCTAGAA GAAACTGTAG 100

配列番号： 3961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04659
 配列：
 GATCTGAGTC CTAGGNHCGC CCTCATTAC TAGCAGTAAG AATTTAAGTG GTGCATGGCA 60
 CATAGCACTG TACTAGATTG TGCAGGGGCA CAAACATAGA 100

配列番号： 3962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS04660
 配列：
 GATCCACAGC TTGCAGGAGA AAGTCAGTGG CCCCAGACAC ACCTAACAGG GTGAGCACTG 60
 AAATAAGAGC ACGCTGGGGC GTCCACACCA AGGGACTACG 100

【0812】

【配列表 7 2 2】

配列番号： 3963

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04661

配列：

GATCCAATCA CATGGCAAAT GCCTCCTTTC ACAATAGAGC ATGGTGCTGT TTCCTCACTT 60
GANCTGAAAC TTCATAGAAG ACCAGGTGAG ACCACAGAAT 100

配列番号： 3964

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04662

配列：

GATCTTTAAA TTTTGTCTT TAGTTAAGTT CTGTATTTAG TGAATTAATT GCATCCTAAA 60
AAGTCAAAC TGAAAAGCAC ATTTTAAATG GCAAATCTAT 100

配列番号： 3965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04663

配列：

GATCGACATT TAAAAAATGA GGTGAAAGAA AGCTATAGTG GCATAGAAAA AGTATAAAGC 60
TCAGTTAGTT TTTTATTAT TATTATTATT AAAAGTTAAT 100

配列番号： 3966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04664

配列：

GATCTCCCTT TTACAGATAT CAGAAAGCAT GAAAAAATA GAATTGGATT TAATGCTTTG 60
CAGATATTCT GTTTTTTTC CCAATTATT GATTTCACCT 100

配列番号： 3967

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04665

配列：

GATCTTACTG CAAAGGAACT GACAGAAGAA AAAGAAAGTG CTTTGAATT TTTTCCTCT 60
GCCTGACTAG ACAATGATGT TACTAAATGC TTCAAAGCTG 100

【0 8 1 3】

【配列表723】

配列番号：3968

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04666

配列：

GATCCTAAGC CATAGACAGG CTAATTGCCC ACCACTCCCA GGAATATTGA AATAGCTACA 60
TGACCATAAT GTGTTTAAAA TGTGGTATGC TCTTCAGATA 100

配列番号：3969

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04667

配列：

GATCAACTGG CTITTCCTTA TTATGACTTT AGATGAATCG TTTTAATAGA TTTGCTAATG 60
TTAAGACATC TCTGCATTTT TACAAGAATC TGATGTAGTC 100

配列番号：3970

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04668

配列：

GATCGCGTCC AGATGGAAAA CGGAAGCAGA GGCTTCTAAT CGTCGCATTT ACTGGCTCCA 60
GTGCAACACA TCCATCTGAA AACACTCGGA AGTCTGGTGC 100

配列番号：3971

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04669

配列：

GATCTNGTGC CTGGAATAG CCTGAGGTGG CTCAGGAAGC GGAGAAAGGG TGCCAGACCA 60
TTCTCTGCGG GGGACCAGGG CCCAAGGCCC CAGGGCTGCA 100

配列番号：3972

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04670

配列：

GATCAGATGG TTTAAGGCTA CAACACGAGG CCAATATCTG TATGTNAAGG AGACAGAAAC 60
ATCAATGTTT GGAGTATATA TTGACCTTCA TTCTTACTTT 100

配列番号：3973

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04671

配列：

GATCCTGTGA AAGCTGATGC CCATGTGCCC TGAGAGCTGC CTCTCAATCC CTGTCCCAAG 60
CCACAGCTAT GCGTTAATG TCACCAGTGT TCTCACCCTC 100

【0814】

【配列表 724】

配列番号: 3974
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04672

配列:

GATCCCTAGG TCTTGGGAGC TCTTGGAGGT GTCTGTATCA GTGGATTTCC CATCCCCTGT 60
GGGAAATTAG TAGGCTCATT TACTGTTTTA GGTCTAGCCT 100

配列番号: 3975
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04673

配列:

GATCTAGNAA ATGCATATAT TTAGCGGGTA TTTGAAAGAT AGAAGCATT TTTATAACTG 60
AAGAGTATAA CACTTATCTN CTTAAGTAAA TGCTCTCATA 100

配列番号: 3976
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04674

配列:

GATCTCTAAA CTAGCTCTTT TGTTAGTATC GTCTCACAAA CTGATTATTT TCCTCTTTCT 60
TTGGTAAGGT CAATAACTGG GAGATGGACA AACTAGAGAT 100

配列番号: 3977
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04675

配列:

GATCCACACA CTACAGGAAA CAGTTGGCTT TGGAAATCCA TCTTTCTGAT ACCCCTCCAG 60
CTGAACAATT TTCTGCATGG GACTCTGAGT TCCTTTTCCTT 100

配列番号: 3978
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04676

配列:

GATCTGTTTG TAATACAAGG TATTTGGNCT TGTCTTTAAC TGTATAGTGA TTTGTGGGCA 60
GGCTGCAGGA GCCAGGATAA AGAATGCATG TTTGAAATCT 100

【0815】

【配列表 725】

配列番号: 3979
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04677
 配列:
 GATCTAAACT TGATATGTTA AATTTAAATT TAATTTCCCC AAGTGTGAGT ACTATATGTH 60
 ATTGTAGATA ATTTGCAAAC TACAAAAAAT AAAAATAATT 100

配列番号: 3980
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04678
 配列:
 GATCCTCACT CAACGAAAAC TCGNTTGGAA ACIGTTCCGN CTGGCAGTCC TTTTTGTTG 60
 TTTTCCATCT CATTTCCCTT CCATCTGAAA GTGGCATTCA 100

配列番号: 3981
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04679
 配列:
 GATCCAGTGG CTGCAGCTTC AATCCCAGTG CTGNANTCAC ACATCCATTC TGCCCTGGGG 60
 GACCCCTGGAG CCTACTTGTG CGCTTTGCAT TTCATTGATT 100

配列番号: 3982
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04680
 配列:
 GATCTACAAG GCCACACAGA TAATTNCAA TACATCTCAT TTCCTTCTGA TTCAGGCCTC 60
 GGNAGACCCC AAGGGGAAGG AGTTCTCATG GGNCACTATA 100

配列番号: 3983
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04681
 配列:
 GATCTGCCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG CCGTGAGCAT GAGTGCCCG 60
 GCAGAGAAGT CCTACACCAC GTGTCAAAC TCGGAACACAA 100

配列番号: 3984
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04682
 配列:
 GATCCACCGT CGGATTCCGT CTGCAGAGGA GGACGTAGGG GGCCGTCACA CCCACCAGGC 60
 CTCCTGCTG TGCTTTAACA CAGGCAGAAG AGGTTTCATG 100

【0816】

【配列表726】

配列番号：3985

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04683

配列：

GATCTGTTTT AAAGTTGGGG GGTGGGAAAT TTAGCTGACT AGGGACAAAC ATGTAAACCT 60
 ATTTTCCTAT GAAAAAATT TTAAATGTCC CACTTGAATA 100

配列番号：3986

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04684

配列：

GATCCGGAGT CTTTGAGGCC ATTNTTGAAC TACTAATTCA ACTAATCCTG AACCACCATA 60
 TTTTCATATT CATCCATGAA GTGTTAAGTG TTCTTATGAT 100

配列番号：3987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04685

配列：

GATCTTCTAA CTTATAAATG TCAAATATAT TTTTGTATTA GATTGTGCCT ATNATGAGAG 60
 AAATCTTTAA TGTATATTN ATGTATGCTG AACACATTTT 100

配列番号：3988

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04686

配列：

GATCCAACCTT CAAAGTAAAA GTTGGAAAGG GCAAGAGTCT TTAAAGCGGA ACTTCAATTC 60
 TTTTNNCATG GTTACTTATA TATAATGAAT ATAAATAGAC 100

配列番号：3989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04687

配列：

GATCCTGGAG ACGCCATTTT CGAGATTGTT CTGCATATTC ATTTGCACAT TGTTGTCTGG 60
 GTTGGACATG CGTGTGGGCT TCAGTGTGAG GCTTTTAATA 100

【0817】

【配列表 727】

配列番号： 3990
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04688
 配列：
 GATCGACATG AGATACAGAC GAGAGATTAT GTCTCTTATG GCTTTATCAT CAATTAAACT 60
 TAGCAAAGTC TGTAAATTT ATTTTCAGAGT CTCCCAGCTG 100

配列番号： 3991
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04689
 配列：
 GATCGGTCAT GCTGGGGCCA AAAACATGGC AAGAAACGTC CCACTGTCAA CCTCCGGGGC 60
 AAGCGTGTGC ACCTGCAGCT CAGGGCCAGC CCACCACACT 100

配列番号： 3992
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04690
 配列：
 GATCATGGAA AGTTTCAGTG AAAACCATCA TGCTGTCTTC CAGAACCACG TTCTCCTCTG 60
 AGGAGGATGA ATGAAGGTTG GGTTCAGTC ATCATGCCTG 100

配列番号： 3993
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04691
 配列：
 GATCATGCTT TTCCCTACTA AACTTCTGTA ACTGCATGTA TGATACATTA TTGCAGAGGT 60
 AAGAGATAGT TTAATGGATT TTTAAAAACA AATTACTATA 100

配列番号： 3994
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04692
 配列：
 GATCCAAGCC CTGTTCAGA TTTGGTGCCT GATAAGACAG GGGTTTCTCT TTTTGTGACC 60
 TTTATTATTA TTATTTTGTG AACTGTTGTA ACCAGTTAGC 100

配列番号： 3995
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04693
 配列：
 GATCTTCCTC CCATGAAAGA AAAANCAAGA ACCAGAGGCG TAGACTNACT NAAGACACAA 60
 CTCCTGGCTT TCTNAAAGCTA TGGACTTGGA TTGGATTGCT 100

【0818】

【配列表 728】

配列番号： 3996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04694

配列：

GATCAAGGGT AAGAATAAGT ATCCACCTCT TTCCTTTTAA AAATTTTCCC TCAGAGTCCC 60
TATGTTGCAT ATTTNATTCT GTTCAGAATC TAACCTTTCC 100

配列番号： 3997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04695

配列：

GATCCAGACT GGCCAGATTT GAACTCCAGC ACTATTCCTT GATACCTCTG AAACCTTGGA 60
CAAGTAACTT AGTCACTATG TATGAAAAGA GATAATAATA 100

配列番号： 3998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04696

配列：

GATCAACCAG AAAAAAAAAA TATNATGAAA TGGATACACA CAGTGGACAC CTGTGAAGTT 60
ATCTTAGCTC CCCCAAAAC TACAGGTACA AATTAGTCTC 100

配列番号： 3999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04697

配列：

GATCATAAAT GACAGGTGTG TGGAGGTCAT TGCAAAGGAA GGACAAAACC TGAAAGAGCT 60
ATATTNGGTG TCCTGTAAAA TCACAGATTA TGGTAGGTAA 100

配列番号： 4000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04698

配列：

GATCGTAGAA GCCAAATGAA ATGTGACATA TCTACTGACT GATGACAAGG GAATTTTATT 60
AGGAAGAAGG TAAAGAAACA TCGTTGAGTA GCCTACCTTG 100

【0819】

【配列表729】

配列番号：4001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04699
 配列：
 GATCTTCCAG TTTAGGAGCA ATTTGGTGAA AGGAGTCGGG TGACCAGAGC TGGAATAACC 60
 GTCTGCATGG CTGCACTCTG GTANCAGAGT GGNACAGAN 100

配列番号：4002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04700
 配列：
 GATCCCTAAA TAAGTAGTTA TTCTGTTTTT CCTGATTTT AACTTTTACT AATAGAATGA 60
 GAGTAAATAT TTTTGGGTAT GTGGCTTCTT TTGTTCAACA 100

配列番号：4003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04701
 配列：
 GATCCTCCTG CCTCGGTCTC CCAAAGTNCT GGGATTGCAG GTCTTGGTCT TGATNCCAAG 60
 TTTGGGAAAG NAGCTAAGAA GACATCCAC TAGGAAGAGA 100

配列番号：4004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04702
 配列：
 GATCAACCCC GTGAAGGTGG CCAACCTGGT GAAGGCGTAC GTGGACAAAGT ACAGGCACAT 60
 ANCNACGGCA CANGAAACCA GAGGCCGGGG AGGAGCCGCC 100

配列番号：4005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04703
 配列：
 GATCATCGCA TTGAAATGGT TTTGGGAAGT ATGGAAAATT AAATGGATTT TTGAGACACT 60
 AGTTTATTGG CTATGCAAGT GACAGTTTTG AAAAAGGCTG 100

配列番号：4006
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04704
 配列：
 GATCGCTCTC ACTGGCCTGC TGCAGATNAG CCAGGGGGAG CCTAGGCCCA GCTCCTCCGC 60
 GGTGCCCCC CCAGACCATA CCTCTGACCC ACCCAGCCCC 100

【0820】

【配列表 730】

配列番号： 4007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04705

配列：

GATCAAGTCT TGTCAATTCTG TGCCCTCTTT CCCCATGTTT CCTGGGAAGA CGGGTGGTGG 60
 CAGAGTGAGA AGGCCACTGG TTCTGTGCCG CAGCACGCAA 100

配列番号： 4008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04706

配列：

GATCCACCTC TACACCAGCC CAGGAAGCCC CATCTGTGCC TGCCCTCAGG TGGTCCACCA 60
 GTCTCCCCCT TTGGTTCCCT TCCAGTCTNT TCCCCCTTC 100

配列番号： 4009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04707

配列：

GATCTATTCC CACATGANGT GCGCCACCGA CACGNAGAAC GTCAAATTTT TTTTCGACGC 60
 TGTCAACGAC ATCATCATCA AGGAGAACCT CAAAGACTGT 100

配列番号： 4010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04708

配列：

GATCCTCCCT GCCCAAGTCT TACTTCGTGA GCTGGCCTTG CTCCCCATCC CCCAAGTGCC 60
 TCACCAGTCC CCCAGACTGG GTGAAGGTAC AGCTGGCTCC 100

配列番号： 4011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04709

配列：

GATCACTTGN GGTCAAGNCGT NCGAGACCA TCTGGTCAAC ATGGCAAAAC CCCGTCTCTG 60
 CTAATAATGC AATAATCAGC TGGGTGTAGT GGTGCGTNCC 100

【0821】

【配列表731】

配列番号: 4012

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04710

配列:

GATCCTGGGC CAAACTGATT TACTATTTTA AATTNAGTT TTAATGNGAC AGGGCCTTGC 60
 TATGTTGCAG GGTGGTGTG AACTCCTGGC CTCAAGCAAT 100

配列番号: 4013

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04711

配列:

GATCATCCTC TAAACATTTT ATCATTTATT AATCCTCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
 TCATATCTCT ACGCTGCAA ATTTGGGTCT CAATTTTAC 100

配列番号: 4014

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04712

配列:

GATCATCATC TGTGAAGCAT CATGGTAGCT TCCAAGCATT TCGGCCCCAC TGGCCAGNTG 60
 CATCCAAAAC ACATTCAGGA AACCCGAGAG TTGTAAGTTG 100

配列番号: 4015

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04713

配列:

GATCTTTTTA AGATNNNAAT AAAGAGCTTT CCTAAATAAA ATAAGCAATA TTTAACTTTA 60
 GAAACTGTAC TCTATGAAAC GTGTTTTATG AAANCATCTN 100

配列番号: 4016

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04714

配列:

GATCTGGCTA TCTCATIGAT TATATTTTTC TTCCCTTATA CTGCAAAGTA CATCATAGGT 60
 ATAATTTTAT TTTGAGAAAG AACTATATTC CAATTTTACC 100

配列番号: 4017

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04715

配列:

GATCTGTAA ATTGGATTTT ACATGTACAT TTGAATGCCA GAATTTCTAA ATAAATCCCC 60
 TGGTTAGGAA ATTTTAAAAG TCAAAGCTTG TTTTCTTCAA 100

【0822】

【配列表 7 3 2】

配列番号： 4018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04716

配列：

GATCTNATTA GACTTATACA TCTAATTATA GAAATACATA GACTTGATAG AATTTAATTT 60
TCAGGCATGA AGAAATATTC TTTGGAAAAG CTAAATTTTT 100

配列番号： 4019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04717

配列：

GATCAGCCTG GGCAACATAG CCATAGTGAG ACACCAACTC TCTACAACAG CAAAACAAAA 60
CAAAAACAAAA AAACATGCAG CTGGGCATGG TGGTNACACC 100

配列番号： 4020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04718

配列：

GATCATTTTT TGAGGCAGGA GCATAACACC TTCTCTAGGA TTTGTCAGCT TCTAAAAAGA 60
GCCTTTTGTA AGGACTTGTA TGAGCTTGGG TTTCAACATC 100

配列番号： 4021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04719

配列：

GATCCAGACT ATAATCCTGC TGACCCAGAG AGTGACTCAG CTGACTAATG GACTGTCCCC 60
ATCTGCAGAG AGGCTTGACT GCCACAGCAT CTGTGGCTAT 100

配列番号： 4022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04720

配列：

GATCTAAGGA AGAAGTTGCT GCTGCAGTAT TGAAACTGTG AAGAACTGAC ATTTGAAGAA 60
AAATAGATTA CCGTTGCGGG ACTAGAATGG GCGACTGCTT 100

【0 8 2 3】

【配列表 733】

配列番号: 4023
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04721
 配列:
 GATCCAGAGA CAGAGGCAGC CTGTCTTTTC AGTTGGTTTC TGCTTTTAAT TTACTTGTAC 60
 AATTCATTGT TACTGTTCTG TTTTCCTAT TAATCTTTTG 100

配列番号: 4024
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04722
 配列:
 GATCCGAGT TCAAGGGAAG AGGAAGTTGC CTCTGAGCTC CATCTCTCTG CGCTGCTAGA 60
 CATGGTGGAC ATTGAGCAG CCTGACCTGT GGGGAGGGGG 100

配列番号: 4025
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04723
 配列:
 GATCGAAACC AGCCTGGTCA ACATGGTAAA AACTGTCCC TACTAAAAAT ACAGAAATNA 60
 GCCAGCAATA CAAAAATTGG CAGCTGTAGT CCCAACTACT 100

配列番号: 4026
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04724
 配列:
 GATCTCAGNA ATTGGA AAAA TTGTCCTGTC TGTCACCTGT TTTGTTGCCT TAATAAGCAT 60
 CTGAATGTTT GGTGTG GGG CGGGTTCTGA AGCGATGAGA 100

配列番号: 4027
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04725
 配列:
 GATCAAGGCT ATGAACATCT TGTGAAGTAG GATGTTAAGT CTGCAATAT CAGAGTGAAT 60
 CCAAACTTAT CAATTCAACA CTGGATTGTA AAACAGCTCA 100

配列番号: 4028
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04726
 配列:
 GATCGAAACC ATCCTGGCTA ACACGGTGAA ACCCGTCTC TACTAAAAA TACAAAAAT 60
 TAGCTGGGCG CAGAGGCACG GGCCTGTAGT CCCAGCTACT 100

【0824】

【配列表734】

配列番号： 4029
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04728
 配列：
 GATCAGCATT CATACCATAG TAACTGATGT TGAAAACAGC ACAAATAAAC CAGAAGTTGA 60
 AAATGGCAAT AACATGCTAA AAATTTGCAA GTCAATTTGA 100

配列番号： 4030
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04729
 配列：
 GATCCTATGA ATTAATTCAG AAAGCAACTA AAATAACAAT GGCCTGCCAA ATGTCATTTT 60
 GTAAATATAC GTCTATGACT TTAGGAGCTG TCCTGGTTTG 100

配列番号： 4031
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04730
 配列：
 GATCGATGAA GCACTTTTTT ATTAATATTT TCCTTTGTTA AAGGAGGAAC CGTAACTNTC 60
 CATAGCTGTA CATATAACCC TTTTCTCCTA AAGAGGAGTC 100

配列番号： 4032
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04732
 配列：
 GATCTTTCCA CATACACTAC ATTGTATTGT TCAAAATTCA TAGAAATNAC TTGCAATATA 60
 TTGATTTAAG CCTTATGTAG TGACTGTTGC TATATTTAAA 100

配列番号： 4033
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04733
 配列：
 GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGACTTCAC CAAGGTNCAA TGCTGATGAA TTTGAACNCA 60
 TGGTGGCTGA AAAGGGGCTC ATCCCANGAT GGCTGTGGGG 100

【0825】

【配列表 735】

配列番号： 4034

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04734

配列：

GATCTACATT ATTCAGCAGC CTCGAAAATG TTAAGCCTGG ATTTAAAACA CAGCCGTCTG 60
GCCAGCTGCC TCGAATATCT GACAGCTTAG CAAAAGGGC 100

配列番号： 4035

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04735

配列：

GATCTGGGAT AAAACCAGAC TGAAAGGAAT ACCTCAGAAG AGATGCTTCA TTGAGTGTTT 60
ATTAAACCAC ACATGTATTT TGTATTTATT TTACATTTAA 100

配列番号： 4036

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04736

配列：

GATCTNCTTT TTATCACTAT AGTTTGTATT CCTAGAATTG TATATAAATG GAATCCAACG 60
GGCACAGTGA CACATGCCTG TAGTTCCAGC TACTTGAGAG 100

配列番号： 4037

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04737

配列：

GATCTGAAAA GAATTTNTAT TTTAATTGGG TTGAGGGAGA GTAGATACAA TGAAACCTTA 60
AATTTGAGCT TTNATTCTAA ACCCTTTAAT TTTTATGGG 100

配列番号： 4038

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04738

配列：

GATCCTCTTC CTGCTCCAGT TGCTGGCCGA CCACGTCCCT GCGGTTGGCC TGGTCACAAG 60
GCCGCTCATG GATTACTTGC CCACCTGGCA GAAAATCTAC 100

【0826】

【配列表736】

配列番号: 4039
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04739
 配列:
 GATCCTATTT GTACAAAAA ATGTAAACT TAAAATTGCA CAAAATTTGT NACCTGTACC 60
 AGCTTTTGA ACTGTTTATC TTATCCTCCT CAGTGATACA 100

配列番号: 4040
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04740
 配列:
 GATCTCATTT TATTTAGCAT CAGCTCAAGA AACTNAAGTC TTAGTGCACA GTATCACAAC 60
 AAAGAAAAAG CTTTGTTTT ATAAC TGCTA AAAACAAGAA 100

配列番号: 4041
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04741
 配列:
 GATCCAAGTT GCCCTTGGG TATAAACTT GACAGCAGAG GGCCTTCAGG GTCCCTCAGC 60
 TGCAGTGTGA AGTGGGACAC ACAGGTGAGA CTCCATCTGC 100

配列番号: 4042
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04742
 配列:
 GATCTGACCT TTCTTCAGA TACATAAGCA TTATTTTCTC TGTTTAGGTC CAAGGAAAAA 60
 CAAAAGGTAA AGGNAATAAA GGAATATAC ATAAGGCCAA 100

配列番号: 4043
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04743
 配列:
 GATCCTATGA CTGACATCAA CTAAAATTTA AAAGAAGAGG AAGACTCAGT TGGGAAATTT 60
 THCCATGAGG AAAATGTGCT TTGGTGCAAG GTACAAGGCC 100

配列番号: 4044
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04744
 配列:
 GATCTTTCAA GAATGAACCA AGGNTTTTAA AAAGAATTAT AGGAAACACT TCATTCTTTA 60
 TAAACTTTT TATAATGCCT TATTGAATG TTAATCTTAT 100

【0827】

【配列表737】

配列番号：4045
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04745

配列：
GATCTGAGAG GCAGTAAAGC AGTGATGAAG ACAGTGCAGC AGAACATTGA AGTCCTGATT 60
GCAGCAGTGA CTCTGCAACC TTGGATAAAT TATTTTCANTC 100

配列番号：4046
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04746

配列：
GATCATGTGA TTTCTATTTT TCCCCACAG GGTAAGGGAC GAGTCTTCTG GAAGGCTCTG 60
CCATGGACAT TTGTCCTCGG GCTCAGAGGC CCCACCCTGC 100

配列番号：4047
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04747

配列：
GATCAGCGCG CATGTATTGA GGTGTGGCAT GCAGCATTIT GGAAGGAAAA TTGAAGACGT 60
GTTCAAGAAA ACATGAACAG AAGCAAATNA TGAANAATGAG 100

配列番号：4048
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04748

配列：
GATCCCTACC GCCAGCTGCG AGAGAAGGAC CCCAAGTACA GTGCTCTCCG CCAGAATTTT 60
TTCCGCTACC ATGGGCTGTC CTCTCTTTGC AATCTGGGCT 100

配列番号：4049
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04750

配列：
GATCATGAAG AAGCAGGGCC TCTACCTACA AAAGTNAATC TTGCTCATTC TGAAATTTAA 60
GCATTTTCT TTTAAAAGAC AAGTGTAATA GACATCTAAA 100

【0828】

【配列表 738】

配列番号: 4050
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04751
 配列:
 GATCTGGTTC CAGGGGAAAA AAATAGCTGG TTGGTGTCTA GCCCCCAAC ACTTTTGTCT 60
 GTTGTGTATA AAAGAAGAAA GACTGGCATG TACCTTCATT 100

配列番号: 4051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04752
 配列:
 GATCTAGAAG CTGGTAAAAA TGACAATATC AATCACATTA GGGGAACCAT TGTTGTCTTC 60
 ACTTAATCCA TTTAGCACTA TTTAAATAA GCACACCAAG 100

配列番号: 4052
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04753
 配列:
 GATCCAACAG CAACACCATT TTTAAATTAT TGTGAAAAGA TTAAGTGGCA ATGTACAGAG 60
 TTTACTCAA GGCCTTCTTA AGGGAAAACA CTACAAAAAG 100

配列番号: 4053
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04754
 配列:
 GATCCACGGT GGGCTCCAGC TGCCAAGNCA CCCAAGGGAG TCTGGGCCCT AGGCCTAGCC 60
 CCATCCCTCC CCATGAGGGG CCAAGACACT GCCTAAGGTG 100

配列番号: 4054
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04755
 配列:
 GATCCAGGAA GTTGGTGAAC CATCTAAAGA AGAGAAGGCT GTGGCCAAGT ATCTTCGATT 60
 CAACTGTCCA ACAAAGTCCA CCAATATNAT GGGTCACCGG 100

配列番号: 4055
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04756
 配列:
 GATCTTCACA TATTTTATAT GNATATATAT ATCAAGAAGT TATATATATA TAACTCAAGA 60
 AACTCAAGTT ATATATATAT GTCAAGAAAT GTATGATTAT 100

【0829】

【配列表 739】

配列番号: 4056
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04757
 配列:
 GATCTGGAAG TCACCCTCCT CTGGCCCACG GAAAATTTTG GTAATCTTCT AGGTTCTAAA 60
 ATGAAGATGT ATGGGTACTC TGGCAGACTG CATGTTGTAT 100

配列番号: 4057
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04758
 配列:
 GATCAACAAG TTCAAAACAC TGCTAAGTCT AAATCTAAAA CAGACCAAGA GTACCTTCAT 60
 TTAANTTTAG CTTGCACAGA GCTTGATGCC TATCCTNCAT 100

配列番号: 4058
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04759
 配列:
 GATCCAACAC AGAGACAATA GAAACATTGG GATTGAAGAG ATTCTTGGGA CTGTAAAAAT 60
 CCCAAGAATA TGGGATTGTA AAAAACCTGT CATCTTACTG 100

配列番号: 4059
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04760
 配列:
 GATCTAGCAT TTTAATTTCT AGCATTGCTA TTCACCGGCT TCCTTATTTT ATATGTAAAA 60
 ATTAAGATTT TATATTTAAT CTTCTTGTTT CTCATAGATA 100

配列番号: 4060
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04761
 配列:
 GATCAAGGTC TGTATATTAT CCCAAACTTT ATTAAGAATT GTTTTCTAAT TNGTTATAAC 60
 ATTTTTNAAT TAATAGTTTC AAAACAAATT GTTAATACAA 100

【0830】

【配列表740】

配列番号: 4061
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04762
 配列:
 GATCTTTAT CAATTAGCAC TCACTAATGT ACTACTAATT GAGCAACCTA CGCACTCAGT 60
 TGACTACGTA AATCTGTCAG GTCTTTTGTG ATTTCTCTG 100

配列番号: 4062
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04763
 配列:
 GATCTGGAGT CCCACGTTCC CCAAGGCCAG CGGGATGTGT GCCCCCTCCTC CTCCCAACTC 60
 ATCTTTCAGG AACACGAGGA TTCTTGCTTT CTGGAAAAGT 100

配列番号: 4063
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04764
 配列:
 GATCTGTTT GTACAAAGTC TTGCTTTTAT AAGGTTTCAA TAATATCTAA AACAACACAT 60
 TAAAAAGCTG AGACCATTTT ATGAAGATAA TTGTTTGTA 100

配列番号: 4064
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04765
 配列:
 GATCTGGTT ACAGCCATTT TGTGTGATTC ACTTCGGGGG TTAAGTAATG CAGGATTCTG 60
 CAAACAAGGT GTCGCCGTCC AAATGACTG TCCTGCCATA 100

配列番号: 4065
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04766
 配列:
 GATCATGTAT AAAAAGAAAA AAAAGAAGTC ATGCTNTGTG GCCAATTATA ATTNTTNNCA 60
 AAGACTTGT CACAAACTG TCTATATTAG ACATTTTGA 100

配列番号: 4066
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04767
 配列:
 GATCAGGATT TGGGAAATT GTGGTCAATA TTGATTTTC CTTTCTGTT TGATAGCCTT 60
 ATCTAAATC CCCTAGCTG AATGTAATA ATATGAGTGT 100

【0831】

【配列表 741】

配列番号： 4067

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04768

配列：

GATCTTACCT CCTAACCAAC TCCATACATC ATGACCAATG GCTCAGTCCA AGCNGTCATC 60
TCTTGCTTGG TCACTGCAGG TACTTGCTAA CTTTCTTCCC 100

配列番号： 4068

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04769

配列：

GATCTTAATA GCTAAAAATAT GAAAAATATT TGGNAAGTCT GAAATNAGGT CTCCTGGCCC 60
TGGTGTGCCC TTAATGCCTG TNACAGTTGG CCTCTGTGAA 100

配列番号： 4069

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04770

配列：

GATCCTCAGG ATATGCAGGG CTCAAGAGAA ATGAAATATC TTGGGGATAT GGTACTTAA 60
GACGTGATAC TGTCACAGTG AATTCACAG AAGATGGTGC 100

配列番号： 4070

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04771

配列：

GATCTTCAAA CATTAACCTA AGCAGACCAA AAATTCTGAT GACCGCATCT AGATTATTTT 60
TTTATAAAAA TGATTTTCAC TATAGCTATG TTACGCTAAG 100

配列番号： 4071

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04772

配列：

GATCTTTAAA GATGTGCTAA ATGACTTTTT TGGCCAAAGG CTTAGTTGTG AAAAAATATAA 60
TTTTTAAATT ATACATTCAA GGTAGTGGCC AAATGTAACA 100

【0832】

【配列表 742】

配列番号: 4072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04773
 配列:
 GATCCTTCCC AGTGGACAGA TGAAGAATTA GGTATCCCTC CTGATGATGA AGACTGAAGN 60
 TGTAAGACTCA GCCTCACTCT GTACAAGAGC CAGGTGAGAA 100

配列番号: 4073
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04774
 配列:
 GATCTAGTGT GTAGTGAGCT CAGTATAGAG GACAGAGCTT TCATCATGTA AATTNATATG 60
 CAAAGCCAAA TAAACGTGG TGTGTACTTC CTACTGATGC 100

配列番号: 4074
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04775
 配列:
 GATCCATACT GAAAAAATNC TGAGCCAGCC ATCTTTGGCA AAGNNCCCTG AGCTCTTGCT 60
 ATCTCTCAAG AGTGCTGAGA NCCACGGTGA AAGTNCCTGT 100

配列番号: 4075
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04776
 配列:
 GATCTCTGTT CTNGHTTGAA TGTATTTAAT TTCCAGCAGA ATGAGCCCCA TTCCTTATTT 60
 TGATTGCCCA TTTATCATGT ACATATGGTG AAATGCCTAT 100

配列番号: 4076
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04777
 配列:
 GATCTGCTGA AGCATCTHTC CAGCTGGTAT CCTNTGAAAG TTTGTTATTT TCTGAGTAGA 60
 CATTCTTATA GAGTATTGTC TTTAAATCA GATTGTCTCT 100

配列番号: 4077
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04778
 配列:
 GATCTTGTCT CACAAAATAA ATTAATAAGA TTTTAAATA GCAGGTTTCT AAAACAATGA 60
 GAAAGACAGC ATTACATATC AGTGTCTACA ATTTAAACAA 100

【0833】

【配列表743】

配列番号：4078

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04779

配列：

GATCGTTACT ATGTGTCAAA GGGTTTGGAG AACATTGATT AAGGAAGCAT NTTCTGATT 60
GATGAAAAAA ATAATCAGT TATGGCCATC TACCCCTGCT 100

配列番号：4079

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04780

配列：

GATCTATAAC TGTACTTTGC CTGGCGCTGT GCGANAGGGT CAGAAACTT ACTGCTAGTA 60
CCTAGAAACA CACAAGGCTG CCCAGCCAAA TCTTAATGTA 100

配列番号：4080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04781

配列：

GATCTTGTA GTAGGAAAGC TGTAACATAA AATTGTATTG TTTGCTTATT AGCCATGTAT 60
CTCTTAAAT TTTGTTATGT TTACAACGAT GTACCTTATT 100

配列番号：4081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04782

配列：

GATCCAAAAG CTGGCTNTCT AACCACCAGC CAAGGGCTCT CTTCAACCACC AAGCCAACTC 60
TCAGGGCAGC AGCAATGTGT ACCTTATTAA CCTCTGCACC 100

配列番号：4082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04783

配列：

GATCCCTGGT CCTGCCGACA CGCAGCTACT GAGAAGACCA AAAGAGGTGT GTGNTGTCT 60
ATGTGTGTGT TTCAGCACTT TGTAATAGC AAGAAGCTGT 100

【0834】

【配列表744】

配列番号: 4083
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04784
 配列:
 GATCGGCACC ACACCAGACA TAATCCTGGA CGACTTGCTG GAGACGGACC GCGTCACCGC 60
 CCACTTCTAG CCCCGTGGAT GCCGTCACCA CCAGCACACG 100

配列番号: 4084
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04785
 配列:
 GATCTAATTC TTTTGATAAA GTTCTAGCTC TAAAAGTGAT AGTGGGACTG TATGTTTTCT 60
 GATACTGGTG GCTTATGTTA TTAANCCTTT TTTAAAAAAG 100

配列番号: 4085
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04786
 配列:
 GATCTTGTGT TCTTTGTGCC AATATGAAAA GGAGAGGGTT GGTTCCTTCC TTTATTGTTG 60
 AATGCTCCCA TTTAATGCTT TATGGCTTTT ACTGTATTAC 100

配列番号: 4086
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04787
 配列:
 GATCACACTG GGGAAAAGTG ACAGAACCAA ATTTCAAACCT CCAGTCTTTC TGCTTCTAGA 60
 GATTGAACCTA CTAACATCTG CATTATATAA AATTAAAGTNT 100

配列番号: 4087
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04788
 配列:
 GATCCCAAGA TGATTAAAAT AGGGTTTCTN ATGGATGTTG AATGGCGTGG ACTCGCTACT 60
 CCGTTCTTCA CAGCTGCCTT CCAGAATGTC TTCAAAAAGAA 100

配列番号: 4088
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04789
 配列:
 GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCACTCAAA GACCTGGAAA AATGGCAGAA TAATCTGCTT 60
 CCATCCCGCC AGTTTGTTT CATTGTACCT GACCAACCTC 100

【0835】

【配列表 745】

配列番号： 4089

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04790

配列：

GATCTCATTG GTATGTTTTT TAATGTGTAG AATTAACACT TTTAAATAAA CAGGTGTGAA 60
AATTATAAAG GAATATATAT GACAATTATT TNCTGTACAT 100

配列番号： 4090

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04791

配列：

GATCTTAAAA CCCAAGACAT TATATTTGAA GGGGCACAGC AAACAGTGCA AGAAAATCTG 60
CTGATGGAAG ATNATTTTNA TCAGTCCTCA GANCCAGAAA 100

配列番号： 4091

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04792

配列：

GATCTAAGNA GGATTCAACA CCTTTNTTTG GTTGCTCAGT GTGTAATGAC TGAGATTTGT 60
AAATCTTTGT GAACATTCTG TACTGGTTCC CAAGAGCTAT 100

配列番号： 4092

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04793

配列：

GATCTTAGCT GTATGGAGTA ACTATTTTCTG AAAACCTTAT AAGAAGTTCA TTTTCTTTCA 60
AAAGTAACAG TATATTATTT GTACAGTGTA GTATACAAAC 100

配列番号： 4093

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04794

配列：

GATCAGAGAA GGCTGAAGAA GGTGGAGAAA CTNAGGCACA AAAAGAGGGC AGTGAAGATG 60
CGGGCAACCT CCCTGAAGCC CAGGAGAAGA ATGAAGAAGA 100

【0836】

【配列表746】

配列番号: 4094
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04795
 配列:
 GATCAACTAT GGGTTTATAT AAATNCCAAA TTTAGTACAA CAAATTTAGG TCATCAGGTG 60
 AATACAAGTA TTTTTTTTAA CAGGNAACAT TTTATTATAN 100

配列番号: 4095
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04796
 配列:
 GATCTCTGTG ACCCATACCC TATTTNTACA CTCCCTCCCC TTTTGAAAAT CACTAATAAA 60
 AAATTTNCTG GTTTTATGGC TCAGGGGGCA TCACAGAACC 100

配列番号: 4096
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04797
 配列:
 GATCATTTTC TTGGGACCTT GAACTGTGAA TGTTTTGTCC TAACCATTTA ATATTTTCTA 60
 GGTACTTGCT GCAAGTNCCT GAACTATTTT ACCAGCTTTA . 100

配列番号: 4097
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04798
 配列:
 GATCAGAGAA GCAGATATTG ATTGAGACGG ACAAGTCAAC TATGAAGAAT TCGNACAGAT 60
 GATGACTGCA AAATGGAAGA CCTACTTTCA ACTCCTTTTT 100

配列番号: 4098
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04799
 配列:
 GATCTTTCAC ACACTGGTGA CCCTGAGAGA GGAGGGAGGA GGGAACCTGG CGGGGGTGTG 60
 TGAGGCCGCA CTGTCAGCTG GCCGGTCCAA GCCTGTGGCT 100

配列番号: 4099
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04800
 配列:
 GATCCCCCTC AAGTCTCTCT GACCTTTCTT CTGCCCTCCA GCCTGGGTGA CAGAGCTAGA 60
 GTCTGTCTCA AATAATAATA ATAATACAAT AAATAAATAA 100

【0837】

【配列表747】

配列番号: 4100

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04801

配列:

GATCTCATAG AGCCCAGTTC TTAGAGTCAA CTAAAGAGTT GATAGGAATT TACTAGGTCC 60
AGGGAGAAAA GGCAGTGGTT GGGGTACTG GAAATTTTGC 100

配列番号: 4101

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04802

配列:

GATCTGAACT TACAGACAGT TGCCAAATTT CTCTAGATAA GAAAATAAAG AATAGAGGGA 60
ACCTAACTGG ATAACAAAAA AAAAGGAGAG AGAAAAATGC 100

配列番号: 4102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04803

配列:

GATCAGGAGG GACCACAAGG ACAGGAGAAT TAGCAACGAG AGACTGGCTG GCACCAGTNT 60
TGGGAAAACT TCAGAGTGAG CTCCATTTCAT GGTCTATTAA 100

配列番号: 4103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04804

配列:

GATCAAAAAA TTATTTTAT TTATCCTAGC TTTACGTGCA TCTCACGGAA ACAGGATACA 60
CGGTGTATAT ATTATNATGC AGTTCGTTGG AACTAGAATT 100

配列番号: 4104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04805

配列:

GATCACTGGG CCTACCTGCA CTGTGGGGCC AAGCCCTGTC TTTTCCCAA GCCCTCAAGC 60
ACACGCATGA ATGTTTCATCC CGACTTGGTA GGGGGCTTTT 100

【0838】

【配列表 748】

配列番号: 4105
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04806
 配列:
 GATCTGICAT NNTTTAGCAG TCAAGTGGGA TGGGCATTAT ATAAACAACG TTACAATGTA 60
 AGGAAAATCT NTAAGGNGAT GGGGAGAGAA AAAGGCAGCT 100

配列番号: 4106
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04808
 配列:
 GATCTGCCCTC TCAGGAAAAA GACTAACTT GTTCTTTTTG TTCCTGGCTT TCATCAGTTT 60
 GTGAGATTTT TCTATTTTTT TTAAATATAA TTTTATTTCT 100

配列番号: 4107
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04809
 配列:
 GATCCTGGCT AACCCCTNGCC TATTTAGATT CCTTCCTCTC ACCTGGACCT TCCCATTTC 60
 ATCATGCAGA TGGTTTCTTT TTGTAAAGAG TTCCGTTTGC 100

配列番号: 4108
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04810
 配列:
 GATCTTCTTC TCTCTTGTC ACCTATTAAT TGTTTACAAT ATTTGTTACA TCTTATGCAA 60
 AATACTTGAN TGGCCATGG TGCCTTTTTT CCTTGTAAGT 100

配列番号: 4109
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04811
 配列:
 GATCCCGTTT TCCCCATGAC AATGTTGTAG TGTCCCCCAG CCCCACCCCC CAGGCCCTTG 60
 TGCCCTCTGT ATCCCTAGTG CTCCATAGTT TGGCATTTC 100

配列番号: 4110
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04812
 配列:
 GATCTGTGCA GCAAACCACC ATGGCACAGG TTTATCTATG GAACAAACCT GCACATCCTG 60
 CACGTGTACC CCTGAAATTA AAGTAAAAAT TGGAAATAAA 100

【0839】

【配列表749】

配列番号： 4111

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04813

配列：

GATCTATCAA AGGAAAAGGA AACTGAGACC GAAAACTTAG GGTCTAAGTT GTTCTAAACC 60
CAGGGTTCTC AAATGTGTTG TACAAAAAGT TTCATGTAAT 100

配列番号： 4112

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04814

配列：

GATCACAATG TCATTTCCTA ATACAAGGCA GGATATGTGG GAAGAATATG TACAATTATT 60
TGATTAAAAT TATTTCCAC TGACCTAAAC TTTCACTGAT 100

配列番号： 4113

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04815

配列：

GATCCACTGC CTCAGCCTCC CAAAGTGCTG GGATTATAGA CATTTCATGAT GAATTCTTAT 60
TTTANNNTA ATATAAAGCA AATACAATTA TTGTTAGATA 100

配列番号： 4114

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04816

配列：

GATCCATGCC TGTAGTCCAA GCTACTCAGG AGTCCGAGGC ACAAGAATTG CTTGAACCTG 60
GGAGGCAGAG GTCACAGTGA ACCATGTTCT GTCACCTGCAC 100

配列番号： 4115

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04817

配列：

GATCTGGTCC CTGTAGCACA GAGGTCCGAA GAACCGCCTT CAGAAAGAGG AGGCATATTT 60
GGAAGTNATG GGAAGACTT TNTGGACAAG GATGGAGAAC 100

【0840】

【配列表750】

配列番号: 4116
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04818
 配列:
 GATCTACAAC ACCTGCCAGT GACCCCTGCC CAAGGCCTAC CCCAGTTCCT AGCACTGCCC 60
 CACATGCATG TCTGCCTATG CACTGAAGAG CTCTTGCCCC 100

配列番号: 4117
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04819
 配列:
 GATCTGCTGA CAGTGAGTAG TATTTTGTIT TAGGATGTTG TGACTTAGCA AAAATAATAC 60
 AGATGTCTTC CCCCCTTTTG TAGCTTTGAC AATTGAATT 100

配列番号: 4118
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04820
 配列:
 GATCCTTACA TATGCCATCC TTCTGTGTCA TTTTGTGGCT GTTCTGTGTT TTTCTTCTCA 60
 GTTATTTATT ATTGTTAATA ACTTACTTTT TCTTACATTC 100

配列番号: 4119
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04821
 配列:
 GATCAAACAG AGGCATGCTA AGATATATTG GGGCTTGAAG CAAAGGGAAA ACTATTTGTT 60
 GCTATATGTT TGTAGGGATT TTTTGCCAGT TTTAAAAATA 100

配列番号: 4120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04822
 配列:
 GATCAGTGGG GGAGGGCACC TCAGCAACCT CTGAGTGTGG ACAATAGCTG CTTTCTTCTC 60
 TATCCAAGA6 CACCAGGCTG TGCTTGGNTC CTTGCTCTCA 100

配列番号: 4121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04823
 配列:
 GATCGGGGGT GGGATGGGAT GCAGTGAGCC CCATCCAGTT AGTTGGACTA GTTTTAAATA 60
 AAGGTTTTC GGTTCGTGTT TTTTGAACC ATACTGTTA 100

【0841】

【配列表 751】

配列番号： 4122

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04824

配列：

GATCACAGAG GGAGGAGCTC TGAGAACAGT CTCCTTCAAC AGCTCGGCCA AGCAGAACTG 60
CTGTACCTCT GACCACTTGT GTTAGGAAAA CTATCGGCTC 100

配列番号： 4123

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04826

配列：

GATCTTTGCC TNTAAGCTTG AATATTTGGC TTAAANTTTG TNCATATGAA TACTGTAAAA 60
GGTATATTTN ACTACATTTT GAAAGGAAAA AGGTAGTCCT 100

配列番号： 4124

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04827

配列：

GATCTGAAAT TCTGAGATAT CAATCTAGGA ATTTCAAAAG AAACAGATTA TAGAATTTAA 60
AACTTAACAC CNGTCTTGTA TTAAGAGAAG TCAACATTTT 100

配列番号： 4125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04828

配列：

GATCTCAGAA CTGTGCCAAG CAGACACTGG GACAAAGGGA GAATATCTTG CTCCCCTCCT 60
GAGTCAGCCT GGTGTTGCC TTTATTCCCC TTATGTGCAT 100

配列番号： 4126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04829

配列：

GATCCTACAA ACAGACATTT TCCACTCGTG TTTCCATAGT TGTAAAGTGT ATCAGATGTG 60
TTGGGCATGT GAATCTCCAA GTGCCTGTNT AATAAATAAA 100

【0842】

【配列表752】

配列番号: 4127
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04830
 配列:
 GATCTTCTCG CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGAGCTACAG GTGTGAGCTA CCCAGCATGG 60
 CTCATTTGAG ATTTCTGAGT AGAGAAGTAA CATGATTAAA 100

配列番号: 4128
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04831
 配列:
 GATCAATCTC TCCCTCAGCT TTCTTTCTTA CTTTTGCAGC TTTGCTGGCT TTAACTGCT 60
 TCATTCTTCT GCTTCATTGG TATCCTTTTT TCTTTTGAAA 100

配列番号: 4129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04832
 配列:
 GATCGACTGA GTCCAGAAAG TCAAGGCTGC AGAGAGCCAC ATTCACTGCA CTCCAGCATN 60
 GNTGNCAGAG GNAGACCCTG TCTCAAAAAA AAAAGAAAAA 100

配列番号: 4130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04833
 配列:
 GATCGGTAGG GGGCCTGCTC CTCGGACTCT GGTACCTCT AAGGCTGGGA AAGGCCTGGT 60
 TGCCCACTGC NTCCNTCCCT GCCCCTCCTT TNATGTCCAT 100

配列番号: 4131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04834
 配列:
 GATCACCCTT AAATCNGNGT TGGGAAAATA TCAATTAACT GGACTCTCTG GTTTGAATTC 60
 TCAATATGTA TCTTAATATG AAATAGCTCA TTAATACTTC 100

配列番号: 4132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04835
 配列:
 GATCTGGGTG GTAGTTACTG GGTGTGTTCT CTTTGTGATA CTCTCTCGAG ATGTACACTT 60
 AGGATTTGCA ATCTTTTCTG TAAAATATTT CAATAAAGA 100

【0843】

【配列表753】

配列番号： 4133
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04836
 配列：
 GATCTTAGCT AAATCTCGGT AGATGTCATT ACAACCTNGA AAATAAATCA CCCTAAGTGA 60
 CACAAATTGA AGCATGTACA AATTATACAT AATAAAGTGT 100

配列番号： 4134
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04837
 配列：
 GATCCTNCAC CTCTTGGNAA TTAAAATTGT TGGTCACTGG GGAAAGCCTG AGTTTGCAAC 60
 CAGTTGTAGG GTTTCTGTTG TGTTTTTTTT TTTTTTTTAA 100

配列番号： 4135
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04838
 配列：
 GATCAGACAA GGAATGAAGC AATGNCTGTG GGCTGGGAAA CTGTACCTAC CTCTCTNCCC 60
 ACTGCAAAATN NCTGGGATAG ACCAAAAGTG AATTTAATTA 100

配列番号： 4136
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04839
 配列：
 GATCCCAACT TGAACAACA GCCAGTGCCT GTGGTAACTT AANNTNTTGT CAAATACTTT 60
 TATTGATTGG TTTATATGCC ATTNTTGTTA TAGAAGAATA 100

配列番号： 4137
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04840
 配列：
 GATCAGCTCC GTGGGACTGA TATTGGTCCA CANCANAACA GGCAGTGCCT CCTTCCCTCT 60
 GGGGAATGCA AAAGAAANCA TGGATTAAGN GAGAAGGGAG 100

【0844】

【配列表 754】

配列番号: 4138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04841
 配列:
 GATCGCCCAA TAAACATTCC CTTGGATGTA GTCTGAGGCC CCTTAACTCA TCTGTTATCC 60
 TGCTAGCTGT AGAAATGTAT CCTGATAAAC ATTAAACACT 100

配列番号: 4139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04842
 配列:
 GATCGGCATA TGCATATCAA AAACAGCTCC CAGCTCTGTA AGGCATTAGA GTGAAAGCAN 60
 ANAATTTTTT AATGAAACAT TTATTTCCT TCTTTTACTG 100

配列番号: 4140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04843
 配列:
 GATCATACTN CTTTATCTAG AGNTTGTCT CAGCTTGCAG AGNTTGAGGA GAAGATAGAC 60
 CAGTTACATC AAGAACAAGC TTTTCCTGAC TTTAATATGT 100

配列番号: 4141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04844
 配列:
 GATCACAGTG CAGATAATTA CCTCACACCT GTTAGGATGG CTTTCACCAA AAAGACAAAA 60
 GATACGTGTA GGCAAGGATG TGGAGGAAAG AGAACTCTTG 100

配列番号: 4142
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04845
 配列:
 GATCTTAGTC CGTTTTTTTT TTATATATTG TAACGTTAAA TGA AAAAAGA ACCCCCCCTNN 60
 TGTATTATAG TCATGCGGTC TTATGTATGA TAAACAGTTG 100

配列番号: 4143
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04846
 配列:
 GATCTGGGAC TTCCAGAAAA CAGAACTNTN AAAAHACAAG TTTCTTTTGT TTA AACACC 60
 CAATCTNAAG TATTTTTTNA TGGCAGTCCT GGGCAGACTA 100

【0845】

【配列表 755】

配列番号: 4144
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04847

配列:
GATCTATCAT AAAAAGCAAT GTCTTCTCTG GAATGGGGCT TCAGTTTCCA CATTTACAAT 60
TAGTACATAT TACAATTAGT GATATGAATA AAGGCTGTTA 100

配列番号: 4145
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04848

配列:
GATCAAAACA GGTGACAGTG AAGTGGTTTC GGCCCTGCCA ATCTGATATC GTGTATGTAT 60
GAGAGTGGTC AGCATTITAC CACTGGTAAC AAGTTCCTT 100

配列番号: 4146
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04850

配列:
GATCTATATA ATTTATGTAT CACCTTCATT GTAAATTTAG CAGGAAATGC ATCACAATTA 60
TNATTTTTTT TTTTGNACC AGTGAAACAA TAAAGATGCT 100

配列番号: 4147
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04851

配列:
GATCATGTTG CTGGCTTTTA TAAACTCTAA GCGAAGGAGG AGCACTGCCT CAGCCTTTGC 60
ACATGGTAAT GAAGCACTGT TTTTAAATAA AAGAGAGAAA 100

配列番号: 4148
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04852

配列:
GATCCGTGAG GGCCTGANTT GGGACTGGAC CCACTGCTGA TTCCCTGCAC CTAGCACAGT 60
GCTTGCCACA AAGTGGGCTC TCAATAAATA TTATTTGTCC 100

【0846】

【配列表756】

配列番号: 4149

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04853

配列:

GATCGTCTGT AGCCCTCTNT NCACTNTGCT GGGGCAGGGC ACGAGTTATT TAAACAGTT 60
ACACTGCAGG GTTTCGCCCA ATAAAGGTGG ACTGACATTC 100

配列番号: 4150

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04854

配列:

GATCTTTTAT ACTCAGHTTN AAACACTTTA CTGGGGTTTA CCAAGCCTCA ACTGGCATAC 60
CATAAACANG CCACANGGAC CGTTCCTGCA GGCCCAACCC 100

配列番号: 4151

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04855

配列:

GATCCGGAAC CCACTTTTTT ATTCACTCCC CATCGTCGTT TGGCCNTTCC ATCHNTCTTT 60
NTCTTTCCT CTGCCATCCG TGACACTGAT AGTTNGTCAT 100

配列番号: 4152

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04856

配列:

GATCTCCAAT CTCCTCGGTT GCAACACCTG AATAAGCCT TCITCCCTCA CAATACTTGN 60
NNNCTCAGTG ATTGGCTTAC TGTGCAGTGA GCAACCTAGA 100

配列番号: 4153

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04859

配列:

GATCAAAATC ACGTTTGTAG TATCATATCA AAAATTCTAA CCTGTTTACA TTGTTTNTAT 60
GTTTCATGTTT CTATGTTATT AAAATATTAT TTTGTACTTA 100

配列番号: 4154

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04860

配列:

GATCTACGGC AATGTGAATC ATTCAGATGT TTACAATAAA AAACACCACA TGAGTAAATG 60
AATTCATAA TGTTAATGTT AAACATCATG GAAAGNNNNN 100

【0847】

【配列表757】

配列番号: 4155
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04861
 配列:
 GATCCCCCT CAGGACAAAT CTACTCCAGC CACGATGAGA AGTGGGTGAG CCAGGGTCTG 60
 AGTTTCACAT TTGAACCAAA TAAAATGCTG TCAAGAGAAA 100

配列番号: 4156
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04862
 配列:
 GATCATGCCA TTGCACTGCA CCTGGGCAAC AAGAGTGAAA CTCCGTCTTA AAAAAATATA 60
 GAAATAAAAA AATAAAAAACC TGTCCCCAGA CTGGAAA 97

配列番号: 4157
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04863
 配列:
 GATCCTGAGC TAGGAGAGTA CATTITGCGC ACCTTTGGTT TCCATATTAA GAAATTCAGA 60
 TTTTATGTA CAATAAAGAA GTTCTGGAAT TCTCAA 97

配列番号: 4158
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04864
 配列:
 GATCTCTNTN CAGCCCTAAA GCTCCTTGGT TCTGTAATTC CACCAATAGC CCATTTCAAA 60
 AATAATTCTA CAGTAATCAG TGGGACTCCT GTTTT 96

配列番号: 4159
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04865
 配列:
 GATCACACCA CTGCACTCAA GCCTTGGCAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA GTAAAAAAA 60
 AATAAATAAA TAAAAATGTT TAATTAACCA TGA 95

配列番号: 4160
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04866
 配列:
 GATCGTAGGG CATCAGAAAA ACAAAAAGAA ATAGAGAGAG TAAAAGAGAA GCAACAGAAA 60
 GAACTCAATA AACAAAAACA GATTGAAAAG GTAAA 95

【0848】

【配列表758】

配列番号： 4161
 配列の長さ： 95
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04867
 配列：
 GATCTTNATT GTTCCTCACC CCATTTTCCT CCTTGTGTAT GTACTTCCCC CACCCCCCTT 60
 TTTTAAAGTA AAATGTAAAT TCAATCTGCT CTAAG 95

配列番号： 4162
 配列の長さ： 94
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04868
 配列：
 GATCTAATAA GTATTGGAAT GCTTCCTATT TGCTGATAGA AGTACCAAAT AGTATTATTG 60
 AAGTCTAACA AAGACTTTTT GTTGAGAACA CAAA 94

配列番号： 4163
 配列の長さ： 94
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04869
 配列：
 GATCGAGGTA AGAGGGACTT TTTTAAAGGC CTAGTCTATG GGATGGGGCG GCGGAGGGAA 60
 TTTTTTGAGA AATAAAATGA AGCTGCAGTG TAAA 94

配列番号： 4164
 配列の長さ： 92
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04870
 配列：
 GATCACACCG CAGACATTTA GATTTTTATA CCCAAGGCAC TTTAAAAAAA TGTTTTATAA 60
 ATAGAGAATA AATTGAATTC TTGTTCCATA AA 92

配列番号： 4165
 配列の長さ： 92
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04871
 配列：
 GATCGCTTGA ACCCTGGAGG CAGAGGTTGC AGTGAGCAGA GATGGTGCCA CTGCCCTCCA 60
 GCCTNGGTGA CAGAGCAAGA CTCCGTCTCA AA 92

【0849】

【配列表759】

配列番号: 4166
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04872
 配列:
 GATCTTACT GATGCACTCA TGACAAGTAC CCAATGTATT TTAGCTATTT TAGTAGTATT 60
 TGTTCATAA ATACGCAAGC TGTAAAGTAA A 91

配列番号: 4167
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04873
 配列:
 GATCTGCTTT TCTGCACTGT TGTCTGTGTG TCTGCGTTGT GTGTGATTTT CATGGAAAAA 60
 TAAAAATGCAA ATGCACTCAT CACAAACTAA A 91

配列番号: 4168
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04874
 配列:
 GATCAAAAAA AATAAATCAC AATGGTATTT AGAAAAATATT TTCACTGAA GGCTAACAAA 60
 ACACTACATA TTAAATTAT AAAATGCAAA 90

配列番号: 4169
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04875
 配列:
 GATCTTTTGA TGTGCACTAA TGCCATTATT GGTAATGCCG GTTATTGGTG AATACAGCAT 60
 AGTTAAATAA ACTGTTACAG TAAATCTAAA 90

配列番号: 4170
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04877
 配列:
 GATCTAGGGC AAACCTGTCC AACTGTTGGC CCATGGAACA GCTTTGAATG CAGCCCAACA 60
 CAAATCTATA AATTTCCTTA AACATTAAA 89

配列番号: 4171
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04878
 配列:
 GATCAGTCTC ATGGGCCATC TCTTCCTCAG ATGTAAATAA TATCTGGTTA AGTGTATAT 60
 GGAATAAAGT GGACATTTTA AAACTAAA 88

【0850】

【配列表760】

配列番号：4172

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04879

配列：

GATCTCAGTG ATGTTTGAAC CTTCTGTGTA ACTTTTTATT AAGTCTTTGT ATCTCTCGAC 60
TGATTAATAA AGAAGAGAAA CACGTAAA 88

配列番号：4173

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04881

配列：

GATCTTTATT GGTGACCTTT TGTAAGACAT TAGTTTGAGG TACTACCTAT GTACTTGAAA 60
ATAATAAAGT GGCATTTCTT TATGAAA 87

配列番号：4174

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04882

配列：

GATCCACTTT GTACTCCTAC CAGTAGGAAC GGTCTTCTAA CAGAGAAGAT TATAGCAAAA 60
AATAAAATCT CTTCTTAATT CCCAAA 86

配列番号：4175

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04883

配列：

GATCCAAAGT CCAGCTCTCT CACTGAAGCC TTATCTTTCC GAAAGCTTCC AACAGTAACT 60
CAGGAATTNA GCTTACTTGC TTAAAA 86

配列番号：4176

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04884

配列：

GATCTAAAGA AGAAGGTTCA GTTTTCAAAC AGAATTTAGA GAAAATATAA AGAAATAATT 60
TCTTGTCTCA AAAGGCCAAA GTAAA 85

【0851】

【配列表761】

配列番号：4177
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04885
 配列：
 GATCCAGCTG TGCCTAAAGC CTGCCCTACC TCCGGACTTT AAAGTTTGT GAGCCAATAA 60
 AGTCCCTTTC TTGTTAAGA TAAA 84

配列番号：4178
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04886
 配列：
 GATCTGAAAA GGCATTAATT TATGTACTAA TTCTATAAAC ATGTATTAAT AATTCAGTA 60
 TTATTAATA CAGATGGACT CAAA 84

配列番号：4179
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04887
 配列：
 GATCAGGCCC CCCAACTCTC CAGAACAGGC TACAAACATG CAAATTAGAA TTCTTTTAAT 60
 ATAAAAAAAA GTACTAAAT AAA 83

配列番号：4180
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04888
 配列：
 GATCAGAGGG NAGTACAGAA NCCCTGAACT AAAGCNTTAA GTACATACCA TACAGCAAAT 60
 AAATGCTAGC AAAACATTCT AAA 83

配列番号：4181
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04889
 配列：
 GATCTAAAAT TTGTAATATT TTTGTCATGA ACTGTACTAC TCCTAATTAT TGTAATGTAA 60
 TAAAAATAGT TACAGTGACA AA 82

配列番号：4182
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04890
 配列：
 GATCACATGG TTCCTACCA AATNACCCTC AAATAAGCCA GATGAAAATT TGAAGAAAAA 60
 GGTACCCAG TTCTCTGGA A 81

【0852】

【配列表 762】

配列番号： 4183

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04891

配列：

GATCAGAGCG TAGTTTTAAN TGTATTTTGT ATACACTTGT GAAATATTTT ATAGAAATAA 60
AAATTTTAC TTAGGAGCAA A 81

配列番号： 4184

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04892

配列：

GATCCTTCCT CCCACCCTAN GCCTTCCTTT CCTCTTTCCT CCTCACTCTC CCCGTCATGC 60
TCCCTCTGCC CNGNCCTCAA A 81

配列番号： 4185

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04893

配列：

GATCCAAANT AGTAACNTT TNTNATGAAC TGTACTACTC CTAATTATTG TAATGTAATA 60
AAAATAGTTA CAGTGACAAA 80

配列番号： 4186

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04894

配列：

GATCATTAGT CAATTGCTTT AATTATAAGC CCTGTTTTTT TTTAAATCTA AAAACTAATA 60
AACATCTATA AGAATTAAA 79

配列番号： 4187

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04895

配列：

GATCNACTGT CAAAAAGAAG GGTTCAGTA AAATAAAATG AGAGCAATTA TATATATAAA 60
TATATATCAT ACACAGAAA 79

【0853】

【配列表 763】

配列番号: 4188
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04897
 配列:
 GATCACCTGA ATTCTGGAGG TTGAGGCTGC ACCACTACAT TCCAGCCTGG GAGATAGAGT 60
 GAGAGCCTGT CTTAAA 76

配列番号: 4189
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04898
 配列:
 GATCCCAAAT NTTCCACAA GCTTTATTCC AAAAATAATT TTATTTAATA GGTATTAAAT 60
 AATGTATAGA AGGAAA 76

配列番号: 4190
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04900
 配列:
 GATCTTCCTG TTTCAGTCCC CAAGGTGTTG GGATTATGGG CATGAAGTGC TGCACCCAGC 60
 CCTTATACT CAAA 74

配列番号: 4191
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04902
 配列:
 GATCACTGGT ATGTAGATAA TAAAATGTGA AAATAAAAAAT TAAAAAATAA AACAAAAAAT 60
 ATGTGATAAT AAA 73

配列番号: 4192
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04903
 配列:
 GATCGTGCAA CTGCACTCCG GCTTGGGCTA CAGAGTGAGA CTCCATCAGA AAGAAAAGAA 60
 GAGAGAGATG AAA 73

配列番号: 4193
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04904
 配列:
 GATCAGCATG TAAAGTGTCT GCGGTGTAGT AGGCTCTTAA TAAACACTGG CTGAATATGA 60
 ATTGGAATGA TAAA 74

【0854】

【配列表764】

配列番号: 4194

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04905

配列:

GATCTCAACT CGTGGCACTA ACTTGAAAA GGGTTGATTT AAAATAAAAG GGAAGACTAT 60
TTTACAAGCA AA 72

配列番号: 4195

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04907

配列:

GATCCTAAAC AGATGCATTG TTGCTTTTCT GTGCTGTCTC TGCAGATTAA AACATAATGA 60
TTACACTAAA 70

配列番号: 4196

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04908

配列:

GATCTTTTAT GCTTTTAAAC AAAAAAATG GCTGTAAATN ATTGTAAATA TTAAAGGAAC 60
TTNCCTTAAA 70

配列番号: 4197

配列の長さ: 69

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04909

配列:

GATCTCCCTG GAGGTTTCAT AGCAAGGTTT GACTTGATGA ATTAATTAAT AAAGCTAAAT 60
ATCCTGAAA 69

配列番号: 4198

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04910

配列:

GATCACCCAC GGGGAGGAGA AGGAGGAGTG AGACCCAGCC GGGTCAATAA ACCTGGACGC 60
TTGAAA 67

【0855】

【配列表765】

配列番号: 4199
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04912
 配列:
 GATCTGCTTA TAAATAAACT TAACAAATAC ACTATGGAGA TAAAAAACAA AATACCACCC 60
 ACAA 65

配列番号: 4200
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04913
 配列:
 GATCTGTTTC TCTAGAAAAA AAGTCCATCT CTGGCTTTAA TAAAATTATG CATCAGAAAT 60
 CAAA 64

配列番号: 4201
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04914
 配列:
 GATCTCATGC TAGCAGAGCA AAAATTGTAA AATATTTTGA TAAAAATCT AGGGACCTTT 60
 ATGTCCTATT TGAAA 75

配列番号: 4202
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04915
 配列:
 GATCAGGAAG TGCCTTTGTG TCTTCCACA TGTATGTATA AATAAAGTGT TCTTTTAAGC 60
 AAA 63

配列番号: 4203
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04916
 配列:
 GATCCTCATT TTTTCCATT GTAAAATTGG GCTAATAAAA GATGCTACCT ACTGACTATT 60
 AAA 63

配列番号: 4204
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04917
 配列:
 GATCACGCTA CTGCACTCCA GCACTCCAGC GCAGGCAACA GAGGGAGACT CTTTGTCTCA 60
 AA 62

【0856】

【配列表766】

配列番号：4205
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04918
 配列：
 GATCCTGAAT TTCCAGCCA ACAGAACCA GTGCTAAATA AAACCTTTTT TAATAAGTTA 60
 AA 62

配列番号：4206
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04919
 配列：
 GATCAAACT CTGTTCTCAA AAATAAATA AAAATAAAAA ACAAACAAC AACACAACA 60
 AA 62

配列番号：4207
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04920
 配列：
 GATCACGCCA CTGCATTCCA GCCTGGGAGA CAGACTGAGA AATAAATAAC TGTAATGTAA 60
 A 61

配列番号：4208
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04921
 配列：
 GATCCAAGCA AACTACTTTA AGCAAATATT TGTAATAATA AAAACGGAGG ACCGCTCAAA 60

配列番号：4209
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04922
 配列：
 GATCTAACAG TTCTCCAATA AAATAGTTCT CATTCCAGAG AGCAGATGAA TATATTTAAA 60

配列番号：4210
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04923
 配列：
 GATCTATGAC TGTACTACAC TCCAGCCTGG TCAACAAAGC AAGACCATAT CTCTTTAAA 59

【0857】

【配列表767】

配列番号： 4211
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04924
 配列：
 GATCCAAGTA TTTNATCTGT GTTGTCTCTC TAAACCCAAA TAAATGTGTA AATGTGAAA 59

配列番号： 4212
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04925
 配列：
 GATCCAATAC ACACATANCT TACAACATC ACAAATTCCT ATTAAATATT AAAAGTAAA 59

配列番号： 4213
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04926
 配列：
 GATCTCAAAH NGAAATCTTA TACCAGTGAC AACTGTATTA GAATATATCT GTTCTTAAA 59

配列番号： 4214
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04927
 配列：
 GATCTCATAT TAATATTTTA ATATTTCTTT TCAAAATAAA ACAGAAAAGC AAGTAAA 57

配列番号： 4215
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04928
 配列：
 GATCTGTGTG TTCTTTCAAA GACAAGTTAT GTCTAATTAA AATGTGTAAC GGACAAA 57

配列番号： 4216
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04929
 配列：
 GATCCGNGAG AGAACGACCA CAATTTAAAC ACATCAATAA ATACTTTAAC TTCCAAA 57

【0858】

【配列表768】

配列番号： 4217
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04930
 配列：
 GATCAAGAAG GACTACCTGT CATGTGAGAC CATCACTAAG AAACCATTTC CTGAAA 56

配列番号： 4218
 配列の長さ： 55
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04932
 配列：
 GATCGCGCCA CTGTGCTCCA GCCTGGGCAA CAACAGAATG AGACTCCATC TCAAA 55

配列番号： 4219
 配列の長さ： 53
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04934
 配列：
 GATCACGCCA CTGCACTACA GCCTGAGTGA CAAGAGTGAG ACTCTGTCTC AAA 53

配列番号： 4220
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04939
 配列：
 GATCATGCCA CAGCACTCCA GACTAGGCCA TGGAGCAAGA TTCTGTCTCA AA 52

配列番号： 4221
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04940
 配列：
 GATCCCACTT CGGTCTGTAA ATTCCCTCAA TAAATCACCC AATATTGACA AA 52

配列番号： 4222
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04942
 配列：
 GATCGTGCCA CTGCCCACCA GCCTGGGCAA CAGAGCAAGA CCTTCTTTCA AA 52

【0859】

【配列表 769】

配列番号： 4223	
配列の長さ： 52	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04944	
配列：	
GATCGTGCCG CTGCAANCCA GACTGGGCGA CAGAACAAGA CTCGCTCA AA	52
配列番号： 4224	
配列の長さ： 51	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04945	
配列：	
GATCCCCAAA GCTTAAATA TCGACTATTT AGAGTGAGAC TCCATCACAA A	51
配列番号： 4225	
配列の長さ： 51	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04946	
配列：	
GATCAGCCA CTGCACTCCA GCCTGGTGAC AGGGCTAGAC TCCTTCTCAA A	51
配列番号： 4226	
配列の長さ： 51	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04947	
配列：	
GATCAGCCAN GCATTCCAGC CTGGTGACAG AGCGAGACTC TGTCTCNGAA A	51
配列番号： 4227	
配列の長さ： 56	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04948	
配列：	
GATCTTGTTT GTTGAGGGAG ATGGGACTAT AATAAAATTG AATGCTGAAG TTGAAA	56
配列番号： 4228	
配列の長さ： 50	
配列の型： 核酸	
トポロジー： 直鎖状	
クローン名： HUMGS04950	
配列：	
GATCGGCCA CTGCGTTACA GCCTGGCGAT AATGCAGGAC TCAGTCCAAA	50

【0860】

【配列表770】

配列番号：4229
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04965
 配列：
 GATCTGTCCT GTAAACCACA TTCTTGACAA CTATTTGCTT TTGAGTAGTT TGTATTTTAA 60
 TATGTGACTT TNGTCTTGAA AAGTAGTAAA GCCATAGACT 100

配列番号：4230
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04985
 配列：
 GATCAACAGA CAAATGCTCC AGAAATCTAT GCTGACTGTG ACACAAGAGC CTCACATGAG 60
 AAATTACCAG TATCCAACCT CGATACTGAT AGACTTNTTG 100

配列番号：4231
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04986
 配列：
 GATCAATTTG TAATTNCTTA CATTTTTACA ATAAATAATC TGTACGTAAA 50

配列番号：4232
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04987
 配列：
 GATCTTTCTT TGGCAACCAC TTTTACTGT CGCCATAGTT CTTCCTTTTC TAGAATGTCA 60
 TATTGGAATC ATATAGTATG TAGCCTTTTT AGACTGGCTT 100

配列番号：4233
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04988
 配列：
 GATCTTTTCA GTCAAAAATC TAAGATGATT TATTTTGTAT CACTTTGTTA AAAGCTGAAT 60
 ATTGTAACT ACAGTTAATA TTAACACTGT ATTTATACTT 100

配列番号：4234
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04989
 配列：
 GATCCAGGNG TTGACTATAA CCAGATTIAC TCTTTGCTTA CTAGGNTTTC CATNNTCACC 60
 ATTGGATGAA CCNCTGGTTT AGCCACAGTT GTGAAAATAA 100

【0861】

【配列表 771】

配列番号: 4235
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04990
 配列:
 GATCCGCATC CAAGCTTAAC CAAGGCTCCA ATAAACGTGC TAGGAAGCAA A 51

配列番号: 4236
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04991
 配列:
 GATCAGTCGC TGAATCATTG GATGAACCAG CAGCCTGCAT GCTACAGCCC ACCTGCCAAA 60
 TCCTGCCCCC ACCTGCCTTT TAAATAAAG TTTTATTGGA 100

配列番号: 4237
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04992
 配列:
 GATCTTTGCT CTGTTTCCAG TGGGGTTTGA AGCAGAGTTC AGGGAACCCT GCCCAAGGTC 60
 CTCCTGTTCA GACATTCCTA TGTGAATAA AGTATGTTG 100

配列番号: 4238
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04993
 配列:
 GATCCACCT CAAATTAGCT TGATTGCAAA ACAGATATTG GAACATGGAG CTGAGAAGAA 60
 GATGGTCTGG GCTTCAGGCA CAGCTGGGTC CAGGGACTCA 100

配列番号: 4239
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04994
 配列:
 GATCAGGAAT GGGTGATTGG AGATTATTAG ATTCTAGGTT AACCTCTACC ACTTTACCCT 60
 AATACATAAA ACTTTTTCCT AAATAAATGA TGAAGGAAT 100

配列番号: 4240
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04997
 配列:
 GATCACCTTC CAGACCACAG CAGATGTGGG ACACACAGCC TCCTGACTCC AGGAAGAGCC 60
 AGANCTGTGC AGGGAGGAAG GGGTGAGAGG GGGGCCCCCA 100

【0862】

【配列表772】

配列番号: 4241
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04998
 配列:
 GATCATCCGC AGNCTCATGT TAAAAGGATT TTAGCTCACT AAAAGTGTA TAATGGAAAT 60
 GTGGAAAATA TCGTAGGTAA AAGAACTAC CTCATGCTCT 100

配列番号: 4242
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04999
 配列:
 GATCACATCT NTHTGAAGCC AAAGCCCCGT GGTGCCCCAT GAGAAGTGT CTTTTCATT 60
 TTCACCCAAA TGAAGTGTGA ACGTGATGT TTCGGATGCA 100

配列番号: 4243
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05001
 配列:
 GATCGCACTG TGGGCCGGGG CCCTGGAGGG CTGCTCTGTG TTAATAAGAT TGTAAGGTTT 60
 GCCCTCTCA CCTGTTGCCG GCATGCGGGT AGTATTAGCC 100

配列番号: 4244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05002
 配列:
 GATCTTACTT TCATAATTCT TTGATTCTAG CTTGCAGAGT CAAGACGNAA AGNTAACTCA 60
 TGGGATGGAC AACTGGAAG ATGTAAAATA AGTAAGGCTT 100

配列番号: 4245
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05003
 配列:
 GATCTAAAAA AANNTAAATT ACATTAGTAA CACAACATAA GAAAAAGACA GGGACAAAAA 60
 CAAAAAATAA TAAA 74

配列番号: 4246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05004
 配列:
 GATCCTATGT GGAAGGGCTG TTTTAAAGA AAAAATTTT GGTAAACAGT ATTGTGTAAA 60
 ATTGCTTTT GTATACCAAT ATATGCATGT TTGTGCATC 100

【0863】

【配列表 773】

配列番号： 4247
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05005

配列：
GATCTCAATC AAGTTAGCAT GCTTCTCCA GCTGCCCTAT NACCTGCCAG CTCATCACAA 60
AGAACCACGG CCACCCAGGT CATGGCAAAC TCTGCTGGAC 100

配列番号： 4248
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05006

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA ACCCCGTCTC TACTAAAGAT AAAAAATTA 60
GCTGGACATG GTGGCGGGCG CCTGTNTCC CAGCTACTGG 100

配列番号： 4249
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05007

配列：
GATCATGCTT TAAGGTTTAT GTAAAGAAAG TGTACTGATG TTCTTACATT AAAGCTTTAC 60
AAAGATTTAA A 71

配列番号： 4250
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05008

配列：
GATCTTGGTG GTAGTAGCTG TCTATGATTC TNGCTCAGCA AAGTAAAATA AATGTTAAAT 60
ATGGAAA 67

配列番号： 4251
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05009

配列：
GATCAAATGA AATAATGTAC ATGAAAAGAC ATATATAAAA TGTATAATAC AGACAAAGGG 60
NCCTGTTACA CAGTTGGAAG TCATNCCCTC AGATTTTGGG 100

【0864】

【配列表774】

配列番号: 4252
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05010
 配列:
 GATCACAGCC ACTGGTCCAT AACAATTAGG AAAACTCATT GGACAATGGT TGTCAGGTT 60
 CTCCATTGGA GGGAAATTGTG TTTCATGATT AGGCACTGTT 100

配列番号: 4253
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05011
 配列:
 GATCTGNCAA GAGCACATAT GTGTCAGGGC ACAATTCCCN CTCATAAAAA CCAGACAGCC 60
 TGGAAATTGG CCCTGGCCCT TCAAGATAGC CTTCTTTAGA 100

配列番号: 4254
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05013
 配列:
 GATCACTACA ACANTTTNTT TGCCTCCAAG GTCTCTGAG GCAGCAGGCT CTGGGGCTTC 60
 TNCTGTCTT TGGAGGGTGT CTTCTGGGTA GAGGGATGGG 100

配列番号: 4255
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05014
 配列:
 GATCGCGCAG GATTTCAAAA CCGACCTGAG GTTTCANAGC GCAGCATCGG TCGGCTGCAG 60
 GAGGCTAGCG AAGNANCCTG GTGGGTCTGT TCGAAGATAC 100

配列番号: 4256
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05016
 配列:
 GATCAAAGTC CTACAGTGGC TGTCACGCAG CCACNAGGTC ATCTCCTTTC ATCCCCACCC 60
 CAAGGCCCTG GCTGTGACTC TGCTTCCTGC ACTGACCCAG 100

配列番号: 4257
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05018
 配列:
 GATCTGCACC AGACTGTTAC CTTCTGGGGG AGATGGAGAT TTGACTGTTT AAAAAGTGA 60
 AACAGCGAGG AGTCTTTCTA GAACTTTTGA AACTAAAAG 100

【0865】

【配列表 775】

配列番号： 4258

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05019

配列：

GATCCTGCAG TGTCTGTGG GTTCATCTCG GATGGGCGCT GCATAAACAG CCTGCAGGGA 60
ACGTCTGGGA GAACCAGCTT CACAACAGAT ATAATAAGGA 100

配列番号： 4259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05021

配列：

GATCGCGTCC ACCTTCATCG CTGTGGTGCA AGCCATCGTC CGCACGGCTG GTGGCTGGGC 60
AGCTGCCTCG GACTCCAGGA AAGGCGGGA GCCTGCCGGC 100

配列番号： 4260

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05022

配列：

GATCACACCA TTGCACTCCA GCCTGGGATA ACAGAGCAAG ACTCTATATC AAAAATAAAT 60
AAATACAATG AAATGTTAAA 80

配列番号： 4261

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05023

配列：

GATCCACGGA AGACTGTCAG CAGACTTCAC CAGAAAATT TCACGCCAGA NGGCAGTCGT 60
GATATATACA AAANGCTGAA AGGAAANCAC TGCCATCCAG 100

配列番号： 4262

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05024

配列：

GATCTGCATT TAAAAATATG GTCTTTGTTT TATATGATTA AATGGTTTGT TTTCATAGAT 60
GAAA 64

【0866】

【配列表 776】

配列番号: 4263

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05025

配列:

GATCCCGGCT GTTGGTGAGC AAAGAGCCCA GGCCCCTAGA GTGCCGATGT NCAGGCTCCG 60
CTGTTAGANT CACAGCGGTT CAAATCCGGC ATCTGGTCGC 100

配列番号: 4264

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05026

配列:

GATCAGACCT CTCATGCTGT GGAGATGAAA AAGCCCTAAA GTTTATGTTT CTAATGTGTC 60
ACAGAATAGG ACGATATGAT TCTACAACAT AATCAACTCC 100

配列番号: 4265

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05027

配列:

GATCCTCTTT CTAGCATGAA TGAAGGATGC CAAGAATGAG AAAAAGCAAG CGGTTTGTCC 60
AGGTGGCCCC TGAATTCTGC GCAAGGNATG GGCCTGGGGG 100

配列番号: 4266

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05028

配列:

GATCCTTCCG GAGCGACTGA ACAAGAGCCG GGTGAAGGAG ATGGTGAAGG AGTTCACACT 60
GCTGTCCCGG GGTCTCCATG GCACAGGGTA CACAGCTGAC 100

配列番号: 4267

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05029

配列:

GATCGCTGGA CGCTATGAGA GGGCGTCCCA GGGCCCAGCC TCCCACAGCC GTTTCAGCAG 60
GGACAGGGGC TGAACAGGCC CTATTCCAGC CCCCTTGCTT 100

配列番号: 4268

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05030

配列:

GATCTGAAAT AGTTTTGNGC CACTACATTG TTGAAATCAA TGAAGCAATT AGTTTCTCAT 60
TCAGAAATGT GCACACTAAT ATTTAGTTTT GCTTTCTCGT 100

【0867】

【配列表 777】

配列番号： 4269

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05031

配列：

GATCTTCATA TTGCTGTGAT TAATGCATCC AGATTGTTTT CCTAGTATTT CCAGGTTAGA 60
ACCTGTGGAT TGTTCATN GCATATAGCT TGGTTTCCAT 100

配列番号： 4270

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05033

配列：

GATCTGCTTT TTTNAAATGT TAAGGACATA TTTTNAAGTT ACTGCTGAGT GAAGAAAGAA 60
CATAGCTCCC CCTCATTCCC TCGCTAAGAA AGGAGCTTAA 100

配列番号： 4271

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05034

配列：

GATCAGGGCC TTCCTGCCTC CCGCTGGGCA GGTCTGGCCT TGCNCTCTTG GCAGGGCCCC 60
AGCCCTCTA ACCACTCTGC AGCTCACCAT GCAGCTGATG 100

配列番号： 4272

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05035

配列：

GATCATTTCA AAACATTTT CCTATGTAAC TGCATTGAGA ACTGCATATG ATTGCTGAT 60
ATATGTGTTT TTCACATTTG CGAATGGTTC CATTCTCTCT 100

配列番号： 4273

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05037

配列：

GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCACCC CAAGCTTGGC AGNCGAGCNN ATTGTATCCT 60
GGGGCTCCCT TCATCTCCAG GGAGTCCNNT CCCCCGCCCT 100

【0868】

【配列表 778】

配列番号: 4274
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05039
 配列:
 GATCGITTTT TGATTTGTAT GCTTACAAA CTGGATTG ACAAAGAAA TGTATGNN 60
 HGAATTGCGA CAGTGTATTC GCAACTNTCC TCAGTTCAGA 100

配列番号: 4275
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05040
 配列:
 GATCATTACA ACANTTGTNT GCCTCCAAGT CCTGAGGCA GCAAGTCTGG GGCTTCTGTN 60
 TCNTTGGAGG GTGCTTCTG GGTAGACGA TGGGAAGGAA 100

配列番号: 4276
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05041
 配列:
 GATCATCCGC GGC GGCCGGG CTCGTGGGC GCCTGGAGTG AGGGTTCTGG TTCCCGCCGG 60
 CGAGGATTGT TAAATNAGT CTTCCGAAGN AGACCCCTAG 100

配列番号: 4277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05042
 配列:
 GATCGGAGTA CANAGTNACA NTTGGAGGC AGGGGACTN TAAGGCAAGG AGATTACAGT 60
 TGGGAAGGAG GCAGTGGCAG AGGGGTGAG GACAGGGGCC 100

配列番号: 4278
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05043
 配列:
 GATCTTAAAC CCAGTCTTGA CAGACTAGAA GTTAAGTTA ATACAGAAAA TGTCCTGTTT 60
 ACTTGAAAGA AAAGACCTAC TTTTAAATG GACACTATCT 100

配列番号: 4279
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05044
 配列:
 GATCTCCACT GTTGGGTGGG TGGGCCCTGC CGGGACCCTG CTTACAGGC AGGCTTTTCC 60
 TCCAACCTGT GGCCTGCAG CAGGGCAGGA AGGGGAAACA 100

【0869】

【配列表 779】

配列番号: 4280

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05045

配列:

GATCATT CAT ATGTGTACAT AAAATTTTAA AAATAAAGGG AATTGACTGC TTTGTTAATG 60
AGAAA 65

配列番号: 4281

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05046

配列:

GATCCAGAGA ATGAATCCCT GACCGCATCA CCTAAACTGT CTTCCAAACA TGAGACAAAG 60
CTGACTGTTC AACTGATTG CCCAGCACAT ACCGTCTTGC 100

配列番号: 4282

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05047

配列:

GATCTCTGCT CCTAACGATG AAGACTGGGC CTATTCACAG CAGCTCTCTG CCCTCAGTGG 60
TCAGGCGTGC AATTTTGGTC TCGCCACAT AACCATTCTG 100

配列番号: 4283

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05051

配列:

GATCCTCCAC AGAGAGGAGG GGACCAATTC TGGACAGACA GATGTTGGGA GGATACAGAG 60
GAGATGCCAC TTCTCACTCA CCACTACCAG CCAGCCTCAG 100

配列番号: 4284

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05052

配列:

GATCTCTAAG TGACCACCAG GGGCTCTGAA CTGCAGCTGA TGTTATCAGC AGGCCATGCA 60
TCCTGCTGCC AAGGGTGGAC ACGGCTGCAG ACTTCTGGGG 100

【0870】

【配列表780】

配列番号: 4285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05053
 配列:
 GATCTACATA GATTTGGAAA CTGTTTTCCT CTGTTTGGT CTCTTGGGCA ACATTTTGG 60
 CCCAAGTTG GGCAACATT GGCCCAAGT TGGGCATTT 100

配列番号: 4286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05054
 配列:
 GATCNTTTC TTTAGNGTGT AAAGTNTGTC TCTGAACAGA ATTATTTGTA AAAGTTAGGA 60
 GTTCITTTTT AAATCATTAA AAGAGGCTTG NTGAAGGAAA 100

配列番号: 4287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05055
 配列:
 GATCCTAGAG CCCTTCACTT CGGNTTACTC CCTCTTTTT GCCTCTNTTT NTAGTTGGA 60
 AGAAATAAAC TCACAAATTA TGGTGCAGTA ATTTNCCGGG 100

配列番号: 4288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05056
 配列:
 GATCAAGGAG CAATTATGAA GGTCTACAAG CAAGANCAAG AGGAAGAATT ATNGAAAAAG 60
 TTGGCAAATG NCCCCAGATG GAAGAGATAC AGGAGATGGA 100

配列番号: 4289
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05058
 配列:
 GATCTAATTG CATTGGTTAA AAGCAGCTAA CCAGGTCTTT AGAATATGCT CTAGCCAAGT 60
 TTAACITTTAT TNAGACGCTG TAGATGGACA AGCTTGATTG 100

配列番号: 4290
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05059
 配列:
 GATCANAACT CAAACGGGCC GGNNTTCTA AGGTGTNGGT ATGTGGGGAG TGGTACAAAA 60
 TGGTCTGATG CTCCTTCAAA AACATTCACT TTTTACAACG 100

【0871】

【配列表781】

配列番号: 4291

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05060

配列:

GATCTAATAA AAATTGAAAT ATGCCTTTTA GAATGGCTTT CAAAGATAAC AAATGCTGGA 60
GAGGATGTAG AACAACTGGA ACCTCTCGGT TATTGCTGGT 100

配列番号: 4292

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05061

配列:

GATCTNTATT NTTTTNGCAA CAGACTTCAA GTGGTCCCTC TTTTTTCCCT ACACACTCAG 60
CTCTTCTCTA AAAGCAAGGA TTTGGAATGA NCAATTCAGT 100

配列番号: 4293

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05062

配列:

GATCACAGGA AGACTTTGTA AGGACAGTTT AAGTTCTCCT GCAAGGTTTA ATTTGTTATC 60
ATGTAAATAT TCCAAAGCAG GNTGCCTTGT GGTTTTGGCC 100

配列番号: 4294

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05063

配列:

GATCAGTTTT CTATTTTAAT GTGTAAAAAA AATAACTTGT CGTATCCCAT TTAAAGGCCA 60
ATTTCTGTAT TCAGGCAGGC ATATGTACAT ACATGAATAA 100

配列番号: 4295

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05064

配列:

GATCGGGGTG CCCCTCAGCC TTCAGACACT CTGAGCCCCA GANGCAGCAA AGGGTGAGCC 60
TCCTGCCTTG GTTCTACCA CCATCTGGTG GTCAATGGCG 100

【0872】

【配列表782】

配列番号：4296
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05065
 配列：
 GATCAGACCT TCTTGGGGTC TTCTGGCCAG AGCTTGTAC CAGCCCCATG GCCTCTCCAG 60
 GCGTGCTCAT GCCCACAACC CGCGGCCAGC CCCACGTGGT 100

配列番号：4297
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05066
 配列：
 GATCAGCGTG CGGGGTGTGA AGATAGGCGT CAAGGCCGAT GACTCCCAGG AGGCCAAGGG 60
 GAATAAATGT AGCCACTTTT TCCAGTAAA AAACATCTCT 100

配列番号：4298
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05068
 配列：
 GATCTCCCGG ACCCCTGAGG TCANATGCGT GGTGGTGGAC GTGAGCCAGC AAGACCCTGA 60
 GGTCAAGTTC AACTGGTACG TGGACGGCGT GGAGGTGCAT 100

配列番号：4299
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05069
 配列：
 GATCCAGGGA ACAATGACTA TAGGTGAGCA GATGCTTTAA ATTAAGGAAA GATGGAGAAG 60
 AAGCCAACTA GGAAATTAGA GAACACAGCA AGCAAAGAGA 100

配列番号：4300
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05070
 配列：
 GATCTTTNAG GAAAGACGGA TTGCNTTAGA AATAGACAGT ATATTTTNG TCACAAGAGC 60
 CCAGCAGGGC CTCAAAGTTG GGCAGGCTG GCTGGCCCGT 100

配列番号：4301
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05071
 配列：
 GATCACCATG AAAGAAGAAT AGTTTTTTGT CCCCAGAGAC ATTCATTTAG TTGATATAAT 60
 CCTACCAGAA GGAAAGCACT AAGAAACACT CGTTTGTTGT 100

【0873】

【配列表 783】

配列番号: 4302
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05073
 配列:
 GATCTGTCCC CATCCGAAGA GGCTTTGTGA ACTGCCTGCT GAATGGAAGG AAAGCAACTT 60
 TAAAACATTT AGAGTTTTCG TGAGTATAGC CAAATGCCTG 100

配列番号: 4303
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05074
 配列:
 GATCAAGGAA GAGATGGAGG CTTTCCCCGA AAAGTTCTAG CTGAGTGGCA GAAGTGAGAA 60
 TTTGTAAACT TATGTACAAT GTACGTGTAA ATAAATGGAT 100

配列番号: 4304
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05075
 配列:
 GATCTGGGAC AGATTTCACT CTCACCATCA CCAACCTGCA GCGTGAAGAT TTTCCAACAT 60
 ATTACTGCCA ACAGTATGAT AGTTACCCGC TCACTTTTCGG 100

配列番号: 4305
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05076
 配列:
 GATCTAGAAA CTGAGTTGTG GAGCTGACTC TAATCAAATG TGATGATTGG AATTAGACCA 60
 TTTGGCCTTT GANCITTCAT AGGAAAAATG ACCCAACANT 100

配列番号: 4306
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05077
 配列:
 GATCCCATCC CCTTGTCTGA ACTGGAGCCA TGGGCACAAA GGGCCCAGAT TAAAGTCTTT 60
 ATCCTCAAAA 69

配列番号: 4307
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05079
 配列:
 GATCTTGCCT CCCATCAGCC ATCTTTCTCC CAATAAATTT TTGTTTTGTG CAAA 54

【0874】

【配列表 784】

配列番号： 4308

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05080

配列：

GATCTAACCA ATTNAAATAT GANTTCATAC TCNAAAGTAT CAACAAAAAA ATGAAAAGAA 60
ATAGCTGGTT TGGNTGTAAG AAATGGTGTA ATTAATGGNT 100

配列番号： 4309

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05081

配列：

GATCACTGCT GGCCTACTCT GGTACGGGG ACACTGACGC CCGGGTCACC GCTGCCATAG 60
CCAGTAACAT CTGGGCCGCC TACGACCGGA ACGGGAACCA 100

配列番号： 4310

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05082

配列：

GATCTNCATA ANCAGGGTTC CTGAGCTCAC TGAAAAGACT ATTGTCCCTT AGGAAAAGCA 60
TTTCCTGTGT NTCGTNAGCA TCTGGCTCCA GGACAGACCT 100

配列番号： 4311

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05083

配列：

GATCATTTCC CAAGATTGGT TTCCCTTGAG TTTTGTCTAA AACAAATCTT AGTAGTTTTG 60
CCCCTTTAAA ACAACTCACA ATCGTAAATG CTACTATTCC 100

配列番号： 4312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05085

配列：

GATCTAAAAC TNCTGTTGCT TTTGCCATTC CAAAACCTTG TCTTTGCCAG AAAAGTGTTC 60
GTAACATAA AGAAAATTAT ATATGANCAC GGCAGNTTGC 100

【0875】

【配列表 785】

配列番号: 4313
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05086
 配列:
 GATCGAGTCC GCCATGGAGA GGGACCGCTA CATGAGCCCC ATGGAGGCCC AGGAGTTTGG 60
 CATCTTAGAC AAGGTTCTGG TCCACCCTCC CCAGGACGGT 100

配列番号: 4314
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05087
 配列:
 GATCTGTGCT TTCCAGCTCA CCCCCACAC TCACTCCTGA GACCCCTGGC CTCGGGCGTC 60
 ACNTCCAGCN TCTGTTCCCC TAGTAAGTGC CTTCCATGTC 100

配列番号: 4315
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05088
 配列:
 GATCTAGCTT GGAGAGCTTG TGAATCTTAG GAGAGCTAGG CATAGAATGA CTAAAGTTTG 60
 TCACCGCATG AGATAAATA AATGAAAAGC CACTTCTGGA 100

配列番号: 4316
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05089
 配列:
 GATCGAGCCA CTGCTGAAGA ATGTCTAAAG CACCCCTGGT TGACACAGAG CAGTATTCAA 60
 GAGCCTTCTT TCAGGATGGA AAAGGCACTA GANGAAGCAA 100

配列番号: 4317
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05090
 配列:
 GATCTACAGT CACCATATAT ATCAGCAGGA CCTAAGGNAA AAGATTTTGG ATGTTGGGAA 60
 AAGGTTAGAT GTGACTGGAT TTTGCATGAC AGGNAAGCCT 100

配列番号: 4318
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05091
 配列:
 GATCGTGCCA CTGCACTCCA GCCTGGACAA CAGAGCAAAA CTCTGTCTCA AAAAATAATA 60
 AATAAAAATA AATTAAA 77

【0876】

【配列表786】

配列番号：4319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05092

配列：

GATCTGAATT GTNCGAAAAG CAGCCAGTGC CTAANTTGTA GCTCCACTTA TGCCAACTGT 60
ATATATACCT CTCGTGAGCA TAGCAAGTNA TTTANTATTT 100

配列番号：4320

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05094

配列：

GATCCCCAGA CCTCACTTGC CTCTGCCTCC ATCTTGGCCC TGATTCAACC CTAAGATAAT 60
AGCACAACAA AATTCTNCAT AAAGATATTT TAATTCACCT 100

配列番号：4321

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05095

配列：

GATCTTCATG GAGCTGAATG ACGCCTGGTC GGAGTTTGAG AACCCAGGGCT CACGGCCCCCT 60
CTTCTGAGGC CGCAGTGGTG GTGGCTGCGC ACACAGCTCC 100

配列番号：4322

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05096

配列：

GATCATATTT CCCCTTGGAC ACTTGGTTAG ACGCCTTCCA GGTCAAGGATG CACATTTCTG 60
GATTGTGGTT CCATGCAGCC TTGGGGCATT ATGGGTCTT 100

配列番号：4323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05099

配列：

GATCCCAGTG GAGGCTGTAA CCCACCTGCC CCCGCACCAC CCCCNTGAC CCCTGTTACC 60
GCATTTGTGT GTATTAATGC TGAAGAATTA AATGTTTAAA 100

【0877】

【配列表787】

配列番号: 4324
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05100
 配列:
 GATCAGAAAT GTGAAGCACA AATGCTGCTT CTCCTCCCTCC TGTTCCCATG TCAGAGATGG 60
 AGAAGAAAGC ACAGTGAGCT GTTACCAAGT CCAGCGGTGA 100

配列番号: 4325
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05102
 配列:
 GATCCTTAAA TCTCCATTCT GTTTGTGTTT GCCCCCTCAA CCTCCCCTAC ACCCTTCCTA 60
 TTCTTTTNC A TTCTTCTTG AGTTCTGGGA GTAAAGCTCC 100

配列番号: 4326
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05103
 配列:
 GATCAAAAGTT GCGGGGGGCT TGGCTGTGCC CTCAGATTCC GCACCAATAA AGCCTTCAAA 60
 CTCCTAAA 69

配列番号: 4327
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05104
 配列:
 GATCTTTNAT CCTTTGTTGC AAAAGTGTGG ACACTTTTNA NAGCTTGGCA GATTNAACT 60
 CCAGAAGCAC TTTATGAAAT GGTACACTGA CTAATCCAGA 100

配列番号: 4328
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05105
 配列:
 GATCMTAGAG TCACTTCCGG AATAAGNTCT TACATAAATA CCCCCAGCCT TTTGAGAAGG 60
 GGGCTTGTTA AAGNACCGGT ATGTAGGGCC CGTACCTACT 100

配列番号: 4329
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05106
 配列:
 GATCATATTT TGCAGTTTGA GTAAAAGGGA AATATTGTTA TACATTTNTT AAATATACTT 60
 CCCCCATGAN GTGAAAAGGT TAATTTTNC TANTGTTTGA 100

【0878】

【配列表788】

配列番号: 4330
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05107
 配列:
 GATCTGCCAT TTATTAGCTG TGGGATTTTG GGCAAATTTN TTGACTTTCT GTGCTTCANT 60
 TTTCTTAGCT GTAAAATTGG AAGAGTTGTT ATGAAAATNC 100

配列番号: 4331
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05108
 配列:
 GATCANCATC CCAGTCACCT TCGAGTCGCG GGCCCAGCTT GGGGGCCCAG AAGCTGCAAA 60
 ATCCGATGAG ACTGCCGCCA AGTAAAGCCT TAGCCCGGAT 100

配列番号: 4332
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05109
 配列:
 GATCCAGTGG GGATGTTGTN ATGACTCAGT CTCCACTCTC CCTGCCCGTN ACCCTTGGAC 60
 AGCCGGCCTC CATCTCCTGC AGGTCTAGNC AAAGCCTCCT 100

配列番号: 4333
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05110
 配列:
 GATCTCTATG TATGTGTGTA TATAAATATA GTTTTTTATC TATATATAAA 50

配列番号: 4334
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05111
 配列:
 GATCAAACGA ACTGTGGCTG CACCATCTGT NTTCACTTTC CCGCCATCTG ATGAGCAGTT 60
 GAAATCTGGA ACTGCCTCTN TTGTGTGCCT GCTGAATAAC 100

配列番号: 4335
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05112
 配列:
 GATCAGCGCC TCAGAAGTCG TCGGGCGATG TCCCCGCGCC GTGTCCCTCT CCAAGCNCCG 60
 CCCCTGGGTG GGCTCGGTGG AGCAGACCCC CGGCAAGAGG 100

【0879】

【配列表789】

配列番号: 4336
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05113
 配列:
 GATCTAATCT NAGATGTAAG CATTCAAATT NACCCTGTAG ACTNGGGTGA CAAGTTTCGN 60
 TTGGTCATAG CTAGTACCTT GTATGANGAT GGTACCCTGG 100

配列番号: 4337
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05114
 配列:
 GATCTTACTT TCATCCAGTC TAATAGGTTT GGAGATTAAA CCTTTNCTCA ACTTGTGCTG 60
 TTTATATAGC CAAGCTTCCG TCAATAAGGC TTCATTGTGA 100

配列番号: 4338
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05115
 配列:
 GATCACTCAA GCACAGGATT TTAAGACCAG CCTGGGCAAC ACAGTGAGTG AGACCCTGTC 60
 TCTACAAAAA AATTAAAAAT TAGCTGGATA CTGTGGTGTG 100

配列番号: 4339
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05116
 配列:
 GATCGGGCCA CTGCACTCCA GCATGGGTGA AAAAGTGAGA CCCTACCTCA AA 52

配列番号: 4340
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05117
 配列:
 GATCACCAAC AGCCGTCTCT CCTGCGTCAT CCTGTGACTG CACAGGACTC TGGGTTCTCTG 60
 CTCTGTTCTG GGGTCCAAAC CTGTGTCTCC CTTTGGTCTT 100

配列番号: 4341
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05118
 配列:
 GATCTCCCTA GGGCCCCACC TGGACCATT TCCCTCCGTT TTATTTTGT AATTAAATTC 60
 TTTCCAAATT GGAAA 75

【0880】

【配列表790】

配列番号：4342

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05119

配列：

GATCTCAGTT CACTGCAACC TCCGCCTCCN AGGTTTCAGGT GATTCNTTG TCCCAGCTAC 60
TTGGGAGGCT GAGGCAGGAG AATCACATGA GCCTGGGAGA 100

配列番号：4343

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05120

配列：

GATCCCTGGT GTGTTGTGTG GGCCTCTTTA ACGTTTGCCA CTGAGCCTTA ACCTCACTGT 60
ACTTCACTGT ACTTCACACG CATTGGTGT AACATTTTAA 100

配列番号：4344

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05121

配列：

GATCTAAAAA CTCATCTTTG GGGTAAAGAG TTAAGTGTCC AAAGGTTGTC ACAGTTCATG 60
AGGTCAGAGG GAGCTAGCCT GGCACCTGGA CTCTGCCCCAT 100

配列番号：4345

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05122

配列：

GATCCCCCA TCTCTNCAGC ACTCTCTTGC TCCTCTCCCT TTTCATTTCC TTACTTTGTA 60
TCTTNTCAGA TTAGAACATA TTTTNTTGT CATGACAAAG 100

配列番号：4346

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05123

配列：

GATCTGAAC TCTTGNTTC TNTACTTAGT TCAAGCCCCA GCCTAGGAAA GCCAGTTACA 60
TAAAGTTGG CTCAGGNGTC TTAGAGCTTT ACCTAAATAT 100

【0881】

【配列表791】

配列番号: 4347
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05124
 配列:
 GATCAGAGTT TCTNTGGAAT TCTGTTTGT AAATCAAATT AGCTGGTCTC TGAATTAAGG 60
 GGGAGACGAC CTTCTCTAAG ATGAACAGGG TTCGCCCCAG 100

配列番号: 4348
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05126
 配列:
 GATCCTTCGA AGCACTCAGT TCACTCTTCC CCACCACAGT GGTAAAAAGG CGTTTGTATC 60
 TGCCACTATG TGTGTGTTTT AAAATAAAT TTTGGAAACA 100

配列番号: 4349
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05127
 配列:
 GATCACGCTG ACCTGGCAGC GGGATGGGGA GGAACAGACC CNGGACACAG AGCTTGTGGA 60
 GACCAGGCCT GCAGGGGATG GAACCTTCCA GAAGTGGGCC 100

配列番号: 4350
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05128
 配列:
 GATCTTTTCT CCATCATGTA CTTAGTATTT CCCATTAACC TACACACTGA TTTTNTGCT 60
 ACTCCTTGTA GAAACAAAAT TGTGGTGGG CTCAGX 96

配列番号: 4351
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05129
 配列:
 GATCTGCTGG TCCTTGCAGG CAAAGCTACA GCCAGANTGT CCGTTTGANA CTCCTAGCTC 60
 ATCTGTCAAC GAGCTTATC CGAATGTGCC ACGGAGCTTN 100

配列番号: 4352
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05130
 配列:
 GATCGCCAC TTTGGGCGG AGCTCGAGGA GCGGATGCAG CCGTTTGCCC AGCAGCATCA 60
 GGCCCGGCAG GCTGCCTCTT AGCCACCAC CCTGGCCTGC 100

【0882】

【配列表792】

配列番号: 4353

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05132

配列:

GATCCTGGCT TTCCAGGGTG GGCAAGGGCA AGGAGCAGGC TTGGAGCCAG GGACCAGTGG 60
 GGGCTGTAGG GTAAGCCCCT GAGCCTGGGA CCTACATGTG 100

配列番号: 4354

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05133

配列:

GATCTTTGAG GTGAACAACT TGCCTGTGGA ATCGTGGCAG TAACTGTTTC CACTCACAGC 60
 CTGAAATTCT CCTNTGTCCC AAACCCGAGG GGGCCCCAGC 100

配列番号: 4355

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05134

配列:

GATCTCCGTG GATGAAGTGC GTCTGGACTC TTAGATTTCAT AAAATATTCG AGGGTTTGA 60
 AGTNACAGAC CCTCCCCTCT CCTCAGTGCA CTTTGGCATT 100

配列番号: 4356

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05135

配列:

GATCAGGTTT GGNCTTCTCC CACTGAGCAT GACAAGCACT CGAAAGGCTA AATCAACCAG 60
 AAACATCGAA ACAAAGCTC AGTACGATGC CAACTNTTAA 100

配列番号: 4357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05136

配列:

GATCTGCCCT TGNTNGCCTC ATACCTCTGT GCTCCACACT GCGGCCAGGC CAGCTGAGTC 60
 CCTCCATCCG TGGATGCTTT CCTGCAGCTA TGTGGTATGG 100

【0883】

【配列表793】

配列番号: 4358
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05137
 配列:
 GATCGNGNNA CTTGGGGNGN GGCCCTAGGC ACTACCAGCA GCGCACGCTC ACCTTCGCCC 60
 TCAGGGCTGA CGACCCCTG CTCAAGCTCT TGCAGGAGGC 100

配列番号: 4359
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05138
 配列:
 GATCAACAT GCATGGNTGG GTCCTCAGC AGACACACCC ACAGAAGGAC ACTAGCCTGT 60
 GCACGCGCGC GTCNATCTAC ACACACACAC AAGAGTTCAT 100

配列番号: 4360
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05139
 配列:
 GATCGAGTTA TTATGATAAC TGTGGTAATT TGTGTTATA AATAGCAGTA ACATAGGAAG 60
 GTTTTGGTAA CTNCTGACAA GAAATTTNAT GTAGAGAGTT 100

配列番号: 4361
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05140
 配列:
 GATCTGCATT ATTCTNGGAN AGTATTCAAG TGGTATCTTG ACTATTAAAC TACGTATAGT 60
 GTTNTGNAA TAGAAAGAAA ACAGCATTGG AATTGGATTG 100

配列番号: 4362
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05141
 配列:
 GATCCTGCCA CTGCACTCCA GGCTGGGCAA CAGAGTGAGA CCATGTCTCA AAAAAATAAA 60
 AAAAAATAAA ATAATATCAG GNTGCATACA TCAGAGGCTG 100

配列番号: 4363
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05142
 配列:
 GATCGTTCTG CTGAGTATGT TAAGCTCTTT ATGACTGTTT TTGTAGTGGT ATAGAGTACT 60
 GCAGAATACA GTAAGCTGCT CTATTGTAAA 90

【0884】

【配列表 794】

配列番号: 4364

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05143

配列:

GATCTGCTGC TGCCATNTTA ATCTTGCTCA TTAACCTTAC TCCTTTGAGA ATTCTTTAAC 60
AATATTTAAA ATTGGTAACA AAAATAGTTT AGCCATAATT 100

配列番号: 4365

配列の長さ: 99

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05144

配列:

GATCTACACA TTTTATAGT CATTAAAAAT TGTATGACTC TGTCAAATNA TTTAAGTAAT 60
TTTGGTGGAT TTTTAAAAAT AAAAAAATAA AAATAGAAA 99

配列番号: 4366

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05145

配列:

GATCAGTTTT TATAGCATCT ATGGACATAG AAAATCAGTC ACTGAAAAAA ATAAACACAG 60
CTTTCAATGT CTCACTCAA 80

配列番号: 4367

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05147

配列:

GATCCAGAAT CACCAAGACC TCCAGCCCTG GATGATGCCT TTTCCATCCT GGACTTATTC 60
CTGGGACGTT GGTTCGGTC CCGGTAGCCT TGTTAACCCT 100

配列番号: 4368

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05148

配列:

GATCCTAANN CTGACAAGAT TCAAAGNACT AAATTTAATT CAGTCATNAA CACTACCAAT 60
TACCGTTTAT NGGTAGACAT CTTTGGAAT TTCCACAAGA 100

【0885】

【配列表795】

配列番号: 4369
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05149
 配列:
 GATCTGACCT GTTTATTGTT GCGCTTGT GAAAACGAGC TTTCTTTCCC ATGATAGTGC 60
 TTCGTTTTTG AAGTGTTGAA GCTGTGCTCC CCTHAAATCG 100

配列番号: 4370
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05150
 配列:
 GATCCTCCCG CCTCAGCCTC CCAAGTAGCT GGNATTATAG GTGTGTGCCA CTGTGCCAAG 60
 CTAATTTTTT AATTTTNGT AGAGATGNGA TTTNACCATG 100

配列番号: 4371
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05151
 配列:
 GATCTAACCA ATTTGAATAT GACTTCCTAC TCCAACGTAT CACCAAAACA CTGAAAAGCA 60
 ATAGCTGGTT TGGTTGTTAG AAATGGTGTA ATTAATGTTT 100

配列番号: 4372
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05152
 配列:
 GATCGCATTI ATATAACATT CTTGAGGTGA CAAAATTATT GAAATGAAGA ACAGATTAAT 60
 GGTGGCCAGG GATAGGGACT GGAGGGGCTG TGGCGTATGT 100

配列番号: 4373
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05153
 配列:
 GATCAAGACG AGCCTGCACC GCCTGAAGCC CGACACGGTG CCAGCGCCCT GCTGCGTGCC 60
 CGCCAGCTAC AATCCCATGG TGCTCATTCA AAAGACCGAC 100

配列番号: 4374
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05155
 配列:
 GATCCTCAGT AAACCTCTGAG AAATAATGAA TGTGTTGT TTTAAAATGG TAAATNTTGA 60
 GGTATTATGT TATGTGGCAA TAGATAGCTA ATATATAACT 100

【0886】

【配列表796】

配列番号: 4375
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05156
 配列:
 GATCGAGACT ATCCTGNCTA ACACAGTGAA ACCCTACCTC TATTA AAAAT AAAAAAATT 60
 AGCTGGGCGT GGTGGCACAC GCCTGTAGTC CCAGCTACTC 100

配列番号: 4376
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05157
 配列:
 GATCTAAGGA AAGAAATGGA GCAACTAGTG CTTGACAAAA AGCAAGAGGA GACAGCCGTA 60
 CTGGAAGAGG ATTCTGCAGA TTGGGAAAAA GAACTGCAGC 100

配列番号: 4377
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05158
 配列:
 GATCGGGGCG GGGAAACAGC NGGAAGAHGG NCGCACCCGG TCTGACTACA ACANCCAGAA 60
 AGAGTCCACT CGGCACGTGG TCCNGCGCGT GAGGGGGGGT 100

配列番号: 4378
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05159
 配列:
 GATCAGTATA CAGTGTACGT AAACCTACACC ATCCTCAAAC CCCGAAAGC AAAGCAAATC 60
 AGGAAGAAAA GTGGAGGTTA GCAACACACC TNTGGCCCCA 100

配列番号: 4379
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05160
 配列:
 GATCTAATAT TCAGGAATTT TTCTCCTAAA GACACCCAGT AAAAATATCA CAAA 54

配列番号: 4380
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05161
 配列:
 GATCACTGTG TAAACTAAG TNTCTCTAAA TGTAATGCAT CGATTTAGTG TCTGGAACAT 60
 AATAAATATT TGCTCTCATG ATTGCTAAA 89

【0887】

【配列表797】

配列番号：4381

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05162

配列：

GATCTACATC CCCATCCACC TATACGGACA TCTTTTCCGT TGTGGTTTGA GAATGTTCTT 60
ATAATAAACC CCTCTGCTTT GTTCTTAAA 89

配列番号：4382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05163

配列：

GATCGTCTTG TATGGTGAAT TTTCTAGGAG CGATGATGTA CTGTAATTTT ATTTTAATGT 60
ATTNNGATTT ATGATTATNT ATTAGTTGNN TTTAAATGCT 100

配列番号：4383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05164

配列：

GATCAATTNT GCANCANACA NCAATCTTAA CCATTTCAG AACTACTAG TTATATTAGG 60
CACGTTTTAA AACTTAAAC AAAATAAAGG CCATCCCAA 100

配列番号：4384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05165

配列：

GATCCAAACT TCTACAGCAA AAACCTACTT CTTTtagGAA AGACATACTT GAAACTACAC 60
AACAAAAAGC TTGCTGCTTT CTGGCTAATG AAAGCCAAGG 100

配列番号：4385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05166

配列：

GATCAAAAAA TGTCTCCGCT CAGGGATTTA TGGTGGATTA TTGCAGACAN TGCTAAAAAT 60
ATAGAGCACA AGACAAGTTT ACTAAATTAA AATTTTATTT 100

【0888】

【配列表798】

配列番号: 4386
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05167
 配列:
 GATCCTGAAG AACITGGTAA TTCCTTGTAT CTGGAGCTCG GAGCTGCACC GAGGGCAGCC 60
 AGGACAGCTG TGTGTGCAGA CCTCATGTGT TGGGTTCTCT 100

配列番号: 4387
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05168
 配列:
 GATCATTGT TTATTAATAA GTGTCCTATT ACACAGTGAG TTAACCTCA AA 52

配列番号: 4388
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05169
 配列:
 GATCCGAGCG ACCATGGTGG CCCGGGTGTG GTCGCTGATG AGGTTCTCA TNAAGGGAAG 60
 TGTGGCTGGG GGCGCCGTCT ACCTGGTGTG CGACCAGGAG 100

配列番号: 4389
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05170
 配列:
 GATCCATCAA ATTGAACAAT CTGTTGTAAT TAAAAATTTT GGCCACTTTT TTCAGATTTT 60
 ACATCATCTT TGCTGAACTT CAACTTGAAA TTGTTTTTTT 100

配列番号: 4390
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05172
 配列:
 GATCTCAAGC CTCTTCTGAA CCCAGGCTT TCTTGAGTCT CCATATGAGC ATTTGCCTCT 60
 GTGGGCACAA CTTCAAGTGT CCTTTGTGAG GAAATGTGCA 100

配列番号: 4391
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05173
 配列:
 GATCTGTCTA CTGAGAAGAC CCAAATCTTG GTTCTAAAT GCCATTCTTC AATAAAAGGA 60
 ATTGGGTTTC AAA 73

【0889】

【配列表799】

配列番号：4392
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05174
 配列：
 GATCTCCTTC TCCNTCCTGT CCTGTCTTG CCCCTCAGGA CTGCTGGAAA ATAAATCCTT 60
 TAAATAGTG AAA 73

配列番号：4393
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05176
 配列：
 GATCCAAGCA GGGGGATGAA AAACCTCAGCA GAGAAATTCG AGACCATTTT CCAAGACTNT 60
 CCCCTTCTCC TCAGGACCCC CTGGCTCAGT NCTTGAAAAA 100

配列番号：4394
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05177
 配列：
 GATCAACTGG AACCTCTGTA TCATGCGGCT GAATTCCTT TTTCTTTAC TCAATAAAAG 60
 CTACATCAGA CTGAAA 76

配列番号：4395
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05178
 配列：
 GATCAGGCTT TTAGGACCTA GGAAACAAAT AAAGAGGAAT TTGTTGCTGA AA 52

配列番号：4396
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05180
 配列：
 GATCCTTATT CTAGCTACAA GTCAAAGATA ACTCCTGGTC CAGACAAAAC ACCTGGCCTA 60
 TCACAAGCTG ACTAAAAATC TGCACTTTGG GCCAGCGCAG 100

配列番号：4397
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05181
 配列：
 GATCTCAAAT ATAAATTTGA GATTATACAT GTAGTTATGT ATAGNGNCAT GTAGTTACAC 60
 ATAGTTTTGT ATTTNCCTGT TTTTCTCTCA TATGAGCATT 100

【0890】

【配列表800】

配列番号: 4398
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05182
 配列:
 GATCTACACG TGITGTTTTG TTTTNCCTT ATTGATGCAC GNATGCTTTT GAACAGTAGA 60
 CNGAAATGCT AGACATGGAG AATCTGCTCT GTTGTCCCTH 100

配列番号: 4399
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05183
 配列:
 GATCCTAAAT CCTATGTAGG CTNNGGTTAT TAGTGTATAT TTGTGTCITA AAACAATTTT 60
 GAAAGTNAAG AAAATATTTT TTAAA 85

配列番号: 4400
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05184
 配列:
 GATCTNATTT TGAGATTAAA AAAAATACTT CTAGCTTTAG CCAGGTGTGC ATGTNGCTGC 60
 CATTTTGCAT TTTTGAATCA TCTTGTGTAA TTGTACCAT 100

配列番号: 4401
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05185
 配列:
 GATCTGCTGT ATGTTACAGT TATGTAATTT GACTTGTTC AAAATTATTA AAGTTTAAAG 60
 TGTATGCATT CTACTGGTCA ATAAGTAAAT ATATTCAGGC 100

配列番号: 4402
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05186
 配列:
 GATCAAACTC AAGCTCACAC CTGTACCTGA TGGGAATGAA CATAATGTGA AGAACTTAT 60
 TTCCAGTGT AAACGCAGTT GTACAGAAAA AAAATGTTTT 100

配列番号: 4403
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05187
 配列:
 GATCAGCCAG TCTCTTTCAT CATCAAGCAG ACATACTCAA GGTACCAACA CAGCAAAGGC 60
 ACAAATGTC TCTATATCAG TATTTTTCAT GGTATATGTG 100

【0891】

【配列表801】

配列番号：4404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05188

配列：

GATCCTTTCC CATTATTCCT GGGAAGATGT TTTTCAAAC CAGAGACAAG GACTTTGGTT 60
TTTHTAAGAC AAACGATGAT ATGAAGGCCT TTTGTAAGAA 100

配列番号：4405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05190

配列：

GATCATTGG CTCTTTTTT CTTCCAGAA GAGTNGCATC AACAAAGTTA ATTGTATTTA 60
TGTATGATAA TAGATTTNAA NCTTCATTAT AAAATATTGT 100

配列番号：4406

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05191

配列：

GATCCTTCAT GGACANTATT CTAACGATA CGTAGACACT TACTTGGAAA TTTTGGACA 60
TTATATTAATA TGAGTGCTAT CTGTGAAATT GGTATATTA 100

配列番号：4407

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05192

配列：

GATCTGAGGT CTCAGCTAG GAGAGACTGA GAATTTTAAT CAGTTTGGGC ATATAGTTTG 60
GACTGAATCA CATCTGTAGT ACTTAGCCAA AGACAATTTG 100

配列番号：4408

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05194

配列：

GATCTCTTGA CAANTGTGTA TGTTAACTTT TTAGCACATG TTTTGTACTT AGTACACGAG 60
AAAACCCAGC TTTTATCTTT TGTCTGTATG AGGTCAATAT 100

配列番号：4409

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05195

配列：

GATCGTGTGC GAGACTTNA CACAGTTTAA ACACATCAAT AAATACTTTA ACTTCAAA 58

【0892】

【配列表802】

配列番号：4410

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05196

配列：

GATCGAGGTA GTAAAGGCCA TCCACATTTT AAAGGGTTAT TTGCTCTNN TATAATNCGT 60
TTGCTTTCAG AAAATGTTTT AGGGTAAATN CATAAGACTA 100

配列番号：4411

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05197

配列：

GATCAAACAG GGACACAAA GCAAGTATCA TGGGAGGAAC TTGAAATCTC TGNCGACAGC 60
AGAAGCTGAC TTCAACTCTN ATAATTGTGG CATCCATAAA 100

配列番号：4412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05198

配列：

GATCAATCCC TAGTAAAGC CCTGGACACC TAGGCATGGG TGAGCTACTN TGCTTGCTAA 60
TACTCTGTGC ACACATCATT GTAGCCACAC ATCATTGCTG 100

配列番号：4413

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05199

配列：

GATCGTTTCA TGCCTTTCCA GGGTTATTTA GTAAAGTTTG TTGAAAACAA A 51

配列番号：4414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05200

配列：

GATCTCAGGT GATTACCCG CTTCTGCCTC CCAAAGTGCT AGGATTACAG ACATGAGCCA 60
CCGCACCTGG CCATACAATT GCCTTCTATA TGTTTTTNAT 100

配列番号：4415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05201

配列：

GATCACCCCA CCCTGTGAAG AGGCAGTTGG TGCTGGCAGT AAGCTGGTTT CCTCCTCTCC 60
AGGGTTTTCC TAGTAATAAA GGTGTTNCTG TTGANGCCGT 100

【0893】

【配列表803】

配列番号：4416
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジ：直鎖状
クローン名：HUMGS05203

配列：
GATCACATTG ATTCCATAGG TAGCTTTACG TGTGGCTACA ACAAATTTTA CTAGCTTTTT 60
CATTTGCTTT CCATGAAACG ANNTGANGAA AATGATTTTC 100

配列番号：4417
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジ：直鎖状
クローン名：HUMGS05204

配列：
GATCACATGC AGGACTCTTT CTTAATGCAG CCTGAGACAA ATCTTGCAAT ATGAAGAGAT 60
GATTTCAGG TTTTATTGAA TAAATGAATT GTAATTTTAA 100

配列番号：4418
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジ：直鎖状
クローン名：HUMGS05205

配列：
GATCCACCG CGAACACTGG CCACTGGCTA CCAGTATTCC TTCCCAGAGC TAGGGGCTGC 60
CTTAAAGGAA ATTNTAGCCT AAGTAGGTCA TGGCAAGGGC 100

配列番号：4419
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジ：直鎖状
クローン名：HUMGS05206

配列：
GATCTAAACG AAAAATAGTT TCTTGTTTAA ATTCACATAA GGCAATGAGA TATGGAAAGA 60
TGACAAGATA CGTATAAACA TTGGTTTGCA TTTTATTAAA 100

配列番号：4420
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジ：直鎖状
クローン名：HUMGS05207

配列：
GATCTTGGTC AATAACTGGG AGATGGACAA ACTAGAGATG GAAGATGCAG TCACATTTTT 60
GAAGACTAAA ATCTATTTCAG TAGAAGCTCT TCCTGTTGCT 100

【0894】

【配列表804】

配列番号: 4421

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05208

配列:

GATCAGCACC TTGGCCGTGA TTCCCAAGGT CCCAGCCAAA GCAAAGGGCC AGTTGTTTCA 60
GTTTAAACAG ACATGTCTTT AGTCTAATAA AATTAGTTAA 100

配列番号: 4422

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05209

配列:

GATCTGTTCT TTTTAAAGTT GATTGGGAG TGGCATTCTT TTATACCCAA AGACTGTAGT 60
GCATCTTGAA GAGCTCAAAG CACATGACCG CACAAATGCT 100

配列番号: 4423

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05210

配列:

GATCTCTGGT CAAAGTGAAA CTCTTNCCTC CNGTATTCAG GCAGCTCAGA NCAGAAAGTA 60
AGGGGCAGAG TCATACGTNT GGCCAGGAAG TAGCCANGGT 100

配列番号: 4424

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05211

配列:

GATCAAACTG TTGGAGGAGA AGCTGAAGGA GGCTGAGACC CGAGCAGAGT TTGCCGAGAG 60
GTCTGTGGCA AAGTTGGAGA AANCCATCGA TGACCTAGAA 100

配列番号: 4425

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05212

配列:

GATCAATGAA GGAGACATCT GGAGTGTCCG TGCTTCTTCA GA6GGACGGG TGATGGGCAG 60
ATTGGAAAAA GCACCGCAGA TGGGAACCTT AATCTTNCCT 100

配列番号: 4426

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05213

配列:

GATCAGGCAA AAATAGTTTT CCAAAGTTAT TTTTAAATAA GTATATACAA AATTCTTATA 60
AA 62

【0895】

【配列表805】

配列番号： 4427

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05214

配列：

GATCTAACGC CACACCTCCG TGAAACACA ANTCNCACAG CAGGAACCAC NTGAACCTGG 60
ACATCAGCAG TTTATTTCAGC AGATGCTTCA GGCTCTTCT 100

配列番号： 4428

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05215

配列：

GATCTATGGC AGACAACGT GTATTCTGTT TTATAACAGT TTGTTTNAAT TTACTTACAG 60
TTAAAAAATN TAAATATAAA 80

配列番号： 4429

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05216

配列：

GATCTGGGTG AAGGGGAGAA CCTGCCATCT TATCCCTACC CCCCCGGGNC CCTCAAGCTT 60
ATTTTCTTGT TGAAGAAACA CAAAACCTC GAGATTTCATG 100

配列番号： 4430

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05217

配列：

GATCTGCAGC CTTTGGGTA TCAAATGGGT CAAAACCATG GGACCTGCCA CCTCCCATCA 60
GCANTTCTGG AAATGCACTA TTTCTACTGG TATTCTTGCT 100

配列番号： 4431

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05218

配列：

GATCGTANTT AGTCCTTTTC ATCTCAGCTG CTCCTTAAAT CAGTGCAACC CCTCCAAATT 60
AATGTGAATT GAAACTTGCA TTGCTTTTCA ACTTAATTGA 100

【0896】

【配列表806】

配列番号: 4432
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05219
 配列:
 GATCAAAATT GGNTAAATTC TATTGTAACA ATTTGCTTGG TCATTTTGGG CCATAAAATT 60
 TTTTGTAAAT AGGAATTTGT ATAAAGCATT ACTCTTTTTC 100

配列番号: 4433
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05220
 配列:
 GATCNCACCA GTTNTCTNCA NCCTGGGCCA CAGAGCAAGA CCTTGACTCA AAAACAACAA 60
 CAACAACAAC AAAAATTCTT GAAGATTTTG CATTCTGTCC 100

配列番号: 4434
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05221
 配列:
 GATCCTNCGT TCTNTTGTTA TAGATTAGTT TGGCTTTCCT ACAATTTTAT ACACATGGAA 60
 TAATACTATA GGTACTCTTG TTTGGCTCCT NCCATCCAGC 100

配列番号: 4435
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05222
 配列:
 GATCATGCCA CTACACTCCA TCCTGGCGAC AGAGCGAGAC TTNGTTTCAA A 51

配列番号: 4436
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05223
 配列:
 GATCCTNCTT TTCCTTCATG NCAGCACAAG TGCTACCCGG GGCCAGAGCC AGGGCATGGA 60
 TATGACAAGC AGGGCAGCCT GGACACTGCC CTCACAGGAC 100

配列番号: 4437
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05224
 配列:
 GATCTGCTT GGNCATCAC AGAGCATTGA CCATTGGCTT CCCTCATCTG AGNCGTGGGA 60
 GAGCANACTG GATAGATGAG AATTGTTTTA AAACAATTGT 100

【0897】

【配列表807】

配列番号: 4438

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05227

配列:

GATCCTGATG TATGAGGAAA AAGCGAGAGA AAAGGAAANG CCAACAGGCC CCCCAGCCAA 60
GAAAGCTATC TGTGAGITGC CCTGATTIGA AGGGAAGG 100

配列番号: 4439

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05228

配列:

GATCCATCTG AGGAATCACT CTGTGTTGCA CTTATGCCCT CATAAANAT ATTTATTGAA 60
GAATAAA 67

配列番号: 4440

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05229

配列:

GATCAATGCA TTTNATACGG ATATAGACCT AGGGCTCTGG AGGGTGGGN ATTGTAAAA 60
CACATGCAAA 70

配列番号: 4441

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05230

配列:

GATCTCTATA GAGGCTGGAA TGGCCACAGA GAATCTAAAT NTGAAAACAA ACATGTCCTG 60
AGGGTGTGCT CCAATACCAC CCNNTAATAC TCTCTGAGA 100

配列番号: 4442

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05231

配列:

GATCCYNGNT TTGAGCTCTC AGAATCACTC AGACAACATT TTGTAACATC TGCTGTTGCT 60
TACTACATAC ACCTTATAAA GTGACATTC AAAAGAAATA 100

配列番号: 4443

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05232

配列:

GATCCTGTTG CAAACTGTGA ATATTCTGAT GATGCCAGTA CAGTTTGATT TATTAAATGT 60
GGTCTCTCAA A 71

【0898】

【配列表808】

配列番号：4444

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05233

配列：

GATCTGAACC CGTCTCCCGG GTGCTGTAAA TAGTCTGATA AACGTTTACA CAGTCTAAAA 60
TTACCCCTTTA TATTTGCTGA ATACAACTCA TCTTTTGTAG 100

配列番号：4445

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05234

配列：

GATCAAGNAT ATTTTTTATT TTTAAGAAAG CATAACCAGC AATAAAAATA CTATTTTTGA 60
GTCTAAA 67

配列番号：4446

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05235

配列：

GATCTAATTC CAAGGACTTC TCCACAGCTA AGTNAGATGC CTCANACCAT TAGGTGATGC 60
TTTGGACAGA ACAGAGTATT TNAATCTTGT GTTTAAAGCA 100

配列番号：4447

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05236

配列：

GATCCCAGCA GTGATGTTGG TTGAGGCAGC AAACAGATGG CAGGATGGGC ACTGCCGAGA 60
ACAGCATTGG TCCCAGAGCC CTGGGCATCA GACCTTAACC 100

配列番号：4448

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05237

配列：

GATCAGAATG TTCTAAATNT TGACTAGTTA CTTTTTATTA TGAGTTAATA TAGTTTAGCA 60
GTAAA 65

【0899】

【配列表809】

配列番号: 4449

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05238

配列:

GATCTCTATA TTAAATNCTA AAATGGGATT AAAAGAAGAG TTGGAGAATT CACACTTATT 60
GAGTAAC TGA TGCATACAA CCTGGAATTT CTGAATTCCA 100

配列番号: 4450

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05239

配列:

GATCTATGCA GTATACATTT TNCAGGCTGA AATTCAAGGG GAATCATTCT GATTATNCTT 60
ACTACAAATG GAGATGGCTA TTATGAAACA GCATGAGCAT 100

配列番号: 4451

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05240

配列:

GATCTTTTGG TATGTNACGT GTTAAGGGCT TGTITGGTAT CCCACTGAAA TGTCTGTGT 60
TGCAGACCAG AGTCTGTTA TGTGAGGGG ATGGGGCCAT 100

配列番号: 4452

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05241

配列:

GATCACCTGA GCTGCCTCAG ATTCATTTG GTCCTCTCCT TCCTGGAAGG CTTCTTTTA 60
TGTITGTIT TAATCCCAA TGTCTGAATG TTTGCACTG 100

配列番号: 4453

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05242

配列:

GATCCACCA CCGTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCGTGANCAC CAAACCCAGC 60
CACCAATTTT ACTTTAGGTA AACTTTTATT TTCAAGCTTT 100

配列番号: 4454

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05243

配列:

GATCTGAATT TAGGNACATT TCCTTTTTCT GTGGGAATCA CAAGAGTTTA TCCACTAAAA 60
AAAGATATGT AAAAAAGATA CTTCCAGCA CATAAATAAA 100

【0900】

【配列表810】

配列番号: 4455

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05244

配列:

GATCAGCTAG CTACCTTCTA CTTTCCATTT TTCAAGTGGG TTGTTCTCTT AATTTGTATA 60
TAACCTGTTG TCTAAATTTT ATGTACAGTC TTTTATAATA 100

配列番号: 4456

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05245

配列:

GATCTGGCTC ATCCATCTGC AACTGACCA CGCTAAGAGC TGCTGCAGT GATGGAAACC 60
TTCTCTAGCT GTGCTGTCCT CTATAGTGGC ACCAGCTGCC 100

配列番号: 4457

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05246

配列:

GATCTTAAAA TTCGTTTGCC TTTTAAAGC TATATTAAAA AAGTATTGTT GAATCAAA 58

配列番号: 4458

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05247

配列:

GATCCACAAG ATTNAGAAAA TATTATATAG TTAGATAATA ACATTCTTGT CTAATGATAT 60
CCNANCINGT TACAAAATTN TTTAAACTT AAATAAAAAAC 100

配列番号: 4459

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05248

配列:

GATCCCTCTA CAGAGCTTCC CTGACTCATT CTGAAGGAGC CCCATTCTTG GGAAATATTC 60
CCTAGAAACT TCCAAATCCC CTAAGCAGAC CACTGATAAA 100

配列番号: 4460

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05249

配列:

GATCACATTC AGGATAAGTG TACAGAAGAA AATACGGGTG TTTACTCTTT AGGGAACCTGG 60
AAACACTCCC TGCATTGATG TACATTTTAA GAATGGCACT 100

【0901】

【配列表811】

配列番号: 4461
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05250
配列:

GATCACGAGG TCAGGAGATA GAGACCATCC TGGCTAACAC GGTGAAACCC CATCTCTACT 60
AGAAAAATAC AAAAAATTAG CCGGGCATGG TGGCGGGCGN 100

配列番号: 4462
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05251
配列:

GATCAAAGCA ATTTACAGAT TCAATGCTAT TCCTGTCAAA CCACCTATGA CATCTTTCAC 60
AGAACTAGAA GAATAAACTA TTAAGGTTT GTATAAAGTT 100

配列番号: 4463
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05252
配列:

GATCTCAACA GTGTGGGGTG AACAAGAAGA CTGTATCTTC AGCCTTTTTT CTATAATCAT 60
GGATGATTG GTCTTATCA AAAGGACCGC ACATATTAGT 100

配列番号: 4464
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05253
配列:

GATCTGAATA TAATTCTGGT AAACAGCTGT CTTCATTTTT NTCCTCTAAA GAACTTAATT 60
CATTTGTAC ATAAATATA AGGAAATCTT TGTACTATTT 100

配列番号: 4465
配列の長さ: 58
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05254
配列:

GATCCCCGT GGTTTTGTGC TCAAAATAAA AACTGATTAA ACCTTTGTGG CTGTGAAA 58

配列番号: 4466
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジ: 直鎖状
クローン名: HUMGS05255
配列:

GATCCITTTT TTCTCTTATA AATCATCCTC TTAATGAAAA TIAGCCTAAC AAAAGTTTGG 60
AGACTGGAAT CCTACTTTGA GCCACTGACT TGAATAAAT 100

【0902】

【配列表812】

配列番号： 4467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05259

配列：

GATCCACCTG CCTCAGCCTC CCAAANTGCA NGGTATTACA GNCANGAGNT TCTGCGTCTG 60
GCAATAATGT AACTTTGAAG CTAAAAATT AATCCAGTT 100

配列番号： 4468

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05260

配列：

GATCTAGTCA TCTTCTGTAG CTACATAGTA CTCCTAATGT TAAGATTACC AAATTCAGCA 60
ATAAGCCAA AATCAAACT GAAA 84

配列番号： 4469

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05262

配列：

GATCATAAAC CAGTGNATC AGACCTATGT GTAATAAGAC TCCTGTTAAT AAAAAATAA 60
AAAGCTAAAA GCAA 75

配列番号： 4470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05263

配列：

GATCTCAAAC TTGTCTTAA TCAACAACCT TCTACTCATG TTAATGTCTT GATTAATAT 60
CACAATGCAA AATACACATT AAGTAAAAGA ATTCCAGCTG 100

配列番号： 4471

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05264

配列：

GATCTGCTCC CTCTCGCTCT CTCACTCCAC TACTTTTTGG AACAAAGTGA TGGCAGAATG 60
CGGTGCTGGT GGGGCTCTT TGTACTGTTG GATTAATAAA 100

【0903】

【配列表813】

配列番号：4472

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05266

配列：

GATCAGTATA ATTTTNNAAA GTTACTTTGT NAGAGGCACA AAAGGGTTTA AACTGNTTCA 60
TAATAAATAT CTGTACTTCT TCAAA 85

配列番号：4473

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05267

配列：

GATCACGTAG ACATGTAACC CAGCAGCAGT TTGCTTCTGT TGTCCACTGA TTAATCAGCC 60
TATGTGCCTG AACTGGTCT TGCAGTACAA CTGNAAGCCA 100

配列番号：4474

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05269

配列：

GATCTTTTAT TTNTGAAACA CTCAAACACC TTACAAAGTG CTGAGTAGGT AATAGTGACC 60
CAACTTGTIT GCTAAATGAT TATTTGTTA AATCTGTACA 100

配列番号：4475

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05270

配列：

GATCTGTTGT TAGGATTCTA GTTAACACTT TTNTTTTAA AAACCTAAGGA CAAATGAACA 60
AA 62

配列番号：4476

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05271

配列：

GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCTCCCCATC CCAAGTCATC CAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
ATGAAACCCC AATAAATATC CTCATTGACA ACCAGAAA 98

配列番号：4477

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05272

配列：

GATCGTATCC CGCTGACACA GAAGGNTGCC GGGTGGGGGG AGGGCACCCA TGAATTTCAA 60
AGAAAACCCCT AAGTGTGGAT GTTCAGAATT TTGGAAAAAT 100

【0904】

【配列表814】

配列番号: 4478

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05273

配列:

GATCTGCAAT GACTGGAAC T GCCGGTGCC TGGGGTGCCT TTCCCCCAGC CAGGGTCCAA 60
AGAAGCTTGG CTGGGGCAGA AATAAACCAT ATTGGTCGGA 100

配列番号: 4479

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05274

配列:

GATCTTCTTT TGGGAGGATT TGATGTAAGT NACTGACAAG CTCAGCAAA CCCAAAGATG 60
TTAACAGTAT TTAAAGAAGT TGCTGCAGAT TCCTTTGGCC 100

配列番号: 4480

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05275

配列:

GATCAATGTT TCAGCCCTAG ACTGCCCAAG GAGTATTATT AATTATTAAT AAATGAATTC 60
TGTGCTTTTA AA 72

配列番号: 4481

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05276

配列:

GATCAGATTA TTTTACTACC AACAGTTATA GTTTGAAAGT CCAACTGTAT TAATTGACTG 60
ATAATATGAT AATATAGAGA TTAAATTGTT TGTNTTCAAA 100

配列番号: 4482

配列の長さ: 96

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05278

配列:

GATCACAAAG AGCAACAAA TGTCAATATC TCTTATGAAT GGTGAAAAA AGGAATTAAT 60
CGATGCAAT AACTTTTCA CAGTATTACT TTAAAA 96

【0905】

【配列表815】

配列番号：4483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05279
 配列：
 GATCTAGCAA GCCATGGCGA CAGGTAGCAT TTNTAAGATG NTGNACAGGA GCAGNATTAT 60
 CCCCCAAGAT ATTACAGGGT AGACACGTTT TAACTAAAAAT 100

配列番号：4484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05280
 配列：
 GATCTGACAT ATATCACCTT CTGGGNTATT TACTCATTGT GCCAGGACCT GGCATTTTCA 60
 TGTGCCTTTG ACCAAGTGTT CAGAATTTGC TTGNTCTAA 100

配列番号：4485
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05281
 配列：
 GATCTATCTG GGGGTCTAG TGTACCACAA GCTGAACCTG AAGATTTGGA AAAATGTTTC 60
 TAATTAATAA AAACAGAGCA AAAAGACAAA 90

配列番号：4486
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05282
 配列：
 GATCTACATT TAAGTGGAAA AATTAGCAGT ATTTGAAAGC TCAGTTTNA TATTGTCTT 60
 AACTTCAGAT ACAAATAACT GAACAGAAAG TTTTAACCTT 100

配列番号：4487
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05283
 配列：
 GATCACAAAA ATGTATTTTA TAAAAATGTTT TGTACNATAA AGTTACANNC CAAAGTGTAC 60
 TCTTGAATG GNTTCTTTCC TGTAAGTCT TATCTGCGAC 100

配列番号：4488
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05284
 配列：
 GATCATTATC AGTAATTTCA TAGCAACTGT TCTAGNGTTT TGNGTTTTTA AAACAGAATT 60
 AGGAATTTGA GATATCTGAT TATATTTTTC ATATGAATCA 100

【0906】

【配列表816】

配列番号： 4489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05285

配列：

GATCAGACCG AGAAGCAGGG TGAGAGATTC TAACGACTGG ATGCTGCTAG TAACACATTG 60
TTTGTATTGC TTTACCATT TTAAGTGTGA GATTTCAGAT 100

配列番号： 4490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05286

配列：

GATCACTACA GTGAAGTATT ACAGTTGTAC AGTTCCTAGT CTGGCCTTGG CTGCTCGGA 60
TAAACTTTG TATGTATTTT GTATGCCATA GATTCTATAT 100

配列番号： 4491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05287

配列：

GATCTGAAA CGTTTTGTAC CGATTATCCA CAGCAAAACA AAAATAAGCT TTTATTTTAT 60
TAATAATTTT GTTCCTCTTG TGCCCAATCA AATCTTTAG 100

配列番号： 4492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05288

配列：

GATCTCCCTG TGGCAGCAGG CATGGAGAGT CAGGGCTGCC TTCATGGCAG TAGGCTCTAA 60
GTGGGTGACT GGCCACAGGC CGAGAAAAGG GTACAGCCTC 100

配列番号： 4493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05289

配列：

GATCTCTTAA AAATACCACA GTTTGTATTT TTCCTTTAAG GAGTAAAGAT TTGCCTTTAA 60
ATAACTTGGT ATTTTCCTGG CTTTCGTTTA ATACAATAGA 100

【0907】

【配列表817】

配列番号：4494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05290
 配列：
 GATCAATGTG ACGGCAGGGA AATGTATGTG TGTCTATTTT GTAAGTGTAA AGATCAATGT 60
 CAGTTGTTAT TTATTGAAAT GATTTCACAG TGTGTGGTCA 100

配列番号：4495
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05291
 配列：
 GATCTAGGTC CTTCTATCTC GTCCCTCTAC AGATGTATTT TCCACTTGCA TAATTCATGC 60
 CAACACTGGT TTTCTTAGGT TTCTCCATTT TCACCTCTAG 100

配列番号：4496
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05292
 配列：
 GATCTGCTGC AACCATTATC TTNGTTCTTG AGTTCATCAT GCATTTAAAA TGAGATGCAA 60
 GAGCATTTAG CATACCATGT AAATATGGAC CTTTTAAAA 100

配列番号：4497
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05293
 配列：
 GATCATACCA CTCCACTCCA GCCTGGGCAA CACAGCGAGA CTCCATGCTC CCCCCAA 57

配列番号：4498
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05294
 配列：
 GATCAGGCTC TCCTCATGCT GTTTAGTGAT GGCAGTGTCC AGGTGAACTN CTACGGGGAC 60
 CACACCAAGC TGATTCTCAG TGGCTGGGAG CCCCTCCTTG 100

配列番号：4499
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05295
 配列：
 GATCTTTATT TTTGATTAAAT TTGTTCTGAT TTTTGGTTT GTTTTTTAAG GAACTGTAAT 60
 GAACAAATGT CAGGATATCC AATGCCAAAT AAAGATGTTG 100

【0908】

【配列表818】

配列番号：4500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05296

配列：

GATCACACCC	NGGTGAACCC	ANGGTGCTAA	GANTGAAAAT	AACCTTGGTG	AAATGTACAA	60
NTTAAAGACA	AAGAACTACA	TGTGAAGATA	GACTTGCTTT			100

【0909】

【配列表 819】

配列番号: 4501

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05297

配列:

GATCTGGTGC TGCTTTCAGA TGTTTATCTT TTATTTTTTT CCCTTAAGCT TTAATCTTCG 60
TCATTGTCTT AAAGTCAACT GGTGTTTCTT GTTCATTGAC 100

配列番号: 4502

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05298

配列:

GATCCTTTTT AGTTAATACT ATGACAGTAC TAAAAATATA TGAATAACAT TTCAGATACC 60
ATTATATTAA AATATTGTG TATGTGTACA AAAGCGTTGA 100

配列番号: 4503

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05300

配列:

GATCTGGACC TAATGAATTC CTCAGAAAAT TCCCATGAGT CAGCTGATTT CAGTGCTGCT 60
GAACAAATTN CTGTGTCTAA ATTTCTTCCT ATTTCTGGAA 100

配列番号: 4504

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05301

配列:

GATCTGGGTA AAGGACCATC TGGGGATTCT TTGTACTATT TTTCTTTCCG CAACTTTTCA 60
AGTTTCAAAC TATTTGCAAA TAAAGAGTTT TTGTTTGTAA 100

配列番号: 4505

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05302

配列:

GATCACATGG CTAAGGTGGT GTGTGCCAGG TTTCTCCACT GTAAAATTAG GAATTTTCCC 60
TTTGAAATTA ACAAGAATCT TCCACTTTGA AGCTGTGTGA 100

配列番号: 4506

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05303

配列:

GATCATGTTA ATTTAAAGCT TTATACACAT TGTGTTTTTT GCTGGTCTCA TCTTTGGTAA 60
TATGCTATAC CCCACTGCTG CCCGACACTG CCCINTAGCT 100

【0910】

【配列表820】

配列番号： 4507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05304

配列：

GATCACTTGA TGTCAGGGAG TTTGAGACCA GCCTGGCCAA CATGGTGAAC CCCATCTCTA 60
CTAAAAATAC GAAAATTAGC TGGGTGTTGT GGTAGGCACC 100

配列番号： 4508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05305

配列：

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTN TTNCTTATAG 100

配列番号： 4509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05306

配列：

GATCTTGGA GATATTAATA TCTGCTGGCC AGACCTAAAA AAAACTGAAG GCCCAAGGAA 60
AGTGAAGTGA CTCAGTGGAA AGTNTCTAAC AAATACTTTG 100

配列番号： 4510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05307

配列：

GATCGCAAAT TGAAATATGG ATATTTGTAC CAGGCTGCGT GTTTTTCATT TTAAACACAC 60
AAGATTTAAT TGAAAGGACA TCAATAATCA TAATTGTGTA 100

配列番号： 4511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05308

配列：

GATCGCACCT TTTATACCAG AGACCTGAGG CAGATGAAAT TNATTTCCAT CTAGGACTAG 60
AAAACTTGG GTCTCTTACC GCGAGACTGA GAGGCAGAAG 100

【0911】

【配列表821】

配列番号： 4512
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05309
 配列：
 GATCCTCTAA CACTGTACTA AAACATTTCA ATAAAATCAT TCTGACTGCG TTCATAAAAA 60
 CAAA 64

配列番号： 4513
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05310
 配列：
 GATCTATTAC TGACCGTATG ATGAGGCCAA CTTTTTNNCC TTGTGGTTAG CAAGACTGCA 60
 AGAGATGGAA AAAAAGTAGT TTGAATGTTT TGTGTGTAAG 100

配列番号： 4514
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05311
 配列：
 GATCACTTGA ACCCAGGAGT TTAAGTCCAG TCTGAGCAAG GCAGTGAGAC CCTGTCTCTA 60
 AACAAATAAAA ATTAAAATAA GTATTATCGA GAGTTCCTGG 100

配列番号： 4515
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05312
 配列：
 GATCACCAGG CTGCCAAGG GTGCTGTGCT CTACAAGACT TTTGTCCAGG HGGNTCCTGC 60
 CAAGCCTGAG GGCACCCGTC AAACCTGGTAG CTATGCTTNG 100

配列番号： 4516
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05313
 配列：
 GATCTGGACA TGCTGTNACA AGAAATAGTG ACCTTGGGGA ATATGTACAG AAAAGACCTT 60
 TTTCTAAGAG TTGGGAGGGG GTGGGGGACT GTATAATGAA 100

配列番号： 4517
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05314
 配列：
 GATCGTAAAA ACATGTCTTA TCGGGAACCT TCATGTCAGA TGCCTGGAGT GTGAAGTGT 60
 CATTGGACAT TCCATTTTAC TGTTCGAAGT ATGGACTTAC 100

【0912】

【配列表822】

配列番号: 4518
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05315
 配列:
 GATCAACTGT CCTTAACCAC AGCAGCATGA TACGCTGGNT TACCCAATCG CTTGTAAGGN 60
 AAGNCAGAGA TGACGTTATC CTGACTGCTG AGATGAGCAG 100

配列番号: 4519
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05316
 配列:
 GATCAGCCAC ACAACTGTTT TGTACATACT TATTTTCTCA TGCACTTTTC TGTATGCAAA 60
 TAAAGCTATA AATTTACTCA TTTCAATAAA CTGGAGTGGC 100

配列番号: 4520
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05317
 配列:
 GATCGCGCAA CTGCACTCTG GTCTGGATGA CAGAGCAAGA CTCCATCTAA A 51

配列番号: 4521
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05318
 配列:
 GATCTGGGAC AGANTTCACT CTCACCATCA GCAGTCTGCA ACCTGAAGAN TTTNCAACTN 60
 AHTACTGTCA ACAGAGTTAC AGTGCCCCGT GGACGCTCGG 100

配列番号: 4522
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05319
 配列:
 GATCTGAAAA GAAGGTGAAT ATTTTGCAC TTTGATACTC TTAGGAACAA ATAAC TTATT 60
 TGGCAAAATTG TTTNTTTTTT ATGTTTTGGG TGTGTTTTT 100

配列番号: 4523
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05320
 配列:
 GATCATGTAA AATTACAGTA CTCAACCCIT CTAGCAAAAGT ATTTGGNTGA AAAATAAACT 60
 AAATGCCCTTT AAA 73

【0913】

【配列表823】

配列番号: 4524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05321

配列:

GATCCGCAGA GGGTGGTTGG GATACACCGG ATACCTCTGC TCTCATTGCT TGTTTC AAA 60
TGCTCTATGG ACATTTGTGT GCTAAATCCT ATTAAATAAA 100

配列番号: 4525

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05322

配列:

GATCAAATTG AGAGACAATA AGTGTACATT GTTGAATAAA AAATTTTAAA GTTAAA 56

配列番号: 4526

配列の長さ: 90

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05323

配列:

GATCTTGAGA GTATGTTCTT ACTCATTTCT GTAATTGCAG TAGTGTAGTC ATCTGCATAT 60
AGTTTAAATA AATGCATGTT AAAATTTAAA 90

配列番号: 4527

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05325

配列:

GATCAGCCCA TTGCACTCCA GCCTGGGGGA CAAGAGTGAA TCTGTGTCTC ACCAGAAA 58

配列番号: 4528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05326

配列:

GATCTGGTGA CTGTNCTCTC CCTGTTTTCC TTTCTTTTTG GGTGTTTGAG GAGCANNGCT 60
TAGCTTGAGA CACACACAGA CACTGTGTAC TTCAGTNAAG 100

配列番号: 4529

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05327

配列:

GATCATTTCT ATGTGTGTGG GTAATCTGGT CAGTAAGATT GAGACTTAGT TAAGATTCCC 60
CTTGGAAATT CCTTAATGTT TATTAGCTTC TAACTAGTGT 100

【0914】

【配列表824】

配列番号: 4530
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05328

配列:
GATCTAGTTC GTGTATAACT GTTAACTCAT TTTACATTTT TTNCTTCGTT GAATGTTTAT 60
CAGATTATAA ATATAGAGGC ATTTCTNCAT CCTGTTTAAT 100

配列番号: 4531
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05329

配列:
GATCTHTGCC ATGCAGAGCA TCITCCAGAA GACCAGGACT CTGGGAGGCG AGGAGAGCTG 60
AGCTGGGCCA CCTGGTCTCA GCCACCTGTT CTGGGCTCCC 100

配列番号: 4532
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05331

配列:
GATCTTAACT ATGAGTAATT CACTATCAAG AGCTAATTAT TTGAAAAAAT ATAAGATGTT 60
ATGGAGCAGA TAGCTCAAGC AGTTAAAAGA AATTNTGCAA 100

配列番号: 4533
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05332

配列:
GATCAAATCA GAGATTGACA GCCTGTGGAG GGTGCTGAAC TATACAGAAT TAGACACAAC 60
TATGTCATTA TTTTTTGTAC CTACTGNTCA GAATAAAAAAC 100

配列番号: 4534
配列の長さ: 61
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05333

配列:
GATCCCTTCT HTTGGTGTCA TGTGTAAAC ATTTCTTTCA ATAAACTAAA GAAAAATTAA 60
A 61

配列番号: 4535
配列の長さ: 72
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05334

配列:
GATCATTTTT ATTTTGTAAG TATTACCTAA CTTTACATAA ACTATATCAT AATAAACTAT 60
TTTTGCATCA AA 72

【0915】

【配列表825】

配列番号：4536
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05335

配列：
GATCTCCAAG CTGAACTTA CACGTAAAA CTTTGCCTG TAAGAATTG CACATGAATG 60
TTAATGAAA ACACAAACT TAAGATGCC CAAAACAAA 100

配列番号：4537
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05336

配列：
GATCAAACAC ACACACCTAT ACACATACAT ATTAANATGC AGAGGATTTT AAATAATTGC 60
AAATGTCTTG TGGCTGTTT ATTTCTACAA AATTCTGTAA 100

配列番号：4538
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05337

配列：
GATCTGTAAT GTGTCAAAGC ATTTTTCCTT TTTCAAATAA AGATACCTAT AATGAAA 57

配列番号：4539
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05339

配列：
GATCAGAATC TCCAACTTT AGAGGTGCAA TGAAGACAC TACGCTACTT GGTGAGCCT 60
GGTGAAGAAT GTATTAATGA GACTNCTTTG CATAAACTG 100

配列番号：4540
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05340

配列：
GATCTGAAGA AGTTGCTGTT CTGAAACAGA AGTTGGAGCG ATGTCATTCT GCTGAGCTTG 60
CACTTAACGT AATCACGAAG TAGAGGAAAG GCTATGAGT 100

配列番号：4541
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05341

配列：
GATCACATCA CCTCTCTGCC TCAGTTTCCC CATCTGTAAA ATGGGAGAAT AATACTTGCC 60
TACCTACCTC ACAGGGGTGT TGTGAGGATT CATTGTGAAT 100

【0916】

【配列表826】

配列番号： 4542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05342

配列：

GATCTCCATC ATTTCTTACA GGTTCCTC CCTCAAGCAA TTCGACATCT CAAGTGAAGA 60
CATGGCCCCT GAAGGGCAAT AAAGCTGCTA GTTTATTAAT 100

配列番号： 4543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05343

配列：

GATCTACAGG NCAAGGGAG GGAGCAAGCC CTACTCGGAT GGGGCACGGA CTGTCCACCT 60
TTNCTAATGT GTGTTGTCAG CCTGTGCTGT GGCATAGACA 100

配列番号： 4544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05344

配列：

GATCAGACTG TTGCTTTCGC ATGATGTATG TAGTGTCTCA TGACTGGAGT TTGCTTTGTT 60
TTATAGTATC TGTACTCCTT GTATTTTNA AGAGCTATTT 100

配列番号： 4545

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05345

配列：

GATCTAGTCT TTACTTTCAG TTGTNTGTTA GGTCCATTCT GTTTACTAGA CGGATGTAA 60
TAAAACTAT GCGAGCCTGA NTGANTTCTC AGCCAAATTT 100

配列番号： 4546

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05346

配列：

GATCAGACTT GTTAAGTATG CCGCAAGTAA GAGCTAATTC ATTCATTCCA TGTNTGCCAC 60
TAAATAAAGA GATTGAGCAA GAAA 84

【0917】

【配列表827】

配列番号：4547

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05347

配列：

GATCTAAACC CCAGACATCA AGGATAACAT CGTTGCTCAG CTGAAGCAGC TGTACCGCAT 60
CCTTAAACC CAGGAGAGCT GGCAGCCCAT GCAGCCACCC 100

配列番号：4548

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05349

配列：

GATCAAAGTG TTAGGGGAAA AAAATTCCAA AAGTAGTTAC AAGCTATATC AATGTCAAAG 60
TAAATNCACT TCATCAAAGC TAAGAAGTCA CAGGAATTGT 100

配列番号：4549

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05350

配列：

GATCAGCCAG TTACCTTCTC CATTTGTTTA GTTCTGTCAC CCATTCGTC AAGTGACCTC 60
TCATCTTCTA TAACTAATA CAGGAATTCT TTCCAAAGCA 100

配列番号：4550

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05351

配列：

GATCAGAGCA CTGAGAACT CCAGAGGCTT CTGGTTCACC GCCCTGATC CACAGATGTC 60
GGTCAGAGGC AGAGATGGAA GTTGAATGG ACAAGCCTGC 100

配列番号：4551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05352

配列：

GATCGCGCCA TTGCACTCCA NCTTGGGTGA CAGAGTGAGN CTCTGTCTCA AAAAATAATA 60
ATAATTAATT AATTAATTAA TAAAAAATA AACAGTGGCT 100

配列番号：4552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05353

配列：

GATCATAAGA CTGTCATGTA AGAGGTGCTC TCCTGGCACC CAGAGAAAAG GAGCATCCTT 60
ACCTCCAAAA GCACAGGGAC ACAAGAGGA ATCTAAACAA 100

【0918】

【配列表828】

配列番号： 4553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05354

配列：

GATCAGCAGA GTGGAGGCTG AGGATGTTGG GATTTATTAC TGCATGCAAG CTCTACAAGT 60
CCCGGTCACC TTCGGCCAAG GGACACGACT GGAGATTAAA 100

配列番号： 4554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05355

配列：

GATCCTCCAC TCCAGAGCAC CTGAGAAGGC CGGGACCAGA GGCCCTGTGT GATGTGTACT 60
CCGCAGCTGT TTGGGGTGGG ACATTTCTGT ACTTCTCGAT 100

配列番号： 4555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05356

配列：

GATCACTTTT CCCTGTCTAA ACTCCAGGNT ACAGTATCCA ATANATCCAA ACAGAACTCT 60
GGTGTCAAAG TGTAANTAAT NGTGTAATAAT AGCCTTCCCA 100

配列番号： 4556

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05357

配列：

GATCTCACCA CTGTACTCCA GCCTGGNTGA CAGAGCGAGA CCCAGACTCA AAAAATAAAA 60
ATAAAAACCC TGAATATCTT CCTTCTAAA 89

配列番号： 4557

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05359

配列：

GATCTCTATA CCTCAGCTTC TTCATCTGCA AAGTGAGATA ATTGTACTAT TCTACTTTCC 60
TCATAGTGCN NTTATAACAG ATTATGATAA TATTACAAAG 100

【0919】

【配列表829】

配列番号: 4558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05360
 配列:
 GATCTCTGGT AAAAAGCAAC ATCTGAGAAA ATTNCTTGTT TTTAGGAACC TGTGTACATT 60
 CATACTTAAT TCTNCCAATH ATGCTTTTCA GTTTTTTGGG 100

配列番号: 4559
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05361
 配列:
 GATCACTAAA CTATCTCCCC TCTTGCTGAA GTTCTTTGTA GTAATAGCTC ATAAAAATTT 60
 GTTTATTAAT AAA 73

配列番号: 4560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05362
 配列:
 GATCTTTTAA AAAGAGATTA AACCGAAGTG ANTTAAAAGA CCTTGAAATC CATGACGCAG 60
 GGAGAATTGC GTCATTTAAA GCCTAGTTAA CGCATTTNCT 100

配列番号: 4561
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05363
 配列:
 GATCGCAGAA CATACTGTAT TTTNACTATA TCTTTTTTTT TAAATCTGAC AAACCTTTTTT 60
 NCTTTNATTT NAATTGACAT AATTGTACAT ATAAA 95

配列番号: 4562
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05364
 配列:
 GATCTGCTTT GGAAATTAAT TGCCTCTAAT ACATACCTAA GTAAACATAA CATTAATACC 60
 TAAGTAAACA TAACATTACT TGGAGGGTTG CANTNTCTAA 100

配列番号: 4563
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05365
 配列:
 GATCTGGCAC TGAGCTTTTT GTCAGTGAAC CTTCCCGATG CCAGCTGGGC TCTTGGACTC 60
 CCCTCTTCCT CAAGGGTAGA TGAGAGGAAC GATNNNTAGA 100

【0920】

【配列表830】

配列番号: 4564

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05366

配列:

GATCAGTTTG TAATTTTTTT NCTCCTTGAA GGCACAAAAT AATTGGTTT ACCTATGTAA 60
AACACTAGAG GTCAACCTTA CATAGTATAT AGAACTNATG 100

配列番号: 4565

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05367

配列:

GATCACAGTA CACCATATGC ACTCTGGTAC CTTAATTTTT TTTTATAAAT AATAAAAGTG 60
AATATTGAAG CTCTTAAA 79

配列番号: 4566

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05368

配列:

GATCTGTTGA ATTTGGGAAG CCTCCAGTTT TAATAAAATT TTTTATTAT GGTGGAAACN 60
TGTCTGTAAA NCTTAGGACT ATAGAAATGC AAAGAATAAA . 100

配列番号: 4567

配列の長さ: 51

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05370

配列:

GATCTGTCAG GGCCACTTAG TGATAATAAA TTCTTCCCAA CTGCAGACAA A 51

配列番号: 4568

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05371

配列:

GATCCGCATC GACTTGCCG TGGGCGACGT GGTCAAGACC TGGCGTTTCA GCAACATGCG 60
CCAGTGAAT GTCAACTGGG ACATCCGGCA GGTGGCCATC 100

配列番号: 4569

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05372

配列:

GATCTGGAAT AATTATGGA AAATAATAGT ATTTGCTAAG ACTAGATGAT TGGTGTACTG 60
GATTTATCC GCTATTTTCT AAGTTTGTTA TGAACGCTTA 100

【0921】

【配列表831】

配列番号: 4570

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05373

配列:

GATCATGTGT TTGGGGGCTT TTAGGGGACC CAGCTGCACT GGGGCACTGC CCGTGGCCTG 60
GGTAGGACAT TTCCCAGCAA GGGCTGGAGG AGTTGCCGTG 100

配列番号: 4571

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05374

配列:

GATCTATGAA GCCCACCAAC AAGGCCGAGG GGCTCTGGAG GCATTGCTAT GTGGGGGACC 60
CCAGGGGGCC TGCTCAGAGA AGGTGTCAGC CACAAGAGAA 100

配列番号: 4572

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05375

配列:

GATCTTCTGA GCTTGTTCCT CTGCTGGGTG GGACAGAGGN CAAAGGAGAA GGGAGGGTCT 60
AGAAGAGGCA GCCCTNCNTT GTCCTCTGGG GTAAATNAGC 100

配列番号: 4573

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05376

配列:

GATCTTGATT GATAACTGCC ATGATATTTT GCTTTGATGT GTTTCTACAT GTGGTTGCAC 60
ACGGTTCAGT AAAAATAATG CTGCTATCGA GTATGCAAAT 100

配列番号: 4574

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05377

配列:

GATCGAGTCA GCATAAATTT CTAAGTCAGC CTCTAGTCGT GGTTCATCTC TTTCACCTGC 60
ATTTTATTTG GTGTTTGTNT GAAGAAAGGA AAGAGGAAAG 100

【0922】

【配列表832】

配列番号: 4575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05378
 配列:
 GATCATGAAA CTGGTTTCTG TTTTATGCAG TTGTCATTG TAAAGNCTAA TAAAATATNC 60
 TCTATAATTN CTTCTAGATT ACAAAAATAT GACAATCTTG 100

配列番号: 4576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05379
 配列:
 GATCAACTAA TAGCTCTGCT AGTAATTGAT TTATTTTNC TCAATAAAGT TGCATAAACC 60
 AATGACTTAG CTGCCTGGAT TAATCAGTAT GGGAAACAAT 100

配列番号: 4577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05381
 配列:
 GATCGGAGGA CGACCCGAGT CCCAAGAGTG GGGTTTGGCT TTTTAAAAGG AGAGAGGAGG 60
 GGTGATGGCA GGGGAGTGGA GGGTGGCCGG GCAGGTCCTG 100

配列番号: 4578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05382
 配列:
 GATCTCAGCT CCCGTTCCCC AAGCACACTC CTAGCTGCTC CAGTCTCAGC CTGGGCAGCT 60
 TCCCCCTGCC TTTTGCACGT TTGCATCCCC AGCATTTCCT 100

配列番号: 4579
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05383
 配列:
 GATCATTGG AGACTCTTTT TTTGCTGGTT TCTAGATAAC TCAGGTAAAT CAGACCTTTA 60
 CAGAGTACAG GGCTAGGTGA NAGANTTACT GANAAATCAC 100

配列番号: 4580
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05384
 配列:
 GATCTATGCT GTGTTTGCTT ATTCTTTAGT TGAACACACT ATGAAGAATT CCAGGTGTAC 60
 TAGTGAATGT AATTTATAGT TGCCAAA 87

【0923】

【配列表833】

配列番号：4581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05387

配列：

GATCGACAAC GAGGCCCTCT TCAGCTGCGA GGTCAAGCAC CCAGCTCTGT CGATGCCCAT 60
GCAGGCAGAG GTCACGNTGG TTGCCCCCAA AGGACCCAAA 100

配列番号：4582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05388

配列：

GATCATAAAA TGAATTCTTT ATTGTATCTA CACACTCCAC ATTCTTTACT GTGTCCTACT 60
ACTGTATCTT GGCTCCANTG CTGTATTAAA CACCATCTTA 100

配列番号：4583

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05389

配列：

GATCCTCCTT TGCATGCAAC TGTAGCTGCA TTTAATGAAT AGTTTGAACC CTTGTNAATN 60
CATTTTTTNA AAAAGAAAGA AAAAAAAAAAC TTCGTGTATG 100

配列番号：4584

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05390

配列：

GATCCATACG TGGCCGCACC CACACAGCAC GTGCTGTGAC GATGGCTGAA CGGAAAGTGT 60
ACACTGTTCC TGAATATTGA AATAAAACAA TAACTTTTA 100

配列番号：4585

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05391

配列：

GATCAGTTCT GCAAGATGCC CATCAACAAC AAGATGGCCC AGTGGGGCAA CAAGCCTATA 60
TGCTGAGCAG GAGGCAGACT TGCAGAGCTT GTTTTGTTC 100

【0924】

【配列表834】

配列番号: 4586
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05392
 配列:
 GATCGAAAAT AGTTGAAAAA AAGAAGAAGA GTTGCATCTC TACTGAACAT GTACAGACTT 60
 TCTTCTTCTT ATTATTCCCT AAACAATACA GTGTAAAACT 100

配列番号: 4587
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05393
 配列:
 GATCAGAACA NTNCAAAAAA TTCACACCCC CAAAAAGNC AAGCTATTAT ATGGCAATTT 60
 CGTGATAAAA TATTCATCCT ATTTGTCTTG CATTTCATAT 100

配列番号: 4588
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05394
 配列:
 GATCTGGTAG GTTGCAGCAG AGAAAATAAA TGTGACTTGN GAGNCCACTC AGAGAGGGTC 60
 CAAGGGTGAT GGAGAAGGAA GCATGGCCTG GNAGCTTGA 100

配列番号: 4589
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05395
 配列:
 GATCTGCTCT TGCAATGGCC TCACCATCTG GNAGGAGCGA GGCCGGCCCA TCGTTGGCAA 60
 GGGCCGAAAG GAGTCAGCGC ANCCCTGCC CACCTTTNAG 100

配列番号: 4590
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05396
 配列:
 GATCTCCGTG TGTGCATGTA ACTGTGCTGG GTTGAATGT GAACAATAAA CAGGAATGTC 60
 CAAGTGTTC AA 72

配列番号: 4591
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05398
 配列:
 GATCATGGGG GTGGATTICT TATGAATGGT TTAGTACCAT CCACTTTGTA TTGTCCCGT 60
 GGTAATGAGT GAGTTCTTAA GAAATCTGGT CATTGAAAAA 100

 【0925】

【配列表835】

配列番号： 4592

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05399

配列：

GATCTTCACA TCTTGGACCT TNGTCAGTTT TGCTATTCAT TATTAAACAC TAAACTTTG 60
GCGGTTNTTG CAAA 74

配列番号： 4593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05400

配列：

GATCTGAAAT CACATCCAGC TCCTGATGTT TTCTTCTCCC TCTGACTGCA GAGGAAGTGT 60
TCCTACCTGC AGGAAGGCAC CTGTCACACA GGGCGTTCAC 100

配列番号： 4594

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05401

配列：

GATCGGATGG GCAAGTCCCT GCCAGGGTCT CCAGATGGCA ATGGAAGCTC CTCCTTGCCC 60
CACTGGGAGT AGCGGCTAAA GCTGGGGGAT AGAGGGGCTG 100

配列番号： 4595

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05402

配列：

GATCTATGCT CTTTCAAATG GAGACTGGGA TATTGTTGTT TTAAGACCAC TGTTTTCTG 60
TTTCCTCCCA AATHTTAGTC ACATATATNA TTACCCTTAA 100

配列番号： 4596

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05404

配列：

GATCGACCAG CAGGTGGTCT ATATCCATCC TTCCAGTGCC CTCTTCAACA GACAGCCAGA 60
ATGGGTNGTG TACCATGAGC TNGTGCTCAC CACCAAGGAA 100

【0926】

【配列表836】

配列番号：4597
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05406
 配列：
 GATCGGGTTG AGCCCAGGAG GTTGTGGCTG CAGTNAGCTG TGATGTGCCC TTATGCTATA 60
 GCCTGGGCAA GAGCGTGAGA CCCTGTCTCA AAGAAGAAAA 100

配列番号：4598
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05407
 配列：
 GATCTCCCCC TTCCCTTGNG GGGCACAGCT GGCCTGGGCC TCCAATCCTG CGGANTTTC 60
 TGGGTGTGGC TTGACCTCA GAAGTGGCTC TGGTTTGGCC 100

配列番号：4599
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05408
 配列：
 GATCAATGCA NCGACGTNGG GCTCATGGCC TACCTCGGCA CCATCACAA AACGNGCAAC 60
 ACCATGAACC ATTTTGTGAA CAANTTCAAT GTCTCTACG 100

配列番号：4600
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05409
 配列：
 GATCTTTTTT CCATTGGTTA AACATTTAAC TCCATGNCAG ACCTTGTTTT AACCCCTCTC 60
 ACATCATGTT CTTTCCTTTT TTGCGAGTTA TTTTGCATTA 100

配列番号：4601
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05410
 配列：
 GATCCAGCTG GCTCATCCCA GCCCAGGTGG GCCAATTATT CAATTTTCAA GAATTTTGT 60
 GCAAGCCAGT TGTCAAACAC AGCCATTATA ATTATGTAAA 100

配列番号：4602
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05411
 配列：
 GATCTTNACA ACTGTTTAAT CAGTTTTATT TTTGTACAGT ATTAGTGACC TAAGTNATT 60
 TGCTGTCCCG TTTTGTAAA TCAANTGAAA NTATAAAGA 100

【0927】

【配列表837】

配列番号： 4603

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05412

配列：

GATCTTCAGC ATCTTTTACT TTCACCAGCG TTTCTGGGTG AGCAAAAACA GGAAGGCAAA 60
ATGCCGCAAA AAAGGGAATA AGGGCGACAC GGAAATGTTG 100

配列番号： 4604

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05413

配列：

GATCCCAGGA ATATTGTAAA TTTTCTAACT TTA CTCTGCA TTTTGTATAT CTGGCCTCTA 60
TTGCCCTTGA AGGTGAAGAT GAAACTGTCT TTAGAAGATA 100

配列番号： 4605

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05414

配列：

GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
TAACGTAATC TACCATTTC TACACTATTT GAGCATGGAA 100

配列番号： 4606

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05415

配列：

GATCCGCAAC CTGGACCCCA GTGAGAGGCG GTGGGCTGAC TGGGAAGNAG AGGCCCCCAA 60
CCTTCTCAGG ATTTGCACGT GTGAACTAGG CTGCCTGTGG 100

配列番号： 4607

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05416

配列：

GATCANATAG TTGCTGTTTT GTAAAATGTA ATGTATATNT GGTTTTAAGT AAAATAGGGC 60
ACCTGTTTCA CAAA 74

【0928】

【配列表838】

配列番号：4608
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05417

配列：
GATCCAGAAA CTGAGAAGCT TATCCGAGAG AAAGATGAGG AGCTGCCGCG GATGCAGGAG 60
ATGCTACACA AAATACAAAA ACAGATGAAG GAGAACTATT 100

配列番号：4609
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05418

配列：
GATCGTGTTT TAACITTTTC TTTTCCTGTT TTTATTTTGG TATTAAGTCG TTGCCTTTAT 60
TTGTAAAGCT GTTATAAATA TATATTATAT AAATATATNA 100

配列番号：4610
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05419

配列：
GATCTGGAGC CAGCAGTCTT GGATGGAATT GTCTAGGCTG TGGCATGTTG GTTTTGTCTT 60
TCTTTTCTCC TTGATTATG TAAGAGCTAT TTCATTATAA 100

配列番号：4611
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05420

配列：
GATCTCTTTT GTAGAGGATT TCAATGTATT TCTTTATCAT TTGAGTGTGT GTGTGATGGA 60
CGAATATGTG TGTGAGTTG AGAAGCATAT CGTTCTGTCT 100

配列番号：4612
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05421

配列：
GATCCCCAAT TGAATCAGAG TTTGAGGAGT TAGTATCACA GAATTAGATT TTTTAAAGC 60
ATTTGTACGT TTCCATTCCC AAATATGTAG CTGTGTTTCT 100

配列番号：4613
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05422

配列：
GATCAGAAAT AAACGACAAA TAGTGTGAGA TGTGTTGTGA ACAGGCATGG TGACCGTGGT 60
CAGCGCCACT CTTGTTTCTT GAAATNTGCT TCTAAGACAG 100

【0929】

【配列表839】

配列番号: 4614

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05423

配列:

GATCGGGTCT ATTTCACCCA ATAGTCACIT GTGTGTCCCC CGAAATTGGG ATGGGTGAGC 60
ACCCTTGCTG TGGTGTAAC TTCCTGTTAT TTAATCTCCC 100

配列番号: 4615

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05424

配列:

GATCGCCCGC ATGAGGTGCT GCTGTGCTCG GACCTGGTCA AGGCATACCA GCGCTGCGTG 60
AGCGCCGCCC ACAAGGGNTG AGGAGCAGAC ATCATTCCCT 100

配列番号: 4616

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05425

配列:

GATCTAGGCC AGTGGCTGCT TGTCTTTTG GAGCTGTGTG THTCCTCNTN TNAGCAGCTC 60
CTGCCCCGAG TCCCCAGCA CAGTCCCAGG AGATGACAGG 100

配列番号: 4617

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05426

配列:

GATCTGCTGC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTTTNT TTTCACCGTA GTGCCTGACT 60
GGCATTGTAT TAGCAACTCA TCACTAGACA TCGINCTACA 100

配列番号: 4618

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05427

配列:

GATCTCACCT TCCACCTCCT CCGGGAAGTC TTGGAATGG CCAGGGCCGA GCAGTTAGCA 60
CAGCAAGCTC ACAGCAACAG GAAACTCATG GAGATTATTG 100

配列番号: 4619

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05428

配列:

GATCAGCCA CTGCACTCCA GCACCCTGGG CGACAGAGTG AGACCCTGTC TCAAA 55

【0930】

【配列表840】

配列番号：4620

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05429

配列：

GATCTGGCGT TGCCAGGCAT TCTGTAAGGG AGGGCTTTTC CAGTTCCTGG AAATGGAAC 60
GGAAAATNTG GCTGGAAACA TTAATATGGC TGGAAATGGA 100

配列番号：4621

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05430

配列：

GATCCAAGCT GCTTGAGGGG GTCAACCTTG GACCAAAGTT GCCTTAAGCC TGTGGTAAAA 60
GGGCTTCAGG GAAGGTAAGT GGGCCANCTG CTGGAAGCTG 100

配列番号：4622

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05431

配列：

GATCTGGGAC GTCCACGAGT GAGGGGCTGG CCACCCAGCC CGACAGCCTT GCCTGACCAC 60
CCTCCAGCAG ATAGACGCCG GCACCCCTTC CTCTCCTAG 100

配列番号：4623

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05432

配列：

GATCCCTCTC CAAAGTGGTT GTCTTTCTNT ACCTTGTC TTCTCTTGTA AAAATGAAAC 60
TCAAAAATAA AATAAATGTG TCAAATTTG AAAAAAANG 100

配列番号：4624

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05433

配列：

GATCTGACTG TACTAAATAT GAAAAATAAA GCAGCACATA CTTTCTCTAA A 51

配列番号：4625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05434

配列：

GATCCATATA ACTNTTGGGT GCATCAGTGC TTTTCAAAGG GGCTGCTTAC TATAGGGTTA 60
ACTATGTATA TNCATTGTTA AGAGTTAACT TTTGGTTTGG 100

【0931】

【配列表841】

配列番号： 4626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05435

配列：

GATCATACAG TGAGGCTACA GTGACTGAGG GGAGAATCCC CTNCTTGTTT ACTCTCCCAA 60
CCCTGCTCCA GCCCCTCAGC TTCCCAGACC CTCATGCAGT 100

配列番号： 4627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05436

配列：

GATCGGACTC TGCCCCTGGA CCTGGGAACG ACTGGACTGT CACGGGGTTA CCTCCTAGCT 60
CTCCCAGTGA ACTCCTGCCA GGCACACACA GCCCCTATAG 100

配列番号： 4628

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05437

配列：

GATCCTGCCC GAGGAGGAGG ACGAGGGTGC CGACTCCTAA ECCCCGCCAGG CAGCCTCGTT 60
CTGCACAGGC ACTTTAGCCC GAGCCAGGNA CACCTGCGAG 100

配列番号： 4629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05438

配列：

GATCTGTAGG GTCAGGAACA CAGCACCTAA CACAGTGCCT TATGGATAGT AGTTTTATAA 60
TACAGATGTG TTGGAAGAAT AAATGAATGG GTCCTTTTCA 100

配列番号： 4630

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05439

配列：

GATCTGTAC CTTACGCGAG ACCTATTTCC TCCCCACCCC CAGAAACCTC TTGTGTTCTT 60
GCCTAGGCCC AGGTGTTCTT GGCAGCCAAA TCGAGTCTCT 100

【0932】

【配列表842】

配列番号: 4631
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05440
 配列:
 GATCCCTATG TGGCTAACAG AATTAATGNT TCCAAAAATG TTGNAAATTA TATAGTNCTC 60
 TTAATTCCCC ACCTCTAACT ATATTTTGG GTTATTTCTT 100

配列番号: 4632
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05441
 配列:
 GATCTGCCCG CCTCGGCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CAGTGCCCAG 60
 TCCTGCCACA TCTTTTTTGT TAGTTGCAGT ACCAATACAA 100

配列番号: 4633
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05442
 配列:
 GATCAAAATT TCAAGTTGAC AAATTTGGAT TTGAAAACTC ATTCACTTTT TCAATTTTTT 60
 TAATGAGGCA TAACATGCAT ATGGTTAAGT GCACAAATCT 100

配列番号: 4634
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05443
 配列:
 GATCCTCAAA GAAAGATTG TTAGAGATAG ACAGGTTAC AATTGTGGA AACCGAATTG 60
 ACTGAATCTG TGGCTTCATG CGCTGAAGAA GCTGGGTCCT 100

配列番号: 4635
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05444
 配列:
 GATCCACTTA GAGCAATAAC CACTTTTTAA ATGTAAAATA AAAAGACAAA TGNAAAGGCA 60
 AA 62

配列番号: 4636
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05445
 配列:
 GATCTTCCCA CTGCACTCCA GCCTGGCCAA TAAGACCTGT CTCCAGCAAG ACCCGNGTCT 60
 CAAA 64

【0933】

【配列表843】

配列番号： 4637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05446

配列：

GATCTAGATT CATTAGGAAT GTTTCTTGT CAGCCAGGCC AGGACCCGGG CTTGCCAAGA 60
GCAGAGCCCC TCCCAGCAAC CAGGATACCA CCACTTTGGG 100

配列番号： 4638

配列の長さ：70

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05447

配列：

GATCAAAAAG ATAAGTTTAC AAAGTTGAGA CCTCTCATAA AACAAATGAA TAAAAATTC 60
CTCTTGTA 70

配列番号： 4639

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05448

配列：

GATCACCTGT GCCTCCCTC CCCCTTTGTT TGCCCTGTG TGGTTGCTCA AGGAGGGATG 60
TGAGGGAAAT AGGGACCCC CGACTTGCC TCTGCCTCA 100

配列番号： 4640

配列の長さ：70

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05451

配列：

GATCTATAAT TATGCCAATA CCACACTGTC TTGATTACTG TAACTTTAGA ATAAATCTTG 60
AAAGTAGAAA 70

配列番号： 4641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05452

配列：

GATCTGCCTG TCAGAGTCCA CGTGTCTGG TCACTGGTCT TTATAATTGT TGTGCAATAA 60
CTAAAGGCTA AGGACTAGAT GCACTATCGT GTAAAGAGAT 100

【0934】

【配列表844】

配列番号: 4642
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05453
 配列:
 GATCCTGGNG CCTGGACCGG GCTGGANGAC AGCTGAGNAT GGGCCTAGCA GATGAAGCTT 60
 GCCAGCAAGG CCAAAGCAAA CGGTTTCTNC TGTGGATAGT 100

配列番号: 4643
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05454
 配列:
 GATCAAGCAA TGGAAAAATT TGCACCACCG TGTCCCATGA AATTGTTTCA ATGTTTAGTT 60
 TAGATATTGC TAACTTGTGC TATTAACCTT TTGACAAGCG 100

配列番号: 4644
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05455
 配列:
 GATCCTGCCT TTTCTTTTTC CCCACAACCT CACGCCAGNA GTTCGTTTAC ATCAGGTAAA 60
 TCTTGAGAAA GCCTTGGTGC CCTCCTCCCC ACCCCCCACT 100

配列番号: 4645
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05456
 配列:
 GATCAGAGCA GCTACACTGA AGCAAAAACC CCAGCGCCCA ACGCTAAATA TATTGCAATG 60
 GAGAAACCGT CCACAATGGG GTGTCTCTGT CCTTAGCAGA 100

配列番号: 4646
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05457
 配列:
 GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAACT AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
 TNAAGCTGTC TCAAACATTG AAGAAAACAC ACAGACTCCA 100

配列番号: 4647
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05458
 配列:
 GATCTCTATC ACTTTGCCAC CTGTTTGATG TGCAGTGGAA ACTGGTTAAG CCAGTTGTTT 60
 ATACTTCGTT TACAAATATA AAGATAGCTG TTTAGGATAT 100

【0935】

【配列表845】

配列番号： 4648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05459

配列：

GATCAGGGAT GGGGATGAGG TGAGGGGATT TGCTAGAAAG GGGTGCAAAG GAATTTAGCG 60
GGTGATGGAG CTGTTCTGTG TCTTGATTGT GGAGTTATTA 100

配列番号： 4649

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05460

配列：

GATCAAGGAA TCTTTCATGA AGGAAATTTA AATACAGAAT GAAACATTAA NGGTAAAAGT 60
GGAGTAATTA TTAAATTAT GTGTATAAAA GGAATCAAAT 100

配列番号： 4650

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05461

配列：

GATCATGTAG GACGCGGCAT CCTGCCCCCTG GTAGAGAGGA CGAATGTNCC ACACCATGGT 60
GTCTACGAAA AANAAATAGT TAGTCACCTT CTNACCTTCT 100

配列番号： 4651

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05462

配列：

GATCGAATTT CACATTGTAG AGATGTATAG CTGTGATTAA GCTGCATATG TATGCTGGGA 60
AACGGCTTGA GTGGATGGCT AATATAAAAAG TTGTTGGCCA 100

配列番号： 4652

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05464

配列：

GATCACAGAC CTAAGGCCCA GGCCACCTNT CCANACCTGG AATCTATGCA NAANTAATTT 60
CCCCTTAACC TGGGAGGCAG CGACACGTGT NACTTCTGTA 100

【0936】

【配列表846】

配列番号：4653
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05465
 配列：
 GATCTAAATN CAGACTHNGG AGTTGGGAGG AGGNACCAAA GTGAACCATC CTTCAITITAT 60
 TCAGTCATTC GTTCATCTGT CAAACACGTA TTTGGACATC 100

配列番号：4654
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05466
 配列：
 GATCCAAAGTG TTGCCTGTCA GCAGAGATAG GAGTGAAGTT GATGATGATG GTTAGATGGC 60
 CTCACAAGGG ACTCTAGTGA TAGTAAAGGT TCCAGTGGCA 100

配列番号：4655
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05467
 配列：
 GATCATCTTG GCTGGGAGAA GTGGGACCGA GCCACCCAGC CCCACTATCC CCAAGCAGCC 60
 CTACAGCCGG GATGGGAGGC NCGTGGCCTC TCTTTTATCC 100

配列番号：4656
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05468
 配列：
 GATCTCTCTC TCTCTCNCC TTTCCTCTCT CTCTGTTGGA TGCTTCTGTA TCTTTTTCGA 60
 CAGCATAATG TCTGGTGTGA TGGGGAGCTA TTTATTGAAA 100

配列番号：4657
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05469
 配列：
 GATCCATTTT TGGGATAGAA TTGTATTTTT TAAGTCATTT TTTTTTCITG AAATGGATAT 60
 GTACAAATAA AATAAATCGA AGACAGGATA AA 92

配列番号：4658
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05470
 配列：
 GATCCAACAC ATTCAAGTCA GTAGAANCAA ACCAAAACAT GCAAGCTTCA GCCTGHTCGA 60
 GTTCTATAGT TGTCACCTAA ATCGTATGTT GTATGATACA 100

【0937】

【配列表847】

配列番号： 4659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05471

配列：

GATCACAGCT NCCCTTGAAT CTCATTGCCT CAGAGAAGAC TAGAGGGCTC TTGGACTATC 60
CCTAGGGCTA CACAAGAATA GTTCAGCCTT CTGCCATGCC 100

配列番号： 4660

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05472

配列：

GATCAGTCAT GTGTCCGTAA CCTCGTTCCTA TGACATCAGG ATAGCTGTGT TTGCACACCA 60
TGCTCCATGT NCATTCCGAG CCAGGAGGGG TTCTNAGTGG 100

配列番号： 4661

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05474

配列：

GATCTCTTCC CACCTACCCT ACCTACTCCT ACCCAANACC CCCCTTCCCC ATTAATGTGA 60
GTAATGAATT AGCCTGACCA CAGGTGGTCA CTGTAGGCTA 100

配列番号： 4662

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05475

配列：

GATCCATTCA CATTGCAAAC TTATCCTACT GTATAGCCAT CCATTGTAAG AATACATTTT 60
TCNATTTATA TTGTGTACAT TACTCCAGTG AACATTCTNN 100

配列番号： 4663

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05476

配列：

GATCTNAGCN ACGNGGGAGG CTGAGGCAGG AGAATCTCTT GAACCTAGGA GGCAGAGGTT 60
GCAGTNAGCC AAGATTGTNC CAGCCTGGGC GACAGGGTGA 100

【0938】

【配列表848】

配列番号： 4664
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05477
 配列：
 GATCACCTCT CTGTATCCCC CACCCACTAT CCCATTTNCC CTCTCCTCA GCTAGGGCCA 60
 CGCGGCCCCA CATTGCACTT CTGGGGGGTG ACCGACTTCG 100

配列番号： 4665
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05478
 配列：
 GATCTTTTAA AGGATAGACG TGGTCTCATG CTTCTTTTGT NCGACTCCGT TTTAAAGGAG 60
 CATTGTAACC ACTATCCTCA TCCCTACAAA AATCCAGTGG 100

配列番号： 4666
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05479
 配列：
 GATCCTTCTG TGCTTGCTTG CATCTTTAAT AAAGACATGT TCCCGGCAAA 50

配列番号： 4667
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05480
 配列：
 GATCCAGCTA GGCTGGGACA CTCCCTAAAT CAGCTGCGTG TTGTTAGCAT CAGGCAGCAT 60
 GAATNGCAGA GAGTGNITCT NTCTTCATAG AGNGTGGGGT 100

配列番号： 4668
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05481
 配列：
 GATCCTCTCT GTGTAAATCC TGCCCGGTGC TGTNAAGGCT GGACGGTGGA GGACCTGCTG 60
 GGGTCTCCTG GNACCCGCCT GTTGCTTCTN CCCTCCCCTG 100

配列番号： 4669
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05482
 配列：
 GATCCAGCTT CAGCTGCACA CCTCTGTCCC CTTGGATGGG GAACTAAGGG AAAACGTCTG 60
 TTGTATCACT GAAGTTTTTT GTTTGTTTTT TATACCGTGT 100

【0939】

【配列表849】

配列番号: 4670
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05483
 配列:
 GATCCTGACC CCAGCCAACA GCTGAGCTGC CGGGCCTCCT CGAGGCCCTA AGCCAGCCCC 60
 AGAGGTCCCA TCTNAAGCTG GAGTACCCTG GGGTCAGCAG 100

配列番号: 4671
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05484
 配列:
 GATCGTNACA AATCTNCCCT CCTCACCAGC TAGTCTGGGG TTTCCTCTCC CTGCCCCAGG 60
 CCAGAACTGC CTTCTTCATT TCCACCCAGC CTCCCAGCCT 100

配列番号: 4672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05485
 配列:
 GATCTTCCAT CAGGGCCGGA GTAAATCCCT AAGTGNCTCA ACTGCCCTCT CCCTGGCAGC 60
 CATCTTGTC CCTCTATTCC TCTAGGGAGC ACTGTGCCCA 100

配列番号: 4673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05486
 配列:
 GATCTACAAT NAGATATCAC TTAACACTCA CTGGAATAGA TATATAATCA AAGTGATAAT 60
 ATCAAGTGTT GGNAGGATG CAGAGAAATT GGNACCCTCA 100

配列番号: 4674
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05488
 配列:
 GATCTGAAAT NATGGTTCAA AAAATACATT CATAATAAAA GTCTTAACAA A 51

配列番号: 4675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05490
 配列:
 GATCAATGCC CCTNTTTCAG TCTCATCTGT ACTCACGGCA GCCCTGTGGA GTACGGTGTA 60
 CTGGCCCAGC TTACAGATGC AGAAAGCGAG ACGTTCTGCC 100

【0940】

【配列表850】

配列番号: 4676
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05491
 配列:
 GATCTGTCTA TTTCGTTTCAT CCATAGTTGC CTNACTCCCC GTCGTGTAGA TAACTACGAT 60
 ACGGGAGGGC TTACCATTTT TCCCTGAAA 90

配列番号: 4677
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05492
 配列:
 GATCAAAGGC TCTTTCCTCT TTGTTTGAG AGTTGGTTGT TTTAAAGCTT AATGTATGTT 60
 TCTATTNAA AATAAATTTT TCTGGCTGTG GCAGAAA 97

配列番号: 4678
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05493
 配列:
 GATCATCGTA TGCAACAGCT GGGTAATAAG ACTGGCATAG CTCAACTAT CCTGCCAAAC 60
 GCTCTCATCT GATTTTTCCT CCCTTCTCCC CCAACCTCCA 100

配列番号: 4679
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05494
 配列:
 GATCTATGAA ATAGGTAACA TTGAGTAGG TGTCATTAA ANATAGTTGG TGAATGTCAC 60
 NTATGCCITC TATGTTGTTT GCTCTGTAGA CATGAAAATA 100

配列番号: 4680
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05495
 配列:
 GATCTATCCA GCTGCTTCCT TGAGCCAAG AATGTGTTCA ATGAATTGTG ATTCACTGAT 60
 TTTATTGATT TTGTTTAAA ACAGGGAGAC TGGTATTTT 100

配列番号: 4681
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05496
 配列:
 GATCCTCTCC TTGTATGTAA TACCTTTTTT TCCCCTTCT AGCAAGTACT TTCAAAGAA 60
 CTCTGTACAT TTAAACATAA AAAATAAATT ATGTTGAGCC 100

【0941】

【配列表851】

配列番号：4682
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05497
 配列：
 GATCCATTG TAACTACTCT TAATATATGG TACATAGTTT AAAAAATTN ATTGAGCTTA 60
 AAGTGTATCT AGTTTTGTGT CCTAATTATC CTGCTTAACC 100

配列番号：4683
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05498
 配列：
 GATCANCAAA CTCAACACCA TCTTGCAGGA GCAACGGGNT GGCCTTTAAC ATTGCTGAGG 60
 CTTTCAAAGA TGTGTCAGAA CCCATTGTAT TTCTGCAACA 100

配列番号：4684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05502
 配列：
 GATCAGAGCA AAGAGAAAAG AAAGCATAAG GACACTTACT CAACAGAAGC ACCTTTAGGC 60
 GAAGGAACAG AACAATATGT CAATAGTATC TCAGATTGAC 100

配列番号：4685
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05503
 配列：
 GATCTTGTTA GACACATGAA TGTGTATAAT CATGTAAAT GCAAATAAAA CTAGTTCATA 60
 GAAA 64

配列番号：4686
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05504
 配列：
 GATCATNAAG GTAAGGACTG GAGTNATGCA GCCACAAACC AAGGAATATC AGTAGCCATA 60
 AA 62

【0942】

【配列表852】

配列番号: 4687
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05505
 配列:
 GATCAGTCT AACCTGAGC TGGCGGCTAT CTTTGAAAGT ATCCNGAAAG ATTCATCATC 60
 TACTAACTTG GAATCAATGG AACTAGTTA GATGTTTGT 100

配列番号: 4688
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05506
 配列:
 GATCTTCCTC CTTATTTTAA TGCTTCTTTC TCTTTACAAT TAAAAGTTCA TAAATCTTT 60
 CAACATTAAA 70

配列番号: 4689
 配列の長さ: 57
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05507
 配列:
 GATCAGCCCT AATNATGCTG TGTCCATGAT GCTTTTAATA AAAACAACCC CCACAAA 57

配列番号: 4690
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05508
 配列:
 GATCTCTATG CCCAATATGC TGCCTCAACT CTGAGCTGTC TGCAAGGCTT AGTAAGTATT 60
 GAGTGGTGT TTTTTTTTTC NTTTTATACA ATACCATNT 100

配列番号: 4691
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05509
 配列:
 GATCCCCGGG TACNANTNAN CCATGCAGGC ATGTTTTTTT TNATTTTTTGC ATAGGCAATC 60
 CATTCTGTAC AGGTAGCTAA CTTTGTAAAC GCTGTGTATT 100

配列番号: 4692
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05510
 配列:
 GATCCAGAAG TCATTAAAAG AAACATAAGG CTGGGGAGGC AGGGGGAGTA AGTTCTATTA 60
 GAAAATCCTA ANAGCTTAAC AAAACTAGGG TACTAAATTC 100

【0943】

【配列表853】

配列番号: 4693
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05511
 配列:
 GATCGCTACG GTTCTAAATA CTGAAGTCAT GATGTGTATT TCCNGGAGAA ATTCTCTTT 60
 AAATGAACAA GTAACCACAT CTCAGGCGGC AGTGAAGTCC 100

配列番号: 4694
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05513
 配列:
 GATCATGAGA AATTACCAAA ATGTCCACCA ATAGAATGAG TGAATCACCT GTGGTATATT 60
 TATAAATAAA AATATTAANT AGAAGGTAAG ACAAATCAGA 100

配列番号: 4695
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05514
 配列:
 GATCGAGGGG GTATGCGTGG GGGAGTTGTG AGTGAGCTCA GCTCCTTTCA GGCCTGGCCT 60
 CTCCCAGAAC AGAGTGAAGC CCTTGCCCTG GACCCCTGCT 100

配列番号: 4696
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05515
 配列:
 GATCTGTAGT TAAGGGAACC AAGGGGTCAT TGGGGCAAAA GCATTGTTTC TCAAAGCTCC 60
 TTGATTAAGA GAAAGAACAG AAATTTGCAC AGAAGATAGT 100

配列番号: 4697
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05516
 配列:
 GATCAGTTTA TATTGCTCTT AAATGATAAT CCTCAGCTTC CAAGTTTTTG TGAAGTCACT 60
 TTGGTTTATG TGTGCTAC ACTCACTGAG AAATTAACA 100

配列番号: 4698
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05518
 配列:
 GATCTTTATG CTGTTATNAC AGGAGAAGTG ACATACITTA TATATGTTA TATTAGCAAG 60
 GTCTGTTTTT ANTACHATAT ACTTTATATT TCTATACATN 100

【0944】

【配列表 854】

配列番号： 4699

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05519

配列：

GATCCCCACC CCAATTCAAT CCCGGAAGGG ACTTACTTAG GAAACCCTTC TTTACTAGAT 60
ATCCTGGCCC CCTGGGCTTG TGAACACCTC CTAGCCACAT 100

配列番号： 4700

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05520

配列：

GATCCAAATA GTCAGAAAGA AAGGAAGGAA GTGCTGGTAA GAAGGAAGGG AGGAGCGTAT 60
CCTAAAGAAC TACTCCCAAC TATACAACCTG TTGTTTTCTT 100

配列番号： 4701

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05521

配列：

GATCGACAGG CATCCACAGT TGAGTATCTC CCAGGCATGC TACATTCAAA TTGCCCTAAA 60
GGTCTCCTAC CCAAATTCTC CACGCTGGTC TTNGGTTAAA 100

配列番号： 4702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05522

配列：

GATCCGCAAA CGATTAATTC TGTCAGACAA AGGGCAGCTG GATTGGAAGA AGATGTATTT 60
CAAACTTGTC CGATGTTACC CAAGGAAAGA GCAGTATGGA 100

配列番号： 4703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05523

配列：

GATCATTAAT AACTTAAAT ATATTTTATT AGAAAACATT TATCTATGAA TGAATATTTT 60
CTTGATGCTG GTCTCTGCAC ACATATGCTT GGTACTTGC 100

【0945】

【配列表855】

配列番号: 4704
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05524
 配列:
 GATCAGCTTT GCAGTAGATT ATGCTGCATC CTCGTGGCAA AATTCTGTAT TCTAGTGAT 60
 TGTACAAAC CCCTTTATTG CTGCTGAGA AAGTGAAAGA 100

配列番号: 4705
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05525
 配列:
 GATCAACATC CGGAGATGGA TTTTNCCAAG GCTAAATTCA ACTAGCCCCT GTTTTTCTT 60
 CCCTGAACCT TTGGGGCTGA GCTGCAACCA CCCAACCTTC 100

配列番号: 4706
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05526
 配列:
 GATCACCTNT TCCCTTCAAT CCTTGTGGCT TCTGGGAATC TTCAGAGCCT GGGTCTGAAA 60
 GGTGTTTCCT ACATGTCTCA GGGCTGGATG CAAACCTGGC 100

配列番号: 4707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05527
 配列:
 GATCACCTAA GGTCAAGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAT ATGGTGAAAC CCATCTCTAC 60
 TAAAAATACA AAAATTAGCC GGGTGTGGTG GCGTGCCTCT 100

配列番号: 4708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05528
 配列:
 GATCAAAACA GTGTGGTGCT GGCAAAACAA GAGACATAAN TCAGNAGAAG AAAGAGTCCA 60
 GAATTAGACC CACACACATA TGGACAATTG ATTTTTCAT 100

配列番号: 4709
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05529
 配列:
 GATCTATTTA GTCCTACAAA TCAGGAGTGG TGTAGAGACA TCCAAATTTA AAGAAAAAAA 60
 AACACAAA 68

【0946】

【配列表856】

配列番号： 4710
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05531
 配列：
 GATCGAGTTT TAAATTGATA GGAGGGAACA TGTCTAATT CTNCTGTCCT GAGAAGCATG 60
 TAATGTTAAT GTTATATCAT ATGTATATAT ATATNTNCNC 100

配列番号： 4711
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05532
 配列：
 GATCAGGGAC GGGGCTGAGC TGGAGAGTGT GCAGGATTGA TTAATGATGT CTGCCACGGT 60
 CAGGCCAACT GCTGTGTTTC TGGGGCCCCAC AAGCTAAAAA 100

配列番号： 4712
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05533
 配列：
 GATCAGATTG CTCAACTCCA TTATAATTTG TTTCCAAACT AATCTGTTCA GGCAAGATAA 60
 AGATATAAAT GTGGATTGTT GCTGAGGTTA AGTCTGGTCA 100

配列番号： 4713
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05534
 配列：
 GATCTCAGGG AAGCCTGGGA GTCCCTTCTC ACCCCTCAAC CTCCGGAGTC CAGGAGAACC 60
 CGTACCCCCA CAGAGCCTTA AGCAACTACT TCTGTGAAGT 100

配列番号： 4714
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05535
 配列：
 GATCATCCCA TCCTTGACCA CAGGGACAAG AGGGGCCCCC TCGCCCCAGC CCCACCCAC 60
 ATGGAGCTCA GGGGGAAGCA GGGAGGGGTT CCAAAAAGAG 100

【0947】

【配列表857】

配列番号： 4715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05536

配列：

GATCGCAAGC TGTTGATGCA CAGGCGTCTT GTTGGCAAGC CCAGCTTCAG TTTATGTTAG 60
ACAATCAGTA CACATGCTGG TGTGTTTCC AATGGCCAGT 100

配列番号： 4716

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05538

配列：

GATCTCATAC TTGTATAGAG TAATAACAAC AGTTGTACTT CCACCAAAGG CATGTGGCAT 60
ATTTACCAAT GTCATGTATT CTGAACAAAG GCAAAAAATA 100

配列番号： 4717

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05539

配列：

GATCCTTCAA ATAGGCCCTG AGATGTGAGG TCTGCTGCCT CACTGGGGCC CGATGACTTT 60
GGCTGGGGGA GGGGGCCTAG GGCTCTNCTC ATTGAAAGCT 100

配列番号： 4718

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05540

配列：

GATCTTGTC AAGCTGCACC TCTCTGTGAA CTGCCCATTC CTTTCGGTGC TGCTGTCCCT 60
TTTGGGGGGG TTCCTGATTT CTGTATACAT GTAGCTTTGC 100

配列番号： 4719

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05541

配列：

GATCTGTTTA CAAGGTTTGT AGATACTTTT TTTGTTCCCTG TTCATAGATG GGAAGCTTCC 60
TTATAACTGA TGCAGAGAAA AATTAGTCCT TCAAACTACTG 100

配列番号： 4720

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05544

配列：

GATCACTGTT GCTAGTAGCT TGGCAGCTCT TCATAAAAGC ATATTGGGTT GGNAAGGTCT 60
NTGCNTATTT TTCAAATNAT TTAATAGATG TTTGGTACCA 100

【0948】

【配列表858】

配列番号： 4721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05545

配列：

GATCTGTAAT AAAATAGTAT ACTGGACTGT GCATCAAAGG GATGTAAAAT TACAGTATTC 60
CAAAGGTTGA AGTTCTGCTG TTTTGTATA ATGCCTGATA 100

配列番号： 4722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05547

配列：

GATCATAAAA ATTAAAATGT GAATGTCAAC AATAAAAAGC AAGACTATGA AAGGCTCAGA 60
TTTCTTGCGAG TTTAAAATGG TGTCTGAGGT TGTNCTATTT 100

配列番号： 4723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05548

配列：

GATCATCATG ATGAGTTTTG CCTTATGCCT TGAATCTTNA GGTTAATAGT CATAAAATCC 60
CTGCTTTCTA AATTCGCATT TTTCTGCTG TACNCTAAT 100

配列番号： 4724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05551

配列：

GATCCGATTT TACCTTGGAC CCCTGCGTCT TGCCCCCTGGG AACCCANATG GGGACTGCTC 60
TGAACCTTTG GATGACATNT GTGGCCCCGG AGATGTTCTC 100

配列番号： 4725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05552

配列：

GATCCCAGTG ACGTGGAAGT CATCAGAACC CCACGGTACT TTGAGTACCT CTCTGCACCA 60
AGATAGCTGA CTGNTTTTCT GCTCAGTCAC AATTTTACTT 100

【0949】

【配列表859】

配列番号： 4726
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05553
 配列：
 GATCAGAATC TTCAAGAATC AGTTAGGTTT CTCACGCAA GAAATAAAAT GTCAGGCAGT 60
 GAATGAATTA TATTTTCAGA AGTAAAGCAA AGAAGCTATA 100

配列番号： 4727
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05555
 配列：
 GATCATCCTG GAATCCGACT CTGTCTCAGC TCAAGGGGGT TCNGAGATT CCTAAGCTAG 60
 CCTCTCATT TTACAGCTGC AAAAACGGAG GCCTGTTAAT 100

配列番号： 4728
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05556
 配列：
 GATCAAATCG GAGTACTTAG CATATCTATC ATCTCGTGCA TTTATCATT CTTTGTGGCG 60
 AGAACATTA AAAATCCTAT TTTCTAGCTA TTTTGTAAATA 100

配列番号： 4729
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05558
 配列：
 GATCTTTTGA AGATTGCTGG AATACTGGTG TCTGTTAGAA TGCTTCAGAC TACAGATGTA 60
 ATTAAGGCT TTTCTTAATA TGTTTTAACC AAAGATGTGG 100

配列番号： 4730
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05559
 配列：
 GATCCATCTT CCTTACACTC CTTCCTAAAT AATGTAAATA CTCTGTCTAT CAAATGCTTA 60
 CAGTGTCTC TAGCACATAT AGGGTAAAGT CAAAGCTCAT 100

配列番号： 4731
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05560
 配列：
 GATCAGATTG ACTGTTTCAT CATATTTATT GTAATATATT TTTTGTTTTG TAAATATGTT 60
 ACAACAAAT GTGATTGGTC TAAATATTT GTAATGTATA 100

【0950】

【配列表860】

配列番号：4732
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05561
 配列：
 GATCAGAGGA GTTCAGGGAG ACATACATAA AAATGTTAAT CACGGTTTTTC AAA 53

配列番号：4733
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05562
 配列：
 GATCGCCAAG TGCAGGCACG GCATCGCATC CCCAGGTGTC ATCCTGTGAC CCAGGAGGGG 60
 AAGATGACAC ACCCAATTTA GGTAATGCTG CACTTCTNGT 100

配列番号：4734
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05563
 配列：
 GATCCACGTG TACTGGCACC TCAGAAGACC AAATCATGGN CTGTACAAGT CTCTATACAA 60
 TGTCTTTATC CCTGTGGGCA GNANGCAATG ATGATAATGN 100

配列番号：4735
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05564
 配列：
 GATCAGAAAG CATTCACTCC AGTCAGAATT CAAGGTGGGA AAAGTAGGTG TATTTCTGAN 60
 CCATTTGGGA AGGAAAATCA TTTTCTGAA CACTACTACC 100

配列番号：4736
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05565
 配列：
 GATCATAAAT GTACTTGCTG AATTCAATCA TTTTAAACAA GCCAATAAAG TTTGATAATT 60
 CAAA 64

配列番号：4737
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05566
 配列：
 GATCCTCAAG GCCTTGCTCT HCCCCGTGGA GACGCTTGCT CGGATGAGCT CAGGAAACAG 60
 TACCGGCTGC GTGGCAGGTC TGGGTGTTGT GTGCCAGGAC 100

【0951】

【配列表861】

配列番号： 4738

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05567

配列：

GATCAAACTC TTCATTGAAG TACTCATNAG GCGTGATGGC TGTGGGGTTG TTTGCAGTAG 60
CACATTNCGT GGTGAGGTCC TGCTGAGCCA GNACTCAGGA 100

配列番号： 4739

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05568

配列：

GATCCATCTT GCTTTTGCCT TATATAAAGA CTACAGTTAT GGAAGTNTGG AAAACTGTGG 60
CTTCTCAATA AATATTCAGA TGTCTAAGA NTATAAA 97

配列番号： 4740

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05570

配列：

GATCTCACAA AGTACAAAAC GAATGCCITT CTTTTCITGT TTATAATGGT CACTCACTGT 60
GTTTGGTTAC TGTCAAGAAA TCAATAAATG TGTTTAACAA 100

配列番号： 4741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05571

配列：

GATCAGTNGA TATTAAGATG AGATTACAAA TTTTNTTAAG TTCAGCCATT ATTACTTTTG 60
GTATCCCAGA ACATGACAAA TTATGAATAA AACAAGTATA 100

配列番号： 4742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05572

配列：

GATCCATAAA ATTTTATTAA TCAAGATATC ATATTAAAGT ATTATTATAT TAATTTATGA 60
CACCAAATTT TTAACCAAT TTTATGTTTT TCCTTATGTA 100

【0952】

【配列表862】

配列番号: 4743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05573
 配列:
 GATCGCGACG GCTGGTTTGC ATCGCCAGCT TCTATATATT ACGGCCTTTT TTTTGGCTGG 60
 ATATTATCTT GTAAAACGTG AAGACTACCT GTATGCTGTG 100

配列番号: 4744
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05574
 配列:
 GATCCACCTG CTTTGGCCTC CCAAATGTTG TGTCTTTTAA AAGTATCTAC AGTAACCTTG 60
 TATCAACCTA GTTGTGTCAGT CTATTAATAC TAAATTTAGC 100

配列番号: 4745
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05575
 配列:
 GATCCGN7CC CAGACGGCCT TGGACTGCTT GCATTTCCCC GGAGAAAAAG GGGTTAATAA 60
 ATGGGCCATC CTTTCCTGAA A 81

配列番号: 4746
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05576
 配列:
 GATCACTGTG GGGTCAAGAA TGTCTTACAT GTTTTATTCA TCATTCTTGA NGGAAGAAAT 60
 AATTCAAACC TTGGAATTAA AAAGTCAAA 89

配列番号: 4747
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05577
 配列:
 GATCTTGGCA AGAAACCCTA ATCTCCCTCC AGAAACAGTG GACTCTCTAA AAAATATCCT 60
 GACTTCTAAT AACATTGATG TNANGAAAAAT GACGGTCACA 100

配列番号: 4748
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05578
 配列:
 GATCTCTCTT GCACGGGCCT TGCCAAGGCC CAGGAGGGAC TTGGGCAGTA TGTTTCATGTG 60
 GTCATATGTT TTTCTAAAAA ATTGTCAAAAG TAAA 94

【0953】

【配列表863】

配列番号: 4749

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05579

配列:

GATCCGAATC CGACTGTGGG GGGCGGGCTG GGAGGTGGGA GCCGCGTCTC AGGCCCCGGCC 60
GTTATCAAGG CCCCTCCGCC CCCGAACCCT GGGGAGCTGG 100

配列番号: 4750

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05580

配列:

GATCAGCAAA GTGAGACAAA AGAAGATACT TCCCCAAAGA AGAAAAAGAA AAAATTGAGC 60
CAGAAA 66

配列番号: 4751

配列の長さ: 59

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05581

配列:

GATCGGGTCT CGGAAGGGAA GTAGCCATCA CACCATTAAA AAGCCTGTGG ACCTTTAAA 59

配列番号: 4752

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05582

配列:

GATCTTCTTA GCACATCTTT TTTAAAAAGC TGTTAGTAT CATTTTGTGT ATATTGTTGA 60
AATGCTTTTT CATCAATAGC AGTCANCATT TTATCCTTTC 100

配列番号: 4753

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05583

配列:

GATCCGGAAG ACCACGGCCA GCCAGGTGTA CGAGACATTG CTCACCTACA GTGACGTCGT 60
GGGCGGGAT GTGCTGGACG AGGTGGTGAC TGTGCTCAGT 100

配列番号: 4754

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05584

配列:

GATCGAGACT ATCCTGGCTA ACATGGGGAA ACCCCATCTT TACTAAAAAT ACAAAAAATT 60
ATCTGGGTGT GGTGGCATGT GCCTGTAGTC CCAGCTACTC 100

【0954】

【配列表864】

配列番号： 4755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05585
 配列：
 GATCTTCCTT TGGAACCAGG CACATTTGGC CCCTTCTCAG TGA CTGCACT GTGGA ACTCT 60
 TCTTAAGAAA ATATTGAAAA CAGCTTAATG CTTTCATATA 100

配列番号： 4756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05586
 配列：
 GATCCCTCTC AGCTACTGGG AGCTGCTTTG TGCCTTGGA GCCTCAAGCT GAAATGGATG 60
 TCAGCCTCAA GTTAACTCC AAGAGGGTTC ACCTTGTTTC 100

配列番号： 4757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05587
 配列：
 GATCTTGCCT CTTTCCTCCT CATGAAAGCA GCACACATTG TGTAACTTA TGTCTCTTGT 60
 TAAATGAGCT TAATGTCTTT GTGTTTGTG CAAAACTGTA 100

配列番号： 4758
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05588
 配列：
 GATCAGAGCG TGGGAGGAGG TGGGGGTGGA CGTCCATCCG GTGAACAGTG AAGGCGTTTG 60
 TGAGGTCTTT CTGGTCCCAG CATGAAATAA AGCCTTGGCC 100

配列番号： 4759
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05589
 配列：
 GATCTGGCAG TACCCAGCCC TTGTGTGTGT GCGTTANTCA GCACCTGCCC AACTGCGAG 60
 CCCCCGTAGG ATGTGCCTTG TCCTTCCCTG TTTCAGCACT 100

【0955】

【配列表865】

配列番号: 4760
 配列の長さ: 67
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05590
 配列:
 GATCTCTGCG CTAGGTCGTT TACCGCTATT TATTTTTATG GGGAAAATAA AACTCTCAAA 60
 AATGAAA 67

配列番号: 4761
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05591
 配列:
 GATCACTAGA TGATTCTAAC ATCGAAATAA ACCTCTTTTT ATATGGCAAA 50

配列番号: 4762
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05593
 配列:
 GATCTGGTGC GTGTGGCCCT GTGGGAGTCC ACTTTCTCT CTCTCTCTCT CTCTGTNCCA 60
 AGTGTGTGTG CAATGTTCCG TTCATCTGAG GAGTCCAAAA 100

配列番号: 4763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05595
 配列:
 GATCTTGCCT TGAGGAAGAC CCAGGCCATG TTCCCAAAGG NCAGCGGGGG CCCTGGATTG 60
 TAATGCAGCC TCGGGACAGG GCTGAGGCCT GCGGGGGAAG 100

配列番号: 4764
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05596
 配列:
 GATCGCTTGA GCCCAGGAGG CAGATGTTGT AGTGAGCCAA GATTGTGCCA CTGTACTCCA 60
 CCCTGGGCAA CAGAGTGAGA CCCTGTCTCA AGAAA 95

配列番号: 4765
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05598
 配列:
 GATCTAGGAC TAATTCAAGG GTCTAGATTT ACCTCCAAAC TTTGTTTATC TACAAAAAAT 60
 AAAACTCTAT CTTCTTTAAA 80

【0956】

【配列表866】

配列番号: 4766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05599
 配列:
 GATCCTTCCC CTCTCAGACA CCCCTCTTTC AGCTTAGAAT TTGGGGAACC TATAGAGAAG 60
 TCACAGAATC CCATGAAAGG GAATGGGGCA GGAGCCAAGG 100

配列番号: 4767
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05600
 配列:
 GATCAGTTTG TTTCITTCTG TGCTGGTAAC AATAAGCGTC GCACAGACAT GGTTCAGGT 60
 AATAAATCT ATTCTATGAT AAA 83

配列番号: 4768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05601
 配列:
 GATCTCTGGA TTGTGTTATG TCAGTCTTGG TAGGTTAGGA ACTAGATTTC CCAGAATCCA 60
 TTCCATTGT NATTCATGA TACAATTGAC CAGTAACCTA 100

配列番号: 4769
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05602
 配列:
 GATCAAGTCT TACATGCCCA TTCAGCTTCT AGGCCCCCCT CACCTCCCTG CCCTCATTCA 60
 CAAGTGGCCC TGAGACACGT GAACACCTCC CTNCTATGCA 100

配列番号: 4770
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05603
 配列:
 GATCGTCAGC ATCATCGGAG GCATCAGTTC CTTCTTCATC TTCATCTTCC CAGGTTTGTG 60
 CCTCATCTGT GCAATGGGTG TCGAGCCTAT AGGACCAAGA 100

配列番号: 4771
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05604
 配列:
 GATCAAGGTC ATAGAAAGTG AAGATTATGG CCAACAGTTA GAAATCGTAT GTCTGATTGA 60
 CCGGGCTGC TTCCGAGAAA TTGATCAGCT AATAAAAAAG 100

【0957】

【配列表867】

配列番号： 4772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05606

配列：

GATCTGGAAT GCNACCGGAG CACTTGCTCT GAGGAATCCC AGGGTGA CTC TGTCTGGGGAA 60
GAATCCGGTC ACAGCCTCCC CTCAGAGACA GGCCTCANTT 100

配列番号： 4773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05607

配列：

GATCTGCATT CACCTTAGGG CTTAGCCTCT NATTTTATGA ATTTTCAGGC TGTGATTNGT 60
GTTGGATGGC TAAGNTCTAA GATAATGCAA ATAGCCCCAA 100

配列番号： 4774

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05608

配列：

GATCCAGATA GCCTAGGGTG AGGGTGACAG AGGGACAGTG GGCTATGCCA CTAGGCCCTG 60
GTCTGGCTTT GGAAGACCT NTGAGGGGAA ACCTTCACCC 100

配列番号： 4775

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05610

配列：

GATCATAAAA CAATAAAAGT AGTTTTCTAA TGTTGCTCAT AACTGGGAC TGAATAATCAT 60
TTCAAATCCA GGAGACAGTC CAAAAATGGT TATTGAGCAN 100

配列番号： 4776

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05612

配列：

GATCACTTGA GCCAGAGTT AAGTCTGCAG TGAGCTGTGA TTGTACCACT GCTCTCCAGG 60
CTGNGCAACA GAGCCGGACC CTGTCTCACC AAAGGAAAAA 100

【0958】

【配列表868】

配列番号: 4777
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05613
 配列:
 GATCCATTGT CGGGAGCTTG TGGCACATCA CCTTCTACT CTGCAGTCTT CCCTGCCTCT 60
 HAATTCGGTT TATGTCTACC GTCCCCTCAA GCACACCCTG 100

配列番号: 4778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05614
 配列:
 GATCCTGCCC TTTCCTGGGT NGGTGGGNGG TATAAGCACT GCCACCAGAA CTGTTGGGTG 60
 CTAGCTTCAA AGCCCAACAC AAGAAATACT ACCAATTATG 100

配列番号: 4779
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05615
 配列:
 GATCCATAGG ACTACCGCAG CCCGGACTCA CCAACTTGCC ACATGTTCTA GGTTCAGCA 60
 ACAAGACTGC CAGGTGGTTG GGTTCGCCT TTAGCCTGGA 100

配列番号: 4780
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05616
 配列:
 GATCCCAGCC AGGAAGGCTG GGGGCCCTAC TGTITGTCCC CTCTGGGCTG GGGTGGGGN 60
 AGGGAGGAGG TTCCCTCAGC AGCTGGCAGT AGCCCTCCTC 100

配列番号: 4781
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05617
 配列:
 GATCCCGNCA CTGCGCTCCA GCCTGGGTGA CGGAGCGAGA CTTCGTCCCA AA 52

配列番号: 4782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05618
 配列:
 GATCACAGAC AAGCTGGGCC TGCATTCCCT TCGTCACCGT AACTGGTACA TTCAGGCCAN 60
 CTGTGCCACC ACCGGGGACG GGCTGTACGA AGGCCTGGAC 100

【0959】

【配列表869】

配列番号: 4783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05619
 配列:
 GATCCACCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT AGTATTATGG GCGTGAACCA CCATGCCCAG 60
 CCGAAAAGCT ITTGAGGGGC TGACTTCAAT CCATGTAGGA 100

配列番号: 4784
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05620
 配列:
 GATCCANAAG CTGGTGGACG TCACCACGGC ACAGGTGTAA CCNTCCATGT TCCCGTGTA 60
 GCAGAGTCCC TACCAACGGG CAGGTCTGCA TCCGGGGAGA 100

配列番号: 4785
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05621
 配列:
 GATCTCAGCA ACAGCTGGGT AATAAGACTA GCATAGCTCA AACTATCCTG CCAAACGCTC 60
 TCATCTGATT TTNCCTCCCT TCTCCCCAA CCTCCAATCA 100

配列番号: 4786
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05622
 配列:
 GATCACTGCA TGTTATGATG GCTTGTAAGT GCGTTGTAA GACTTTTHTT TCAGTGTTC 60
 TNTCCAGTA TTTGAACCTA ATTTAAAGAA AAAGACGTTT 100

配列番号: 4787
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05623
 配列:
 GATCTGTAAG TTTATTTGCT CAATGTACGA CAGCTACATA ATGACTCACA TTCATGATAT 60
 TCCATCACTG AGGAAACTGC TAAAGATGCT CCGTGTGTGA 100

配列番号: 4788
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05624
 配列:
 GATCCAACCTG GACAACGTGT GGGATGGACC TGGAAACAAG CACCTCCCCA AACACATCAC 60
 CACTCCCTAG GCGGGGGCCT GTGCATGCTC TCGCATGACA 100

【0960】

【配列表870】

配列番号： 4789

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05625

配列：

GATCGATGTT AAACGTCACA GCAGTACTTT GCTCAATAAA GGTCATATTG GAAACATAGT 60
CAAA 64

配列番号： 4790

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05627

配列：

GATCTGTGGT AGGGTATTGA GGGATGAGGG AGAAAAACGA CCTAATTICAN GTAGGACTNG 60
CAACGGCTCC CACCCTCCCT GGGGACANGG NTAATAAAAA 100

配列番号： 4791

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05628

配列：

GATCAGAAGG GCTGCGTGTA GCACCCTTAT GGTCTTGCAG AACACACCAA GAAACCCGAC 60
GGCTTCCATA TTTNCTGACC CTACAAACAG GTGCCTAATA 100

配列番号： 4792

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05629

配列：

GATCTTTTTT CCTCCTTCTG TTTATNTTTT TGTITGTTTT ATTTATAGTC TGATTAAAA 60
CAATCAGATT CAAGTTGGTT AATTTTAGTT ATGTAACAAC 100

配列番号： 4793

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05630

配列：

GATCATATAC TGTATATATA AAANNNTTGA GATGGTAGAA ACATGTATGA NTGTACTAAG 60
TAGTATTCCA CTGTACTCAT TCATAAGGTA GGTITTTCTTA 100

【0961】

【配列表871】

配列番号: 4794
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05631
 配列:
 GATCCCTAAC ATACTGTACT ACTTGCTTNT ACAATGTGT AGCAGAAACC AGTGGGTTAT 60
 AATGTAGAAT GATGTGCTTT CTGCCCAAGT GGTAATTCAT 100

配列番号: 4795
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05632
 配列:
 GATCAGCCGA AGAAGCAGA AGCTCTGGAG GCTGCCATCG AGAACCTCAA TNAAGCCAAG 60
 AACTATTTTG CAAAGTTGA CTGCAAAGAG CGCATCAGGG 100

配列番号: 4796
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05634
 配列:
 GATCCTGAAG TTTTGGTCA ATAGGCTCTG TCTTCGTGAG AGACGGGCTG AGAGTCAGAA 60
 ATAAATCAAC CATTNTGGT TTATTCAA 89

配列番号: 4797
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05635
 配列:
 GATCTTTCTT CTCCCAGCTA AGAGTTCTTC AATAAATTTA AGAAATACCT GGAAA 55

配列番号: 4798
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05636
 配列:
 GATCAGCAGG GACCAAACCA TTGCCACATC CCAAGGNTGA ACAAGCATGG CTGAGCACCA 60
 GAGTNTGCAC CAAGTNTGAN TTTAGGCCTG CCAAGTGGAT 100

配列番号: 4799
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05637
 配列:
 GATCGCAGGG CCNTAGGTGC CTGGACCCAG GGTGTGCCAG CCCGTCTCTN TGCAGTCCCT 60
 GGAAGGGCGC TGAGAAAGGC ACCAGTCCT TGGACCCAC 100

【0962】

【配列表872】

配列番号：4800
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05639
 配列：
 GATCCTAGTT GCCTTNGTGT ATATTTACTG CCTGCTTGAG TGTTCCTATG TGTGGGTTTT 60
 CCCNGTATCT TGTAGAAATG TTGGGGTGT TTCCTCTGCC 100

配列番号：4801
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05640
 配列：
 GATCCCATTTG TGTATAAGTT AATATGTGAT AACTATTGAA TCTTGTACAA AAACAAAAAT 60
 TGAAA 65

配列番号：4802
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05642
 配列：
 GATCCATCCG CGGTGTTGCC TGAATCAACC GCTCATCCCT CGGATTGCTG AGCAGGATTC 60
 ACAGGCTGGA GGCACCACAA TGTATCTGTG TCCCCAGAAA 100

配列番号：4803
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05643
 配列：
 GATCTTGAGT TGCAGTCCAC AGCATTACAA TTCTCAGGAT AAACATGCTT GTNTCCATAT 60
 ATACTATCTG TGCCTGTNAT GAATGAAAAA TCCATCCACT 100

配列番号：4804
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05644
 配列：
 GATCGGCTCA AAGCCTGTCA GCAGAGGGAA GGACAGAACT ACCAGCAGAA CTGTATCAAG 60
 GAAGTGGAGC AGTTCACCCA GGTGGCCAAG GCCTACCAGG 100

配列番号：4805
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05645
 配列：
 GATCCCAGGC CTGTGGCTAG CAGCACTGGG GACAGGAATG GCTGGTCCCT TGAGGAGGTC 60
 GTGACAGGCT CAGCCTNGTN GTCTNGAGGG GACTCGGAAA 100

【0963】

【配列表873】

配列番号：4806

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05646

配列：

GATCTAAAAA GTCAAAAATC TGAAATTTAA TAATATGAGA CTTACACTGA NTATAATGTT 60
CATTTAGAAG TTGCTGTGGT CCACTTCATT TATANGGAAC 100

配列番号：4807

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05647

配列：

GATCAGAATC CTATTAAGAA GCGGAAGAAG ATACCTCAGA AAGGTCGGAA GAAAAAAGGT 60
TTTCGGAGGC GCGGTGATT ATGGGTGTAC ATATTTGTAT 100

配列番号：4808

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05648

配列：

GATCAGTTCT GAAACAGTTT CTTTCTGAAA CAGAGAAAAT GTCCCCTGAA GACAGAGCAA 60
AATGCTTTGA AAAGAATGAG GCCATACAGG CAGCCCATGA 100

配列番号：4809

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05649

配列：

GATCAAGGTA AGAAACATTG TAAAAAAAAA TTACAAAAGT GCTATTTGTT TCCTAAAAAC 60
AGTCATTTCT ATTA AAAAGC TGT CAGANCT CGAAA 95

配列番号：4810

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05650

配列：

GATCCTNTTT CCATTTGAAA GGAAGTGTAA GCTTTTATCT TTTAACCAAC TGAACAATAC 60
ACCAAAAGCA GCCTAGGGAT GAGCATTCT TTGAAAGCAA 100

【0964】

【配列表874】

配列番号: 4811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05651
 配列:
 GATCCAAATT CCCAGGTCGG CGCCTGCATC GTGAATTACG AAAACAAGAT TGTCCGGATT 60
 GGGTACAATG GGATGCCAAA TGGGTGCAGT GATGACGTGT 100

配列番号: 4812
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05652
 配列:
 GATCCCCTCC AAGGAGCACC CATATNACGC CGCCAAGGAC TCCATCCTGC GCAGGGCCAG 60
 GGGCATGTTT ACTGCCGAAG ACCTGCGCTA GGGGACTCCT 100

配列番号: 4813
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05653
 配列:
 GATCGTCTGG AAGCAGCAGA GATGTACAGA AAAGCTGCTT GGAAGCGTA TTTGAGTAGA 60
 CTTGGTGTIT GAGTGCTTCA GATACATTTT TCAGATACAA 100

配列番号: 4814
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05654
 配列:
 GATCCTCCAA AATTCAAACA AGGAAAAATC TCTCCCAATC TCTCCTTTCC TCCATCCCTT 60
 TTCTTTACTT CTCATCCCAT ATATAATATT ATATAANGCA 100

配列番号: 4815
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05655
 配列:
 GATCTCTTTT GCTATGGCTC ACATTATTTT CATAAAGITG CTGGCCAGCT TTTACCTCTT 60
 GCATATAATC TGTGAAGAG GAATCTGTTT GCAGAAATTA 100

配列番号: 4816
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05656
 配列:
 GATCTTTCTC TTGAGTCATT TTATTTTAT CATGGACTAG TCGTGCTCC GTGTCCACCC 60
 CAATAAAAGG GTCTTTCCTA CTGAAA 87

【0965】

【配列表875】

配列番号： 4817
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05657
 配列：
 GATCTGGGCA ATTTTGGCCT TGA CTCTTC CTGGCTCCAG AGCTCAAGCT TAGANGCCAG 60
 CCCTGCTATT TCCAGCCTCC TGAAGGCTCA GCACGGTGAG 100

配列番号： 4818
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05658
 配列：
 GATCTTGCTA GGGAAGGCCA CCTTGATGC CGTGCTGGTC AGTGCCCTCG TGCTGATGGC 60
 CATGGTCAAG AGAAAGGATT CCAGAGGCTA GCTCCAAAAC 100

配列番号： 4819
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05659
 配列：
 GATCCCCTCA TCACCCCTGT GCCCACTTCG GAGAACCNT TCCGGGAGAA GAAGTTCTTC 60
 TGTGCTCTCC TCTGAGCTCC CCTGTCCCT CTCACAACTN 100

配列番号： 4820
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05660
 配列：
 GATCCATGTA ATCTGACGTC ATCTTGCTC GAAGTCTCTT TTTTGGCCC AGGCCTTGAA 60
 GAATACACTG TGA CTTAAGA AGCCTTACCA CGCAGTAACT 100

配列番号： 4821
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05661
 配列：
 GATCGTTGTG CTTTNTTNC TGTGTTGGTT GCCAGTTTAT AGTGCCAACA CGTGGCGCGC 60
 CTTTAATGGC CCGNGTGCAC ACCNAGCACT CTCGGGTGCT 100

【0966】

【配列表876】

配列番号：4822
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05662
 配列：
 GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATNAGATGGA GGAAGGAAAA 60
 AGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACTCCT ACAGAGTGAA 100

配列番号：4823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05665
 配列：
 GATCCAGGC CTNTGGCTAG CAGCACTGAG GACAAGGAAA TGGNTGGTCC CCTTGAGTAG 60
 GTCGTACAA GGCTCAATGC CTGGTNGTCT TGGAGGGTAC 100

配列番号：4824
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05667
 配列：
 GATCACCCAG CAGGAGTCGT GGCAGAACGG AGCATCAGCC AGNCCCTGTT GTGGGCGTTG 60
 TCATCAAGGG AGCTTGAATG GAGGGTCTGG TGTCAGATAC 100

配列番号：4825
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05668
 配列：
 GATCTCCAGA GACCCAAGTT TAGGTTCTCA TAGTGTATTT GAAGTAGTTA TACTCCTGGC 60
 TTAAGTAGTT TAGTGCCCTG GAGAATCCAT TACTGAAAAG 100

配列番号：4826
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05669
 配列：
 GATCTAACAA AAATGAAACA TGAATGCAG TAGCAACCAC TAAAAAAAAA AATTCAAGGN 60
 CATCTAACTN TTTCTCTCAC TTTNGCCCTT TGTTTATCCT 100

配列番号：4827
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05671
 配列：
 GATCACTTAG AGAAACAGGC CGTTAGGAAT CCATTCTCAC TGTGTTGCT CTAACAAAA 60
 CAGTGGTAGG TTAHTGTGTT CAGAAGTCGC TGTCCTTACT 100

【0967】

【配列表877】

配列番号： 4828
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05673
 配列：
 GATCAGTTTN CAGCAGCAAG TACAAAAGGA GAAGAGGAAC ATCCGTTGAA TNAGTGTGTT 60
 TTGTACATAA CTTCAGATAC TTGTNAACAT GCCTTATATT 100

配列番号： 4829
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05674
 配列：
 GATCTTGTGA AAACACNGTN TTNTCGACTA AAAATTCCAC TNTCTTCATC TNGTTGTGAA 60
 GCTAAAAAGA GGGACTGTTA AATACAATGT ATGATACCAT 100

配列番号： 4830
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05676
 配列：
 GATCAAAATA GCTATTGCTA CAACATTTTC GAAAACAAAG TTGGGGCTGT ATTTCTTTAA 60
 AAAGATAAGC CTCTAAAAAT GCTTGGCAAA AAAAATATAG 100

配列番号： 4831
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05679
 配列：
 GATCTCAGTT GCACGTGCAA ACAAATCCAA ATTCGAACAT TCTTAGGAGG TTTTNTTAA 60
 GGCATGACAG ATGATNTAAA CAAATAAATA GCATGCAACA 100

配列番号： 4832
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05680
 配列：
 GATCAGTGAA CACTAACATT TTGGGGACAA CTTAGTCAAT TGGTTTTCTT TACAACAAAA 60
 TAAAGTAAAA TGTAGCAAA 79

【0968】

【配列表878】

配列番号：4833

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05681

配列：

GATCACCATT CAATTTGAGT TTCCAGGGGG AAGTGCATGT ATAATGNAAT GATAATGGAC 60
TTCAATGANG GATGTCATCA ATNATGNACA TATAGATNGC 100

配列番号：4834

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05682

配列：

GATCTAATAA GGCACGTAAT AGATTAGAAG TAGGGAAATT AATNAAAAAG CAGAATTAAG 60
GATGACTTCT CACTGGCTTG AAATGCTAAA TGGATGACGG 100

配列番号：4835

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05683

配列：

GATCTTTCAT CTGTGATTCT TATAAGAGCT TTGTCTTCAG AAAAATAAAA AATAAAAGGC 60
ATTGACTTAA ACAGCAAA 78

配列番号：4836

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05684

配列：

GATCAGTTGT AAGTTCATTT CTTTACAAAT AAAAGCCTCT TCCATTTGAA A 51

配列番号：4837

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05685

配列：

GATCTTTTCC ATCTGAGGGT ACAGGAAGTA CCAGGACCTG TTTCAGTTTT TNAATCCTGC 60
AAGCACATTC CAAGACTGGC CTGAAACTGC ATGAGCAACA 100

配列番号：4838

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05686

配列：

GATCATGCAT GCAGTCATGT CTCCAGTATT CTGTGAAAAG CCAGGATACG TTAGGATGTG 60
AGTTTAGAAA CTGAGTCCAT TCGGTGCATG GAAATNCACC 100

【0969】

【配列表879】

配列番号: 4839
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05687
 配列:
 GATCCCGGTG TGTGGCCAG CTTGTTGAG CCTGGGATG CTGCATCTGC AGGCAACTAT 60
 GCACTTTCCC GGGGAGAGAA CCAGTATGAG AAGTGGGGC 100

配列番号: 4840
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05688
 配列:
 GATCACAAGG CTGCCTGCCT CAGTCTTGA GTCTGTTGG GTGAATNAGG CAGATGGGAA 60
 AGAGCCTCAC CAGCAGCTGC TTTTGGAGCA GGGGTCCAAG 100

配列番号: 4841
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05689
 配列:
 GATCGAAGAT GTACAATGTT AAATGTHCAT ACCAGTTAAA CTGCACTTTC CCAAGGGGNC 60
 AGCTGGNATC TACTTGAAT GCGNATCAAG AGACCACCAA 100

配列番号: 4842
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05690
 配列:
 GATCAGTCCT GTCATCCAGC TGCAGCCAC CTTACACCC ATGCGGGTCG CACTNGCTGG 60
 CACATTCCAC TACTACAGCT GCGAGAGAG CAAAAAGGCC 100

配列番号: 4843
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05692
 配列:
 GATCCCAGGG ACTCATCCTG TGACTTTGTA ACCACACTCA TTCCTTTCAA ACACAGAGGA 60
 GGAATTATTG CTTATCTGA CTTTATTCAA ATCTAGTTAT 100

配列番号: 4844
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05693
 配列:
 GATCTCAAGA GCCCTGTCAG TAGAGTAGAA GTCTCTTCCA GTTTGCTTTG CCCTTCTTTC 60
 TACCCTGCTG GGGAAAGTAC AACCTGAATA CCCTTTTCTN 100

【0970】

【配列表880】

配列番号： 4845
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05694
 配列：
 GATCTGCTTA AAGTTTAAAC TTTTATACCT ATCTGAGTGA ATTACAGACA ACCTATCATT 60
 NATNCTGCTN CGAGGGTCCC CAGGGCCCTT GTACAACCGA 100

配列番号： 4846
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05695
 配列：
 GATCTCATTT GCTGAATGAT TGATTAAAGA GTAAAATTNG CCACTGCGTG CTTTTTGTAT 60
 AGTAACCGGT TTTGTTGCAC TNGTCTGTTG CTGAAACACT 100

配列番号： 4847
 配列の長さ：88
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05696
 配列：
 GATCTTTTCT CAGAGCGTCT CCATGCTATG GTTGCAATTC CGTTTTCTAT GAATNAATTT 60
 GCATTCAATA AACAACCAGA CTCAGAAA 88

配列番号： 4848
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05697
 配列：
 GATCACAAGT GCAGCATTCC TTAATTCCTT CTGCTATATG TCACACAGTT GTNATTGGN 60
 GAACCAAGTA TGTATTGCAT GAAANCATTA TGACTTTTTN 100

配列番号： 4849
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05700
 配列：
 GATCCCACCA CTNCACTCCA GCCTNCGCGA CAGTGTGAGA CTCCGTTTCA AA 52

配列番号： 4850
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05701
 配列：
 GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTGGGCCCT CAGAAAGCCC GGAGGCTGTT TGATGTCCTG 60
 CACGAGCCCT TCTTGAAAGT ACCCTGATGA CCCCAGCTGN 100

【0971】

【配列表881】

配列番号：4851
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05704
 配列：
 GATCCTCAAC AGACACCTTC CTTGACTGAA AGTTTAAATC GTGATGCAGA GNCAGTCAGT 60
 NATNTNCCGC CATCCACAGG AAATTCAGCA TCTTTATCTC 100

配列番号：4852
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05706
 配列：
 GATCGCACCA TTGCACTCCA GCCTGGGCGA CAGAGTAAGG CTCTGTNTCC AAA 53

配列番号：4853
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05707
 配列：
 GATCAATTCA ATTAGATTAA AATNAAGAAC CTTGGGGCAG AGTTTGGGTT TTGTAAAATX 60
 AAAAGAGTTC TGGAGTTAAG CATCGTGAAC ATGCTTAACA 100

配列番号：4854
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05708
 配列：
 GATCTAATTT AAAATTCAAT GGATTGAAAT NTATTGAATA TAATTCANCT TTTGTAACTA 60
 GGTAGACTTT NCTNATAGTT TAGTTTAAAT ATAGTTTATG 100

配列番号：4855
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05709
 配列：
 GATCATGCCA CTGTCTCTCA GCGTGGCAAC AGAGTGAAT TCTGTCTCCA AA 52

配列番号：4856
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05710
 配列：
 GATCAGATGG GGACACACAA CCCCTGGATA TGTTTCATTG TCAGATTTTG TGCTGNNATT 60
 TTAAGAATGG AATGGTGGGT ATCTTTCCTT TTTTTTAATG 100

【0972】

【配列表882】

配列番号: 4857
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05711
 配列:
 GATCTGACTG TGGAAACATC CTCTCACTTG CATTCTTTTA ACTTAAAACT ATTTAAGAAC 60
 TGATGTTCCG ATTATTGTAT ATATTNNCT AAAANCCAAA 100

配列番号: 4858
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05712
 配列:
 GATCACCAGG TCAGGAGATG GAGACCATCG TGGCTAACAC AGTGAAACCC NGTCTCCAGT 60
 GAAATACAA AAAANTTAGC CGGGCGTGGT GGCAGGTGCC 100

配列番号: 4859
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05713
 配列:
 GATCACCAGG TCAGGAGTTT GAGACCAGCC TGACCAACAT GGTGAAACCC CATCTNTACT 60
 AAAAATACAA AANTTAGCTG GCGGTGATGG TGGCCACCTA 100

配列番号: 4860
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05714
 配列:
 GATCAAACAG GAAATTGAAA GCCACTGNAA CTATGCAGCA TTTCAGTTTT CATTTAAACA 60
 CTTAGTTTACG AAACCTTAAA GGATTTGANT ATTTCAAATT 100

配列番号: 4861
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05715
 配列:
 GATCTGGACA AATGACAGTA ACTGTTTCTA ACCTTGATTT TCTCATCTNT AAGATGCCAA 60
 TTGTAACCTC TAAGNTACT GAGGATTTTT TAAAATGCGT 100

配列番号: 4862
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05716
 配列:
 GATCAAGCGA CCTTGAGAGC AGAGNACAAA TCCAGTGTT GCTGATATAT GGCTTCTNCT 60
 TCTCTTGTGT GTGCCTCAGC TCTGAAGNAG TTCCTGAGAA 100

【0973】

【配列表883】

配列番号： 4863

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05717

配列：

GATCACCTGA GGTGAGGAGT TCGGGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC TCCGTCTCGA 60
CTAAAAATAA AAAATTAGCT GGGCATGGTG GCGCATGGCT 100

配列番号： 4864

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05718

配列：

GATCCTCCTG CAGACCACGC CCGTCCTGCC TGTGGCGCCG TCTCCAGGGG CTGCTTCCTC 60
CTGGAATTC ACGAGGGGTG TCTTGGGCAG AGCTGGCTCT 100

配列番号： 4865

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05719

配列：

GATCACCACC CCGAGCCCTC TNATCCTCTA TGGNTTCACT CCCATCATGA TTTGGAATTA 60
TTTATTTGTG AACTTGATTA GCCGAGATTG TAAATNACAT 100

配列番号： 4866

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05720

配列：

GATCATTAAC CAGAGTACCT CTACTCTTAG CAAACTCTAG TTTATGACAA GTATTTAAAA 60
TATTTAAAAAC AAGCTTATGC AGTTCTTAAG GNCGNAGGTA 100

配列番号： 4867

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05721

配列：

GATCTTAATG CCCAACATTG GTTATGGAAG CAACAAAAAA ACAAGCACA TGCTGCCAG 60
TGGCTTTTCGG AAGTNCCTGG TCCACAACGT CAAGGAGCTG 100

【0974】

【配列表884】

配列番号: 4868
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05722
 配列:
 GATCCCTTTT CTTTGTATGG ACCAGAAATN ATGGGTTGTA CAGGGTGCCA GATAGATTGG 60
 AAA 63

配列番号: 4869
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05723
 配列:
 GATCCCACTG CTCTACTGGG GGATNAGAGA AAGGCATTTT ATAGCCTGGG CATAAGTGAA 60
 ATNAGCAGAG NCTCTGNGTG GATGTGTAGA NGGCACTTCA 100

配列番号: 4870
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05724
 配列:
 GATCGAATAC AGATGACCCT GCTGTCGTGT CTTCAATTTGT AAAATTCTCC TACAAATGGA 60
 GACATTGAAG GATTATGTGT ATGGAAATTT TTACAAAATT 100

配列番号: 4871
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05725
 配列:
 GATCTTGAAC AAAGNCACIT AGTTNCCCTG GGCCTTGGTG TCTTTCGTCT ATAAAATATT 60
 GTACCAGATT ATCTCTGAAA TCACTNCAAG GTTTAATATA 100

配列番号: 4872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05726
 配列:
 GATCGAATCG GGACATNATG GGAGCTGACA AATTTATATT CTNTTCAAT NATTTTAATC 60
 CCACTTCACT CTGAGGGGAA GGCCTTTTCA CGGGAACCTT 100

配列番号: 4873
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05727
 配列:
 GATCCCAAAT TTGTCCATAG CTGAAGTCCA CCATAAAGTG GATTTACTTT TTTTCTTTAA 60
 A 61

【0975】

【配列表885】

配列番号： 4874
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05729

配列：
 GATCTATAGA ATTAGATTN NTTATATCTA AAGAAATATA TATAAATACA TAAACGTAGG 60
 TATGTATAGC ATGANCAGAA TACAGTGCTA TTGACCATT 100

配列番号： 4875
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05730

配列：
 GATCCCCCAT ATACTCTGCT ACAGCTCCTA TCATGAAAAA TAAATGTTT GTCTTTGCAA 60
 A 61

配列番号： 4876
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05731

配列：
 GATCCGNTGG GGTGAAAGCA GCCAGCTCAT CCCAGTAACT CACAGGACAC AGCCATCCAG 60
 CGGCATCTTT CTTGTGCGAA TGATACTGTA ATNACCTTCC 100

配列番号： 4877
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05732

配列：
 GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTAAGAG TTTNCTNACC TGTNCAGTCT CATCTAACCT 60
 TCCAATGTCT GATGTTCTG CCAAATTCCT GCCTGATTCT 100

配列番号： 4878
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05733

配列：
 GATCCTCCTG GCGGCAGTAG CCTTGACAAG GGGCACCTCT TCACAGGATG CAGTCTGTCT 60
 GTGCACCAAA CTCTTCACCA AATAGAACAC TTGTGTCTCT 100

【0976】

【配列表886】

配列番号：4879
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05734
 配列：
 GATCCATTTC GNAGGAAATG AGAGGGCTGT NATCAGCTCT NATTAAGAAA GGAGATTCT 60
 TCATGCTTTC GATTCTGCAT GGGGTACAGC CAGTCACCTC 100

配列番号：4880
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05735
 配列：
 GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTNTTTTTTT TTTAAANTTG AAGGACCACT 60
 GATGAAGCCC TNCCANACCC CTCCCGGGTC TAANAAAACG 100

配列番号：4881
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05736
 配列：
 GATCAAGAAA TMTCTCTNCT CCTACATCCA GCTCCTCTAG GGGCAGCCTC CGTCATCCAT 60
 GCCCTCCAG GACCTCCAC TCACTGCTGT GAGTGGCCT 100

配列番号：4882
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05738
 配列：
 GATCCCCCTCT CCTGCCAAG CACTTCACAG CTGGACCCTG CTTACCCTC ACCCCCCTCC 60
 TGGCAATCAA TACAGCTTCA TTATCTGAGT TGCATAAA 98

配列番号：4883
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05739
 配列：
 GATCGCNCCA TTGCACTCCA GCCTGGACAA CAAGAGCAAA ACTGTCTCAA A 51

配列番号：4884
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05740
 配列：
 GATCAGGAGG TCAGGAGTTC AAGACCAGCC TGACCAACAT GGTAAAACCC CGTCTCTACG 60
 AAAAATACAA AAATTAGCCG GGTGTGGTGC CACCCACCTG 100

【0977】

【配列表887】

配列番号：4885
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05741
 配列：
 GATCTGGGAT TTTNTTTTITA TTTTGAAATG GGAGCTTTTT TGTITACAAG TTCATTAAAA 60
 ACTAAAAACT GTTCTGTAA A 81

配列番号：4886
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05742
 配列：
 GATCGATTTC TTTCTCCAG GTAGAGTTTT CTTTGCTTAT GITGAATTCC ATTGCCTCTT 60
 TNCTCATCAC AGAAGTGATG TTGGAATCGT TTCTTTTGTT 100

配列番号：4887
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05743
 配列：
 GATCCACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTNCI GGGATTACAG NCATGAGCCA CCATGCTCAG 60
 NCGTGTGTGT NTGTGTGTAT TATTATATG TATATGCATA 100

配列番号：4888
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05747
 配列：
 GATCTTTAAT CAAGCACTAT GTTAATACTG TAATATCAGA ATACTATGTT GCATTATTTA 60
 AAATGTTCAA ATTGAATAGN TTAANAAGTT TTTAAATNCT 100

配列番号：4889
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05748
 配列：
 GATCCTTGGT GCTGTGTGCC CCACTCCAGT CTGGGGACCC CACTTCANAA GGTAGGGGCC 60
 GTGTCGGCG GTGCTGACTG AGGCTGCTT CCCCCTCCCC 100

配列番号：4890
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05749
 配列：
 GATCTGAAGA GAAGCCAGAG TATAATTTNC TACTATTTTC AATACAAAGN TGTGTTTTCA 60
 TTACAATTAG NGGAATATAG GCTTCTGTGA GCTAGCCTGG 100

【0978】

【配列表888】

配列番号：4891
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05751
 配列：
 GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTG6GCCCT CAGAAAAGTAA GAGCTCTGGG AAAGAACCCA 60
 AGGAGTTGGG GGAAGGAGAG AGCCCCAAAT AAACACAACC 100

配列番号：4892
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05752
 配列：
 GATCCTACTG ATGAAATTCC CACTAAAAAG TCAAAGAAGC ATAAAAAGCA CAAAAACAAA 60

配列番号：4893
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05754
 配列：
 GATCAAAAAA TTGAATGATA AATATGAATG GCTTTTCAAT TCTGTGGACT TTGTACCATT 60
 TGGCTTCACC TTGTACTGCA AGATGAATTT GTAAACAAAA 100

配列番号：4894
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05755
 配列：
 GATCACAATG ANGGCCAAGC TTGCNCGCNT AGAGGCCAG GAGCAGGCCT TCCTGGCTCG 60
 TTTCAAAGGC CAGGACCCTG GGGCCCCTCA ACTGCAGTCA 100

配列番号：4895
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05756
 配列：
 GATCTTGTTT ACATCTTGCT CACTGCTATA TTCTCATTGC TGAGCACACA GTTGCAGCTC 60
 AATAAATTTT GAATGAACTC CAAA 84

配列番号：4896
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05757
 配列：
 GATCACCTNA TGGATGTCGC AATAATACAA ACCAGTGTAC CNCTGACCTN HTCATCAAGA 60
 GAGCTGGGGT GCTTTGAAGA TAATCCCTAC CCCNCTCCCC 100

【0979】

【配列表889】

配列番号: 4897

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05758

配列:

GATCTGCACT ATNAACCTTG TGAAGAGTTT CTCCTAAAAA CTTTAAGTAA AATGTTAATG 60
GTAGCTTTGA TAACATCAAA TTCTAAGGGA GAAAAAACA 100

配列番号: 4898

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05759

配列:

GATCAAAAAA ACGTTCTTTG AAGAGCTGGC AGTAGAAGAT AAACAGGCTG GGAAGAAGA 60
GAAAGTNCCTC AAGGNGANGG AGCAGCAGCA GCAGCAACAG 100

配列番号: 4899

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05763

配列:

GATCTNCACC AGCTGCTCGT GGTGGCTCGG TGTCTGTCTC TCAGTGCTGG TCAGACAACG 60
CTGTCAAGAG AACGTTGGCT GAGAGCAANG CAGCTAGAGT 100

配列番号: 4900

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05765

配列:

GATCTGAATT TCCCCATGCT TCCTGGTTTT NATATGTTTC TTGACAAATA AAGCTGATTT 60
AAATCTCTAA A 71

配列番号: 4901

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05767

配列:

GATCTTTTTN TTTATCTCCC TTCCCTTCC TAAGTCCCAT TTCTTGGTCA TAAATATTGC 60
ATTATTCACT CTTTCAAACG GTGTATTTNC TTACAATAAA 100

【0980】

【配列表890】

配列番号：4902
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05768
 配列：
 GATCTCACCA CCCACCTGGC CTCGCAGGGC GTTCATCTCC TCCTCGTGGT TCTTCTTCAG 60
 GTAGCCAGC TCCTCCTTGA GGTCTCAAT CTGCATCTCC 100

配列番号：4903
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05769
 配列：
 GATCANAACC CTAGCGCCTT TGGTCCTAAG AATGGNAGGC TGCCTTCCTT CCCAATCTCC 60
 CTGCCAGGGC CCACAGCCTG GCCCTAGCCC TCCCCTCCCC 100

配列番号：4904
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05770
 配列：
 GATCIGTATG TNAGGCACCC ATAACAGTAG TTTTCCCTGT NAGTCGTCTT CACACATGCT 60
 GTTTTCTCTG CCTGGCTCTC TCTTCCCCCTC CTTACCTGGC 100

配列番号：4905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05772
 配列：
 GATCATTCTT CAATTAGGAC ACAAACCAGA CAGGTTTAAT AGCGAATCTA ATTTTNAATT 60
 CTGACCATGG ATACCCATCA CTTTGGCAIT CAGTGCTACA 100

配列番号：4906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05773
 配列：
 GATCTAAATA TAAGAGCAAA AACCATAAAG CATCTAAAAG TAATGAAGG AGAAAACTTT 60
 AGTGCCTTTT GTNCTGGCCA AGATTTTTTA AAGAGGACAT 100

配列番号：4907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05774
 配列：
 GATCAGCCTG AACACATAA TAAGACCCTG TCTCAACAAA AAATACAAAA ATTAGCTGGG 60
 TGTTGGTGGCA TATGCCTGTA GTCCAGCTA TTCAGGAAGC 100

【0981】

【配列表891】

配列番号：4908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05775

配列：

GATCCTTCCT TCAACCCCAA GGCCAGCTCC CATCTCATTT CCAGAAAGGC TCATACCTGG 60
CTTGCAGGGA AGCATCTGTC TTGTCATTCC AGGTGCCAGA 100

配列番号：4909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05776

配列：

GATCTCAGTT TCCCTCACTC AGGAACTCTG TTTCTAAAGT CTTCAGTTAA GTTTNAGTTT 60
ATNACTGAGT GGCCTGTACT GTCAGACGTG AATGGGCCTG 100

配列番号：4910

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05777

配列：

GATCCAGGAG TTTAAGGTTA CAGTGAGCTA TGACCGCTAC TNCACCTCCAG CCCAGNCAAC 60
AGAACAAGAC CCTGTTTCAA A 81

配列番号：4911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05778

配列：

GATCCTCCGT AACATTNCNA GACCAGANAG AACATCCAGA AATCCCTGGN TGGAAGCTCA 60
GGCCCCGGGG CCTCCAGCGG CACCAGCGGA GACCACGGTN 100

配列番号：4912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05779

配列：

GATCAAATAT TTTTNATTAA CCTATATAAA GAATTTGACT GCTTATGATT CAATACATAT 60
GATTTAATAA AATAGATTGC ATTTTNNAAA ATAAAGAATG 100

【0982】

【配列表 892】

配列番号： 4913
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05780
 配列：
 GATCAACCTC TGATTTTACA TCATGATGTA ATCACCACCTG GAGCTTCACT GTTACTAAAT 60
 NATTAATTTC TTGCCTCCAG TGTCTATCT CTGAGGCTGA 100

配列番号： 4914
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05781
 配列：
 GATCCTACCG GAAACCAACC TGTTTACTGT ACTGTTGTAA ATATCATGCC CTTTATATCC 60
 TGTATATTGG CTTCTTTTAA ATAAAGTGAA ATGTCTTAGA 100

配列番号： 4915
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05782
 配列：
 GATCTAAACT TNATGCTGCA TAANTCACTT ATCGGAAATN CACATTTTAT AGTGTGAAGC 60
 ACTCATTTNT AAACCTTATT ATCTAAGGTA ATATATGCNC 100

配列番号： 4916
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05783
 配列：
 GATCCCTTTG AAATNTTTTT TTTGTTTGTG TGTTTAAATC AAGCCTGAGG CTGGTGAACA 60
 GTAGCTACAC ACCCATATTG TGTGTTCTGT GAATGCTAGC 100

配列番号： 4917
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05784
 配列：
 GATCTTTGTT TGTCTGAACA GGTATTTTAA TACATGCTTT TTGTAAACCA AAAACTTTTA 60
 AATTTCTTCA GGTCTTCTAA CATGCTTACC ACTGGGCTAC 100

配列番号： 4918
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05785
 配列：
 GATCTGAAA GAATAATTGG TGCCACAGAC AGCAGTGGAG AATTGATGTT TCTCATGAAA 60
 TGGAAAGNTT CAGATGNGCC AGACTTGGTG CTGGCGAAAG 100

【0983】

【配列表893】

配列番号： 4919
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05786
 配列：
 GATCCATCAG TCATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
 GCCATGTGAA GTAACAAAGT GGTTTTGGT ATTNTTTTCC 100

配列番号： 4920
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05787
 配列：
 GATCGCAGAT TTNTNTAGAA ACACGGATGT NCATGTCCAG ATTCCCTTTT NCAGGTATTA 60
 AAAATAATTA AAAATAGTCC TGCCTGAGGT TGCAGTGAGC 100

配列番号： 4921
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05789
 配列：
 GATCTGTACA ACTGATTTTA AAAAAATGCT AAAAAAGCC CCAAAGCATA TAATCTCTAC 60
 TCCTTACAGT CTCTAGAATT AAATGTACTC ATTTAGACAA 100

配列番号： 4922
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05790
 配列：
 GATCAAGAAG GCCACTGGTG TGCAGGTGTN AGGCTCCTAC AGGCCCACTC TCTTCAGCAG 60
 CCACCCGGCC CTCCCTCCAG CACCCGTTTT AATCCCACAG 100

配列番号： 4923
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05792
 配列：
 GATCAGAGCC GACACCAGAC GTGATTAGCA GGCGCACAAN ATTCAATTTG TTAATGAAA 60
 TTGTATTTTG CCCAAA 76

【0984】

【配列表894】

配列番号: 4924

配列の長さ: 75

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05793

配列:

GATCTATTGG NCCCAGGACT TTTGATNCCT TTAAGTTTGG TATTCAATAA ACTTTTTTTG 60
TCTGTTGATA ATAAA 75

配列番号: 4925

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05794

配列:

GATCCATGCA TTATTTTCCT AGCTTCCTGC CTTCCTCCCT ATTCACITTA CACTGTGAAA 60
GGTGGGGGGT GAGTCCCACT TGAGCGCTTC CTGTTGAATA 100

配列番号: 4926

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05795

配列:

GATCATGTCT GTACATTGTG TAATGAATGA AAAGCACATA AATNTAATCT ACTTTGAACT 60
TTGTAAAAAT AATGTGTGGA GGCTATTCTT GTTTCTCCAT 100

配列番号: 4927

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05796

配列:

GATCCGNCCA CCTTGACCTC TCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACGCCCGG 60
CCACGCTGTT GGTTCTTAAT GACACAGCTT ANCTTTATTG 100

配列番号: 4928

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05797

配列:

GATCTTTCTG CAGGAAATAG TCACTCATCC CACTCCACAT AAGGGGTTTA GTAAGAGAAG 60
TCTGTCTGTC TGATGATGGA TAGGGGGCAA ATCTTTTTCC 100

配列番号: 4929

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05798

配列:

GATCTGTAC GGAAGGCGTC CTTTTTCCTT GTAGCTAACG TTAGGCCTGA GTAGCTCCCC 60
TCCATCCTTG TAGACGCTNC AGTCCCTACT ACTGTGACGG 100

【0985】

【配列表895】

配列番号： 4930

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05799

配列：

GATCAGACCA TAATGTTACA TTATTATCAA CAATAGTGAT TGATAGAGTG TTATCAGTCA 60
TAACATAATA AAGCTTGCAA CAAA 84

配列番号： 4931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05801

配列：

GATCCTGGCC GAGGTGAGGA ACAGACAGGG GGGGTCTAGA TTCTAAGGGG GTTGGTGGAT 60
ATTGGGCAAG GCAGGAAACC TCTGGAGACC TCATTTTCTC 100

配列番号： 4932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05804

配列：

GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCGAGATGGA 60
GCAGCAGAAC CAGGAATACA AAATCCTGCT GGATGTGAAG 100

配列番号： 4933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05805

配列：

GATCACCTGG GGTNAGGAGT TCNAGGCCAG CCCGGCCAAC ATGGTGAACC CCGTTTCTAC 60
TAAAAATACA AAAATAAGCT GGATGTGGTG GTGTGTGCCT 100

配列番号： 4934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05807

配列：

GATCACTTGC TTTTATGTCC ACTTTTNNAG TGGTACTTAA ATGTAAAGTA ACAACCTGAA 60
TTGAGTCATT GCTTTCTGAA GGAATCATTG TCCTTTCTCC 100

【0986】

【配列表896】

配列番号: 4935
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05808
 配列:
 GATCCTTCAG CACAGGAATT CTCAAGACCT GAGTATTTTT NATAATAGGA ATGTCCACCA 60
 TGAACCTGAT ACGTCCGTGT GTCCCAGATG CTGTCATTAG 100

配列番号: 4936
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05810
 配列:
 GATCATGCCA TTGCACCCCA GCCTGGGCAA CAACTTAACT TTTTGAAAC TCTGTCTCAA 60
 A 61

配列番号: 4937
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05813
 配列:
 GATCCTCTGG ACACGTAACC TATGTCAGNC ACTACATGAT GACTCAAGGC CAATAATAAN 60
 GCCATTTCTT ACCTGCACAA A 81

配列番号: 4938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05814
 配列:
 GATCCANAGA GGACCCCGN CCCCAGAGAC TTGGTTTTGG CTCCAGCCTT CCCCTGGCCC 60
 CGTGACACTC AGGAGTTAAT AAATGCCTTG GAGGAAAACA 100

配列番号: 4939
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05815
 配列:
 GATCAAAAGG TCTCAGATGA TGATAAAGAA AAGGCAGAGG GAGCTCTTCC AACTGGGAAA 60
 TCCAAA 66

配列番号: 4940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05816
 配列:
 GATCTCTAGA GTCCATTAAG AGCAAGCTAG ATTGAGAGCT CTTGGAGGGC AGGGACTGGG 60
 CTTAGCTCAT GGTTCACAGC TCTTGAGGGT GACTGCACAG 100

【0987】

【配列表897】

配列番号： 4941

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05817

配列：

GATCATACCA TTGCACTCCA GCCTGAGTGA CCTGACTGAG ACTGTCTCAA AAAGNGTAAA 60
ANATAAAAAAT TAAA 74

配列番号： 4942

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05818

配列：

GATCTNACTC CAGCAGAGTC TGTNCCAATN TGGGGTGAGC AGGGCCCCTG CCATGGAGCA 60
GCAGGAATTT NAGGGATGGA GCAGGTTAAA GAATGGGAAA 100

配列番号： 4943

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05819

配列：

GATCTTAGTG GTGAAAGTAT GTGTAACCAT GTGATGGTTA AAACANGACT TACAATNCCT 60
AAATGTGTAA CTGAGAATAA AACGTACTCT NTTAAA 96

配列番号： 4944

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05820

配列：

GATCCNAAGN CTCCGGGCAG CCGTTATCCC GTGGTTTAAAT AAAGCTNCCG CGCGCTCACC 60
AAA 63

配列番号： 4945

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05821

配列：

GATCCTGCTG TGTGTCCTGT TCCATGTTCC GGTTCATCC AAATACACTT TCTGGAACAA 60
A 61

【0988】

【配列表898】

配列番号：4946
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05823
 配列：
 GATCTCCTTG TCAGGAGCAC CTAAGAACTG GCATGACTCT ACACCCTNTC TCCTTCTNCA 60
 ATGACCTCGT GTCAAGATGG CAGACCTGCA GAGATGAATT 100

配列番号：4947
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05824
 配列：
 GATCTGTGTT GGTTCCTTAG ATTGCTAGCT TTTCTCCAG GGGACCACAG CAGGTGAAGC 60
 TCAAGAGCGC ATGGCTCTGC TAATAGTAAA TTGTTTTAG 100

配列番号：4948
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05825
 配列：
 GATCAAACCTT GGTCTGGCTA TTGATGAAGA TGACCCTACT GCTGATGATA CCAGTGCTGC 60
 TGTAACIGAA GAAATGCCAC CCCTTGAAGG AGATGACGAC 100

配列番号：4949
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05826
 配列：
 GATCTAAGAG TATGGCTAAA CATCTATATA TGCAATCTAT TAAAAGAACT TAATTGGCT 60
 ATTAAA 66

配列番号：4950
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05827
 配列：
 GATCTCTGGA GCTCAAGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCCGA TGTGCCAGTA CACTGCAGCN 60
 TNGGTGACAG AGCAAGACCC TGTCTCAA 89

配列番号：4951
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05829
 配列：
 GATCGCCACT TACCGCAAGC TGCTGGAGGG CGAGGAATGC AGACTCAGTC GAGAAGGAGT 60
 TGGACCAGTC AACATCTCTN TTGTCACAAG CAGTGTTC 100

【0989】

【配列表899】

配列番号：4952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05830

配列：

GATCAGGNAG CCTCCTGATG CCAGAACACC TNAGGCAGAG CCCTACTCAG CTGTACCTGT 60
CTGCCTGGAC TGTCCCCTGT CCCC GCATCT CCCCTGGGAC 100

配列番号：4953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05831

配列：

GATCCTGGAC TTTNCCCTCA GCAAAGATGC CTCNTGGTG GTGACCACGT CAGGAGACCA 60
CAAAGCGAAA NTNTTNTTTT TCCAAAGGCC TGACCGTTAA 100

配列番号：4954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05832

配列：

GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGGGAGCCA CAACACCCGG 60
CCATGAATTA ACTCCGTAA AAAATAAACG TATACATTCT 100

配列番号：4955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05833

配列：

GATCGGTTTC GCCATCATGA CGCAGTGTCT CCCAGTGGCC CTGTTCTCCC TGGTGGGCTT 60
CACCAGATG ACCATNTGGG CCAAGGGCAA GCACCGCAGC 100

配列番号：4956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05834

配列：

GATCTTGCTG GATGTGAAGA CGCGGCTGGA GCAGGAGATT GCCACCTACC GCCGCCTGCT 60
GGAGGGCGAG GATGCCAC TTTCTCCCA GCAAGCATCT 100

【0990】

【配列表900】

配列番号：4957
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05835
 配列：
 GATCAGNAGC CCCAACACA GGCAAGTCCA CCCATAATA ACCCTGCCAG TGCCAGGGTG 60
 GGCTGGGGAC TCTGGCACAG TGATGCCGGG CGCCAGGACA 100

配列番号：4958
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05836
 配列：
 GATCAGCCCC TGACTTTTNT AAAAGATATC AGAAGTGTCT TGGAGCCAAC TAGAGGCAGG 60
 GTCATCCTTG CCCTTGTCTT CCCCTTTCAT CCCTATGTGG 100

配列番号：4959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05837
 配列：
 GATCCCCCAG AAAAGAAAGC TACAGAAGAA ACTGGGGCTC CTCCAGGGTG GCAGCAACAA 60
 TAAATAGACA CGCAGGCAG CCACAGCTTG GGTGTGTGTT 100

配列番号：4960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05838
 配列：
 GATCTTAATG GGTTCGATGG TAGGGAATAC GGAAAGGATA CACTGCTAAT ATTGTGTCTA 60
 ACAATAAAGC AAACAACCTG ATGCTGTAAG AAGACAAGCT 100

配列番号：4961
 配列の長さ：99
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05839
 配列：
 GATCTACATA AGGAAAGGAA GAATATTAAA GAAGAAATAA ATGAAGACGA GATAAAATCT 60
 TTTTCTTAA TTATCAAATA AAAGTTTGTT AAAAGTAAA 99

配列番号：4962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05840
 配列：
 GATCAGGCAG TTCCTGGACT GTTCCACCAC TCAGAGTGAC CTGTCCCTGT GTGAGGGCTT 60
 CAGCGAGGCC CTGAAGCAGT GCAAGTACTA CCATGGTCTG 100

【0991】

【配列表901】

配列番号：4963
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05841
 配列：
 GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GNGATTNCAG GCATGAGGCG CTGCATCAGT 60
 TCTGCAAA 68

配列番号：4964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05842
 配列：
 GATCTGCAAG CNGGAGCCCT CCTACCCGCA GCTTNAGCAC AGNATCATCC AGCCCTGGGG 60
 AGGCGCACCC TTAAGCAATA CAGACTGGGC TGAGGCTGAC 100

配列番号：4965
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05843
 配列：
 GATCCGTCCG CTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG TCGTGAGCAC CGCGCCCGGN 60
 CTGNGGTCAA TTTTCTATGT CAAGTGAGTG ACATTATTTT 100

配列番号：4966
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05844
 配列：
 GATCACTTGA GGCCAAGTAT TTTAAACCAG CCTGGGAAAT ACAGTGAGAC CTTNTNTCTA 60
 CCAAA 65

配列番号：4967
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05845
 配列：
 GATCCTGAAG GCCTTCGAGT ATTTTACTAT TTGGTACAAG ACTTGAAATG TTTNGTNTTC 60
 AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAN CCAATTTAAA 100

【0992】

【配列表902】

配列番号: 4968
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05846
 配列:
 GATCAGGTTG GGGGGCAGCC CCCAGTCCCT TTCTGTCCCA GCTCAGTTTT CAAAAGACA 60
 CTGACATGTA ATTCTTCTCT ATTGTAAGGT TTCCATTTAG 100

配列番号: 4969
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05847
 配列:
 GATCCAGTAT TTGATGAAAC TCATGAAAGT GGGTGGAGCC CATCTNGCCC CTCCTCTTTT 60
 CTAGGACGCA CTATATGTGA CTGTGACTTT CAAGGACATT 100

配列番号: 4970
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05848
 配列:
 GATCCCCTAA GGTCCTGGCC CAGGHTGCC CAAAGAGAAG CCCAGCATGG TCGGCTGCC 60
 GGGGGCATTG TCACCACGTH GCCATGACGG CTGGTCCCA 100

配列番号: 4971
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05849
 配列:
 GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGIGGC CTTGAGGATA 60
 ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGG 100

配列番号: 4972
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05850
 配列:
 GATCGAGGGC TGGGNACCCG GGTGTHAGCA GGATGGGGCC CTGCCCTCCC GTGGNAGTTG 60
 TGGACTCGAG CCCAGGGGCT GCGCGTAACA CCGGTGTCCC 100

配列番号: 4973
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05851
 配列:
 GATCTTATGT GTTACAAAAT TGGAGAAAGT ATTTAATAAA ACCTGTTAAT TTTTATACTG 60
 ACAATAAAAA TGTTTCTACA GATATTAATG TTAACAAGAC 100

【0993】

【配列表903】

配列番号: 4974
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05852
 配列:
 GATCCCTGA ATGCCITTGG AGGCCAGTAG AGCACACAGG GTATCCACAT GTTACCCTGC 60
 AGCTACATTG TTGAGTTAGT GATGATATTG TATATGCTCA 100

配列番号: 4975
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05854
 配列:
 GATCTGGGGA CTACCAGAGA CTCTGGGAAA TGGACAAGGT GGGGGGCCCC ACTTTTCTC 60
 TCCTGCAGTC CCGTAGCTGG GGCCTCCTTC CTTCTCAGG 100

配列番号: 4976
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05855
 配列:
 GATCCTGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGNGC AAGACCAAGA CTAAACGCA AA 52

配列番号: 4977
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05856
 配列:
 GATCTAAATA TTCTGGTTTG GATTAGGCAA TTAATAATTT TTTGGCAACA GGAAA 55

配列番号: 4978
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05857
 配列:
 GATCCAAGGA ACGTTTGGNT TTTCCTAGCT ACATCTGGTA CCTTGGCTGG CATTATGGGA 60
 ATNAGGTTCT ACCACTCTGG AAAATTCATG CCTGCAGGTT 100

配列番号: 4979
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05858
 配列:
 GATCTTGAAG GGAAGTATGC TGTCTCTAT CAGCCTCTAT TTGATAAGCG ATTTGAAATT 60
 ATTAATGCAA TTTATGAACC TACGGAAGAA GAATGTGAAT 100

【0994】

【配列表904】

配列番号：4980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05859
 配列：
 GATCATGGGA GGGAGCTGAG GGGTTAATAT ATATACATAC ATACACATAT ATATATNTTT 60
 GTAAATAAAC AGGAACCTGAT TTTCTGCCTC CATCCCACCC 100

配列番号：4981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05860
 配列：
 GATCGGGTCC CCAGAGCCAC CATCTCCTGA GCCTCCCACC CCGCTGCCTG GGCCCTGTGG 60
 TTGCTGGGCC TCCACCTCA AGGAGGGGAA GGTGTACAG 100

配列番号：4982
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05862
 配列：
 GATCTTTAAA CTGCTTTATA CACTGTCACG TGGCTTCATC AGNTGTGTGC ATTTCCAGGAT 60
 GGTTTTTAAA GNAACCTCAG AAAGNTATTT CCTTAAA 97

配列番号：4983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05863
 配列：
 GATCACAGAA AAATTAAAAA TCCAAGTGCT CTCTAGATTT GTTGATAAAC ATTTTATGCT 60
 TGCAITTTAAA CTTGAAATGT ATGAGCAGAA TGAGACAATC 100

配列番号：4984
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05864
 配列：
 GATCANCGGC TCATTGAAAC ATGGCTGTTT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
 GCCTGGNTGC CCATCATGTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA 100

配列番号：4985
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05865
 配列：
 GATCCTGTCT TCTTTCATGT TTA CTACGAG GCATGACATT CATGGCAAAA CAGGGATGCC 60
 GTTTC AAGA GCAGCTATAA AACAATCTGT TTTCTTAAAG 100

【0995】

【配列表905】

配列番号：4986
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05866
 配列：
 GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTTTT GGGATTACAG GCACGAGCCA CAGTGCCAGC 60
 TGA AACGTT TCCTAACAG AAGTGCCAG AGCATGATGG 100

配列番号：4987
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05867
 配列：
 GATCCAACAA TAAATATTA ATTTATAAAA AAGAAATTTT AAAAAGTAAC AAGAAA 56

配列番号：4988
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05868
 配列：
 GATCATCCTC CAAGCAGTCC TGTTCAATCA TGTCTGCCCTC AAATTGCTGG TGAATACATA 60
 AAATAGTTAC TTGCTAATCA AA 82

配列番号：4989
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05869
 配列：
 GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCAAAAGCCA ACACACCCGG 60
 CCTGGATATG AATTTATAAT ACCCTACAGT GCAGCACAAAG 100

配列番号：4990
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05870
 配列：
 GATCTGTGCC CCATGCCCTGT CCAGCCTGGG CAGCCAGGCT GCCAAGGCCA GAGTGGCCTG 60
 GCCAGGGGCT CTCAGGCCT CCCTCTCTCT TCTGCTCCAC 100

配列番号：4991
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05871
 配列：
 GATCAAAAAA CTACCTATCT GGTACTATGC TTTTATCTG GATGATGAAA TAATCTGTAC 60
 AACAAACCCT GGTGACATGC AATTACCTA TATAGCAAGC 100

【0996】

【配列表906】

配列番号：4992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05872

配列：

GATCCAGAGA CACACAAGAG CACCAAAGCA GCTCATCCCA CTGATGACAC CACGACGCTC 60
TCTGAGAGAC CATCCCCAAG CACAGACGTC CAGACAGACC 100

配列番号：4993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05874

配列：

GATCTACTAA AACACTAAGT TTCATACTAA ACCGTTTCAT GTATCTTTAT CATATTCTGT 60
AAAGTTTACA CTTTGATGTA CCTGTATTTT ATTGAAATAC 100

配列番号：4994

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05875

配列：

GATCTGGTGG GCTGGGTCCC CCTCTCGACC NCAGACGCCC CTAACCTCGCC CCTTCTCATT 60
TTATACAATA AACATTCTCC ACCTACAAA 89

配列番号：4995

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05876

配列：

GATCAGGAGT TCTAGGCTGT AGTGTGCTAT GAGCACATCT ATGAATAGGC ACTGCGTTCC 60
AGCCTGGGCA ACATAGTGAG GCCCATCTC TTTAAAGGGC 100

配列番号：4996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05877

配列：

GATCCGGGTT CAGAGTGACG TTTTTCCTCA CAAGCAGAAG GTAACAAATT TCATGCTCTC 60
CCTAAATTCT GTCTGATTTT GCCTNGTGCT GATAGATTGT 100

【0997】

【配列表907】

配列番号： 4997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05879

配列：

GATCCTCTCT CCCAGGGAAT CCGACACAGG AGGAACCCCT TCTCTGGTTG AGNTGGGCCA 60
GGCCTAAGAG TAGCAGGAAC TCTAAGACCA CAGAGTTTTT 100

配列番号： 4998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05880

配列：

GATCTGAAAG TATAAACTG CTAGAAGAAA ACATGGATAT TTGATTGGAC AATGATATTT 60
GGATATGACA CCAAAAGCCT AGGCAACTAA TGCAAAAATA 100

配列番号： 4999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05882

配列：

GATCTGAAAT ACCATCTCTA CCAGAGACTC TGGGAAAAAT AATGGATTCC AAGTGTTAAA 60
CGGAATTAAG TTTGGCCTAA AACTGCCTCT GTACATAGTG 100

配列番号： 5000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05883

配列：

GATCTGGTGG TCAGCCCTAG GATAAAAAGC CAGGGCTGGG GAACAAGAAA GGGCCAGGAG 60
ATGAATTCC TTCAGGCCGG CACCCACACC CTAGGACATG 100

【0998】

【配列表908】

配列番号：5001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05885
 配列：
 GATCTCTCCG CCTTAGTTAA GAGCATGTGT CGGGAAATTC CTCAGAGTGC TCAGAGTCCC 60
 TGTATNTTTA TACCTTTTTA CAATGTAAAC TGTTCAGAAC 100

配列番号：5002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05886
 配列：
 GATCATGGCG CAGTTGGNCA GGAGATGTTT TGGCCCATCT GCTGTAGCGA ATATGTGAAG 60
 TGGGAGGTGG CAACNGAGCT GCCNTCCAC CACTATTNCC 100

配列番号：5003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05887
 配列：
 GATCCTCCCG CCTTNGTCTG CCAAAGCACT HGGGTTACAG ATGTGAGCCA CTNACCCAG 60
 CCTAATCTTN ATAAATCTCC ATCCCATTA CTCTGGTTCA 100

配列番号：5004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05888
 配列：
 GATCAGGGAC GTGCAGCTCG CCATCTNCGN CAACATGCTG GCGGTGTCGC TCTTCTNGCT 60
 TGTNGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAA CAATCCCAAG 100

配列番号：5005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05889
 配列：
 GATCCAGCGG CAGTGACAGA ATCCAAAGAG GGAACAGAGG CATCAGCATC GAAGGGGCTG 60
 GAGAAGAAAG AGAAATGATG CAGCTGGTGC CCGAGCCTCT 100

配列番号：5006
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05890
 配列：
 GATCAAAACA AAACAAAAAA GTTGTCTCTG AAAAAAAAAA AAAACAAAAA AGTTGTCTCT 60
 GAAA 64

【0999】

【配列表909】

配列番号： 5007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05892

配列：

GATCAACCTT TGTNTGCGAG GGTCTAAGTA GGGTCGAACA CAGAAGTGGG AAGNAGAGGG 60
GTGGGCCAGG GGCTAATGGT GTCAGTGTGT AAAGTTTTTG 100

配列番号： 5008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05893

配列：

GATCCTCTGC TACCAAACAA TGATGTGGAT TCTTTTGCAC AGAAATATTT AAGGTGGGAT 60
GGTAAAAAAT GTCACAAAAG ACTCCTCACC AATACTTNAT 100

配列番号： 5009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05894

配列：

GATCATCGCC TCCCTGGTTT ATAGTAGACA GACCTNTTCT GNTTTTCATC CGACATAATC 60
CTACAGGTGC TGTGTTATTC ATGGGGCAGA TAAACAAACC 100

配列番号： 5010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05895

配列：

GATCTGCTCG GAATCCTCCT GCTAAAGAAG GNTCTGGCGG TGAGCTCAGC CGCCCCGCAC 60
CCCAAATCCA GTACAGGAGG CTGCTGGTAC AAATACTGCA 100

配列番号： 5011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05896

配列：

GATCCAGAAT TTATTAGTTT AAAATGCAGG TGAACTTTTT TTTGCGTTTG GTTTACTTGT 60
CTGTCAAATG TTTCCTTAAA CATGAAACTG AATAAGGAGA 100

【1000】

【配列表910】

配列番号: 5012
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05897
 配列:
 GATCGGAAGC AGAAGATGGC CTTCTTAAAG AGTTTAGAAG AATTATGGC AAATGTTGGT 60
 GGTCTCCTTT GTGTAAATA AACACAGAA CTTTAAA 97

配列番号: 5013
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05898
 配列:
 GATCTGATAT TAAACATCC AGTAGACGA GTCTGTTTAT TGAATTTTAT GGTCCCTTTC 60
 TTTGATGGTG CTTCAGGTT TTCTAGGTAG AAATTATTTT 100

配列番号: 5014
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05899
 配列:
 GATCCAGAGC CCCTCCCAT CTTCTCTCT CTAAAAACA CCCTACCCCC CATTGCCACC 60
 TTCACTCCTG TGTCTCCAGC TGATTAGCCT CAGACTCTTC 100

配列番号: 5015
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05900
 配列:
 GATCCGTGCC CTGTAAATG GATATGATG TTTACTGATG TCTGTAATAC ATTTGTAAAC 60
 TTCCAATAAA ATTTGAATAA A 81

配列番号: 5016
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05902
 配列:
 GATCTGGCAG CCCTGGAGAG GGACTATGAG GAAGTGGCGC AAAGTTTCTG AGGCATGTAT 60
 GATGGGTGCA AATGAATGTC AAGTTAAAT GGCATGTTT 100

配列番号: 5017
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05903
 配列:
 GATCTGTACA GACAGGACAG AATGAACTC CTGCGGCTCT TTGGCCTGAA AGTTGGGAAT 60
 GGTGGGGGA GAGAAGGGA GCAGCTTATT GGTTGCTTT 100

【1001】

【配列表911】

配列番号：5018
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05907
 配列：
 GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCTGAGATGG 60
 AGCAGCAGAA CCAGGAATAC AAAATCCTNC TGGATGTCAA 100

配列番号：5019
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05908
 配列：
 GATCATTAAAT GTCATTGCAA TNGTTATTTT TTAAATAAAA TTTATAAAAA TAAA 54

配列番号：5020
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05912
 配列：
 GATCTACAAG AGCAAGCCAA CAGAGTAAAG TGAAGGAAG TTTATTCAGA AAATAAAGGA 60
 GTATCACAGC TCTTTAGAA TTTGTCTAGC AGGCTTTCCA 100

配列番号：5021
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05913
 配列：
 GATCCAAGTT ATAGATGGAA TTGAAGCCCT TGTCGCTGTA GATGTGCGTG CAGTCTGNCA 60
 GCCTTAAGCC CACCTNGGCA CTTTTAGATA AA 92

配列番号：5022
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05914
 配列：
 GATCAACAGT AACTGGATGT TTTNAGGNG CTCAATTGGA ATAAAAATAT TNNAATCTAT 60
 TTGGAGACCA AAGGCAAAAT CGGTTTTCTT ACCTTTGGAA 100

配列番号：5023
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05916
 配列：
 GATCTATGCC CNTNTTAATC TCCATCCATA TAGGAGTCAC GTTCTTTAAG ACAGATGGTG 60
 GTAGTTATTT TTGTGGCATG GTTAGATTG ACTGGTTTTG 100

【1002】

【配列表912】

配列番号: 5024
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05917
 配列:
 GATCGAGTAA GGAATGACCT NTAGATTCTG CGACTTTTGT TTTTGTTCN TTAAATTTT 60
 ATAAACCAAG AATGATTCT CCNGCTTCN TCTCCTCACC 100

配列番号: 5025
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05918
 配列:
 GATCAGTTT ATACAGTTT AAAAATAAAG GTTTCATTTT GTCGTTCTT CAAA 54

配列番号: 5026
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05919
 配列:
 GATCTCTATG GCTGTAAAT ATTTCTTTAT AGCGTTATTA AAGTGTGTCT TAATAAAATT 60
 AAA 63

配列番号: 5027
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05920
 配列:
 GATCCACAAA AGAAGTGAAA GTAGCCTTAA CTGATGACAT TCCACCATTG TNATTTGTTC 60
 CTGCCCCACG CTAACGTATA CCATATATTC TTCCCCCGCC 100

配列番号: 5028
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05921
 配列:
 GATCTCTGCG TTTTATACT GAGTGTGCCT AGGTTGCCCC TTATTTTNA TTTTCCCTGT 60
 TCGCTTGCTA TAGATGAAGG GTGAGGACAA TCGTGTATAT 100

配列番号: 5029
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05923
 配列:
 GATCTGTAAA CCCTTACCCC TTGCTGTTCA GAGAGCTACT CTTTGTAGTG TTCTTGCATG 60
 CATATATAAT AAATATTTT TCTATTGAAA 90

【1003】

【配列表913】

配列番号：5030
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05924

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA CCCTGTCTGT ACCAAAAATA CAAAAATTAA 60
TTGGGCATGG TGGTGGACAC CTGTAATCCC AGCTACTAGG 100

配列番号：5031
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05925

配列：
GATCTAAATC AATGCAATAA AGTAAGAAAA ATAAATAAAA GTATTGAAAA GATTGAAAAG 60
AAAGAATTGA AGCTGTCTTT ATTCACAGAT AATGACTGTG 100

配列番号：5032
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05926

配列：
GATCTGTGCC CTTGGTCCCA GGTCAAGCCC ACCCCCTGCA CTTCCACCTG CCCCAGCCCC 60
TGCCTCTNCC CCAAGTGGGG CCAGCTGCCC TCACTTCTGG 100

配列番号：5033
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05927

配列：
GATCCACGGG CTGCAGAATG GATATTGTAT TAGCAGGCAT GAAAAACAAC TTCATCTCCT 60
TGTGCATCTC TGTCTGAGTT CTTGGGTGAC CAAATGCCTT 100

配列番号：5034
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05928

配列：
GATCCCAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGCAGA AAAATCACTT GAACCCAGGA GGTGGAGGTT 60
GCAGTGAGCA GAGACCACAC AACTGCACTC CAGTCTGGGC 100

【1004】

【配列表914】

配列番号：5035
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05932
 配列：
 GATCCTATCA ATTAGACAGT AAATAAGTGC ATCTTTTTTG AGACAAATGC AGTAGGCAAA 60
 TGTGACATT CACCAGGCA CAGTCAATCC CTGACAATT 100

配列番号：5036
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05933
 配列：
 GATCCGAGTC GTCCGAAAT CCATTGCCCG TTTTCTCACA GTTATTAACC AGACTCAGAA 60
 AGAAAACCTC AGGAAATTCT ACAAGGCCAA GAAGTACAAG 100

配列番号：5037
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05934
 配列：
 GATCATCATC TTTCAGGTGG TCTTCCTGGG CCTCCTGGCT GGCCTGGTGG TCCTATTCTA 60
 CGNATATCCT GTCCNCTGTG AGTGGTATGA GTTCCTCACC 100

配列番号：5038
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05937
 配列：
 GATCATTAAAT TATATGTAAA ATAATATACA TTCAGTTATT AAGAAATAAA CTGCTTTCTT 60
 AATAAA 66

配列番号：5039
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05938
 配列：
 GATCTATGTC TTTCAGCTAT GTGCTTTTAA AACTTTGTAA TTTAGACATT GATATTGTCA 60
 TCAGATTGCT TATCAGCATT GCCATAAATA TAATTATTAA 100

配列番号：5040
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05939
 配列：
 GATCTGCCCA CCTCGGCCAC CCAGAGTGCT GGGATTACAG HCGTGAGCAC CGTGCCCTGAC 60
 CAAAATAAAT AAATTTTAAA ATAGAAGTAA CTCAACTTCT 100

【1005】

【配列表 915】

配列番号： 5041

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05940

配列：

GATCGAGGAC TGGTACAGGA ACCACCAGGA GGAAGACCTG ACTGAATTCC TCTGCGCCAA 60
CCACGTGCTG AAGNGAAAAA ACACCAGTTN CCTGGCAGAG 100

配列番号： 5042

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05941

配列：

GATCTNTTTA AAAAATGTAT AAATTNCTTG AGTAATTCCT GGATTAAAGA ATATGCACTT 60
TTTAAA 66

配列番号： 5043

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05942

配列：

GATCGCTGGC ATCAAGAGTG GAGAGGACCG NACAGCCGNG AAGGCAGCCT TTCANGAACC 60
TATGCTGGTG AGTGTAGGAG ATNGCTTANG AAGAGCTCAG 100

配列番号： 5044

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05943

配列：

GATCATAGTT ATTATACAAT GTAGTGAGTC CTGCATGGGT NCTCGATGTG TAATGAAACC 60
TGAAATAATA AGATAATAAG AAAAGCAATA ATTTTCTAAA 100

配列番号： 5045

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05946

配列：

GATCAGCCCA CTTCACTCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACATGAGCCA CCTGCCTGGC 60
CGGAGTTATT TCTAAACACA ACTAATATCA GANTCGCCTA 100

【1006】

【配列表916】

配列番号: 5046
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05947
 配列:
 GATCCGCCCCG CCTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGTAG GCGTGAGCAC CCCTGGCCTC 60
 NAATNTTCAC ATTTATATAC TGAATTATAC ATTACATTAT 100

配列番号: 5047
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05948
 配列:
 GATCATGCAG AGAATATATA TTGTACTGTA GTAATTTTNT ATTTACATTT GTATGATGTG 60
 ACATAATAGA TGTGAATGTT AATCACTGNT TGACTATGTT 100

配列番号: 5048
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05949
 配列:
 GATCTCTATT TTAATNTTAA TTCTAGTTAG TTGTGCCTHA ACTCCAAAGA AATGNGAGTA 60
 TAGTGAGGTA TGTCTGACTC CCACTTCTTA TCATGCTCTG 100

配列番号: 5049
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05951
 配列:
 GATCGCACAC ATGCTTTTNTT NNNATATGGA GTGAACACAA TTATGTACCA AATTAACTT 60
 GGCAAACCTT CTATTGCCTG TCCCATGTGC ATCTTATTTA 100

配列番号: 5050
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05952
 配列:
 GATCGACACA TTCGNATCTN NAATGNGTGC TCTGGGGCCT GTCTGAGTGC CGTGGATGCC 60
 CATTCCCAGG TGTGCTCCAT CCTCTGGTCT CCCCATTACA 100

配列番号: 5051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05953
 配列:
 GATCTGAAAC AAAATCTTTC TAAACATTG TTTTACTTGT CAAAGCACCA ACAGGACATT 60
 TTGGGATGTG AAATGTAATT TCTTGAATC TGTAATTTGT 100

【1007】

【配列表 917】

配列番号: 5052

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05954

配列:

GATCATCCCT TCACAATCCC AGAGTGGCAG GCGGGACCAG CCCCATGGTC TGGCTCCTGT 60
CACCTGGGTC CGTGCCAGCA CAATCTGCCA AAGTTCTAGA 100

配列番号: 5053

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05955

配列:

GATCCTTTTT TGTACATTTA AGAATATTTT GATTATATTA AACAAGACTG CTGATTTTGC 60
TACTTTTTTT AAGGGGTCTT CANGTANGTA AAACATACAT 100

配列番号: 5054

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05956

配列:

GATCTTAACC ATCACAAGTT TTTACCTCT TCCTTCATGC CTGACCTCAA CCCCCTCTC 60
CTCATCTAT TCCTAAATTA GGCTAATAAA GTGAAATTGG 100

配列番号: 5055

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05957

配列:

GATCGCTTGA GCCCAAGAGT TTGGGACCAA TCTGAGCAAT ATAGCAAGAC CCCATCTCTA 60
CAAAGAATAA AGAAAAATTA GACTAGCTTG GTGGCATGTG 100

配列番号: 5056

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05959

配列:

GATCAAGCTA CACATCAGTT TTACAATATA AATACTTGTA CTACCTTAAT GATAAGNACT 60
CCTTAAAGTT CCATTTGCTA ATNATTAATA CACTGTTTGG 100

【1008】

【配列表918】

配列番号： 5057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05960
 配列：
 GATCAACTGG TTTGTGTTT GCTGCTGCAT TTATCCCAAG TNAACAGGT TTAATCTCCA 60
 GANGAAAACC AAAATACCAT GGGATTTATG CTGNATTGAC 100

配列番号： 5058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05961
 配列：
 GATCCTGCTC CCTTCTGGGC TCTGACTCTC CTGGAAATCT CTCCAAGGCC AGAGCTATGC 60
 TTTAGGTCTC AATTTTGGAA TTCAAACAC CAGCAAAAAA 100

配列番号： 5059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05962
 配列：
 GATCTCAACA ATATTCTTCC AAAATGGCAT ACATCTTTTG TACAAAGAAC TTGAAATGTA 60
 AATACTGTGT TTGTGCTGTA AGAGTTGTGT ATTTCAAAAA 100

配列番号： 5060
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05963
 配列：
 GATCTGACCT CAGAATATGC TTTCACTGTT ATTTCTGACT AGTCCTTTTT AAA 53

配列番号： 5061
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05964
 配列：
 GATCTGCATA AAGTNTTACA AACAAAATCC TCTTATGAG CAACACATTT TTCAGCTGCC 60
 AGTCAGACCA ACTGCTGTAA AGAACTTATA TCAAAGTGAG 100

配列番号： 5062
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05966
 配列：
 GATCTTCCAC TAGATGTCAC CAAAAGGACT GAGAACTAGA GAAAAGGGCT GCGATTTCTG 60
 CTCTCCTTGT AAGATTGCAC AAAAGANTAA ATTGCATTTA 100

【1009】

【配列表919】

配列番号: 5063
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05967
 配列:
 GATCCCCCTT CNAGGTAGTG AAAATNAAAT NCGCCGGAGT GTGGCTGCCT TCACCGCGGA 60
 CCCCTGTCT CTCCTGC6CA ACGTCTGAGC ACAGGAGCCC 100

配列番号: 5064
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05968
 配列:
 GATCACCGTG AATCCGGCTT CCTCTGAGCA TTCGATGGCC TTAGCACCTC ATCAAGCCAG 60
 CACATCCTGC CTGCTGTTGC AGCCTGGCTG GGTATTATTCT 100

配列番号: 5065
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05969
 配列:
 GATCGTCCCT GGTCAACCGA CTTTGAATT TGCACCATCA TGTTCAGTG AAGATGCTGT 60
 AAATAGGTTT AGATTTTACT GTCTATGGAT TTGGGGTGT 100

配列番号: 5066
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05970
 配列:
 GATCTGCTCG CCTCGGCCTC CCAAAGGATG GGATTACAGG CACCAGCCAC TGNCCCTGGC 60
 TGGCCTCTGN TTTTAATAA AACNTGACTA GAGTGACTCC 100

配列番号: 5067
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05971
 配列:
 GATCACAAGG TCAGGAGTTC GAGACCAACC TGGCCAATGT GGTGAAACCC ATCTCTACTA 60
 AAAATACANA AAAAATTAGC CGGGCTTGGT GGTGCATGCC 100

配列番号: 5068
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05974
 配列:
 GATCAGGGTT ACATAGGTTT GGTAATAA GTGCTGGAAA TNACTTTCT CCCAGTAGTC 60
 TTAGGTCATG CTCAGTGAAC TTAACTTTA TCCAGATATG 100

【1010】

【配列表 920】

配列番号 : 5069

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS05975

配列 :

GATCCTCCTG CCTTGGCCTC CCAGGGTGCT GGNATTGTAG GTGTAAGCCA CCAGGCCAG 60
GCTAACCTT TATAAGAAAT AAAGTCTCCT CTCAAAATTT 100

配列番号 : 5070

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS05976

配列 :

GATCCGTCTG GGCACGCTGG AGCAGGAGGC CACAGCAGAC GTGGAGTGGC GCTGGCACCC 60
TTACACCAAT ACCGCACGCA AGAGAGTCTT CCTGAGCACC 100

配列番号 : 5071

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS05977

配列 :

GATCAGGAGG TCAGGAGTTC AAGACCAACC TGACCAAGAT GGTGAAACCC CGTCTCCACT 60
AAAAATACCA AAAAATTAGC CGGGCGTGCT GGTGGGTGCC 100

配列番号 : 5072

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS05978

配列 :

GATCATCAGC AATNCCTTCT GCACCANCA CTGCTTAGCA CCCCTGGCCA AGGTCATCCA 60
TGACAACTTT GGTATCGTGG AAGGACTCAT GACCACAGTC 100

配列番号 : 5073

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS05980

配列 :

GATCCGATTT GTGGAGGATG AGAAAGATGA AGAAGACAAT NAGACGAGAA CACTTCTAAG 60
GCGAGCCACT CCACACCCAG GGGAGTTAAA GCACATGAAA 100

【1011】

【配列表 921】

配列番号: 5074
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05981
 配列:
 GATCGCTTTT NTGACTGTTT ATCTGTCCTT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTACTTTTNT 60
 GATTITGTTG TATTGGGGAC ATTTTAAAGG CTGAGTTATT 100

配列番号: 5075
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05982
 配列:
 GATCAAGTTT TAAATCCTCC TCCTTCCCTT TTTNCTGGAG TTTTGAGGGC CAGAGTTTNT 60
 NTTTTNTTTT TTGTTTTTGT TTTCTGCTT GCTACTGTTT 100

配列番号: 5076
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05983
 配列:
 GATCATTTGA CTGGGCTGGA GAACATCCTT TTACATGGCC NTCCCATGGA TGTGCTGTAC 60
 ATCTGCTTAA AAGAAAATAA TTAATTTNAT GAGCGTCTTC 100

配列番号: 5077
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05984
 配列:
 GATCTGGGGG CTAGCAGTGA GTACCCGCAT GGTATCAGCC TGCCTCTCCC GCCCACGCCC 60
 TGCTGTCTCC AGGCCTATAG ACGTTTCTNT CCAAGGCCCT 100

配列番号: 5078
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05987
 配列:
 GATCTCAAAA AAGAAGGAAT TTCTCCTTTG TTTCTTCCAG TTAATGTAAG AATACTTTAA 60
 ATCTCTAAGC TTCTGAAGTG TTAGAGGTAG AGATGGTCTA 100

配列番号: 5079
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05988
 配列:
 GATCTATACA GGTATGTCTG ACGGGACGCA GCACCGTGGG CACGCACCAA ATAGAGTTTT 60
 TAAAAGAGAA A 71

【1012】

【配列表922】

配列番号：5080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05989

配列：

GATCCTNTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCAGTTC AAATTTTCATG GTTTTAATTT 60
TCANCTCAGA AGCACTCAAA AATGCAAAAT GTGATAATGG 100

配列番号：5081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05991

配列：

GATCGGAAGA GGGAGGAGAG GCAGTCTCTT NACAAAATAA AGTATTTTAA TTCATTTNTA 60
TTTATTAAAT NAAAAACAA TCCCATGGTG TCCCTNTTGT 100

配列番号：5082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05992

配列：

GATCCAAAAA CCTCCACCAT AGAGACTGAT AAATTGTAGC TATTGAAGCT GTACTNCTTT 60
GTACATAGGT GCTTTGGGAG ACTCACTCTG ATTATTGTAA 100

配列番号：5083

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05993

配列：

GATCACCTGA GGGGAAAGGN TTGTNTCTCT CCTTCTGTT GGGNGAGGGG GATGGGGGAC 60
TTTTNTTGGT GGCTCCCACC CATATATCCC TCCTTNACCA 100

配列番号：5084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05994

配列：

GATCTACCCT CTAGTTTACT TGCTCGGGAG AAGAACTGA CTCGTTTTAT TTAGTGCCTA 60
TTTAGCGAGC CCAGAGTAAC GTACATTTGT NCTGTTTTCA 100

【1013】

【配列表923】

配列番号: 5085

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05996

配列:

GATCAAGGTG ATTCTGAAAG TTTTAATTTT TAATGTTGTA ATGTTATGTT ATTGTTAATT 60
GTACTTTTATT ATGTATTCAA TAGAAAATCA TGATTTATTA 100

配列番号: 5086

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05997

配列:

GATCTAGTTG TATTTCTCAT ACTAGCAATG AACAATTGGC AGTTGAAGTA AAAGCAAA 58

配列番号: 5087

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05998

配列:

GATCGTAATA TCTCGAACAT TACATAGACA CTAAAAACCT TTAGTTGTAT TTCATCAAAA 60
ATCTGTTTAT GCCCCACGTT GGTTTCAAAA CATACTATGC 100

配列番号: 5088

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05999

配列:

GATCGAGACC AGCCTGACCA ACATGGTGAA CCGTGTCTCT ACTAAAATAC AAAAATTAGC 60
TGGGCGTGTT GGCACACACC TGTAATCCCA GCTACTCAGG 100

配列番号: 5089

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06000

配列:

GATCTTGTGT CAAGTTAACA GGAAGACTGC CCACAGATGA CACTGCATTT GTATCCCTGT 60
GGATGTAGAG TATTGGGAAG GCATTTTNTT AGTTTCATGC 100

配列番号: 5090

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06001

配列:

GATCCTGGTA ACTGTTCCAG GATTGCTCCA GGTTCAGAT GGTATTGCTA AATTTAAAAT 60
TAAACAAGAG ACCCAACAAC AGCTTTTAAA GTGTCTTCTA 100

【1014】

【配列表924】

配列番号：5091
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06002
 配列：
 GATCATTGA AGTCAGGACT TTGAGACCAG TCTGGCCAAC AGGGTGAAAA CCTCTCTCTT 60
 AAA 63

配列番号：5092
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06004
 配列：
 GATCANGAAA AAGACAAAAT CTNTCAAAGC CTTCAAAACC AGGAAAAGAT AAGGAGCCCA 60
 GGAAAAGNAA AAGGTAAAGT TCGAAGAANT TTAACCATTT 100

配列番号：5093
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06005
 配列：
 GATCAGGAAT GGTGTGGATT GAGAACTTGT TACTTGAAGA AAAAGAATTT TGATATTGGA 60
 ATAGCCTGCT AAGCGGTACA TGTGGGTATT TTGGNGTTAC 100

配列番号：5094
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06007
 配列：
 GATCGCATCA TTGCACTCCA GCCTAGGGGA CAAGAGCGCG AGACTTCATC TCAAA 55

配列番号：5095
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06008
 配列：
 GATCATGGAA CAGAATCACC CTCTCCTGCA TGTITTTNTT TCTGTCTCCT GCTTTTCTGT 60
 TCTITTTCCA CTTTCTCTAT GTGTGAGTTG ACTTGGCTGC 100

配列番号：5096
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06010
 配列：
 GATCTTTTTT AAGAGCGTTT CCATACTATG NTTACATTTT CATATTTNTA TGAATAATTT 60
 TGCATTCAAT AAACAACCAG ACTCAGAAA 89

【1015】

【配列表925】

配列番号: 5097
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06011
 配列:
 GATCTTGGAG AGTTTCTCCT TGTGATTTTA GTTCATAAGT ATGTCACCTT TCATTTTATA 60
 GNGTTCATCA TTGAGTAATG GATTAAGTGA AAATCCAGGA 100

配列番号: 5098
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06013
 配列:
 GATCTAAAGC AGCCCTNTTT ACAGTCTAGT TAGGAGAGAG AAAATAATTG CANATATCCA 60
 CTTAGTGGCA AAGAACAATT TTTTATTATC AAAAAGGTTT 100

配列番号: 5099
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06014
 配列:
 GATCTCTGGA GGTGAGGCT GCAAGTGAGT CATGTTCTGT TCACTACACT NCAGCCTGGG 60
 CGATAGAGTG AGAACCTGTC TCAAA 85

配列番号: 5100
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06015
 配列:
 GATCCAGAAC ATGACAACAG AGAGCTGCCG CCACAGGGAA CAAAGCCCTG ACCTNTCTCT 60
 CCACATTACC CTTACAAAA CAGGCCCTCC CCATGAGAGA 100

配列番号: 5101
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06016
 配列:
 GATCTTAATG GCAAGAAGGC CACAGAGGTA CTTTNCCTTN TTNAGCTCAG GAAAATATGT 60
 CAGGCTCAAA CCACTTCTCA GGCAGTTTAA TGGACACTAA 100

配列番号: 5102
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06017
 配列:
 GATCTGGCCA TGTATATGGT AGCTGTTTTT TAATTTGAGA NTCTTGAGGG TAGAGCCACA 60
 AATTTCAANT CTTACATTTC CATTGCAAA GTGACTAGAG 100

【1016】

【配列表926】

配列番号： 5103

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06018

配列：

GATCCTGAGA CTATNTGCAT GCTNCTNTCT AAATGATAAT TAANAGGAAA TTTCATGGAT 60
TAACCCATGG GTTTAATGCA GCAAGGAAAC TTACAATGTC 100

配列番号： 5104

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06019

配列：

GATCACTTGA GGTGAGAAGT TCAAGACCAG CCTGNCCAAT ATNGTGAAAC CCCGTCTCTA 60
CTAAAAATAC AAAAATTAGC CGGGCGTNGG TGGCGGGCGC 100

配列番号： 5105

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06020

配列：

GATCCTNCAG GAGATTCAGC GTCTCCGCCT GGAACACGAG CAGGCCTCCC AGCCACCCN 60
TGAGAAGGCA CAGCAGAACC CCACGCTGCT GGCAGAGCTG 100

配列番号： 5106

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06021

配列：

GATCTGAGTG ACAGGGTCAA GTTCTCTTTG AAAACAGGAG CTTTTAGGT GGTAACCCC 60
CAACCTGACA TTGGTACTGT GCAATAAAGA CACCCCCTAC 100

配列番号： 5107

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06022

配列：

GATCTGCTGG GTTTTAAGGA GTGATTTNCT TTCTNCCCCT TGAAGGGGAA AAAGCTATTT 60
CAATTGGTAC ATTTAAAGTC CCCCAACTAT GGGGAGGTAC 100

【1017】

【配列表927】

配列番号： 5108
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06023
 配列：
 GATCTTNACC TTATTCAGTC AACTCCCTTT AAACCCCTGG CACTGAAAAC ACCACCTCGT 60
 GTACTTACGC TGAGTGAAAG ACCACTAGAT TTTNTGGATT 100

配列番号： 5109
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06024
 配列：
 GATCCGTCTT CATTTTATTG GTGATGATGA ATGGGAATAA AATNAGGGGG CTGTCTACTA 60
 GAGCCTGGAA TAAATATGCT GCTTTGTGGA TTTTAA 98

配列番号： 5110
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06025
 配列：
 GATCTGTATG TNAATATCGC CAAGCAGGAT ATCATGTTGT CCCTGGCAAA CCTGGTGAGA 60
 CTC AACCAAG CCTTTTTC CCAAGCAAG AGGAAAATGG 100

配列番号： 5111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06026
 配列：
 GATCTTTGCC CACCTCTTCC TCAGAGCCCC CACTGAGGGG CCGTAGCCCT ATCTAGGGCT 60
 GTGGAAGGAG CAGACTGGTT CCTAAGCTC TCCCTCCTCC 100

配列番号： 5112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06027
 配列：
 GATCTTGTTT ACAGCAGTGC TTTTGTGAAC AATTATTTAT TTGCTGAAAG NGCTCTTCTG 60
 AACTGTGTCC TTTTAATTTT TGCTTAGAAT AGAATGGAAC 100

配列番号： 5113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06028
 配列：
 GATCTTATAA ATTTCTGGG CAAGAGTGTG TGCATACAAA GTTTTCACTN TTGTGAAATG 60
 TAATTTTNC TTTTGTCAA NGCGATGAGC TGATTGGAAT 100

【1018】

【配列表928】

配列番号：5114

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06029

配列：

GATCAGAGAT GCACCACCAA GCCAAGGGAA CCTNTGTCCG GTATTCGATA CTNCGACTTT 60
TCTTCCTGGA GTGTATGACT GCACANTGAC TCGGNGGTNG 100

配列番号：5115

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06030

配列：

GATCGGGGAG CCACAGGGTG TCCAGACCCA GCGGGAGCCG AGGATTCAGG AGAATCTCCC 60
CAGTCAGCTT CAGAGGTGCC CACAGTNTGA GCTCTAGTGT 100

配列番号：5116

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06031

配列：

GATCAACATT CGCAATGCCC GGAAACACTT TAAGAAGCTG GAGAGAGTGG ATGGCCCCAA 60
GCACAGTCTC CTTATGCGTT GAATATTGCC AAATNCTCTT 100

配列番号：5117

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06032

配列：

GATCAACAAA TTGCTCAACC TGCAAAATCT TTGATTAGAC TTAGCCAGCC CATCTGGCCT 60
GCTTTGGGTT TAAAAAAAAA AAAAAANTTT TTTTAACCNC 100

配列番号：5118

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06033

配列：

GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCCCTT 60
AAA 63

【1019】

【配列表929】

配列番号: 5119
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06034
 配列:
 GATCATGACT ACTGGGTTGT CATTTC AATG GACAGTGCTA TGAAATAAGT ATTTTGGAAA 60
 NCAACGGAAA TAGTTTATAT CGATATTTCT GATTCAAATT 100

配列番号: 5120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06035
 配列:
 GATCAATGCT GGCTTCCACG CCTGANTTCT ACCAAGTATG CCACACCAAA AAGGATTATN 60
 AAGAAATTGG ACCTAGCATT TNCCTCACA ATCCAGTGT 100

配列番号: 5121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06036
 配列:
 GATCTCATTG AGATTCCAAA GAGAATCATT TACAAGTTAA TTTCTGTCTC CTTGGTCCAT 60
 TCCTTCTCTC TAATAATCAT TTAAGTGTCC TCAAAGAATT 100

配列番号: 5122
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06038
 配列:
 GATCTGCAAG GCATAGGCAA GCCTCTTAGA GAATCAGAAA AGTGATTGG AAGGAACTTC 60
 AGCTGTACT ACTTTGTTA AGCAAATCAA ATGCTGTCT 100

配列番号: 5123
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06039
 配列:
 GATCAACTGA AGACCCCAA AGGCCCTAC TTGATGGTTT TGAGGGGCAA CATTGACTCA 60
 TTTGCCCCNT CCCTCTCGGA ATGTTGGACA AAGGGAATAA 100

配列番号: 5124
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06040
 配列:
 GATCTAAAAC ANCTTCAGAC TACCTANGAA ATANTNNAC CAAATAAGAA ACAGCACTGT 60
 GGAATAAAAT ATACCAITGT GAACATATCT GATGCTGCAA 100

【1020】

【配列表930】

配列番号：5125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06041

配列：

GATCTCCTAC TCCATCCAGT CCTGAGGAGC CTTAGGATGC AGCATNCCTT CAGGAGACAC 60
TGCTGGACCT CAGCATTCCC TTGATATCAG TCCCCTTCAC 100

配列番号：5126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06042

配列：

GATCTATTTT TTTNCACTTG TATAACTTTG NAATAAATNC CTCATCCCTT AGACTAAGAG 60
AGTGGGTGTC TGTGAAAATN GTNTTCTCCT TCATAATACC 100

配列番号：5127

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06043

配列：

GATCGAATTT AAAAGAACAA TGGAAACCCTG ACTACGTTTC AACAAAAATA AAAC TNGTTT 60
TTTTCCCTCC TAAA 74

配列番号：5128

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06044

配列：

GATCTCTGGC GCTGGCAGAA GCAGAATCCT TCAGGCTTTG GCANGCAAGC NTGAGGACCC 60
TCCCCTACCA AGGACCAGGA AAAGCAGCAG CTGCCTGCTC 100

配列番号：5129

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06045

配列：

GATCTGCCTN TAAAGCCAGT TTAAGAAGCA CTNATGANAA CACCTGGACT GTGTATAGNG 60
ATTGCACATT CCTTATCCTT CAGCTNCAGG ACAGGTGGAG 100

【1021】

【配列表931】

配列番号： 5130
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06046
 配列：
 GATCTCAGAG CATTTCATT AGGGATGCTC AAACGCAACT TTTTCTACTT CCCCATTCA 60
 GGTGTGAGAT GTAACCCACC TTNACCATAA ATTGGCTTTN 100

配列番号： 5131
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06047
 配列：
 GATCACAACA TACAAATTCA ATTCAGTGCA TGCTTTAGGT GTTAAGCATG AGATTGTACA 60
 TGTITACTGT TAGGTCCTTG CATCTGTGGT GCTAGGTGAG 100

配列番号： 5132
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06048
 配列：
 GATCTCCCAG TGAGCCATCA CGATGCCCGN ITTCAAATAA ATNTTAATAT TGTCACCAGA 60
 AA 62

配列番号： 5133
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06049
 配列：
 GATCTNCTGC CATGATGCCT ATTTGGTGTN TTTCTAATTA AAATGAAATC AAAAA 55

配列番号： 5134
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06050
 配列：
 GATCGCATCA TTGCACTCTA ACCTGGGCAA CAAGAGCAAA ACTCCATCAA A 51

配列番号： 5135
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06051
 配列：
 GATCTGCTGA AAGGNAAGCA AGAACTATAA GGAGGNTGTG TAGTTGCAAA AATGGCTCCA 60
 TCGGTAATC AAGCTTCAGA ATGTTATGAC ATACAGAAAA 100

【1022】

【配列表932】

配列番号: 5136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06052
 配列:
 GATCAAGTCA GCATTGGGG TCGGGATTG GGCAGGGAAC TTTGGGGTGC AAATATCTGG 60
 TGAACACCACC AGAGAATTTN TTTGTCAAAG TGACATGTAT 100

配列番号: 5137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06053
 配列:
 GATCTAGAAT CTTGTCTCA GGCTTCTAGG GGTTTATCTG AGTCTTTTAT CTAAGACAAA 60
 TGCAACAGTT TTCTTTTCAA ATGCTCAGAA AAATAGTGAT 100

配列番号: 5138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06054
 配列:
 GATCGCACGG ATGCAGCAGG AAGACCAGGA GGGCCCGCCT ACGTAGCCCC AGCTCCAGCC 60
 ATCCACCCCN CAGCCCTTIN CTNCAACGTC ACCANTAAAT 100

配列番号: 5139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06055
 配列:
 GATCACTGTT AATNATTTGC CTGTGGGACG CTCCGTGGAT GAGGCTCTNC GGCTGGNCCA 60
 GGCCTNCCAG TACACAGACG AGCATTGGGA AGTTTGTCCC 100

配列番号: 5140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06056
 配列:
 GATCAACAAC TCANCAAGA CCACGANGAA GCCCNCAACA CCCACGCCCA CGACTGCCCG 60
 GACGAGGCCG ACCACAGACG TAAGTGCAGG TAAAAATNGA 100

配列番号: 5141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06057
 配列:
 GATCGCCTTA ATACCAGAAA TGATTAGAAG TGCTGATTTA GATTCAACAA ATACCATATG 60
 TCCTTATCAT TTTTGTAAAG AAGAAATTGG TTAAGTCCTA 100

【1023】

【配列表933】

配列番号： 5142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06058

配列：

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTGTTA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG 100

配列番号： 5143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06059

配列：

GATCTTGGTT TCATGTGTTT TTGAAAGTGT TATTGTTTAA AAAATGAAAA AAGCATATNT 60
GCTAAAGAGC TGTCAGGTTT TCATTACTGA CTCTGTANAA 100

配列番号： 5144

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06060

配列：

GATCCTCGCG GGCCTCGGAG AATTCCCCCA CTGCCATGCC CTCCCCCAGC TACCAGTGCA 60
CTAAGGCCGA CTTGGCCGAA CITATGGTCC AGGCAGGCC 100

配列番号： 5145

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06061

配列：

GATCACTGTG TCAAATGGAT GGGAAATNTT ATNTTAATAT AAACAGTAAA ATAGCATTGT 60
TTTCACTTGC AGCTTTNAAA 80

配列番号： 5146

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06062

配列：

GATCTGTATG TNCAATATGG TAGCTACTAG CTACATACAT CTATGAGCCA GACACTTAAG 60
CACTTGANGT TTGGCTACTG CACATTGACA CATGGTGTTA 100

【1024】

【配列表 934】

配列番号: 5147
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06064
 配列:
 GATCATGTTG TATTTNATTT TACTTATTTT TTTTACATTT CCCAAGGCTC TGTCAATCCAC 60
 CTTTTCATTAA AATCATTCTA CCAATCTCAA A 91

配列番号: 5148
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06065
 配列:
 GATCAATGTA AATCCTCACC TGCCCTTTGA AGAGCCAATA AGGGCATCTT TGTCTTTAAA 60
 TACAGCAAAT GTTATTGAGA TTTTGTACTT GTCTATCTCT 100

配列番号: 5149
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06066
 配列:
 GATCTTTATT CTAACCTTTT TTTGTAAAN ATATCTATTG ATTTCATAT GCAATAAACC 60
 TTTTTTTCAG AGAAA 75

配列番号: 5150
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06067
 配列:
 GATCGCACCA CTGCACTCCA GTCTGCCGAC AGAGTGAGAC TACATCTCAA AAAAAAANGC 60
 CGCAATTTTN CATTGNTTC ANCAGANCTC TGCCATTCTA 100

配列番号: 5151
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06068
 配列:
 GATCTCATTT TCAGTTTAAAG TAACTNCTGT TACTTAAGTG ATTGCACCTT TCTCAAATTG 60
 AAGTTTAATG GAATAATAGT TCTCAGGATA GTATTTTGT 100

配列番号: 5152
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06069
 配列:
 GATCCTACCA TGGCAAGAAG AGCTTCGAGA CTTTNTTCA CCGCCGCTCT TGCCTGGTGA 60
 GGCCTCTNAT GAATNATGAA GGCCTGAAGG TCAGATACCC 100

【1025】

【配列表 935】

配列番号: 5153
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06070
 配列:
 GATCTAACCA TGACCTGTTT CACGTCATTG ACATTCAAAA TGAATGAAGG GATGANCATT 60
 TTCTCTGGTC ATTTTTTATT ATTTATACCC TTTTGCAAAAT 100

配列番号: 5154
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06071
 配列:
 GATCATAATA TGAATNTCCC ACTTATTAAT AGCCTTTTAA TAAATATATA ATTAATTTC 60
 AA 62

配列番号: 5155
 配列の長さ: 57
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06072
 配列:
 GATCTATAAT CACCAGTGCA CTCCACCCTG GGTGACAGAA TAAGACCCTG GCTGAAA 57

配列番号: 5156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06073
 配列:
 GATCTACCCG GACACGGAGG CGCTACGCCA GGACCGACGG GAAGGTTTTT CAGTTTCTTA 60
 ATGCCAAATG CGAGTCGGCT TTCCTTTNCA AGAGGAATCC 100

配列番号: 5157
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06074
 配列:
 GATCTCAGGA TTNAAGCACA GTGCCTGGCA TACAGCAGGT GCTCAATAAA TACTTATCAA 60
 ATTGAAA 68

配列番号: 5158
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06075
 配列:
 GATCAAGGTT TAGITTAAGT TCCACTGTTA AAATAAAGCT TACATAGTTT TCTTCCTTTG 60
 AAAGACTGTG CTGTCCTTA ACATAGTTT TTAANGACTA 100

【1026】

【配列表 936】

配列番号: 5159

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06076

配列:

GATCGGCAGG GCAGGAATCT GAGCGCTGGC CCCGTGGTGA GGCCATGTTT TCATAATCAG 60
GCTCCAGCCA GAAAAATAAG AACACCCGCA ACAGGCTTCA 100

配列番号: 5160

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06077

配列:

GATCTTGGCT TAATTTAATG TATTAATCTG TTTGTGCAA CATAGTACCA CCATTTAAAA 60
ATGTTAGGGA GATGAGTTGC AGTTTTTATA ATAGATTTT 100

配列番号: 5161

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06078

配列:

GATCTCAGGG AAAAATTTTA ATCACTGTGT ATAGTGGTAC TGAACCTTGA TTANTAACAG 60
AAATTCAGGN TGTAAGCCA CAGAATGGGA TTTATTAATN 100

配列番号: 5162

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06079

配列:

GATCTTCCTG GNACCCCTGAG GGTCGTCCTC CAGCAGGGGC TTCTTNGACC CCTGTCTGAG 60
GGGTCGCGTC TTAGTGGGCG GGATTCTTTT CCCTTTGAAT 100

配列番号: 5163

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06080

配列:

GATCTGTNTT GTTCCTGCAG CAAAAATCCT CTATGGACAT AGGAGGTGCT GTGTCCCATG 60
CCCTCTTGCC CTGNCAGTGT CCCATGGGCC CCCTTCTGCT 100

【1027】

【配列表937】

配列番号： 5164
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06081
 配列：
 GATCACACCA CTGCACTCCA ACCTGGACAA CAGAGCAATA TTGTGTCTCA AAAAATAATA 60
 AATAAATAAA TAAATAGTAA A 81

配列番号： 5165
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06083
 配列：
 GATCACCCGG AAGTTCAGGC TGAATTCTGA AGGCAAACCT GAGCAGNCGG TCTCCATGGC 60
 AACCACGACA CAGCCANTGA CTCAGCATCT TCACGTCACC 100

配列番号： 5166
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06084
 配列：
 GATCTGACTT CAGTTGTGCA GATNACACCA TGATAAATGA GTCGGGACCA TCAAA 55

配列番号： 5167
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06085
 配列：
 GATCAACAGA TGCTGGCAGA AATGGCTGTN TCCCTGGCCT TGAGAAGCAG ATNCAGCTCC 60
 CTGTCCCCAG AGGCCTACAG TCATATGGTA CCNCCACAGN 100

配列番号： 5168
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06086
 配列：
 GATCTCATGA GAATTCACCTC ACTATTATGA GAACAGCATG GGGAAAACCT CTCCATAAT 60
 TCAATCACTN TCCTCTCTCC ACACGTGGGG ATTACAATTT 100

配列番号： 5169
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06087
 配列：
 GATCACAGAC TGTAGAGTTT TGAAAAGTCA CTTTTATTTT TAATTATTTT ACATATGCAA 60
 CATGAAGAAA TCGTGTAGGT GGGTTTTTTT TTTAATACCA 100

【1028】

【配列表938】

配列番号： 5170
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06089
 配列：
 GATCTGCAGT CCTGCCTCTG CCACAGTCTC TCTGTTGTCC CCACATCTAC CCAACTTCCT 60
 GTACTGTTGC CCTTCTGATG TTAATAAAAG CAGCTGTTAC 100

配列番号： 5171
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06090
 配列：
 GATCACGGAC GTGCAGCTCG CCATCTTCGN CAACATGCTG GGCGTGTCGC TCTTCTTGCT 60
 TGTCGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAG CAATCCCAAG 100

配列番号： 5172
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06091
 配列：
 GATCTGGTAC CGCAGTAGCG CCGCCGCCGC CGCCGNCGGA GCCTGTGCTC GTCCTGTCCC 60
 CAGCCTNCTT GTGTCCCGTG AGGTTGTCAA TAAACCTGCC 100

配列番号： 5173
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06092
 配列：
 GATCCAAAAG GACTCATCTA AAACACAAGT TGGGTAGAGG AGATAGGTGA GTACTATTAT 60
 ATTATGTTCA TGGAAAATNA GTTCATGGGC TTTCCTCTAA 100

配列番号： 5174
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06093
 配列：
 GATCAGCTTT TAATATCTGT CAAATAAAAA TTGAAATTGA AGATGGTATA TAAGATTICA 60
 GMAAATAAAC TACTCTGAAT ACTAAA 86

配列番号： 5175
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06094
 配列：
 GATCTAATCC GTNTCCACA TGTCCCAGGG AATCCNAGGT CTGCCCTGAG CTTCTGTGT 60
 CCTTGGHAAA GTCGGTTAAT CTCTGGGCCCT CACTGTCTCT 100

【1029】

【配列表939】

配列番号: 5176

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06095

配列:

GATCATATTG GTCATGTCTA TTGGTGTATT ATTTCACTAT CACCAATGTT TTCAGAAATA 60
CAGTACTAAT TCATCATTAA ACTCTTTGAA GTTAATATTT 100

配列番号: 5177

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06097

配列:

GATCTGCCCT TGGCCTCCCA AAGTGTCCGA ANNACAGGCA TGNCCACTG AGCCTGANCC 60
ACTTTAGCTA TTTTNAAGAA TAGGACCTAT TGTTCGAT 100

配列番号: 5178

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06098

配列:

GATCTATTTT TTGGGCTTTT AATATTCTGT TCCATTGACC TATNTCNCTT NTCTTTTACC 60
AATACCGCAA CATCTTGTTT ACTGTAGCTT CACGGTAAGT 100

配列番号: 5179

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06100

配列:

GATCAGTTTG GACTCTGTAA CTCATAGGTG CATTCTTTT TTCTTTGGTG TCTCAGAAAT 60
NACCCAATTG TTGAATAAAA CTATAAATAT GTTAATACCA 100

配列番号: 5180

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06101

配列:

GATCTNATGG GTTAAAAAGN GCGGCATTC CCTCCNCTTT CTCCCTCTCC TGCACCATGT 60
TAAGATGTGC CTGCTTCCC CTTGCGCTC GACCATGATT 100

【1030】

【配列表940】

配列番号： 5181
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06102
 配列：
 GATCTTCTGC CACCATCAGG GNCAAACGGG TGCAGGAGGA AAGTCACTGA TGCCCAGATG 60
 TTTCGNTCCT GCACAGCTAC AGGTCCTTAA NNAAGTNT 100

配列番号： 5182
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06103
 配列：
 GATCTGTGGC TACTTTCACA CCACAACAGA GTACCATGGT TCTGACAGAG ACTAGGAGAC 60
 ACAGTCTAAA TGACTTCTGA CCTGGACCTT TACTGAAAAT 100

配列番号： 5183
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06104
 配列：
 GATCTCCAAA GCTGTCTCT GCGTCCAGG AGTGCCTCTT ATGTGAGTCC TAATAAACTC 60
 ATCTATTAC CAAA 74

配列番号： 5184
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06105
 配列：
 GATCTNTTCC CACCCATAAA AAGCCCAGAG AACAAAAAGT TGGCCCAGGA AATGCAATTN 60
 GGAAGCTGAA GAAGATTATA GTATTNTNG CAGTCAAGAT 100

配列番号： 5185
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06107
 配列：
 GATCTNGAAA TNAAACTTAG ATTTCTCTGG GGAAATGTTT AGATACAGTT TTGTGAACTG 60
 TAAATNAAAA TACCTTTTTC TACAGTTTAT CTTTATTTT 100

配列番号： 5186
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06108
 配列：
 GATCTTTNTG ACTAGAGTTA GTGTCTTAGG AAAACCAGAA CTCAGAACTT GCCTCCATGG 60
 TTGAGTAACA AGCTGTACAA GAACCCCTTT TATCCCTGGA 100

【1031】

【配列表941】

配列番号: 5187

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06109

配列:

GATCGAGTGG TCTGTGTTCC TATTGCTGGT GGGGTGATAG GGTGGGCTAA AAACCATGCA 60
CTCTGGAATN TTTTGTATTT TCTCCAGTA AAGCTTTTCT 100

配列番号: 5188

配列の長さ: 94

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06110

配列:

GATCACAAC TACAGCCTGC AGGCCAAATC CAGCCCACAG CCTGTNTTTG TAAATAAAGC 60
TTTGTGGAN CAAAGCCACA CCCCTTAATC TAAA 94

配列番号: 5189

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06111

配列:

GATCTGAATC CAGNTCATT T GAGGGAACCC CCAAGGTTCT CTGGTTGTGG CCTCTTGAAT 60
AAACCTCTCA CATTGGAAT 80

配列番号: 5190

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06112

配列:

GATCTATTAT CTAGCTGCAA AGCCTGGCTT TGNNTTGNAA TTTTGTAAAA ATTCATGGC 60
ACCCAAGGTT TCTGNTTCTG ACCCAGCAGT GGTCTGAAG 100

配列番号: 5191

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06113

配列:

GATCTTTGAA GATATCTCA ACGTGAGGCT CTNCTGCCAT GAAGGTGAAG ATTAAGTGCT 60
GGAACGGCGT GGCCACTTGG CTCTGGGTGG CCAACGATGA 100

【1032】

【配列表942】

配列番号: 5192
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06114
 配列:
 GATCTTATTC AGTCTGCTGN TTTGTATAGT GTGATGACCC TAGTAAGCAC ATATTTGGTA 60
 GCCTTTGCAT ACAAGANTGT GAAATTTGTT CTCAAGCACA 100

配列番号: 5193
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06115
 配列:
 GATCTGGTCA CACCTAAAGT CATTAAAATC ACTGAAATGT TTAGATACAC AGCCCAATAA 60
 ATTCTCTTTA TAAACACAA GCAGTAAA 88

配列番号: 5194
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06116
 配列:
 GATCAGGCCA CATAAGGAAC AGGGGAATTC CAGGGGTGGG ACACAGCTNG GGGAGTCCAG 60
 ACCAGGGCAG GGAAAGGAGA CTCACAAGCC AAACAGAGCT 100

配列番号: 5195
 配列の長さ: 56
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06117
 配列:
 GATCTTGAAC TTCCAGCCT CCAGAACTGT GAGAAATAAA TNCCTTTTGT TATAAA 56

配列番号: 5196
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06118
 配列:
 GATCTGGCTG ACTCACACGC GACTGGAGAA TAAACAAACA GCAACATAAG GAAA 54

配列番号: 5197
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06119
 配列:
 GATCTCCCAT GGGTCACCCA GGTCTATGC CTCCGCATGG TATGCGTGA CCTCCTCCAC 60
 TGATGCCCCC CCATGGATAC ACTGGCCCTC CACGACCCCC 100

【1033】

【配列表943】

配列番号: 5198
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06122
 配列:
 GATCCTGTTT CTGTCACCAT TGCTCTCGAT TCACTCAGCT GGCTGCTACT TCGCCTTCCC 60
 TGCACCACAC TCTGCCAGGT CCTGCATGCT GTGAGCCATC 100

配列番号: 5199
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06123
 配列:
 GATCGACTGG AACAAAGTGA CCGCTGNGTA AAACACTGTC CTTGCCACTC ACTGTTGTAT 60
 ACATTTCTTA TTTACGATTT TCATTTGTTA TATATATATA 100

配列番号: 5200
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06125
 配列:
 GATCTTAGAG CTAAGAAAGCA CTGTAAAAAT TACCCANAAC AGCGTCCTCA GACTTAACCT 60
 TCTNCAAGAT ATGTCTATAT ATAAGAAGAT TCTAATTNCT 100

配列番号: 5201
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06126
 配列:
 GATCTTCGTT CAGGGCATCA TCTGGGACAT CAACAGCTTT GACCAGTGGG GAGTGGAGCT 60
 GGGAAAGCAG CTGGCTAAGA AAATAGAGCC TGAGCTTGAT 100

配列番号: 5202
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06127
 配列:
 GATCCTCAAG GACCTGTAAT TTTTGGTAT TTAAATTAA AATAACATTA TTTTATTTT 60
 GANTTTTTT CAAACAGTAA GAATAATATA TCAGCAGCAT 100

配列番号: 5203
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06128
 配列:
 GATCTAATAC AAGANCTAGC AAAGCAAAAG TTTTGCAGG TGACAGCATA AAGACGGAGC 60
 ACAACAAATC CTTCTGNAG TGAATTAGGA AACTCCANGG 100

【1034】

【配列表944】

配列番号: 5204

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06129

配列:

GATCCTCATT CTTTCCCCCG TACAGTGGAA AACATCTTIN ATGTTTCCTT CATTATACGG 60
GATGGTTTIN CAAGAATAAG ACTTGACCAA GACCGACTGC 100

配列番号: 5205

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06130

配列:

GATCACACTG CAGTTTCCAT GTTAGCACTG TGGATGGGTT TTNAATCAAT AAAAAGTGGG 60
GGTTTCTTCA AA 72

配列番号: 5206

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06131

配列:

GATCTGTAAA ATAAAACTC AGCTGGGTCC AGATATCAGG TGTCTAAAT CTAAGAATGT 60
AAGAACAATC TTAATAGAAA TATGTTTTTA ATAAGTGGCT 100

配列番号: 5207

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06132

60
100

60
100

GATCTGTAGG GGAGGGAGTT CAAATAAAGC TTTATTTTTT TCATTTTCAA A

51

【1035】

【配列表945】

配列番号： 5210
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06138

配列：
GATCTGGGCT CCCTGACTTT CTGAAGCTAG AAAAAGGTTG TGTGTCCCAA CCACCTTTCC 60
ATCCCCAGCC CCTCTCATCC CTGGAGCACT CTGCCGCTCA 100

配列番号： 5211
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06139

配列：
GATCGGGAGG ACCTGTATGC CTGACCGTTT CCCTGCCTCC TGCTTCAGCC TCCCGAGGCC 60
GAAGTCTCAG CCCCTCCAGA CAGGCCGCTG ACATTTCAGCA 100

配列番号： 5212
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06141

配列：
GATCCAACCA CCTCAGCCTC CAAAATGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC TTGCACCTGG 60
CAAAAAAATT TTTTTTAAAA AAGGAGAAAG CAGTTTAACC 100

配列番号： 5213
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06142

配列：
GATCTAAGAC AGCAAAGAAG TGTGCAAGGA GGGCCCTGTT AGCTCCCACT GTCCTGGTTT 60
CTCCTCCTGG AGTCTAATTT CCTTGGCCCT CTGAGCCTTT 100

配列番号： 5214
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06144

配列：
GATCTAAGAT TATTCCCATG AGAAATGTTG AATTTATGAA GAATAGATTT TAAGGCTTTG 60
AAAATGGTTA ATTTCTCAAA AACATCAATG TCCAAACATC 100

【1036】

【配列表946】

配列番号： 5215
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06145
 配列：
 GATCACATCA CGGAATATTC TTTGCCCTTC CACTTTCCAG GAAATCTCTC GGACTGGGCT 60
 AGCCTCCTTG TGTGTGATGA AAGATGGGCT ATATTTTACA 100

配列番号： 5216
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06146
 配列：
 GATCTCTTTT CAAGTTCACT CATTCTTTCT TCTGTAATGT TCAATCTCTC TTAAGAAAGT 60
 CCAAATAAAT TTTTCATTTC AGAGAGTGGG AA 92

配列番号： 5217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06147
 配列：
 GATCACCTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG CCTAGCCAAC ATGGCAAAAC CCCATCTTTA 60
 CTAAGAGTAC AAAAATTATC CGGGCGTGGT GGTGGGCGCC 100

配列番号： 5218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06148
 配列：
 GATCTGGGCA TTAAGTCAGT GGCTTTGCAT AGCTTTCACA AGTCTCCTAG ACACTCCCCA 60
 CGGGAAACTC AAGGAGGTGG TGAATTTTAA ATCAGCAATA 100

配列番号： 5219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06149
 配列：
 GATCGCACCA CAGCACTCCA GCCTGGGCCA CAGAGCAAGA CTCCATCTCA AAAAAAAAAAT 60
 CGAGGTTGGT GTTCTTGTTT TCATTTTCAA GNGTTTGTTT 100

配列番号： 5220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06150
 配列：
 GATCTTTTGA GTGGAGGTGG GTAGAGAGAG CAAGGAGGGC AGGACACTTA GCAGGCACTG 60
 AGCAAGCAGG CCCCACCTG CCCTTACTGA TGTITGGAGT 100

【1037】

【配列表 947】

配列番号： 5221

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06151

配列：

GATCTGCCAT ACCACTGTGA CTGCATTGAA AGATGTCCTT TTCTCTCTCT GCCAGTNGGT 60
CGGTGTGGGG CAAAACACAG ATNTNCAGCA GATAGCGGNC 100

配列番号： 5222

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06152

配列：

GATCTATAAT GGGATACATT GTCATCCTCT AGCAACTCCT ATATAGAAAG TTTTAACTGA 60
ATATGTTACA TATANGAATT AAATTCTTCT CAAATAATTC 100

配列番号： 5223

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06153

配列：

GATCTGTCCT GTGAGGCATT TAGGGGCTTT CAGGAATTTA GTAAAAGGTG GAGTATGCCT 60
TTCCAGTATC TTCCATCTTC CTTTGTATAC TTGTCCTTCC 100

配列番号： 5224

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06154

配列：

GATCAGGCAG GAGAAAACT TTAGATGGGA GTCTTGTCTAT CAAAAATAAA TACAGTTGCA 60
TGAAA 66

配列番号： 5225

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06155

配列：

GATCAGGACA AGAGCGANGC ACCAGGGGAG CTCTCTCCCA AAGGCCTTGT CGCCCCAGAC 60
CTAACTCGCT CCCCTCAAC CTGCCTGAGG AAGAACTCT 100

【1038】

【配列表948】

配列番号: 5226
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06156
 配列:
 GATCTAGGGC TGGCCCCTAG TGAGTGGGCT CGAGGGAGGG TTNCCTGGGA ACCCCAGGAA 60
 TTGACCCTGA GTTTTAAATT CGAAAATAAA GTGGGGCTGG 100

配列番号: 5227
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06157
 配列:
 GATCTCCTNN TCCAGTGCTG CACACTCCTG TTTTGAAC TTTAATAGCG TTGCAACGAA 60
 ATCCTATATC CAGTTTCCTG TAATTTANTT GAAGAAAAAT 100

配列番号: 5228
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06158
 配列:
 GATCACTCTG GTGCGGGTGT TTGTTTTGT TTTAAATAG CTTTGCAGTG AAAGCTTTCA 60
 TGACCATACA AATNATCTTT TTCTTCCTA TTTCCTTGTA 100

配列番号: 5229
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06159
 配列:
 GATCTGTGGC TTTGCTCCAC CATCCCTAAC CAACCTCTCA TCACAGCTTT NTGTGTGGGC 60
 TGAGTGTCTG CCTTAACCCT AGGCGTGGAA GAGAAAAATG 100

配列番号: 5230
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06160
 配列:
 GATCAAAATC AAAAGAACCG TGTAGATATA CTTNATTGTA TAAGTAGAAA ATTACTTAAT 60
 TNCATACTAG AAATGGATGG ATGCTGCAAG TTGAAATGGA 100

配列番号: 5231
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06161
 配列:
 GATCTCAAGT GAGATAGCAG AGCAAGATGC CAAAAGACCA TAAATAGAGT AAGGTTTCTA 60
 TAGATGTNAG ACAGATTIGA GAGAGCATTT ACTCTGTCTC 100

【1039】

【配列表949】

配列番号: 5232

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06163

配列:

GATCTACAAC CCCTTGGAGC AGTGCTGTNA CAATNACGCC ATCGTGTCCC TNAGCGAGAC 60
 CCGCCAATGT GGTCCCCCT GCACCTTCTG GCCCTGCTTT 100

配列番号: 5233

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06164

配列:

GATCAGCCCC ACCCTGGCCT AGACCAGCAG ACAGAGCCAG GAGAGGCTCA GCTGCATTCC 60
 GCAGCCCCCA CCCCCAAGGT TCTCCAACAT CACAGCCCAG 100

配列番号: 5234

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06165

配列:

GATCTCGTAA GATTAAATGT AGCATTCTAT ACTCCCTACA TGCACAGTAN GATTTGTTTA 60
 ATGAATGGAA GGAAAGACTA AATACAATGT CAAATGTNAC 100

配列番号: 5235

配列の長さ: 57

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06166

配列:

GATCACTTTT ATGTAAAAAT TATAATTTAA TTAATAAAAA ATTTCTTAAG AAGTAAA 57

配列番号: 5236

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06167

配列:

GATCAGGCCT TGGCCTCTNA GCCCTGCCTG CTCTGGGCCA TGCAGAGGAA GGACAGAGNG 60
 TGGGCGCAGG GCACCAACTC AGGGACATCC CCTCTCCTGG 100

配列番号: 5237

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06168

配列:

GATCCTCTGT GATACCAAAA TCCATGGATG CTAAGTCCC TTTTAAAAA TGGCATAGTA 60
 TTTCATATA ACCCAAACAC ACCCTCCTGT GTATTTTAAA 100

【1040】

【配列表950】

配列番号：5238

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06169

配列：

GATCTCTTTT TATTTAAATG TGAATTTCAA CTTTGGACAA TCAAAGAAAA GACTTTTGT 60
GAAATAGCTT TACTGTTTCT CAAGTGTITT GGAGAAAAAA 100

配列番号：5239

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06170

配列：

GATCATACGA GGCATGTAAT ACCAAGAATT GTTACTTTAC AATGTTCCCT NAAGCAAAAT 60
TGAATTTGCT TTGAACTTT AGTTATGCAC AGACTGATAA 100

配列番号：5240

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06171

配列：

GATCTTGGAC CCAGTCTGGC CCGTGCCAG CATGGGGCTG GTTCTCCTCC ACAGCTCCTT 60
CCCAGAGGGC TGGGGCCTCA GCCTCCCTGC CACGTCCACT 100

配列番号：5241

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06172

配列：

GATCAGTTCA GTATATTGCA CTAATTATTT TAGGTATTTT CATTATATGA AAGCTACCAT 60
GTGTCAGAGA TGATTTAATC TATTTAAGTG TTGGACTGCT 100

配列番号：5242

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06173

配列：

GATCATGCCC TTTGTAGTAN CACAAATGGN GCTGGAGACC ATTATATTAA GCAAACTAAC 60
ACAGTNCCAG ANAACCAAT ACAGTATGTT CTCACITTATA 100

【1041】

【配列表 951】

配列番号: 5243
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06174
 配列:
 GATCTGCTAG GGATTGICAA AATAATCTCC TTGAGGCATC TTTATTTTAA AAATGAGATT 60
 AAAGTATGTC ATTTGCTTGT TATGTGGCTA AA 92

配列番号: 5244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06175
 配列:
 GATCANCAGA AAAGGCAGAT TTCACCTGNC TAAACACTTT CAATTTTCAG TTNTAATTTT 60
 ATNTTCTATA TACCCAGTCA TAAAGTATAA GCATCAGTTG 100

配列番号: 5245
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06176
 配列:
 GATCTGTAAT GAAAAGAATC TGNTACTGCA AGTAAACCT ACTCCCCAAA AATGTGTGGC 60
 TTTGGGTCIG CATTAAACGC TGTAGTCCNN GTTCATGCCA 100

配列番号: 5246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06177
 配列:
 GATCACTTNT NGTCTGATTC CAGCCTGCTT GCAACCTGG GNTCCTCTTG TTCCCTGCTG 60
 NCCTGCCCCCT TGGGAAGGGG CAGTGATGGC TTTGAGGGGA 100

配列番号: 5247
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06179
 配列:
 GATCTAAACT GTATTGNCCA ATTTAAATAA AAAATNNAAT ATAGATTCAG AAAGGTTTAT 60
 ATTTTTCTAA TGACTTCATT CTATATTATN TTGTTAGGTT 100

配列番号: 5248
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06180
 配列:
 GATCTTGAGA GGTGGAGGTT GCAGTGAGCC AAGATTGTGC CACTGNCCTC CAGCCTGGGA 60
 GACAGCAAA 69

【1042】

【配列表 952】

配列番号: 5249
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06181
 配列:
 GATCTGTAA TAIGTAACAT ATTAATGGGT AACTTGCTGT GTAAAATTAT AAGCCATATT 60
 TTTAAAGGTT TTTAAATAC TTATTGTGCT CCATTTGTGA 100

配列番号: 5250
 配列の長さ: 59
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06182
 配列:
 GATCTTGAG ATTGTTCCAC ATCAGTACAT AAAGTACATA AAGATTGTCA CCCCACAAA 59

配列番号: 5251
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06183
 配列:
 GATCTGTCTA CTTNCTTAT CCTGATTCAA ATGGAATGCC AGTATGGAAC TCCTAGGATT 60
 TGTACCAAT GGAAGCCAA GTGCCATCTT CAAAATTTCA 100

配列番号: 5252
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06184
 配列:
 GATCATTATT TGGNAATATG TCCTATGGAA AGAATAAAAG CATGTNCTTC ACAGCTAGCA 60
 TGTTCACAGA TTTGAAAGAA GTTTCATTAA AAGCACCATT 100

配列番号: 5253
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06185
 配列:
 GATCTTAATT TAAATAGGTG CTTAATTTT ACAGCTTTCA AAAGTAGTTA CTGTAAATTT 60
 TACTCCTGTT AATGCTGGAT TGGTTTAAAG GATTATAAG 100

配列番号: 5254
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06186
 配列:
 GATCTTATTG CTTATAAACT TTGGTGACGG TAGTGTGTAA GCGCGTATTT TTAGCATCTG 60
 ACAGGTGTTT AAAAAAAGT GGTTGTCGCA CTGGGAAGTG 100

【1043】

【配列表 953】

配列番号： 5255

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06187

配列：

GATCTTTGGG CAAGTCACTT AACCTCTCTT TNCCTCAATT TCCTCATCTT GAAATGAGGA 60
TAATAATACC TGCTGTACCT ACCTCACAGG GCTGTTGTGA 100

配列番号： 5256

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06188

配列：

GATCACAAAA GTATATAAAA AGTCTACTAG AGCAACATTT TCCCATATTT TTNGGTTCTC 60
AAAGCAACTT ATGTATGNTT TAGAGANGNC AAAAGAGGAA 100

配列番号： 5257

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06189

配列：

GATCGAAAAG AAATTTNTTT ATACTTGATG CCTTAAGATN ECCAAAGCTG CCCAAAGCTC 60
TGAAAGACTT TAAGATAGGC AGTAATGCTT ACTACAATAC 100

配列番号： 5258

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06190

配列：

GATCTTGCCT GGAAGGTGTT TTAAGTTTTN TAATAAACAA GATGATGTCT GAAAATNTGA 60
AA 62

配列番号： 5259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06191

配列：

GATCTAGAGC AGCATGGAGC TGTTGGTAGA ATATTAGTTT TTAACCATAC ATTGTCCCAA 60
AAGTGTCTNT GCATTGTGCA AAANGTAAAC TTAGGAACAT 100

【1044】

【配列表954】

配列番号：5260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06192
 配列：
 GATCAACAGC TCCGCCTACC GCAAAGCATT TGANAGCAGA CTAGCCANCA GTNGTGCTCT 60
 GAGAGTGAAC GNGCACCTCC AGGTNGAGGG CCACAGCAAC 100

配列番号：5261
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06195
 配列：
 GATCTGATAG AGGGGGAGGC AGAAGCAGAT ACTAGAAACA AACAAAACCTT TGGACCAAAA 60
 TCCCAGTTCA AAGAAACAAA AAAAAGAGTG GAAACTATTG 100

配列番号：5262
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06196
 配列：
 GATCTTTAT ACAGACGCAC CAAAGCCCTC ATTGACTATG AGAACTCAAA CAAAGCTCTG 60
 GATAAGGCCG GGTAAAGAG CAAAGACGTC AAGTTGGCTG 100

配列番号：5263
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06197
 配列：
 GATCTCTATT TTAATACTAG CTTTTTAAGC AGCTGTATGA AATAAATNCT GAGTGAGCCC 60
 CAGCCCGCCC CTGCAAA 77

配列番号：5264
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06198
 配列：
 GATCTAGCTT CANAGGAAGT CTACACCCCA TTCCTTCTG CTTACAATGT ACCCATGATA 60
 TGTGTTTAGC ACAGTAATAC TGTAAACAGG CATCACATGG 100

配列番号：5265
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06199
 配列：
 GATCCAGGC TGCCCTGGAC TTAGACCAGT GTCTGAGGTG GTAACAGCGG CCGCACAGGG 60
 TTGGCCTAGA CCTNGCATTT GTGGGGAAAG CTGCTGCTGT 100

【1045】

【配列表 955】

配列番号： 5266
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06200
 配列：
 GATCTGTATA TAACTTTAAT TTTAAGGACC ATAATCAACT TTGTAATATT CTNATATAAA 60

配列番号： 5267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06201
 配列：
 GATCACCCCTC TACGGGAGAA CCAAGGAGCT GACTTCGGAA CTAAAGGAGA ACTTCATCCG 60
 CTTCTCCAAA TCTNTGGGCC TCCCTGAAAA CCACATCGTC 100

配列番号： 5268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06202
 配列：
 GATCTCTTGT TCTCTCCTGA GTGTCTTCT ACTNTGCTGA GNGTCTTCT GCTGTCTTA 60
 TCCTGTTCTC TTATCCTNAT CCCCTCCAGT CTCTGCCTAA 100

配列番号： 5269
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06203
 配列：
 GATCAAGACT TGAACCGCA GAAAACGAAA TCCCATAGTA GCACAAAGCT TGGCTGTTCA 60
 GTGAATAACA TTTAATAAT CGTAAATAA A 91

配列番号： 5270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06204
 配列：
 GATCTTGCAG CTTTATTGA GTATTGTTC TTTTGTGTAG TTTCCATCTT TTTAAATATT 60
 TAAATATTT TCAAGATAAA GTATTATCTT CTCTGCAAAA 100

配列番号： 5271
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06205
 配列：
 GATCAAGTGA ACCATCCCTA GTCTCCCTC AATAAATAAC TTTTAACTCC AAA 53

【1046】

【配列表956】

配列番号：5272
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06206
 配列：
 GATCANAGTG AACCTCAGT TTGTACAAA GAGTATGGG TCACAAGAG ATGATTCAGG 60
 AAACAAACCA TCCAGTTATT CTTGAACTA ACATCCATCC 100

配列番号：5273
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06207
 配列：
 GATCGAATAC GTGGATGNGA CGGGCCGGAA ACTCACACCC AAGGAGGCTT TCCGGCAGCT 60
 GTCCACCGN TTCCATGGCA AGGGCTCAGG CAAGATGAAG 100

配列番号：5274
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06208
 配列：
 GATCAAAAAG GGGTTGATTA CAAGGGCAGG AAGGAATTGT TAGTGTGATT CTACAGTTCT 60
 GCATCTTGNT TATGGTATGA CTGTGCGTTT GTCAAACCTT 100

配列番号：5275
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06209
 配列：
 GATCAGTTTA TGTCTAATAT TCTAGTGCTT TAATGACTCT TTTTTCITT GGAGGGAGGG 60
 TAACATTATT TGGACAGATG CAGAAGGAAC TGTTAGTGAG 100

配列番号：5276
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06210
 配列：
 GATCTGTCTA GTTCCCATTC TCTGTTCAAC CTCAGTGNTT CAAAAGTTCC TAATAAATAA 60
 ACTCATTTGA GTTGAACCTA AA 82

配列番号：5277
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06211
 配列：
 GATCAAGAAA GAAGCTATCT GGGANCANTG TAGCANTTAC GTCAGACCAG GACACTTCCT 60
 GTTTACAGGA GACTATAAAA CCTTTGTCCT ATCATCACTT 100

【1047】

【配列表 957】

配列番号： 5278

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06213

配列：

GATCAGAAGC ACCTCTTCTT TTATAGAAGT TGATGGATGG TTCATTCCAT TCTGCTACCA 60
AGAAGTGCAT GCTGCTGCAG CGACACCTCA TTGCAACCTA 100

配列番号： 5279

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06215

配列：

GATCTTTAAA ATNAAGTGTA CGCTTATAAT ACAAGTAATG CTTGTGTATT TCTCACTTTA 60
GGAAATAAAA TATTTGCCAA TTTGAAA 87

配列番号： 5280

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06216

配列：

GATCCTCCCA TCTCAGCCTC TCGAGTAGCT NGGACCACAG TTGTGTGCCA CCACACTTGG 60
GCTAACTTTT TAATTTNTTT GCGGAGACGG TATTGCTATG 100

配列番号： 5281

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06217

配列：

GATCTTCTTC AGAAGCTTCA AGTCTCANCT GCATTAAAGC TCTCCATTGA ACCCGNTCAC 60
AAAAGTACAA GCTTAAAGGG GCTAAAATCC ATTAATACAT 100

配列番号： 5282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06218

配列：

GATCCCGTGN ACCGAGTACA CGACCCAGGT ATGTACCAAG TAGGCACCCT TGGGCGCACC 60
CACTGGGGCC AAGGGTCGGG GGAGTGTTGG GAGCCTCCTN 100

【1048】

【配列表958】

配列番号: 5283
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06219
 配列:
 GATCAGCCAC TTGCTGACCC TGGTTCTTAA GGACACATGA CATTAGTCCA ATCTTTCAAA 60
 ATCTTGTCTT AGGGCTTGTG AGGAATCAGA ACTAATCCAG 100

配列番号: 5284
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06220
 配列:
 GATCANAACC AGTTTGTAGA TTTCTTTGTT CCTTCTCCAT TCCCACTGCT TCACTTGCCT 60
 AGTCTTGAAG NAAAAAACA AAAAAACAAA AAAACCTTGT 100

配列番号: 5285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06221
 配列:
 GATCACATAA CTAGGAAGTG GCAGAACTGA TTCTCCAGCC CTGCTAGCAT TTGCTCAGAG 60
 CCTACGCTTG GTCCAGAACA TCAAACCTCA AACCTGGGG 100

配列番号: 5286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06222
 配列:
 GATCGTAAAC CATCTCCNN TAAAGGTTTA TTTGAAGATN CTGTTAAAGT ACAGAATTTT 60
 GTGTACAGGT AGATTTTTC GTCCCTCATT AATAGTGCCT 100

配列番号: 5287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06224
 配列:
 GATCAAAATG TTCTGGAATT AGATGTGATG TTTGCACAAC TCTGTGAATG TACTAAGAAC 60
 CACTGAATTG TATATTTTA AAGCATGCTA TGTGAATAAT 100

配列番号: 5288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06225
 配列:
 GATCTTCAAG CATAGNNTTG CATATTTTAA CATCTGAAAT CAGAAAGTGT CTTNCTGGG 60
 AGTNTGGTTT TAGAAACATG AAATAGTACT GTATGTTAAA 100

【1049】

【配列表 959】

配列番号： 5289

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06226

配列：

GATCTTTGAG CGGGACCTGA AGAAGAAGGG GCCCCAGCCG GTGCCACTGG AGTTTATCCC 60
 AGCCCAGGGC CTGCTGGGAC GGCCGGGTGA ACTCTGTGCC 100

配列番号： 5290

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06227

配列：

GATCCCTGGT CTTCACTG TAGCAGCCAA AAGGAACAAG CTGAAANTGG ATACCTAATG 60
 TAAGTGGAGT CTTCTAAGTG TTTCTGGAA GAAGTCGGGT 100

配列番号： 5291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06228

配列：

GATCAAAGTT CAAATTAATT TTAAGTTAGC TAATNAACTC ATCACCAGGA CAGTTGGAGG 60
 GGGTAGGCCG AGGTTAAATG GTCCACGTTT CAAAAATGTT 100

配列番号： 5292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06229

配列：

GATCTCATTG TCACCTCAGA AACCATTAC AACCAGATT ATNATAGTAA TTTGCACCAG 60
 ACTTTCCTTA GACTGTTAAG TAAAAATGGA CGTGTACTTT 100

配列番号： 5293

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06230

配列：

GATCATATAC AGTTCCTTT TAAAAAGCA ATAAATNCTT GGAATTAGAA A 51

配列番号： 5294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06232

配列：

GATCAAGAAT GTTTCCTAAA GTTNTGAATA GAGTGTGACA ATGTATCCAA GANTTGTGAA 60
 GCAATGATTC TTTACAATAC AATAAAGTTT AATTATTTAC 100

【1050】

【配列表960】

配列番号： 5295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06233

配列：

GATCTCACAG ATGTTTGGAA TTTCAAAAAG CCAAACCTCAC AGAAGCAGAG TAGGATGGTG 60
GTTGCCAGGG CCTGGGACGT GGGGGAAATA GGGAGATGTT 100

配列番号： 5296

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06234

配列：

GATCTGTCAC TTACTTCTGT GTGACCTTTG AAAGGCTACT TATTTCTCT CTTAGCTTTC 60
TCATTAAAAT CAATGAACAA TGCCAAA 87

配列番号： 5297

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06235

配列：

GATCTCAGGC TGAGCAAAAT NAAACCTTGA TGTACGGGC TAAATCAAGA GCAGCTTAAT 60
CCTGTTTACA ATGTGAGCTT TTTGTGCGTC TGTGAAATGT 100

配列番号： 5298

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06236

配列：

GATCACAAGC GTATCCATNG TGAGGTTCGG TGGATGGAAG CTNATGGATN TNCCTTCCTG 60
ATGTTTCTCT GCCACCTTGC TATTNAATGC ATCCTGTTTA 100

配列番号： 5299

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06237

配列：

GATCGAAATT GCGGGCTATG GCGCCGAAGT TTTTCGTNAG TACTGGGATA TCCCCGATGG 60
CACCGATTGC NACCGCAAAG CCTACAGCAC CACCAGTATT 100

【1051】

【配列表 9 6 1】

配列番号： 5300

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06238

配列：

GATCTGTGTG AAGAATGGTA ATNACGTAGT TNAAGGAAA ATGTACTGTT GTGTGTTTCA 60
TTTGTGTNAT TTCGTACCAA AAAAATGTGT TTGANCTATA 100

配列番号： 5301

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06240

配列：

GATCAGGCTT TGAAGGCTGG ATTCTATCTA CATAAGTCCN TTCAATTCCA CCATGGGNCA 60
GAGCAGCTCC ACCACGTGTG CACTTAGCCA TNGNTGGCAA 100

配列番号： 5302

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06241

配列：

GATCATTTAG GAAAAATAAT TCTATTTTTA GCTTTTCATT TCTCAGCTGT CCTTNTTCT 60
NNTTGGATT TTAGACAGCAA TGGAGAATGG GNTATATAAA 100

配列番号： 5303

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06243

配列：

GATCAAGAGT TGTGATGCTA GGGAGACTAT TCTGCCTAAA ATTCTGGGN ACTATTTTGT 60
GTTTAAGNAT ACTATGTATA TTTAAAGGGT ACATATTTGA 100

配列番号： 5304

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06244

配列：

GATCTTAAAA GTGTTATTTT TGCTTTTATT TTTTAAAAA GGNGAGGNT TATTGGCAAA 60

配列番号： 5305

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06245

配列：

GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTNATGTG GCGGCATTGG GAAAACCATG AGTGCAGGAG 60
TAGCCGGCAC CTTTGGCACA TTCATGCCA TTGGGATGGG 100

【1 0 5 2】

【配列表962】

配列番号：5306
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06246
 配列：
 GATCTGCAGA TAGTTCTTTT TCAAAATATT GTTTAGACAA AATAAATTC TTAAATATA 60
 ATATCTCTAC TTCAA 76

配列番号：5307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06247
 配列：
 GATCCTCTN NTCGCAGCTT AGGAACAGCA GACGTGCACT TTGAGCGGAA GGCAGATGCC 60
 CTGAAGGCCA TGAAGCAGTA CAACGGCGTC CCTCTNGATG 100

配列番号：5308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06248
 配列：
 GATCAATACC AAAAGACACT TGAATCTTC TTTTAGACTT CAGTACGATG ATTGCAGATG 60
 ACATGTCTAA TTATGATGAA GAAGGAGCAT GGCCTGTNCT 100

配列番号：5309
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06249
 配列：
 GATCTGCAAA CAATGAAGAA TTATGTAATA TATTGTACAA ATGTAAGCAA AGGCTCTGAA 60
 AATAAATGCC ATAGTTTGTG AAA 83

配列番号：5310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06250
 配列：
 GATCTTAAAT ATCTTGCAGC CTTAAATCAC TACAAACATT TGCATTNTTA TTATGCCAGT 60
 TATTTCCAAA ANGATTTGTN ATACATGTCA CTTATGTTTT 100

配列番号：5311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06251
 配列：
 GATCTGAAGA GCTTTGCAGC TCTNTTAAAT AGGTTGCTGN ACATGTTCTA AGGTTTTGTA 60
 GAACACGTGT GCCTGTTTAA GTGTATTGAT GTTAATANTA 100

【1053】

【配列表963】

配列番号： 5312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06252

配列：

GATCAACGNC TCACTGAAAC ATGGCTGTGT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
GCCTGGCTGC CCATCATGTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA 100

配列番号： 5313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06253

配列：

GATCTAAGCC ACAGNGGGGA CTGGAGCCTC GTTTTCCCCC TAGGCAGACC TAAATCAAGC 60
AGCTTACCAC AATAGTGCAT GCTGAGTAGA TTAGTTCCAA 100

配列番号： 5314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06254

配列：

GATCTGAGGA ACAAATGAT GTCATTTAAT CGGAATCTAA ATGTGACACA AACACGTGC 60
CAGCAATACC TGCTTGTGAA ATAATGTTCT GAGCCCACAG 100

配列番号： 5315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06255

配列：

GATCATAAGT ATAAATGTCC TCGTTTAATC TTTCCATATT GAGGACAGCC TCTGCATATA 60
AAAATGTTCA TTGGGAGAAA AATTATTTT AAAACTAAAT 100

配列番号： 5316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06256

配列：

GATCAACAAG AGAAATAAAA AAGCCCAAGA GGAAGTGGA GGGGAAGGAA TTTAAGAACA 60
GCAATAAGTA AAACCTTAA GTAACCTCAA AAAGAAAATG 100

【1054】

【配列表964】

配列番号: 5317
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06257
 配列:
 GATCGGGGAC ATCCTTAGGC TGGTGGCCGG CCGCATCAAG AACACCTTCT GATTGAGCGG 60
 TTGCCATGGC CGGTCTCCGT GGGGCAGGGT TGGGCCGCAT 100

配列番号: 5318
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06258
 配列:
 GATCAGACTA AAAACHATAA CACCATAGGT CAAAANAAGT TGTTCGAGG TTTTGTGAA 60
 ACATTAAAGH TCCAAAACAT GACATTTTGA AGAATAAATT 100

配列番号: 5319
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06259
 配列:
 GATCTCCCTT CTNACCCCTC CCACCCATTA ATNTCTCCC AAAAAACAAG TAAAGTTATT 60
 CTCAATCCAA A 71

配列番号: 5320
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06260
 配列:
 GATCTGTTGT AATATATGGT GGATATTTT CTTTAATTTT AACATAACC TCTGAAATNT 60
 GTATCTNTCC THTTTNATCT TACCATTANT TTAAATCTA 100

配列番号: 5321
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06261
 配列:
 GATCAGACAG CTCAAAGGTC CCCGTNTTCA CTGTTACCCA GAGGCTGTTG TNACTACCCA 60
 CTTNATTCCC CACCGCTGCC AGTGCCACTG CCAACCCTGT 100

配列番号: 5322
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06262
 配列:
 GATCACCTNA TTTTNTAAC AAAATATTTN TAACAGGAAT GGGTGGCAGT NCTGGTGAAA 60
 AGAGGTGAAA TGTGGTTGTA TGAGCCAATC ATATTGTAA 100

【1055】

【配列表965】

配列番号：5323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06264

配列：

GATCAACAAA GAGGACTTTG TGGCACTGGA GAGGCTTACC CAGGGGATGG ACATTTCAGTG 60
GATGCATGTT NCTGGTCATT CGGGATTTAT AGGCAATGAA 100

配列番号：5324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06267

配列：

GATCANCTAC AGGAAAAGTA AATGTGAACG CAAGCAGAAT GAAACACAGT AAAAGCCGGT 60
CTAGCCTGCC TGGCCACACT CTCAGCGCCT TGTGAGGATG 100

配列番号：5325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06268

配列：

GATCATCACT AGCAGATGTC AGTTGCACAT TGAGTCCTTT ATGAAATTCA TAAATAAAGA 60
ATTGTTCTTT CTTTGTGGTT TTAATAAGAG TTCAAGAATT 100

配列番号：5326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06269

配列：

GATCAAAAAAT AAGATTACAG TAAAAATATT NCTATATTCA GATGGTTTAG AGACCAGGCT 60
GTAGAATCAG ACAGCCCTGA AATTGTATCA CACANGGCTG 100

配列番号：5327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06270

配列：

GATCTAAAGT GCAGCAGAGT GGCTGNTGCT GCAAGTNATG TCTAAGGCTA GGAACATCA 60
GGTGTCTATA ATTGTAGCAC ATGGAGAAAG CAANTGTAAA 100

【1056】

【配列表966】

配列番号: 5328
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06271
 配列:
 GATCGTGAAA GAGGCTTACC CAGACCACAC ACANGTTTGA GAAAAACAAT CCCCATTATN 60
 ACCCATCTAG CAAAGAGGAC AACCCTAAGT GGTCCATGNG 100

配列番号: 5329
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06272
 配列:
 GATCAGGCTG AAAGAATACC TTGCAGACAC TTAATCTCTG CGGCAAATGC ATGAAAGTAG 60
 AAGGATGAAG CCAACTTTCC AAAAAGTTTT ATGAAATTAC 100

配列番号: 5330
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06273
 配列:
 GATCCCGGGG ACATGATGCG GGAAATCCGC AAAGTNTTGG ACGCCAATAA CTGCGACTAT 60
 GAGCAGAGNG AGCGCTTCTN GCTCTNCTGC GTCCACGGAG 100

配列番号: 5331
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06274
 配列:
 GATCAATGTG GGCACCTAAA AGGGTATGTT AAAATCACCA TTTCTCAGGT CAAAATACTG 60
 TGAATAAGTC TTCAATAGAA TCACTANTGG TTNNAAA 97

配列番号: 5332
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06275
 配列:
 GATCATATNT ACATGTATGA CCTTAACATG GAAAATGTTA AGGAAGCAAA TG6TTGTAAC 60
 TTTGTAAGTN CTTATAACAT GGTGTATCTN TTTCTTATG 100

配列番号: 5333
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06276
 配列:
 GATCNCAGCT CACTGCAACC TCCANCTCCT GG6TTCAAGT GANTCTCCTG CCTCAGCCTC 60
 CCGAGTAGCT GNGATTACAG GTTCCTTCCA CCACACCAGG 100

【1057】

【配列表 9 6 7】

配列番号： 5334

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06277

配列：

GATCTTTCTG GGAGCTGCCG CGGACAGAGT GGGGAGCTCC TAGTTTNTGG GGGGAAGCTT 60
TGATATCCAT GCCACGTCCA TCCACCCAC CCCTNTTCGT 100

配列番号： 5335

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06278

配列：

GATCATTGA ACCTAGGAGT TAGAGGCTGC AGTGAGCTAG AATTGCACCA CTGNATTGCA 60
CCTTGGACAA CAGAGTAAGA CTCCGTCACC AAA 93

配列番号： 5336

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06279

配列：

GATCAGGAGG CCACCCCTT CTGTGGCACT TCTGAGATGA CAACTTGTTT CACAGTTGGA 60
TGGGGGTGGG GAAGGAAAGA GCGGCCCAT TATTCCAGAA 100

配列番号： 5337

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06280

配列：

GATCTATTGA CTGTAGAGG TTTGGGACAA ACAGGAATAT AAAGATTATG GAATTGGGAA 60
A 61

配列番号： 5338

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06281

配列：

GATCACTGCA AAATCAAGG AGGCCCGGG CAGAGGAAAA AAATTTACCA CCGATGATTC 60
CATTTGTGTG CTGGGAATAA GCAAAAGAAA CGTTATTTT 100

【1058】

【配列表968】

配列番号: 5339
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06282
 配列:
 GATCTTATCT ACTTTCAT CTCCATATT TGTAAAGAT AATATTGCCA GATGTAAAGA 60
 AAATGGTTTA TTCTACCTAA AGAGTGGATA AGGAGAGAAN 100

配列番号: 5340
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06283
 配列:
 GATCTCTCTC CTCTCTGACC TGGATACGCT TTGGTTTCTC AACTTCTCTA CCCCAGAGAA 60
 AAGATTATTC AATAAAGTTT CCTGCCCTTN TGCAACATA 100

配列番号: 5341
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06284
 配列:
 GATCTAGATT TGAAAGTAAA TTAATGAAG ACATTGCCCA TTTTANCTTC CTCATTCAAT 60
 ATTGTACCAG CATCATAGCT TTATNACTCT AATCCCAGGT 100

配列番号: 5342
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06286
 配列:
 GATCAGCCTG GGCAACATGG TGAGACCCTG TCTCTACAGA AAAGACCTGA AAATTTTAAA 60
 AAAAAGTATA AAGCCAAGCT GTTACCCAGC CACCTTGCTC 100

配列番号: 5343
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06288
 配列:
 GATCTGGACT ATCCACGTGC TTGAAACTT TTCCCCTCAC CCTCCAGCCC TGGAGGCTTT 60
 TGCTGGGATG AATGTTTTTA TAGGGTTTTT GTTCTAACAT 100

配列番号: 5344
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06289
 配列:
 GATCTNGGAC TACNACTGGA CTACTAGCCT CCAGAACTAT NAAATAATAC ATTTCTAATG 60
 TCTAAGCCAA A 71

【1059】

【配列表 969】

配列番号: 5345

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06290

配列:

GATCNNNTTT THTGGGGAAT CTCCCTTATA AAGTTNAAGA ATCTCCCATT AAGAAGCACT 60
 TTCTGGACTG TGGAAGTATC ATGGCCGTAA GGCTTGTAAG 100

配列番号: 5346

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06291

配列:

GATCTCTGCT GTGCAGGTGC TAAGATTAAA CACTAAAAAG AAAGAGAGAT ATATGTAATG 60
 TACAACTGAC ACTGCCATT TNCCTTTTGG GAGGAAATGG 100

配列番号: 5347

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06292

配列:

GATCTTCTGC CAAGTAATTT TTTTGCACAA TTTTCCTGTN CCAAANTTTA CTCAGTTAAA 60
 AGTAAANAA TNCTTTACAC GTTTTAGGTT TTAGGACATT 100

配列番号: 5348

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06293

配列:

GATCATCTTA CGATATCAAG CTGAAAATTT CACCACTACC TGGACAGTTN CACATGTTTT 60
 ACTGGGAATA TTTTTTCTTT NTTTTNTGTA TGCTCTGTGC 100

配列番号: 5349

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06294

配列:

GATCATATTC ATTATGAAAG GTCAAGCAAA GACAGCAGAN TACCAATCAC TTCATCATTT 60
 AGGAAGTATG GGAACAACT TANGGAAATC CAGAAAGANG 100

配列番号: 5350

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06295

配列:

GATCAAGTAT AATGTTAGCT GCAGGTTTTT AATAAATACC TTAATTCAGT TTGAAA 56

【1060】

【配列表 970】

配列番号： 5351
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06296

配列：
GATCCTGAAC ATGTGCTGAT TTNAATTGTG CTATATAGTA TATAAANTAA AATANTTTTG 60
GTATTTCTGC AACGTGACCT GATAATNAAT CATTTCATCC 100

配列番号： 5352
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06297

配列：
GATCATTGGT TCCANNCACA GGTNTAGTAA TNNTGGGTAC TTTAAGGTTT GGAGCACTTA 60
CAAGGCTGTG GTAGAATCAT ACCCCATGGA TACCACATAT 100

配列番号： 5353
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06299

配列：
GATCTCAAGT TGTATAAAAC CAATAAATTT GTGTTACTGC AGTAGTAATC TTATGCACAC 60
GGTGATTTC TGTATATAT GCAAAGTAGG CAACNTTTT 100

配列番号： 5354
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06300

配列：
GATCAAGNCG CATAGCCTTT ATTCAGGGGG CCTATAAACC CTTCCAGTTC TTGCCCCAGG 60
GCTGGCCTGC TAGCGCTTCA AATTCACAGG TGTCCCTAAT 100

配列番号： 5355
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06301

配列：
GATCAAGNNT ANTGCAGCCN TTCTTTTCCT ATTTCTTTT TTNAAGGGTT AGTATTAACA 60
AATGGCAATA AGTAGAAAAG TTAACATGAA GATTTTAGAA 100

【1061】

【配列表 971】

配列番号： 5356

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06302

配列：

GATCGAACAT NACGTGGTGA TGAAAGCCAN CAGCAGCCTA CCCAAGAAGC TGGCACTGCT 60
GAAGGCCCCA GCCAAGAAGA AAGGGGCAGC TGCCGCCACC 100

配列番号： 5357

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06303

配列：

GATCAGGATG AGATTTAATG CCCATATCTT ACCAGTTCAG TAATCTCCAG AGCCATTTC 60
CCCTTTAGAG TGAGTCACAT GCAGGGAGTG TGAATGTCAG 100

配列番号： 5358

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06304

配列：

GATCCAAGGC CACAAGTAAG GCTATGGCTC TAATTCTAGA AGACAACCTT CCAAGATGCC 60
TGGCAAAACC ACCTCCCTGT GCCACACAGA CACACTAGGC 100

配列番号： 5359

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06305

配列：

GATCCTCTGA AAAGGCCCAG AAAAATAGCT CAGTTCAAAT ACAATGTTCT AGGACAATTG 60
GAATATAAAT ATTGTCCAAA AATATAATTA AAAGAAAAAA 100

配列番号： 5360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06306

配列：

GATCGTAGTG TTTTAAATA AACACAGTCC AGACTCAAAC GGAGGAAGCC CACATATTCT 60
ATTATAGATA TATAANTANT CACACACACA CTGCTGTCA 100

配列番号： 5361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06307

配列：

GATCAACTGA GGAAACTCCA GGCCATGGTG ATTGANATAT CAAACAAAAC CAGCAGCAGC 60
AGCACCTGCA TCTTGGTCTT ACTAGTCTCC TTCTGCCTCC 100

【1062】

【配列表972】

配列番号: 5362

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06308

配列:

GATCTGCCTC CTGGGAAGGG AAGGGGCCAA TGTGAGCCTC CAGGTGATTT CTTTAATCTG 60
ACATTACAAA GAGACCAACA GACTGCCAAT TCTACCACAT 100

配列番号: 5363

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06309

配列:

GATCCTCAAA CAGTCGGACC AGATGACAGC CAAACTCTGC TAACCCGGGA CTCCTTGCCA 60
TGGACTTTTC CTGTTGTTGT ACACACACAA CAGAACAAAA 100

配列番号: 5364

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06310

配列:

GATCTTAAAA TTCATCTAGA TTTCAAGCAT TCAGCTGACT TGCCTCATAA ATGTAGTGAC 60
TGCTTGATGA GGT TTGGAAA TGAAGGGAA TTAATAAGTC 100

配列番号: 5365

配列の長さ: 99

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06311

配列:

GATCTTATTG GCTGATGGTG TTGTTGAATT CTATATCCTG TTGATTTGCT GTCTAGTTGT 60
TCTATCAATT ATTAAAAGAG GAATGTTAAT GTTTCCAAA 99

配列番号: 5366

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06313

配列:

GATCAAATAC TTAAAGGAA AAAATGTTGG ATTTATAAAT NCTATTTTTT ATTTTACTTT 60
TATAATAAAA GGAAAAGCAA A 81

【1063】

【配列表 973】

配列番号： 5367
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06314
 配列：
 GATCTGAAGG CCGTTCCAAG CGAGGGTGCT TCTGAGGACA CTGAGAAGAG TTTTGCCATT 60
 CTGAAGAGGC GAGCCTGTGG AACTNTTTAA GGTCTGTTC 100

配列番号： 5368
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06315
 配列：
 GATCACTCTC CCTGACATCC ACCTGTATGA CTTTGTACCC AAATNCTGTC TTCTCTTTCT 60
 CCAATCAAGA AATAATAATC CCTCGAGTTT ACAAACAAA 100

配列番号： 5369
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06316
 配列：
 GATCTCANCT TCATGCCAGG CCTTGGGTTT GACAAACATG GCAACCGACT GGGGAGGGGC 60
 AAGGNCTACT ATNATGCCTA TCTGAAGCNC TGTTCGAGC 100

配列番号： 5370
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06317
 配列：
 GATCAAGAAG TTTGTGTACA CATAATCTCA TTTTACAGTA TATAACTATT TTTNTCTTTC 60
 AGAAGTGAAT CAAAATATTT CAAAATGCTG TCTTATGAAA 100

配列番号： 5371
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06318
 配列：
 GATCACTACC TTTTNTNNTC TTATCTGCTG CCATGTNAGA TGTGGCTTTN ACCTTCCGCC 60
 ATNATTGTAA GGCCTTCCCA GCCACGTGGA ACTGTAAGTC 100

配列番号： 5372
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06319
 配列：
 GATCTTACAG ACTGTATCAG TCTAATTTTT AAATTTTAAG TTATTTTGTA CAGCTTTGTA 60
 AATTCTTAAC ATTTTATAT TGCCATGTTT ATTTTCTTTG 100

【1064】

【配列表974】

配列番号： 5373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06320

配列：

GATCTAATTT CCTNTTCAC ACAAACTTTA CACTTTAATC TGATGATTGG ATATTTAATT 60
NNAGTGAACA TCATCTTGT AGCTAACTTT AAAAANTGGA 100

配列番号： 5374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06321

配列：

GATCTGTGCC ACTTGTGTCA GAGAAGAAGA AACACGTAGN GCAAGTTGTA AAATAATTGG 60
TATTCCTAAC AATCCTGATG TATAATTNTT TGTACTTTT 100

配列番号： 5375

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06322

配列：

GATCTCTTCG ACTCCTACGA CCTTGGGGAC CTGTTGATTA ATTGAGTGGC CCTGCCTGCC 60
CCCAGCAGCC TGCCCCCGAC TCTACCTCCT CACAGACAGG 100

配列番号： 5376

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06323

配列：

GATCTGGAGC CAGCTGGCTT TGCTCCGTTT CCTGGCTAGT CTGTGCCTGG TCACCAGGGA 60
GGCTGAGTGA GGGGCTGTGA ACAGTTGCCG GAAGCACCCC 100

配列番号： 5377

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06324

配列：

GATCACAGCT CCAGGACCAG TGCAGGCTGG CTGCCCTCTT TTGGCCGCGT CTGGAATAAT 60
GGACGCCGCT GGCAGTCCAG ACATCAATTC AAAACTGAAG 100

【1065】

【配列表 975】

配列番号: 5378
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06325
 配列:
 GATCTTTNAT TTACCTGTAC AGGAGTGTAA ACTTTTTNGT GNTTTTATTT TTCAATTGIG 60
 AGAACCCTG ATTGGTATGT TCAACAAATT TGTGTATACA 100

配列番号: 5379
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06326
 配列:
 GATCAGTGAT ATTTGATGTT AGTGTGTAC TATAGGGTGC CAATAACTCT GCCTATACAA 60
 GATGGTGTAC TTAATCAATA AACGTGTATT CTGACTGCCT 100

配列番号: 5380
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06327
 配列:
 GATCCTTCCG TCTCAGCTCC CCAACCCAG TAGCTGGGAC TACAGTTGCA CATCATCATG 60
 CCTGGCTAAT TTTTNNATTT TTGTAGAGGT AGGTTTCACT 100

配列番号: 5381
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06328
 配列:
 GATCAACGCC TCACTGAAAC ATGGCTGTGT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
 GCCTGGCTGC CCATCATNTG GCCCCACCA ATCAAGGGAA 100

配列番号: 5382
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06329
 配列:
 GATCAACAGA GTGAGACCCC TGTCTATATA TTNNTTAAAT TTAAAAAATA AAAGANTAAA 60
 ATTGTGTAGC TCAGTATAGT ATCAAGATTA ATCTGCCTAC 100

配列番号: 5383
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06330
 配列:
 GATCCAGCCA TNACTAACCT ATNCCNNTT TGGGGAAATC TGAGCCTAGC TCAGAAAAAC 60
 ATAAAGCACC TTGAAAAAGA CTTGGCAGCT TCCNGATAAA 100

【1066】

【配列表976】

配列番号： 5384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06331

配列：

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGC CTTGAGGATA 60
ACCTNCACTG TAATAGCCTA AACACANCTC TAATTTACTT 100

配列番号： 5385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06332

配列：

GATCCCTGAA GTTGCCCTGG TCTCTGCACC TTCTAAACCT AGTTCTTAAG AGCTTTCCAT 60
TACATGAGCT GTCTCAAAGC CCTCCAATAA ATTCTCAGT 100

配列番号： 5386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06333

配列：

GATCTGTCAC TGTCTCCCGT CACCCNCAGA TGGGGCTGTC TAGTTGCAGG AAAACAAGCT 60
CAGGGCTCCC ACTGAGTCTC TGTGATNGTG AGTTGTAGAA 100

配列番号： 5387

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06334

配列：

GATCTCTTTC CCTGTCTTGG AGGTGAAAAG TNATATCTAA GGNTNTGTTT GCAGTGACCC 60
CTAGTTTGGC GTACACAGAC CAGTGTTTCT NATTGACAGT 100

配列番号： 5388

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06335

配列：

GATCTCTNCG ANTNAATTC AATCTAGGGA AAAATGGCAG AGAAGTAAAT GGATGTNCTG 60
GTGTCAATAG ATATGAAAGT GTTGGTTGGC GACTTGCAAA 100

【1067】

【配列表 977】

配列番号： 5389

配列の長さ： 67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06337

配列：

GATCGAGAAT NACNATNTTT TGTAATGGA AATACCACTA CTAAAGACAG AATGCTATAA 60
ATAGAAA 67

配列番号： 5390

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06338

配列：

GATCTTCTGT ACTTCTGTCT TCCATAGGAC AAATNATAAG TACTACATAC CTCATCTCTT 60
GGGTTATNAT TGTAGTCTG CATTGATGAT TATNAATTTA 100

配列番号： 5391

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06339

配列：

GATCTACATN AGGAAAAGTA TAAGCCCCCT CCCTAATGGC CGCTGGGNGG TGAGGGCGGT 60
GTGTTGTATG TCTTTGGGTG TTTGTTNNTT NATAAAGCAT 100

配列番号： 5392

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06341

配列：

GATCTNAAAA AGAGAGAAGA AAATAAAAAG TATTATTTAT ATGTCAGTGC CAACTTTGAA 60
GGTAAACAG TAGTAGTAAC TTTTGGGAGA AATTCTAAAA 100

配列番号： 5393

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06342

配列：

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGGAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAAG GACTCCGGAA 100

配列番号： 5394

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06343

配列：

GATCTAATTA CTTATAGATT CTGTAGTCTN GNGAAGGNGT GGGTGACGTG ATGAGAGGTT 60
TGAGAAATGG GTGAAATGAA ATGGGGGGAT ATCTAGGTCA 100

【1068】

【配列表978】

配列番号：5395

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06344

配列：

GATCAGCTTA AGGNTTTAGC GCTGGTGGAT AGACACTCGA GACCAGAAAT CATATTTTTH 60
CTGAAAGTAG ATGATTTACC TGAGGATAAT CAGGAACGTT 100

配列番号：5396

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06345

配列：

GATCGCGGTA TATAGAGATA TGCATTTTAT TTTACTTGTG TAAAAATATC GGACGACGTG 60
GAATAAGAG CTCTTTTCTT AAA 83

配列番号：5397

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06346

配列：

GATCTCCTTA GGTGATGCAC AGTCCAATA CCTGCTAACC ACCGCCGAGA ACGAGCTGGG 60
AGTGGTGGTA GCCCACAGTG AGTCAGGTAT CCAGATGGTT 100

配列番号：5398

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06347

配列：

GATCAGAGAA TCACAAGAGC AGCAAATGTG GTTTCATCAA GTGGGAAGAA AGCAGCAATT 60
TAAAAATANCT TTTTGGNGA CTGANTTGAG TAATAATAAA 100

配列番号：5399

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06348

配列：

GATCTAGACG CCCCCAAATC CTTGAGATGT GGGTATAGCT CAGGGTAAGC TGCTCTGAGG 60
TAAAGGTCCA TGAACCCTGC CCCACTCCTG TCAGCCCCTC 100

【1069】

【配列表 979】

配列番号： 5400

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06350

配列：

GATCAGCAAA TTGTTATTT AAAAAGTTT CTTGTTTAGG CAATTTGGTA AGTGGTTTCT 60
AGTTATAAAC TAGCCACTGT TGATTAACCT GAGAAGGTGA 100

配列番号： 5401

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06351

配列：

GATCTGAAGT NCTTCCATTA TATCTATATC TGTATATGNA CATATATGIG GGTGTGTATA 60
TATATGNGTG TATGTATATA TATACAATTN CCTGAGAACT 100

配列番号： 5402

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06352

配列：

GATCTCAGTT CACTGCAACC CCTGCCTCCC AGGTTCAAGT GATTCTCCTA CCTCAGCCTC 60
CCGAGTAGCA GGGATTATAG GTACAGGCCA CCACACCCGG 100

配列番号： 5403

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06353

配列：

GATCAAGTTT TGATGAAGAT GTGAAAAACH GTTGGGCAGT ACTACTCAAG CTGAACCCCA 60
TGCATCAGAG AAATTACACT TTTATATNTC CAAA 94

配列番号： 5404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06354

配列：

GATCTGCCCT NCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTAGAG GCGTGAGCAC CATGCCTGGC 60
CAGGTCTTNC TAACTAAAAA ATAATAATAA TAATAATAAA 100

配列番号： 5405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06355

配列：

GATCAAGAGT ATTNCTNTA GCTAGCTTAA AAAGAAAACA TATATTTAAT GTAAAHNCAC 60
ATACATGGCC AAATGCAATA CTGANGAGAC AATCATCCTG 100

【1070】

【配列表980】

配列番号：5406

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06356

配列：

GATCAATGCG CTAGTGCAGG AGCTCGGCTT CTACCGCAAG GCGGCGCCCG ACGCGCAGGT 60
GCCCCCGAG TACGTGTGGG CGCCCGNAAA GCCCCAGAGG 100

配列番号：5407

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06357

配列：

GATCAGCCAA ATTGGGCGGC CACCCCGNC TCCACCACTT TCCACCATCA GCTGCCAAAC 60
TGGTCCCTCT GTCTCCCTGG GGCCTTGGGT TCTGTTTGGG 100

配列番号：5408

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06358

配列：

GATCAAAAAT NTGTGGGTTT ATTTCTGGAG TCTCTGTTCT ATTGGTCTAT ATGTCCGTCT 60
TCATGCTGGT ACTATGCTGT TTTATTTACT GTAGCTTTGT 100

配列番号：5409

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06359

配列：

GATCAAATCA GAGTAATTTG GATATTCATC ACCTCGAATA TTTATCTTTC CTTTGTGTTG 60
GGAACATTAT AATTTTCCTC TGCTAGCTAT TTTAGAATAT 100

配列番号：5410

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06360

配列：

GATCAAAGCC AGCCACCCCG ACCCAACAC ACTCGGTGTC CCTTTCATCC TGGGCCTNTG 60
TGAATCCCAG CCTNGGCCAT ANCTCAACC TCAGTGGGCT 100

【1071】

【配列表 981】

配列番号： 5411

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06361

配列：

GATCTTCTCA GNGANGNCGC TTNGGTCGCA GTTTTAGGGG GTTCTCGGTT TGCAGGAACC 60
CTGGGTGCAG GTTCGACGCC CTGTCAACCA GCTCCGAGCC 100

配列番号： 5412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06362

配列：

GATCTTCTCA CCCTCGGTGA NAACAGTGTC AGCCATGCAA GCAGGACAGA ATGGTGACTG 60
GGTGGCCTTG GTGAGCTGTG TATTCCTAG NAGGTAGAAA 100

配列番号： 5413

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06363

配列：

GATCTTAAAT NACCTATTTT TAATGTGATT CATACACGTT TTTNACTTAG TGGTTTAAAA 60
TATGAAAGTA TATAAACACA TTACCAAACA CTTTGGGGTA 100

配列番号： 5414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06364

配列：

GATCACAAGT AGAGAACTTG TTTCTTTTCA CCCCTCTTGC TCCTCCCCGG AGTTATGAAA 60
AATTTCAAAC CTGCCAAAAG TTTGAAGTTT ACAACAAATA 100

配列番号： 5415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06365

配列：

GATCTCAATA GTCAGTACT GATGCTCCTG AACCTATGT GTCCATTNT GCACACACGT 60
ATACCTCGGC ATGGCCGCGT CACTGCTCTG ATTATGTGCC 100

配列番号： 5416

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06366

配列：

GATCCAGCC ATAAAGTACC TGGGATGAAA GAAGTTTTTT CCAGTTTGTC AGTGTCTGTN 60
AGAATTACTT ATTTCTTNC TATATTCTCA TAGCACGTGT 100

【1072】

【配列表 982】

配列番号: 5417

配列の長さ: 91

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06367

配列:

GATCTTNACT CTTGTTTCCT TTGTCCTTTT NTTGAGACAG AGTTGTACCT GCAGCAGACA 60
ACTCTGAATT AAAGCATGAA AACACAGCAA A 91

配列番号: 5418

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06368

配列:

GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATN GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
TGGGGGGGAC TGGNTTTGGG ACACCCACAC AGAGGGCCAG 100

配列番号: 5419

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06369

配列:

GATCTCTCCC CACACAGAGG CCAGCAGACC TCTTCCTGAG GAATTCTGTT TAAAGGAGGA 60
CGAGGAGGAG GTTGGTGACA GTCAGGCCTG GGAGGAGCCC 100

配列番号: 5420

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06370

配列:

GATCTCTTGT NATGGGGCCA ATAAGTCAAT TGAATTCATG GGCCAAACAG TTCCCATTCT 60
CTTCAAA 67

配列番号: 5421

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06371

配列:

GATCCTNATN ACGNAGCTGA TGCCTGCCCTT GGTNCCTACC ACTCTGGTGT AGACAGAGGA 60
CTTTNTCCAA GTGTCACACT AAACATGCC GGGCTTCGAT 100

【1073】

【配列表 983】

配列番号： 5422

配列の長さ： 87

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06372

配列：

GATCAAAAAA TATATGAAAG TTCCTTGTAG ATACATATCT ATAGATATAT ATGTNTATGT 60
ATATAAAGAT AGATATATAC ATTGAAA 87

配列番号： 5423

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06373

配列：

GATCTTTTAA TATTCTTCTA CCACACCTGG AAACAGACCA ATAGACATNT TGGGGTTTTG 60
TAATGGGAAT NTATATAAG CATTACTCTT TTTNAATAAA 100

配列番号： 5424

配列の長さ： 51

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06374

配列：

GATCAGGTGG AAATGTTTAA GCTAAATAAA TCTAGGGGTT NTTTNAACAA A 51

配列番号： 5425

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06376

配列：

GATCTGAAGA AACAAAGCAG TGTNACGCA AGCCACTCAG ACAAGCCCAG GGGTTCCTTG 60
GCCTTCTCAG TCAGCTAACT TTCCTGAGTT CTCCTTTGAC 100

配列番号： 5426

配列の長さ： 76

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06377

配列：

GATCTAGATA TTTTCCTCTT TTTCTGAAGN TACTTTCTTA AAAAATAAAT AAAATGTTTA 60
TAGCATTCTT NGTAAA 76

配列番号： 5427

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06378

配列：

GATCAATTCT CCTTTGCCAG GNGACCACCA ANGGACTGCA GAGCTGNCCG GGCATTCTTG 60
CGTGTTCATG ACCGAGAACT TTNCACACAG AGAGGACTTC 100

【1074】

【配列表 984】

配列番号: 5428
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06379
 配列:
 GATCGACCTG AGCACAGTGG ACCTGAAGAA GCTCCGAGTT AAAGAGCTGA AGAAGATTCT 60
 GGATGACTGG GGGGAGACAT GCAAAGGCTG TGCAGAAAAG 100

配列番号: 5429
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06380
 配列:
 GATCTGAAGA AGTGGTTAAG ACCAAGAGTT TATGTACCTT TTTAAACAAA GATTAATAAA 60
 TTTTGAAGA AGTGATGAGA CAAAGAAA 88

配列番号: 5430
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06381
 配列:
 GATCAGAACA TGAACTTTT TTTTAAAGA AGATTTGAGC ATTTTNCCTGT AATCACATCA 60
 AAATGATGTT TTHTGTGTA AGCGAGATAC ATATTTCTCA 100

配列番号: 5431
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06382
 配列:
 GATCTTATAA AGTACTTGTG TGGAGCTTTG ATTCCACAGA ATAAAAGATA TTTTGTGTGT 60
 AGAAA 65

配列番号: 5432
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06383
 配列:
 GATCTCAGCC CAGGACAAGG TGGGAATNAG TCAAGCCTGG ACTCTGGCCC CCCTGCCTGG 60
 CCAGTAAGAA GGGCAAAGTC CAAGGGGAGG GATCAGGNAG 100

配列番号: 5433
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06384
 配列:
 GATCCTTTTG TAAGGNCCTT CCTGAAGAAG AAAGGTGCCA AATACAGTNT TCAGTTCAAG 60
 TTGCCCCAGC TGTATGGTGT ATTCCAGTTT AAAGTGGATT 100

【1075】

【配列表 985】

配列番号： 5434

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06385

配列：

GATCTACATT CTTCAAAAAA AAAAATTGGC TTAAGTGTTC CANCTTTAAG TAGCATTTCN 60
CTGCCATTNG TATTGGGCTG AAGAAATCAC TATTGTGTAT 100

配列番号： 5435

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06386

配列：

GATCTTTAAC AGCTCCTTTA CTTGCNCTTT GTAAAAAATA ATAAATTAG NTTGAATTAT 60
TCTACCTTTG TAAA 74

配列番号： 5436

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06387

配列：

GATCCTGCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGCGCC TGGAGCAGCA 60
GAATAAGNTC CTTAAGTTAA AATAAATTAA TTTTTCAAA 100

配列番号： 5437

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06388

配列：

GATCAGAACG TTAACATATG AACCTGCAGA AATCTGGTAA GACTTAAATT CAGTGTGAGG 60
AATAACTCTA GTTCTCTCCT ATGAGCATTG CCTAAAAGCC 100

配列番号： 5438

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06389

配列：

GATCTGCCCCG TATCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACCG GCATGAGTCA CTGCGCCTGG 60
CCGACAAAGG CTTTGATATC AGAATGAACT GTCAAGGGAG 100

【1076】

【配列表986】

配列番号: 5439

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06390

配列:

GATCAGGCTC AGGCGGCCCC ACTCACCAC AGCATCCGCC GCCACCCCTT CGGGTGTGAG 60
CGCTCAATAA AAACAACACA CTATAAAGTG TTTTAAATC 100

配列番号: 5440

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06392

配列:

GATCTTTCCC AAGAGAAGGG GAAGCACTCG TGTGCAACAG ACAAGTGACT GTATCTGTGT 60
AGACTATTTG CTTATTTAAT AAAGACGATT TGTCAATTAT 100

配列番号: 5441

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06393

配列:

GATCTACGCT GCCTCAAGG AAGTGCTGGG TTCGGGCATG CACCACCACC TCCAGAACAA 60
TGAGTACTC CGTGACATCT TTGGCCTGGG CCCTGTGCTG 100

配列番号: 5442

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06394

配列:

GATCCNATCA TTCCTTAAAC ATANTACCCT TNGTCTTGA GTAGAATACT AAGTTAGAGT 60
TAGTGGATT CTAGTTTAGG AGAGGAGCTC AAAACTATAA 100

配列番号: 5443

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06395

配列:

GATCCAGGGC CTCCCCGCCT TCCTTCTTCC TTTTATATA CAATTTGTGA TTGTCAAATA 60
AAAGTAGGAA ATATTCAA 79

配列番号: 5444

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06396

配列:

GATCTTTGTG GCCAAGGAGC TGCTATAGCC TGGGGTGGGG TCATGCCCTC CTGTCCCATT 60
GTCCCTCTGC CCCATCCTNC AGCAGGGAAA ATGCAGCAGG 100

【1077】

【配列表 987】

配列番号： 5445

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06397

配列：

GATCCTTGTC CGTGGCAACC TTAAACGTGT GCTGCAGTGC TGATGTATTT ATAGGCTTAG 60
CATGTCTGCT TTATTAGTTA TCCTGGAAAG AATGCTATTC 100

配列番号： 5446

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06398

配列：

GATCTACAAG TCAGTGCCCT GTATGCTCTC CAGGTGCACT GCTATAACAG CAACTTCCCA 60
AAAGGCATGT TACTTCGCTT TTTTGTGCAC TTCTATGACA 100

配列番号： 5447

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06399

配列：

GATCCTCAGT ATAGCCGGTG AACCTGATA CCAGGAGCCT GGGCCTCCCT GAACCCCTGG 60
CTTCCAGCCA TCTNATCGCC AGCNTCCTCC TGGACCTNTT 100

配列番号： 5448

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06400

配列：

GATCATTGTA ATATATTTAN TTGTATATNA AGCATGACTA CTTTAAGTNT TAAATAAACT 60
GCAATAATCC TTAATA 75

配列番号： 5449

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06401

配列：

GATCAGTGNC TGGCACCAGA CACTTCTGGG GATGGTACAG GGTGTGACAA CATGACCTGC 60
ATCATCATTT GCTTCAAGCC CCGAAACACA GCAGAGCTCC 100

【1078】

【配列表988】

配列番号: 5450
 配列の長さ: 93
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06402
 配列:
 GATCACTGGA ATGTGGGGAT TCTGAAACAG AAATGAAACT GTCCTTTTGA CAACTCTCTT 60
 ATATAATAAA GTATCACCGG CTTGTGTATG AAA 93

配列番号: 5451
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06403
 配列:
 GATCATGCGT TATCTTTATA ATTCAAAAGA ATTTATATAT ATGTAAAGGA GGAGAAAATA 60
 AAAAAAATTA TAATCTTAAA 80

配列番号: 5452
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06404
 配列:
 GATCATNTTG ATAATGCTCG GAATATTTTN AAATGTCCAT TCCGCTGTGT TGATTGAGGA 60
 CGTCCCTTC ACGGAGAAAG ATTTAAGAA TGGCCCCCAG 100

配列番号: 5453
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06405
 配列:
 GATCCTNCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGNCC TGGGGGACCT 60
 CTACGAGGAG NAGATGCGGG ACTGCGCCGG NAGGTGGACC 100

配列番号: 5454
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06407
 配列:
 GATCCTGGAT TCACTCACTC ACTCATTCCT TCACTCATCC AGCCACCTAA AAACATTITAC 60
 TGACCATGTA AA 72

配列番号: 5455
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06408
 配列:
 GATCACGCAC GAAGTGACG AACTGACCCA GATTATCGCC GACGTGTCCC AGGACCCAC 60
 GTTGCCGCGG ACCGAGGACC ACCCGTGCCA AAAGTGCGGC 100

【1079】

【配列表 989】

配列番号： 5456

配列の長さ： 65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06409

配列：

GATCCAACAA GAACATTTCC AAAAGTATCT AGGTGTTCTC AAATAAAAAG CTTTCTTTGC 60
ACAAA 65

配列番号： 5457

配列の長さ： 97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06410

配列：

GATCTGCTAA TGCTTTTATAG GAGTCTGCCT GGAAACTTTG ACATGGTTCTN TGTTTTTACT 60
CAAAATCCAA TAAAACAAGG TAGTTTGGCT GTGCAAA 97

配列番号： 5458

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06411

配列：

GATCCCAGAG AGCANCTTCA GTGACAAACA TATCCTTTCA AGACAGAAAG AGACAGGAGA 60
CATGACTCTT TGCCGGAGGA AAAGCAGCTC AAGAACACAT 100

配列番号： 5459

配列の長さ： 84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06412

配列：

GATCACTTAA ATGATTTTNT GGTGATTCTT GCCATTGCTT TTTTATTTAA AAGAAAATTT 60
TGTAATTAAA TGCCTTTTTC TAAA 84

配列番号： 5460

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06413

配列：

GATCACACCA GAGTACATGT CTCTGCCTCT NTTTTCACTG TGGCTTTGGA CAGGAATATA 60
TGAATAANTC ACTGCCATAC AGGTTTTCCA ATACACAAGT 100

【1080】

【配列表990】

配列番号：5461
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06414
 配列：
 GATCAAAAAT GCAACTGAGA AAATNATGGC TCTTGTGCT GAGCTGTCCA TGAACAAGC 60
 CCTAACCATT GAACTCCAAA AGGAAGTCAG GGAGAAAGAA 100

配列番号：5462
 配列の長さ：71
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06415
 配列：
 GATCCCTAAC TGTTCCCTTA TCIGTTTTCT ACCTCCTCCT TTGTTTAATA AAGGCTGAAG 60
 CTTTTGTAA A 71

配列番号：5463
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06416
 配列：
 GATCACTTAC AAATTTTTTG AATAACACAA AATCTCATTC TACCTGCAGT TTAATTGGAA 60
 AGATGTGTGT GTGAGAGTAT GTATGTGTGT GTGTGTGTGT 100

配列番号：5464
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06417
 配列：
 GATCTTCCCT CTTCTGAACA GCAACTCCCC CCAACTCATA CACTGCCGTT TTCAGGGTAA 60
 GCGGCCCTCA CCCCTAAGTG AAAATGTTAG TGAACATAAG 100

配列番号：5465
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06418
 配列：
 GATCCAGTAC TTGGCAGCCA TAGTTTAGAC AATATTGTTT AGTGTGTGT GTCTTNCATG 60
 TTAACAACAA AACCTTTTAG AGGCCCCACA AATCATNGGT 100

配列番号：5466
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06419
 配列：
 GATCAGCTCG CACAGAGGTT GTCTGCAAGC AGTGTGAAGC TCATCTAGGT CACGTGTTTC 60
 CTGATGGACC TGGGCCCAAT GGTGAGAGGT TTTGCATGAA 100

【1081】

【配列表991】

配列番号: 5467

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06420

配列:

GATCATAGAC ATGATTATAT GTGAGTATCA TTAATCATTG GTTTATAGCA NTTNCTCTTT 60
 ATTCCAATAT TATAATAATC CNCACCTCTAC AATCATAACC 100

配列番号: 5468

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06421

配列:

GATCAACAGT GGCAATGGAG CTGTGGAGGA CAGAAAGCCA AGTGGACTCA ACGGAGAGGC 60
 CAGCAAGTCT CAGGAAATGG TGCATTTGGT GAACAAGGAG 100

配列番号: 5469

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06422

配列:

GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGCAG GTGTGAGCCA CTGTGCTCGG 60
 CCTTATTTAT ATTTTATATA TTGTTGATAT GGTGGAATTT 100

配列番号: 5470

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06423

配列:

GATCAACGTC CTCCATGAGC ATGGNATAGT CCACCGTGAC ATTAAAGGTG CCAATATCTT 60
 CCTTACCTCA TCTGGTTTAA TCAAACCTGG AGATTTTGGA 100

配列番号: 5471

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06424

配列:

GATCCAGAAG AAGTGACCTG AAGTTTCTGT GCAACACTCA CACTAGGCAA TGCCATTTCA 60
 ATGCATTACT AAATGACATT TGTAGTTCCT AGCTCCTCTT 100

【1082】

【配列表992】

配列番号：5472
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06425
 配列：
 GATCAATTTCG ACAGACAGAT GGNGTGTATG CCCCTCCCAN GTTTGACTTC ACACACACTC 60
 ATAACCTTTC AAATGAAGCC CCACAGTATA GCGCATATTT 100

配列番号：5473
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06426
 配列：
 GATCCCTAGG AGCTGNCCTN CTTCCAGCCA NTGCCAGGAA CCAGCACTCC ATGAAGATAA 60
 ACTCTGGGCC CGACCACCAG CAGGNCCTGA CGACCTGAGG 100

配列番号：5474
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06427
 配列：
 GATCACAAT TTTGATATGT GCTATACAGG AAATAAAGTG TTATGATTGA GAATAAA 57

配列番号：5475
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06428
 配列：
 GATCTGAAAT CTTCAGTAGG TTGATGTGGT TTCCTCTGCA GTGATTTTCC TAGGAAGTTC 60
 AAATTTGACA GCGAGTTCAG CTCAGCTGTG GCCCTCTGCC 100

配列番号：5476
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06429
 配列：
 GATCTACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGTCA CCACGCCCGG 60
 CCCTGNTTAT CAATCTTCAA TATTTTGTAT TTTGAGCACT 100

配列番号：5477
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06430
 配列：
 GATCTGGCTG AGGGCTCAGG ACACAGGCCC AGCCACCCCC AGGGGCTCC ACAGNCCGCT 60
 GCATGACAGC NATACAGTAC TTAAGTGTCT GTNTAGACAA 100

【1083】

【配列表993】

配列番号：5478

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06431

配列：

GATCCTGAAC CAAATTTATA GCAATATAAT TAGTGTITNT CTAAGGCATT ACTCATCAA 60
 AAAATTGCTG CAGTCTTTAC AGTTGAATAA ATAAAAACAA 100

配列番号：5479

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06432

配列：

GATCACCACC TGTAGAACT GTTCTTCCTC TGTGAACTA ACGGCCTGCT GGTAAATAAA 60
 GTAGCTACCA TTTCTTGAAA 80

配列番号：5480

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06433

配列：

GATCACTCAT TGCTAATTT GTCTGTACA GCTTATGTAA TATTTNNATG GTGGAGACGG 60
 ACTCTGTGTG CTCAGGGCCT TGTCTCTAGG AAGATTTTGT 100

配列番号：5481

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06434

配列：

GATCAACTGA TAAGTTGCCT TATGTCACCA TGGGTTCTGG CTCCTTGCCA GCAATGGCTG 60
 TATTTAAAGA TAAGTTTAGG CCAGACATGG AGGAGGAGGA 100

配列番号：5482

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06435

配列：

GATCTGTAGT AAACAATGGT GATTTTATTT ATTTTNACTC TCTGAAAAAG GAGATAATAC 60
 AATTCCAGAA AGTGAATCA TATTTCTAAG GTTAAGATTC 100

配列番号：5483

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06436

配列：

GATCAAATAG TTGCATAGCA GTATATGTNA ATTTGTGTGT TTTTAGCTGT GACACAGCTG 60
 TGTGATTAAG AGGTATACTT TAGTAGACAT TTATAACTCA 100

【1084】

【配列表994】

配列番号: 5484

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06437

配列:

GATCCTCACC NCTTGAATT AAAATNCTTG TTCACTCAGG CAAGCCTACA GTTTGCAACC 60
AAGTCTAGGG TTTCTGTAA TCAANGNCGT TTTTTCANTT 100

配列番号: 5485

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06438

配列:

GATCTGCTGG ACATCATGCC CCATGTCATA GAGAATAAAG CTGATGATTG TACCAGTAAA 60

配列番号: 5486

配列の長さ: 91

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06439

配列:

GATCATACCN ATAAAAATAA TNCCAAACAC CAAATATGAA TTTTATGAAT GTACACTTTG 60
TGCTTNACAT TAAAAGAAAN AAACACACAA A 91

配列番号: 5487

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06440

配列:

GATCGTCGCC TGCTGGCTAA GACCAGGGAG CTAAAACTT NAGGAAGGGA ACCTGCCTGG 60
TTGGNTGCTA CTTCTGATTC ATTGTCTTN TCCCTNTCAT 100

配列番号: 5488

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06441

配列:

GATCTTATGT TTAAAGAGAT TCTGTTATTA GCACCATGAA CTCGTACTAT GAAATNTTTA 60
AGCCTTTTAT TTTTCTAACT ATATTACTGT AGGACTGGAT 100

配列番号: 5489

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06442

配列:

GATCCGCAGC AGAAGCTCTT CCCTTCTGTA TCCTATGTAT GCAGTGTGCT TTTNCTTGCC 60
AGCTTGGGGC ATTCTTGCTT AGACAGTCAG CATTGTCTC 100

【1085】

【配列表 995】

配列番号： 5490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06443

配列：

GATCCCAGGG AAATATCAGC CTTGGGCAAC TGCAGTGACC AGGGGCACCG GCTGCCCACA 60
GGGAACACAT TCCTTTGCTG GGGTTCAGCG CCTCTNCTGG 100

配列番号： 5491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06444

配列：

GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCCTGAT TGAAGGCTTT GCCACATGCT GGAAGGCCCC 60
CTCCCAGGAA GATGGGGGTC ATTAAAGGAA ACTNAACATT 100

配列番号： 5492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06445

配列：

GATCACCTGA ACAATCTAGA TGTGGACAAA ACCATTGGGA CCTAGTTTAT TATTTGGTTA 60
TTGATAAAGC AAAGCTAACT GTGTGTTTAG AAGGCACTGT 100

配列番号： 5493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06446

配列：

GATCTNAGAA AANGCACCAC GTNAGCTTAC TAANTNATAA TATCTGTTTC TACTACGGAT 60
TTAGGCAACA GGACCTGTAC ATTGTCACAT TGCATTATTT 100

配列番号： 5494

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06447

配列：

GATCGGGGTC CATGGGCCCA CCACCCCTG CAAGGAGGTC TCCATGAAGC ATGTAGGCAA 60
CCAGCAATAC AACGTCACAT ACGTCGTCAA GGAGAGGGGC 100

【1086】

【配列表996】

配列番号: 5495
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06448
 配列:
 GATCCATTAA TCTGCTAATT GGTTGCCTAT GAAATCACAT TGTITGTTAT NAAAGCTTTT 60
 TACCATAAAA 69

配列番号: 5496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06449
 配列:
 GATCTAGTAA AGTGTITTAG AACCCCTTTT TATCCCATGC ACCATTCACT AAACATAAAA 60
 ATCACAATTG TGCTAATGTC ATTGGAAGT TCAAAATAAA 100

配列番号: 5497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06450
 配列:
 GATCATTGCA TGAATAGAAT CAAGGAGCTC ACTCAGAGTG AACITNAATT ATNACTTTNN 60
 AGGCTCATTT GTACTCTCTT CCCCTCTCAT CGTCATGGTC 100

配列番号: 5498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06451
 配列:
 GATCTGAAGG GAGAAGGTGA TATTCATGAA AATGTGGACA CAGACTTGCC AGGCAGCCTG 60
 GGGCAGAGTG AAGAGAAGCC CGTGCTGCT GCGNCTGTGC 100

配列番号: 5499
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06452
 配列:
 GATCCTGGHA CATTTCATAA GCTTGGGTAA AAAAATTTT TGTATNNTC CATGCACAAT 60
 AAGGGAAATG TTTTAATTGG CTTTNGCCT CCTGCTTTAC 100

配列番号: 5500
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06453
 配列:
 GATCACTTGA GCCCAGTTG AGGTTGAGGC TGCAGTGAAC TATNATTGTA CCACTGCCACT 60
 TCAGCCTGGG CAACAAAGGA AGACCCCACT TCTGGGAAA 99

【1087】

【配列表 997】

配列番号： 5501

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06454

配列：

GATCCCTGCA TTNCCTGAAG ATNTTTAAAC GTGAGAGTNT GGTAGGCAAA GCAGTCTGAG 60
AAAGAAATAG GAAATGCAGA AATAGGTTTT TTTTGGTTGC 100

配列番号： 5502

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06455

配列：

GATCCAGTGG ACAAAGAGG GGAAGCTATG GGAGTTCCCA ATTAACAATG AAGCAGGTTT 60
TGATGATGAT GGTTCAGANT TTCATGAACA TATATTTNTG 100

配列番号： 5503

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06456

配列：

GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGNGAACC CCCTTCGGTG NTTGTAACC 60
CTCCCTNTAA GGTGAAGCCC TTTNCTTGC TAAAACCGGN 100

配列番号： 5504

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06457

配列：

GATCCTGGGG GTCGTGGCTA CCCCCTCCTC GTGGCCGNNC TCCTTGCTGC TCCTGTCAAT 60
AGTGAGCTTG TGCCGTCCCN CTAGGATGGG GGCATGGCCN 100

配列番号： 5505

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06458

配列：

GATCACCTAT CCCCTGTTTC AACAATGAAT AAGGAACAGC AAATNTTTGA GACGTGCCCT 60
GAAACTGAAC AGACATGCAC TCTCCAGTGA CTCCCCAGCA 100

配列番号： 5506

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06459

配列：

GATCCACCAC AGGGTTAGGG GACAGGAAGC CTGTTCTATT CTCAATAAAT CTTACAAAAT 60
TCCAAA 66

【1088】

【配列表998】

配列番号：5507
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06460
 配列：
 GATCATTATT TCCATTCTTA ATGTGAAAAA AAGTAATTAT TTATACTTAT TATAAAAAAGT 60
 ATTTGAAATT TGCACATTTA ATTGTCCCTA ATAGAAAGCC 100

配列番号：5508
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06461
 配列：
 GATCTAGACA TGCCTTAGGT AACTGCAGAA ATAGCAAATT AAATNATTAA TGAGCTTATT 60
 AGTCATAGTA AACATACAGA TTCCTANTTC TATGACAGTG 100

配列番号：5509
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06462
 配列：
 GATCACATTT CTGGGAAGAT GAGANCTNNT TTCCAGACCA GCATCCAGTG GCCATCAGGT 60
 CTTGTGCCCC AAAGGCTATG CTTGCCTCCG GCTGAGTGCC 100

配列番号：5510
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06463
 配列：
 GATCTCCTGG GACTCCGAGC AAGGCCTGCA CGAGAGAGGG CTGAAAGGCT GCTGGGGCTG 60
 CCACCTCGCT ATTCCCGCAT AAGCATCTGC CCCCACCCC 100

配列番号：5511
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06464
 配列：
 GATCAGTTGT ACTAGAGGAA CATCATAGAA GAGAAAAATC CAACTCTTTA TATTA AAAAT 60
 NAATACAATA AGAAAATTGC AAA 83

【1089】

【配列表 999】

配列番号： 5512
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06465

配列：
GATCTGCAAG CCCTGCTGTA CAAGAAAATC ATTAAGGAAC ATTTGGAGAG TTAGCTACTA 60
GCTGCCTAAG TGTGCACTTT CAATCTAACT GTGAAAGAAT 100

配列番号： 5513
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06466

配列：
GATCCACCCA CCTTGGCCCT CCAAGGTGCT GGGATTGCAT GCATGAGCCA CTGCACCCAG 60
CCAAGATACA TTGTTGACGT GAAAAAAAAA TTTCAAGATA 100

配列番号： 5514
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06467

配列：
GATCAGCTGA GGNCAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGNCAAC ACGGTGAANC CTATTCTCTA 60
CTAAAAATGC AAAAATTAGC CGGGCGTGGC GGCACATGCC 100

配列番号： 5515
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06468

配列：
GATCAGATGG CTTAGAGAAA TTNCTGGAAT ATTACATTG GAAGATTCTT TATTAATKAA 60
TGTCTTTTAC TTAAATCTAA CCAAAAACTG CAACATTATT 100

配列番号： 5516
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06469

配列：
GATCTGCTGA AACTNGCTAA ACGNCTCAAG AAGGAGAAAAG TTAATNTTGA CATTATCAAT 60
TTTNGGGAAG AGGAGGTGAA CNCAGAAAAA CTGACAGCCT 100

配列番号： 5517
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06470

配列：
GATCACAGTG GGCAGCCGGC ACCCNGCACC ACTTTGGCGA GCGTCCTGCT TCCGNCCTCG 60
CCCTCATCTA CGCTGCTCCG CTTTCCTCAG ACCCTTTTTT 100

【1090】

【配列表1000】

配列番号：5518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06471

配列：

GATCAGTTGG GTGCACGAGT GGGTTACATC GAACTGGATT ATAGGAAGCT TATAACAAGA 60
ATGGAAGATT CTAAATAAC TCACTTTCTT TGGNATCCAG 100

配列番号：5519

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06472

配列：

GATCACATTN GATNAAAGAG CAAAACCTGT TAAGTCCAAA ATAAATTCTT ACTGTTTATA 60
TCCTAAA 67

配列番号：5520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06473

配列：

GATCCACAGA AGGTCCTGGT GGTATTTGTA ACTTTTTGCA AGGCATTTTT TTATATATAT 60
TNTTNTGCAC ATTNTTTTTT ACGTTTCTTT AGAAAACAAA 100

配列番号：5521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06474

配列：

GATCCAGGCT CAGAACTTCT TCTCCAGCTT CACCCTGATG AAGCTGAGGC ACTCCTCCGC 60
TCTGGGTGGG GCCAGCCTAG GGGCCAGGCA CATCGGGCAC 100

配列番号：5522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06475

配列：

GATCAGCTAC ATAAACGGCC TGAGTGCTGT TTTAAACAGG ATTGGGTGAT GGTACAACAT 60
GACTTTTAA GATAATCAAG TAGTAAAAGT TTCTAGTGGA 100

【1091】

【配列表1001】

配列番号: 5523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06476

配列:

GATCCCAACA TTTTGGCAG TGAGCATTAC GATGTTANCC GTGGGGTGCA AAANATCTGA 60
 ATAAAAATTTA CAAAAGGAGA ATTCAGACAG ACCAACCTGG 100

配列番号: 5524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06477

配列:

GATCCCATAA AGCTACGAGG GGGACGGGAG AGGGCAGTGC AATGGGAAGT AAAGAGATAT 60
 TTTCCAGTAG GAAAAGCAAT GCTTCTNGT CTTTAGACTC 100

配列番号: 5525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06478

配列:

GATCAGCTCA CACCCAGTCT CTCACAAGTN TTCATTCCAT AAAAGTGGTT GACTAAAAGTG 60
 AATATGTCCA TAGTGGGGTC TTTTAATCCC TCTGGTCTTA 100

配列番号: 5526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06481

配列:

GATCAITGTG AAGGCAGGGG AATGTATGTG CACATCTGTT TTGTAACGTG TTAGATGAAT 60
 GTCAGTTGTT ATTNATTGAA ATNATTTTAC AGTGTGTGGT. 100

配列番号: 5527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06482

配列:

GATCCGGAAG CGAATTCATC TCCGAGCTGA GGATNCCTTG TTTTNTTTG TCAACAATGT 60
 CATTCCACCC ACCAGTCCCA CAATGGGTCA GCTGTACCAG 100

配列番号: 5528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06483

配列:

GATCTTTCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCCTT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
 CNATCCCTCC CCAGTTCATT GCACTTTGAT TAGCAGCGGA 100

【1092】

【配列表1002】

配列番号： 5529

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06484

配列：

GATCTAGAAA GCCCTAAGCT CTCACCACTG GCTACCTTGA GCCTCTACAG AATNAGGAAG 60
TAAAGTCTAA GGCAGTTAAA 80

配列番号： 5530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06485

配列：

GATCGCANCT CCGAAGACGG AGAGGAGGGA AATGGGGCCC TTTCCCCTCT ATTGCATCCC 60
CCTGCCCCGNC TCCTTCCCCG CACCCACGTG CCCTAGATTC 100

配列番号： 5531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06486

配列：

GATCATTGTA TATNACACAC ATGTATCAAA GTATCACATG TACTCCAAAT GTTTGTACAA 60
CTATNATATA TCATTAAAAA AATACAAANT AAAAAATGTA 100

配列番号： 5532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06487

配列：

GATCCAGTGT GCAGAAGAGC CAGCAGGGAA CCGGAAGCTC TNATGTCAAG GCCAGAGCAG 60
TTGAGANTGG GNCCCAGAGT AGATGCTGAC CTGGGCACTC 100

配列番号： 5533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06488

配列：

GATCACGGCT CTTTTTAAGC CCTGGCAGCA TTTTGGTCCC TGCTCCTTGC CCATAGTAAA 60
ACAGCTTGAA ATATCCCATG CAAGAGAGTA GTTTCAGTG 100

【1093】

【配列表1003】

配列番号: 5534

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06489

配列:

GATCACCAGT GGGCACTAGA TGATGTNGAA GAAGAGCTCA TGGCCAAANA CCTCCACTTC 60
 GAAGGCATGT TCAAAAAGGA ATTACAGACC TCTATTTTTT 100

配列番号: 5535

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06490

配列:

GATCAAAAAA TTCAATTTC TACAAGTTCT NCTATCTGAA ATAAATAACA GACTCATTTC 60
 TGACAATAAA 70

配列番号: 5536

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06491

配列:

GATCANGNTA GTGGTGCTG TCAGCTGTCT AAGAGGTTGG AGAATNAACT ACTCAAGATA 60
 GTCACGAAAA NACTGAAAGT TTNATTTTCC TTTCCATATT 100

配列番号: 5537

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06492

配列:

GATCCCAGTT ATCCTTGNAT CCATGTAATT TCAGATGAAT TATTAAGCAA ACATTTTAAA 60
 GTGAATTCAT TATTAATAAC TATTCATTTT TTTCCTTTGG 100

配列番号: 5538

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06493

配列:

GATCCAGAAT AACTTCTCCC ACTCATATCT NCAGTTCACC NAATGAAATN AATGGATAGC 60
 AAGAGCCCN TGTTCACG ACTTTAAGGC AAAATATTAA 100

配列番号: 5539

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06496

配列:

GATCCTTTTA TAAATTTAAA AAATT7AATG TTAATAAAGC GAGGTGTAAT TGTAAG 56

【1094】

【配列表1004】

配列番号：5540
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06498
 配列：
 GATCCGNGAA AGGCTGAAAG GCCAGGAAGA CAGCCTAGCC TCTNCAGTGG ATGCTGCCAC 60
 CGNACAAAAG ACCTGTNACT CCGACTGAGG CATGNCCTGC 100

配列番号：5541
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06499
 配列：
 GATCCTGGAT NTAGAAGAGG TNACATTGCA CAATGTTTGA ATAAGGAAAC TATTGAAAAG 60
 TTTTCCAAG CTGACATTGC AGAAAATGCT TTGNAAAATT 100

配列番号：5542
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06500
 配列：
 GATCCCGNCC ACTCAGAAAA GCGGAGAAGG CTTTGTGATT TTTTACATGA ATCAAACACA 60
 GAAACAACCTT TTGGAGAAAT TAAATNCTGA GTGTGAAA 98

配列番号：5543
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06501
 配列：
 GATCTTCTTC ACACCAAGCT CTGTTTACAT TCCGAGAGTT GTCATGAAGA AAGTNCNTNT 60
 CAATAAGNTT TTGGAATGTT AAA 83

配列番号：5544
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06502
 配列：
 GATCAGGACA CGAGGAAGAG TAAATGTGAG ACAGTCAATG TGACTTCTGC GATAAACAGA 60
 TTTTAAACC CCGAAATTTT GCAAAATTTT GGTGAACCTG 100

配列番号：5545
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06503
 配列：
 GATCATCTCC CCTGGCAACG TGACTCTGTT TTTTGTGTGT GTTTCATGC TGACTAGTCC 60
 CCTACTGTTA ATATCACTAC TAATTAGGCT ATAACCAGGT 100

【1095】

【配列表1005】

配列番号： 5546
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06504

配列：
GATCTGTCCA GGGAGGTGGC TGAAGAGTGG GCATCTCCCT TAGGGACTCT ACTCAGCACT 60
CCATTCTGTG CCACCTGTGG GGTCTTCTGT CCTAGATTCT 100

配列番号： 5547
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06505

配列：
GATCTTTGCT TCCTTNCAT TATGTTTGTA CACAACACCT AAAACCAGTT TTGCTGCTAT 60
ANTTCTATAC TGTTGATTGG TCTGCNANNT ATCTGTAACC 100

配列番号： 5548
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06506

配列：
GATCCAAACC AAAGACTGTA GAACCCTGGG GTGTGGCTAA CTGGCCCNIN CNGCACCCGT 60
AGCCAGGTCT TCCTGGCCCT TNAGGCTGGG CTGGCGGACA 100

配列番号： 5549
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06507

配列：
GATCCCATAC CAGAAGATGA GAAAAAGAA TAAGTGTTC CTTGTTTTGT GTGTTCTAAA 60
TACTTTTTNT AATGAAAAAA TGNTTTTNG TTTTAAA 97

配列番号： 5550
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06508

配列：
GATCATCTAA ACTAAGTCCA GCTGCCTAAT TCTAGATATA TATATATATA TAGAGNTCCA 60
CCATAAA 67

【1096】

【配列表1006】

配列番号: 5551
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06509
 配列:
 GATCTTGGGA AGTATTCCCA AGGAAAACAG TCCTGGGCAC AGTCTCCAAA ATAAATTCTN 60
 AATTTTGGGA AA 72

配列番号: 5552
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06510
 配列:
 GATCCCATGG CTTTCITTAC TGGGCTCTGG GGCCCTTCA CCTGTGTAAG CAGAGTGCTG 60
 AGCCATCACT GTTTCAGCAC CACTGGGAGT CTGAGTGCGA 100

配列番号: 5553
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06511
 配列:
 GATCTTAAGT NTCTTCACTG ATTTAAAAAG CTAATCAATT TATTAAAGCC AGAATGTNC 60
 TCCTCTGGGA AAGCAATTC TATCTATTTA TCTACCAATC 100

配列番号: 5554
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06512
 配列:
 GATCAAGGAA CTTGTGCCTG TCTATAGATT TTATTTCCCC TGTACAAATA AACTTGGCTG 60
 CAATCCCAAA 70

配列番号: 5555
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06513
 配列:
 GATCTTGCAA GACTAAAATT GGCCATTAAG TACCGTCAAA AAGAGTTTGT TGCCCAGCCC 60
 AATTGTCAAC AGCTGCTGGC ATCTCGCTGG TACGATGAGT 100

配列番号: 5556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06514
 配列:
 GATCAACAAT NAGCATCAAA TCTATGGCTC CTGGCTCCAG CANCAAGACC CAAGAAGACA 60
 GGANGAGAAG CANGAAGTGA GACTGGAGGG AAAGGGAGCT 100

【1097】

【配列表 1007】

配列番号： 5557
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06515
 配列：
 GATCATTCTT TTATAGAGCA TATTTGCCAA TAAAGCTTTT GGAAGCCGGA AA 52

配列番号： 5558
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06516
 配列：
 GATCTAACTT TGCACCTCTT GATAATAATG TTTTAGATAA TGTGCGTAAT CCAAATTGGT 60
 ATTGTAGCCT CTGTTAACAC AGACAGTATA TGTTTTAAAC 100

配列番号： 5559
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06517
 配列：
 GATCCGGGGN AGCTGTATCC CCAGTAGAAA AAACATTTTA ATCACTCTAA TATAACTCTG 60
 GATGAAACAC ACCTTTTTTT TTAATAAGAA AAGAGAATTA 100

配列番号： 5560
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06518
 配列：
 GATCTTTTGA CGNNTATANA AATGTACTAA TGTNATAAGT TAATGCTGGN CATTTTCATT 60
 ATATATATTT TTAAGAGGCT AGAGGCTTTT AGCTTTTTAA 100

配列番号： 5561
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06519
 配列：
 GATCTTTTCAT TCTCATGCAG ATATTTCTAT TGTGGGCTTA TACATTTGNT CACCTATTGT 60
 TGATGGNACT TGNCACTTTC CATTTTGGCG CTATTACAAN 100

配列番号： 5562
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06520
 配列：
 GATCAGTTAT GAAGAAGGGA AAGCTTTGGC AGAATCTTGG AATGCAGCTT TTTTGAATC 60
 TNCTGCTAAA GAAATCAGA CTGCTGTGGA TGTTTTTCGA 100

【1098】

【図 7 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1048	0001177	1047	288	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1049	0001178	1048	288	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1050	0001179	1049	287	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1051	0001180	1050	289	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
1052	0001181	1051	287	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1053	0001182	1052	286	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1054	0001183	1053	286	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1055	0001184	1054	301	6	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	1							
1056	0001186	1055	285	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1057	0001187	1056	283	5	0	0	2	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1058	0001188	1057	283	4	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1059	0001189	1058	287	13	0	0	1	0	0	0	0	1	3	0	1	0	0	4	0	2	0	1	0	0	0						
1060	0001191	1059	281	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1061	0001192	1060	226	7	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0							
1062	0001193	1061	277	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1063	0001194	1062	277	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1064	0001195	1063	277	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0
1065	0001196	1064	277	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0							
1066	0001197	1065	103	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1067	0001198	1066	291	8	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0
1068	0001199	1067	276	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1069	0001200	1068	276	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1070	0001201	1069	276	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図 7 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1071	0001202	1070	276	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	MC2011	94.6	276	1	1931	2206	
1072	0001203	1071	275	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1073	0001204	1072	274	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1074	0001205	1073	274	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1075	0001207	1074	269	3	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1076	0001208	1075	269	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1077	0001209	1076	269	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1078	0001210	1077	268	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1079	0001211	1078	267	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1080	0001212	1079	266	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1081	0001213	1080	266	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1082	0001214	1081	265	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1083	0001215	1082	265	6	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	2	0	0						
1084	0001216	1083	268	5	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	MC3425	97.3	262	1	2900	3160
1085	0001217	1084	323	6	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0						
1086	0001218	1085	263	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1087	0001219	1086	262	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1088	0001220	1087	260	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1089	0001221	1088	260	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1090	0001222	1089	259	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
1091	0001223	1090	325	8	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	MC3199	95.4	65	#	8	1760
1092	0001224	1091	259	7	0	0	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
1093	0001225	1092	258	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 7 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1094	0001226	1093	342	3	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1095	0001227	1094	260	15	0	0	1	2	0	1	0	1	0	2	3	0	0	0	0	1	0	1	0	3						
1096	0001228	1095	256	9	0	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2							
1097	0001229	1096	254	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06234	96.1	230	25	182	418
1098	0001230	1097	254	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1099	0001231	1098	253	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1100	0001232	1099	252	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1101	0001233	1100	251	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1102	0001235	1101	250	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1103	0001236	1102	248	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M63483	96.8	247	1	975	1328
1104	0001237	1103	248	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1105	0001238	1104	246	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1106	0001239	1105	315	5	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1107	0001240	1106	245	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1108	0001241	1107	245	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1109	0001242	1108	245	5	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
1110	0001243	1109	247	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1111	0001244	1110	266	18	0	0	3	1	0	0	0	0	0	2	2	0	3	2	2	0	0	2	1	0	X13585	93.5	262	1	254	518
1112	0001245	1111	241	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1113	0001246	1112	240	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1114	0001247	1113	240	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1115	0001248	1114	240	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1116	0001249	1115	240	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1117	0001250	1116	239	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1118	0001251	1117	239	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1119	0001252	1118	238	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1120	0001253	1119	238	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1121	0001254	1120	237	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1122	0001256	1121	268	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	2	0	0	J05016	92.5	267	1	1912	2865
1123	0001257	1122	236	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M37712	94.1	237	1	1486	3863
1124	0001258	1123	235	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1125	0001259	1124	235	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1126	0001260	1125	234	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1127	0001261	1126	234	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13638	94.5	235	1	3809	5167
1128	0001262	1127	233	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1129	0001263	1128	233	4	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M60346	92.4	172	1	2288	2457
1130	0001264	1129	237	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
1131	0001265	1130	234	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1132	0001266	1131	232	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1133	0001267	1132	234	6	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	X02490	99.5	215	1	354	568
1134	0001268	1133	238	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0						
1135	0001269	1134	231	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1136	0001270	1135	230	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1137	0001272	1136	229	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1138	0001273	1137	229	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M16328	97.8	223	1	2365	2587
1139	0001274	1138	227	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 7 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1140	0001276	1139	227	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1141	0001277	1140	227	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1142	0001278	1141	227	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
1143	0001279	1142	226	5	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0							
1144	0001280	1143	225	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1145	0001281	1144	224	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1146	0001282	1145	223	4	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	I09604	92	199	1	748	945
1147	0001283	1146	222	7	0	0	2	1	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1M30448	99	222	1	659	2527	
1148	0001284	1147	432	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1149	0001285	1148	220	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
1150	0001286	1149	219	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1151	0001287	1150	219	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1152	0001288	1151	219	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1153	0001289	1152	219	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1154	0001290	1153	218	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1155	0001291	1154	218	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1156	0001292	1155	218	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	D10924	100	218	1	1440	1664
1157	0001293	1156	217	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1158	0001294	1157	217	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1159	0001295	1158	124	3	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1160	0001296	1159	215	6	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
1161	0001297	1160	299	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1162	0001298	1161	214	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						

【図 7 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1163	0001299	1162	214	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1164	0001300	1163	214	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1165	0001301	1164	214	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
1166	0001302	1165	213	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1167	0001303	1166	213	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1168	0001304	1167	212	5	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M37033	100	209	1	1272	1480	
1169	0001305	1168	212	20	0	0	2	1	0	1	3	0	0	1	1	0	0	1	3	1	3	0	0	3						
1170	0001306	1169	211	3	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
1171	0001307	1170	210	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
1172	0001308	1171	210	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1173	0001309	1172	209	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1174	0001310	1173	209	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1175	0001311	1174	207	4	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1176	0001312	1175	207	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1177	0001313	1176	206	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1178	0001314	1177	213	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1179	0001315	1178	215	8	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0	1	0	0	1						
1180	0001316	1179	349	5	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0						
1181	0001317	1180	205	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1182	0001318	1181	205	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
1183	0001319	1182	204	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1184	0001320	1183	204	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1185	0001321	1184	203	13	0	0	3	2	1	2	0	1	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0						

【図 7 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1186	0001322	1185	203	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1187	0001323	1186	203	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1188	0001324	1187	202	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1189	0001325	1188	211	10	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	1	0	2	1	0	2	0							
1190	0001326	1189	199	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1191	0001327	1190	199	4	0	0	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1192	0001328	1191	199	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1193	0001329	1192	197	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1194	0001330	1193	145	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1195	0001331	1194	197	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1196	0001332	1195	196	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1197	0001333	1196	196	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1198	0001334	1197	195	4	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1199	0001335	1198	193	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1200	0001336	1199	192	4	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1201	0001337	1200	189	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1202	0001338	1201	189	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1203	0001339	1202	188	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1204	0001340	1203	187	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1205	0001341	1204	187	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1206	0001342	1205	186	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1207	0001343	1206	186	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1208	0001344	1207	186	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1209	0001345	1208	184	4	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1210	0001346	1209	183	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1211	0001347	1210	183	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
1212	0001348	1211	183	11	0	0	2	0	0	0	1	1	0	0	1	2	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1213	0001349	1212	183	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1214	0001350	1213	183	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1215	0001351	1214	183	4	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1216	0001352	1215	182	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1217	0001353	1216	182	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1218	0001354	1217	180	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1219	0001355	1218	180	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1220	0001356	1219	180	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1221	0001357	1220	179	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1222	0001358	1221	179	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1223	0001359	1222	178	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
1224	0001360	1223	178	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1225	0001361	1224	176	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1226	0001362	1225	176	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1227	0001363	1226	175	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1228	0001364	1227	174	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1229	0001365	1228	174	3	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1230	0001366	1229	173	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1231	0001367	1230	215	8	0	0	3	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0

【図 8 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1232	0001368	1231	173	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1233	0001369	1232	179	5	0	0	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1234	0001370	1233	172	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1235	0001371	1234	172	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1236	0001372	1235	175	4	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X06233	9L	58	1	405	462	
1237	0001373	1236	317	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
1238	0001374	1237	171	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1239	0001375	1238	170	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1240	0001377	1239	169	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1241	0001378	1240	170	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1242	0001379	1241	168	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1243	0001380	1242	167	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1244	0001381	1243	167	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1245	0001382	1244	167	4	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1246	0001383	1245	167	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1247	0001384	1246	171	11	0	0	1	1	0	0	0	2	2	0	1	0	0	1	1	2	0	0	0	0							
1248	0001385	1247	166	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1249	0001386	1248	165	3	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M86667	100	124	41	1287	1560	
1250	0001387	1249	165	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1251	0001388	1250	166	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	I10342	99	163	1	2	2225	
1252	0001389	1251	164	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1253	0001390	1252	163	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0							
1254	0001391	1253	163	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【图 8 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1255	0001392	1254	162	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03342	91	161	1	67	505
1256	0001393	1255	163	3	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1257	0001394	1256	160	10	0	0	4	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	1	0	0	0	0	1	0						
1258	0001395	1257	160	6	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
1259	0001396	1258	159	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1260	0001397	1259	159	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1261	0001398	1260	159	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1262	0001400	1261	158	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1263	0001401	1262	158	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1264	0001402	1263	157	7	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	1	0	0	0						
1265	0001403	1264	157	6	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1						
1266	0001404	1265	160	14	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	1	2	2	3	0	X03651	96	159	1	1551	2577
1267	0001405	1266	156	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1268	0001406	1267	155	4	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1269	0001407	1268	155	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1270	0001408	1269	155	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1271	0001409	1270	158	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1						
1272	0001410	1271	155	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1273	0001411	1272	154	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1274	0001412	1273	154	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1275	0001413	1274	153	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S41733	99	119	1	1634	1752
1276	0001414	1275	163	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1277	0001415	1276	153	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【图 8 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1278	0001416	1277	152	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1279	0001417	1278	152	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1280	0001418	1279	151	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1281	0001419	1280	151	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1282	0001420	1281	150	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1283	0001421	1282	149	3	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1284	0001422	1283	151	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1285	0001423	1284	149	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1286	0001424	1285	254	10	0	0	2	5	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
1287	0001426	1286	148	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1288	0001427	1287	148	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1289	0001428	1288	147	4	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
1290	0001429	1289	147	3	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1291	0001430	1290	147	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1292	0001431	1291	147	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1293	0001432	1292	146	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1294	0001433	1293	146	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1295	0001434	1294	145	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1296	0001435	1295	171	6	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	1	0	1	0						
1297	0001436	1296	145	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1298	0001437	1297	145	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1299	0001438	1298	145	3	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1300	0001439	1299	145	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【图 8 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1301	0001440	1300	145	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
1302	0001441	1301	144	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X55188	99	92	1	10	1560
1303	0001442	1302	144	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1304	0001443	1303	372	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1305	0001444	1304	145	3	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1306	0001445	1305	141	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1307	0001446	1306	141	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1308	0001447	1307	140	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1309	0001448	1308	140	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1310	0001449	1309	140	7	0	0	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2						
1311	0001450	1310	139	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1312	0001451	1311	138	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1313	0001452	1312	137	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2						
1314	0001453	1313	136	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1315	0001454	1314	136	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1316	0001455	1315	136	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1317	0001456	1316	136	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1318	0001457	1317	135	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1319	0001458	1318	135	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1320	0001459	1319	135	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1321	0001460	1320	139	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1322	0001461	1321	134	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1323	0001462	1322	237	5	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						

【図 85】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1324	0001463	1323	134	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1325	0001464	1324	133	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1326	0001466	1325	132	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1327	0001467	1326	130	4	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1328	0001468	1327	130	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1329	0001469	1328	129	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1330	0001470	1329	128	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
1331	0001471	1330	128	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1332	0001472	1331	128	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1333	0001473	1332	129	6	0	0	2	2	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1334	0001474	1333	127	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1335	0001475	1334	127	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
1336	0001476	1335	126	8	0	0	4	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1337	0001477	1336	126	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
1338	0001478	1337	125	3	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1339	0001479	1338	125	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1340	0001481	1339	124	3	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1341	0001482	1340	124	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1342	0001483	1341	129	7	0	0	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0							
1343	0001484	1342	122	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1344	0001485	1343	122	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1345	0001486	1344	121	3	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1346	0001487	1345	120	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1347	0001488	1346	119	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
1348	0001489	1347	119	3	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1349	0001490	1348	322	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
1350	0001491	1349	118	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1351	0001492	1350	118	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1352	0001493	1351	118	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1353	0001494	1352	118	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1354	0001495	1353	117	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1355	0001496	1354	119	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1356	0001497	1355	116	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1357	0001498	1356	116	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1358	0001499	1357	115	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1359	0001500	1358	118	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1360	0001501	1359	192	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0							
1361	0001502	1360	115	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1362	0001503	1361	128	8	0	0	1	2	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0							
1363	0001505	1362	113	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1364	0001506	1363	113	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1365	0001507	1364	397	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1366	0001508	1365	112	12	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	6	1	0	0	0	0	0	0	0
1367	0001509	1366	112	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1368	0001510	1367	112	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1369	0001511	1368	112	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図 87】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1370	0001512	1369	112	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1371	0001513	1370	111	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1372	0001514	1371	111	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1373	0001515	1372	111	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M73554	94	110	1	3448	4221
1374	0001516	1373	110	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2							
1375	0001517	1374	109	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1376	0001518	1375	109	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1377	0001519	1376	236	3	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1378	0001520	1377	108	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1379	0001521	1378	107	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1380	0001522	1379	107	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1381	0001523	1380	107	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1382	0001524	1381	337	5	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	SS4711	97	231	62	1	229
1383	0001525	1382	107	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1384	0001526	1383	106	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1385	0001527	1384	106	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1386	0001528	1385	117	10	0	0	2	3	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	1	0	0	1	0						
1387	0001529	1386	105	6	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
1388	0001530	1387	105	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1389	0001531	1388	105	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1390	0001532	1389	105	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1391	0001533	1390	332	15	0	0	1	2	0	0	0	1	0	2	2	1	1	1	0	1	0	0	2	1	304182	98	105	1	2333	2455
1392	0001534	1391	157	7	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	2	0	1	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
1393	0001535	1392	103	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1394	0001537	1393	283	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1395	0001538	1394	103	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1396	0001539	1395	104	10	0	0	1	3	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	1	0						
1397	0001540	1396	102	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1398	0001541	1397	378	4	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1399	0001542	1398	102	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06816	90	101	1	147	515
1400	0001543	1399	102	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1401	0001544	1400	101	4	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1402	0001545	1401	101	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1403	0001546	1402	101	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1404	0001547	1403	100	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1405	0001548	1404	100	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1406	0001549	1405	98	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1407	0001550	1406	98	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
1408	0001551	1407	98	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1409	0001552	1408	98	5	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
1410	0001553	1409	104	5	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1411	0001554	1410	94	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1412	0001555	1411	92	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M95767	98	89	1	1208	1618
1413	0001556	1412	92	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1414	0001557	1413	91	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1415	0001558	1414	90	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 8 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1416	0001560	1415	90	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
1417	0001561	1416	87	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1418	0001562	1417	85	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1419	0001563	1418	85	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1420	0001564	1419	84	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1421	0001565	1420	84	6	0	0	2	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1422	0001566	1421	84	5	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0						
1423	0001567	1422	83	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1424	0001568	1423	83	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1425	0001569	1424	83	5	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0							
1426	0001570	1425	82	5	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1427	0001571	1426	86	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0
1428	0001572	1427	81	4	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1429	0001573	1428	81	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1430	0001574	1429	81	8	0	0	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	1	0							
1431	0001575	1430	80	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1432	0001576	1431	79	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	1							
1433	0001577	1432	79	4	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1434	0001578	1433	79	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1435	0001579	1434	78	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1436	0001580	1435	78	4	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1437	0001581	1436	78	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1438	0001582	1437	77	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図90】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1439	0001583	1438	76	5	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
1440	0001584	1439	76	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1441	0001585	1440	75	5	0	0	2	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M32315	100	75	1	3604	3683
1442	0001586	1441	75	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1443	0001587	1442	74	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1444	0001588	1443	73	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1445	0001589	1444	73	7	0	0	1	0	0	0	1	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
1446	0001590	1445	72	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1447	0001591	1446	71	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1448	0001592	1447	70	4	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1449	0001593	1448	68	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1450	0001594	1449	67	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00062	100	65	1	3982	4597
1451	0001595	1450	66	5	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1452	0001596	1451	66	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1453	0001597	1452	64	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1454	0001598	1453	64	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1455	0001599	1454	62	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1456	0001600	1455	62	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1457	0001601	1456	62	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1458	0001602	1457	62	3	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1459	0001603	1458	62	3	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1460	0001604	1459	62	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1461	0001605	1460	61	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

【图91】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1462	0001606	1461	61	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1463	0001607	1462	60	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1464	0001608	1463	62	19	0	0	2	0	0	0	0	0	1	2	3	0	0	5	0	0	2	1	3	0	S60099	100	54	1	3673	3727
1465	0001609	1464	72	11	0	0	4	0	0	0	1	2	0	0	0	1	1	0	0	2	0	0	0	0	J03909	100	52	1	981	1032
1466	0001610	1465	59	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0						
1467	0001611	1466	63	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1468	0001612	1467	59	4	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1469	0001613	1468	58	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1470	0001614	1469	65	4	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0							
1471	0001615	1470	56	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1472	0001616	1471	58	27	0	0	1	3	1	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	5	11	0	0	2	I03558	98	55	1	588	642
1473	0001617	1472	55	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1474	0001618	1473	55	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1475	0001619	1474	55	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1476	0001620	1475	55	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1							
1477	0001621	1476	54	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1478	0001622	1477	54	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1479	0001623	1478	54	5	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1							
1480	0001624	1479	54	6	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	1	0	M22324	100	54	1	3427	3494
1481	0001625	1480	54	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1482	0001626	1481	54	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1483	0001627	1482	53	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1484	0001628	1483	52	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
1485	0001629	1484	52	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1486	0001630	1485	52	7	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	2	1						
1487	0001632	1486	55	8	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0						
1488	0001633	1487	51	5	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1489	0001642	1488	55	3	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1490	0001671	1489	266	30	0	0	2	0	0	0	0	5	7	3	2	0	0	1	5	0	0	0	3	2						
1491	0001673	1490	349	6	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	1	0	2	0	0						
1492	0001686	1491	734	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1493	0001687	1492	731	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0X06409	92	661	1	1579	2602	
1494	0001688	1493	687	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0X04098	98	325	1	1093	1918
1495	0001689	1494	649	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1496	0001691	1495	549	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1497	0001692	1496	543	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1498	0001693	1497	533	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1499	0001694	1498	531	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1500	0001695	1499	526	8	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	1	1	0	0X021575	96	524	1	152	668	
1501	0001696	1500	525	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1502	0001697	1501	321	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0X01060	96	317	4	4532	5010	
1503	0001698	1502	509	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1504	0001699	1503	497	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1505	0001700	1504	472	8	0	0	0	4	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1506	0001701	1505	496	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1507	0001702	1506	331	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0X022920	98	330	1	87	674	

【图 9 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1508	0001703	1507	490	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1509	0001704	1508	477	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1510	0001705	1509	476	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1511	0001706	1510	488	6	0	0	0	4	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1512	0001707	1511	472	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1513	0001708	1512	469	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1514	0001709	1513	466	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1515	0001710	1514	465	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1516	0001711	1515	462	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1517	0001713	1516	459	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1518	0001714	1517	454	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1519	0001715	1518	453	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1520	0001718	1519	450	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1521	0001719	1520	449	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1522	0001720	1521	464	41	0	0	0	1	0	0	0	4	2	4	3	1	1	0	0	5	7	9	4	0	0	0	0	0	0	0
1523	0001721	1522	445	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1524	0001722	1523	435	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0						
1525	0001724	1524	434	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1526	0001726	1525	423	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
1527	0001727	1526	419	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1528	0001728	1527	419	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1529	0001729	1528	418	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1530	0001730	1529	404	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 9 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1531	0001731	1530	402	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X12597	97	276	#	521	1009
1532	0001732	1531	407	4	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1533	0001733	1532	397	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1534	0001734	1533	395	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1535	0001735	1534	391	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1536	0001736	1535	388	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1537	0001737	1536	388	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1538	0001738	1537	385	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1539	0001739	1538	376	6	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	2						
1540	0001740	1539	160	5	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1541	0001741	1540	372	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1542	0001742	1541	372	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0						
1543	0001743	1542	368	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1544	0001746	1543	364	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1545	0001747	1544	362	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1546	0001748	1545	361	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1547	0001749	1546	360	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X73685	93	358	1	850	2177
1548	0001750	1547	358	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16166	99	358	1	278	637
1549	0001751	1548	354	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1550	0001752	1549	352	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1551	0001753	1550	351	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1552	0001754	1551	357	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1553	0001755	1552	411	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 9 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1554	0001756	1553	303	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0								
1555	0001758	1554	340	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1556	0001759	1555	384	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
1557	0001760	1556	337	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1558	0001761	1557	335	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1559	0001763	1558	330	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1560	0001764	1559	330	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1561	0001765	1560	339	7	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1	0	M84739	95	337	1	1615	1958	
1562	0001766	1561	335	60	0	0	0	6	15	2	4	2	0	4	0	5	1	1	0	6	1	10	3	0	V00594	93	318	1	61	372	
1563	0001767	1562	328	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0							
1564	0001768	1563	327	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1565	0001769	1564	326	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1566	0001770	1565	387	5	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	M64098	98	385	1	3963	4354	
1567	0001771	1566	325	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1568	0001772	1567	322	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M63838	97	322	1	2348	2709	
1569	0001773	1568	319	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16985	97	309	1	2120	2428	
1570	0001774	1569	316	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29863	92	185	#	906	1098	
1571	0001775	1570	390	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	D11094	96	374	1	1105	1478	
1572	0001776	1571	311	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1573	0001777	1572	310	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1574	0001778	1573	307	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1575	0001779	1574	305	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1576	0001780	1575	304	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 9 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1577	0001781	1576	304	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1578	0001782	1577	304	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1579	0001783	1578	304	3	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1580	0001784	1579	303	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1581	0001785	1580	302	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99	301	1	1101	1401
1582	0001786	1581	307	8	0	0	0	2	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0							
1583	0001787	1582	301	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1584	0001788	1583	297	2	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1585	0001789	1584	297	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1586	0001790	1585	299	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	95	298	1	795	1226
1587	0001791	1586	324	28	0	0	0	1	0	0	2	3	1	3	0	0	5	0	1	0	2	3	3	4							
1588	0001792	1587	295	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1589	0001793	1588	297	4	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0							
1590	0001794	1589	289	5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	0							
1591	0001795	1590	287	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1592	0001796	1591	285	7	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	99	285	1	2924	3220	
1593	0001797	1592	280	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1594	0001798	1593	273	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1595	0001799	1594	270	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1596	0001800	1595	270	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1								
1597	0001801	1596	269	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1598	0001802	1597	267	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1599	0001803	1598	288	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							

【图 9 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
1600	0001804	1599	266	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1601	0001805	1600	266	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1602	0001806	1601	262	15	0	0	0	7	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	X05908	98	259	1	1142	1399		
1603	0001807	1602	254	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1604	0001808	1603	255	41	0	0	0	6	0	2	1	1	3	7	4	2	4	0	0	0	0	6	3	2	S54005	98	253	1	201	453		
1605	0001809	1604	258	12	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	2	6	0	0	0	0	0	0	0	0	M58485	99	258	1	610	875		
1606	0001810	1605	256	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0									
1607	0001811	1606	204	8	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	2	1	0	2	0	0	0	0	M11354	98	204	1	352	1039		
1608	0001812	1607	246	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0									
1609	0001813	1608	285	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0									
1610	0001814	1609	241	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M69238	97	219	1	2394	2616		
1611	0001815	1610	239	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1612	0001816	1611	236	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1613	0001817	1612	235	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M77140	97	233	1	280	512		
1614	0001818	1613	324	3	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65212	97	322	1	741	1107		
1615	0001819	1614	235	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0									
1616	0001820	1615	235	6	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0								
1617	0001821	1616	234	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1618	0001822	1617	234	7	0	0	0	2	0	0	0	0	0	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06256	100	234	1	3965	4204		
1619	0001823	1618	230	4	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0									
1620	0001824	1619	230	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15841	100	228	1	782	1015		
1621	0001825	1620	227	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0									
1622	0001826	1621	227	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0									

【配列表1008】

配列番号：5563

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06521

配列：

GATCTTCCAG AGAAGGGAAC ATCTGTCACA GACAATGACT GTATCTGTNT AGATATTTCT 60
 TATTTAATAA AGACGATTG TCAGTTAAA 89

配列番号：5564

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06522

配列：

GATCAGAAAT GCCTCCTTA CCTACCAGAG CCTACAACAC TACCTGCCAC TAATAGTTAT 60
 GTCACCCTCT TATTAATCAT CATCTAGCCC TAAGTCTGGN 100

配列番号：5565

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06523

配列：

GATCAGGGGA AGAATACCA CCTGCATAAG TGTACTAANT CTACGTCTGG TTAATGTATG 60
 TACTCTCCTG GACTGAATGC AGTGATAAT TCCTGTCTAC 100

配列番号：5566

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06524

配列：

GATCAGAACC AGAAAGAACT NTGCTTNACC GAGAAAATAT CTAAACATCG AAAAAGTTAA 60
 ATATTATGGA AAAAAACAT TGCAAAATAT AAAGTAANTA 100

配列番号：5567

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06525

配列：

GATCTAATGC AGGATGTCAG ACTTNTNTCT ATCCAGGAAT AAAACCAAGT ATGCCAGAAG 60
 TAACTATTAT NCACCTNTCT CCTACTGAAT TAAATACTA 100

【1099】

【配列表1009】

配列番号： 5568
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06526
配列：
GATCAGATT TTCAGCANT CAGACATGGT CTTGNGTAGT TGTTCACAG TGTTCGCCAG 60
CTACAGAGGA AANGNCAGAC TCACAGAAGG GTGTCATTTA 100

配列番号： 5569
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06527
配列：
GATCCTCAAC GAAATCAATC TCACAATAGG NAAGGAAAAG NCAATACAAG GAAGAAACCA 60
TTGAGAAGAT GCAGAATAAA GTAATCTTAT ATACANGCTT 100

配列番号： 5570
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06528
配列：
GATCGCCATC ANTTGGGTAG TGACAGNGTA TTAATTTGCT TATACANTTN CTTTACTINT 60
CTTTTTTCCT TTCTGGAGCA TCACATGCTG GTGCTGTGTC 100

配列番号： 5571
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06529
配列：
GATCCTACAG ATACAAGTTG CTAAANGGGC ATATCAACAG TCCAACAAAT AAAGAAGATG 60
CCTGGATTGA GCATGATGTT TGGAGATGGA GATTTATGTG 100

配列番号： 5572
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06530
配列：
GATCCCCCAG ATACCAGCTC TTCTGGNTAT ACACAGACCA GCTATAATTN GCTAAGCATA 60
AANTATTNCA GTGTATTAGC CAGCNGTGGC TCCAGAGTCT 100

配列番号： 5573
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06531
配列：
GATCATTAGG TCAGAGTTTA CAGCNCCTCT CGTCACTAGA ATCCACCCAG CCCACGAATC 60
ATCACCNCT TGAAGGACAT TATTACTACT GHAANTTNGA 100

【1100】

【配列表1010】

配列番号： 5574

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06532

配列：

GATCCATCCA GAACAGCGGT ATCTGAAGCC CAGGCCATAC TCCCTGCCTC CTTNCTTCTG 60
CCTACCAGAG GCTCCANAGT TGAGCTTGTC CNTTATCTAG 100

配列番号： 5575

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06533

配列：

GATCATGCTT GTNTNAGGCA ATCATGGTGG CATCACCCAT AAAGGGAACA CATTTAACCT 60
TTTTTNCCTA TATTTTAAAT TACTACANGA TTATTAAAGA 100

配列番号： 5576

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06536

配列：

GATCATGAGA CTGAAATTGG TCAGAATTGT GTCCAGAATG TGCTCAGCTA ATTCAGTATT 60
CTTCCCCATT CTGGGTTGGA GTTTACTGCA GAGTAATTCT 100

配列番号： 5577

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06537

配列：

GATCCATGAT GATAATTAAG AGAAGAGAAA AAAAGATATT ATTTTGTNA GGACAAACCA 60
TTGTAGGTTT TTAGCAATGT GTATCTGTGT GTCCCTCACA 100

配列番号： 5578

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06538

配列：

GATCATTTCT AGGCAAAATT GTGAAGCTAA TGACCAACCT GTTTCTACCT ATATGCAGTC 60
TCTTTATTTT ACTAGAAATG GGAATCATGG CCTCTTGAAG 100

【1101】

【配列表1011】

配列番号：5579
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06539
 配列：
 GATCCAAGTG ACCAAAGGAG TTCAAGGCC AAAATTTAGT TATGCTGGAT TAATTCTGAG 60
 AGTAACAAGC ACATAGATTA TAATCTAAGA AAACCCTTTG 100

配列番号：5580
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06540
 配列：
 GATCTGTCTT GGTGCTTTGT GTTATAAAAC CAAAGTCTC TACAGACTTT ATTTTGTAC 60
 AATATCATTT TGTAACTTTT TACAAATAAA AACTCATTTT 100

配列番号：5581
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06541
 配列：
 GATCACTTAC GGAGAAACAG GAGGAAATAG CCCTGTCCAG GAGTTCACTG TGCCTGGGTG 60
 CAAGTCTACA GCTACCATCA GCGGCCTTAA ACCTGGAGTT 100

配列番号：5582
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06542
 配列：
 GATCTGGGTT TAGAGTGTGT ATGATTAATA AATATACCTT TCCTCTTTTC AGGGAAAATA 60
 ACAACCACC NTACTGATAG TTGGGAAAAG AAGATTGGGT 100

配列番号：5583
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06544
 配列：
 GATCATCCTG TAAACATTTT ATCATGTATT AATCATCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
 TCANATCTCT ACGCTGGAAC CTTTCTGCCT CAATGTTTAC 100

配列番号：5584
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06545
 配列：
 GATCAGGTTG AATGAATGGA ACTCTTCCTG TCTGGCCTCC AAAGCAGCCT AGAAGCTGAG 60
 GGGCTGTNTT TGAGGGGACC TCCACCCTGG GGAAGTCCGA 100

【1102】

【配列表1012】

配列番号： 5585

配列の長さ： 87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06546

配列：

GATCTTTTAA AGGTTTNNAC CATTITGTNA TGAGGAATTA TACATGTATC ACATTCACTA 60
TATTTAAATT GCACITTTTAT TTTNAAA 87

配列番号： 5586

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06547

配列：

GATCCATCCC ATGATTTGTN CCTGTCTGAG GCATAGAGGC AGGCAAGCCG TGGATTTTNC 60
ACATGGTGAC TTTCCCACTG TGCCATGATA CAGTGTGCAT 100

配列番号： 5587

配列の長さ： 90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06548

配列：

GATCAAGTTG CCATGAAAAA CCATCTACTA TATGTNAGAC ATGACATTCT NTTTCTCTCC 60
TTCCTGAAAA ATAAAGTGTG GGAAGAGAAA 90

配列番号： 5588

配列の長さ： 98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06549

配列：

GATCTTACTT TCTTGCTGCT TTTCCAACTA TAATCATTNT GCTCTTGCTT TAACAAAAGA 60
AGGGGCACAG CAATTTAGTA AATNTNTGTA ATAACAAA 98

配列番号： 5589

配列の長さ： 64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06550

配列：

GATCTCACCA CTGCACTATA GCCTGGGCGA CAGAGCAAGA CTCCCGCTCC AAAAAANGGA 60
GAAA 64

【1103】

【配列表1013】

配列番号：5590
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06551
 配列：
 GATCCACAAA TCGCTAGGAA TGTGTATACT CTGGGTAGTA AGTTTGTAGT ATTAGAAGGT 60
 TTAATGACAA GTATTGAAG AGCTGAAGTT AAGTGTGGG 100

配列番号：5591
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06552
 配列：
 GATCATCCTC ATTAGCACAC AGATTTTNA AATCAATTC TCTNGCCATG CCTCCTATGT 60
 GTTCACATCT CTGCATACAC TACAGATATA AGTGCATAAT 100

配列番号：5592
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06553
 配列：
 GATCTTTTCA GCTGCTATTT TGGAATAATG ACTATCATAT ATCATAACAG TGACTGATGT 60
 TGGTTGTAAT GGTGGGTTT AGGATGAACC ATTTTAAGGA 100

配列番号：5593
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06555
 配列：
 GATCCCAGCA GGGNTTCTGC TCTGGGGCTG GCAGGTTGCC TGGTATTATG CCCAAGGNCG 60
 NTCTGCCTGG GGGAAAGGGC AGCCAGGCAG AGGCCCACTG 100

配列番号：5594
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06556
 配列：
 GATCCCTTGG AGCACCTTNA TGCCTGGGGT TTCTCTCCCT AAAGCTTCTT GCAGTCTAAG 60
 CCTTATCCCT TATGTNCCC ATTAAGGAA TTTCAAAAGA 100

配列番号：5595
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06557
 配列：
 GATCTGGACA AATGGCAAAT AATTTGGGGT TGAATTATGG CCCAGAGAAG TAAGCAAATG 60
 NAAAACTAAA CANTTATAAA TGTATCTGGG AAGCAAAGGT 100

【1104】

【配列表1014】

配列番号：5596

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06558

配列：

GATCGTCCCC CTTTNTGGGC TGGAAAAGCA GGTGAGGNTG GGGTGGGCTG AGGCCATTNC 60
CGCCACTATC TGTTTAATAA AATCCGTGAG CACGAAA 97

配列番号：5597

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06559

配列：

GATCCTCCGG AAGTAGTCTC TNCCCTCGGC AGCGGAAATA CTGATTCCCA CTGCTCCTNC 60
CTCTAGGGTG CAGTGTCCGT ACCTNCTGGA GCTGGNCCCT 100

配列番号：5598

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06560

配列：

GATCATTAAT AAAGCTTTTC TTGGTTCCTT CAGTGGTGT GGTAGTAAAA TGGAAGGNGT 60
CTTGCTGCAG GTAACATAAG AAGANGTGGT CAACCACAGA 100

配列番号：5599

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06561

配列：

GATCAAAGCC AGTNTTAAAT GGGAGACCGA GCGAGCGCGG CAAGTGCTGG AACACCTGCT 60
GAAGGAAGGG TTGGCGTGGC TGGACTTACA GGCCCCAGGG 100

配列番号：5600

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06563

配列：

GATCTCATGA TGATTANAC CACAGNCTGG GNTAAAGATG TCTTGACCTC TGAGGCTAGC 60
ATAACATATA TNAGAATACA NCTTGCTAT TTCCAGAAAA 100

【1105】

【配列表1015】

配列番号： 5601
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06564
 配列：
 GATCAGCTTA CTGAAAAGAA GCCTCCNAG TATTCCAAAT ACAGATTACA TCCAGCTGCT 60
 TAGTGAAATT GCCAAGGNAC AAGGNTTAA TATAACATAT 100

配列番号： 5602
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06565
 配列：
 GATCNACAAT NTGAATATGT GTTACTTAAT AAGGCTAGGC TGGCCATCAG TNGCTTANTT 60
 CAGATGTGTC ACTAAATTC CCNTCTAGAT GGTCTTGAG 100

配列番号： 5603
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06566
 配列：
 GATCATCACA GTTTGAGTTT GACCCCAATG CCAGGATGGT GACACACATA TTAAAGAGTA 60
 ACAGCTGGTT ACATTGCTAG GCGAGATAGG GGAAGACAG 100

配列番号： 5604
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06567
 配列：
 GATCTCACIT TCCCCTTG TG GGGTAGGAAC CGATGCCAGT GGGAGGGATG TGCCCCTGAC 60
 CATTACGAC TGTTTTTTTT TTTTTTTTA AAAAAATGCG 100

配列番号： 5605
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06569
 配列：
 GATCACGGGA ATGCTGCTGG AGATAGACAA CTCTNAGTTG CTGCACATNT TAGAGTCCCC 60
 CGAGTCTCTC CGCTCCAAGG TGGATGAAGC TGATGACGTT 100

配列番号： 5606
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06570
 配列：
 GATCCTGGGT TTTTGTGGTT TGAATTCTAT GGTGTTTTNN AAAAAACACAG ATTTTATGTC 60
 TTAATATTGT GTAAATGTAC TGACCTTAGG NATTCATTTC 100

【1106】

【配列表 1016】

配列番号： 5607

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06571

配列：

GATCCTTCTA GACCAAGGAC CCATTGTTAA AAGCATGGAT TCTGCCTGAN TTACTTCCCT 60
TTTGAGAAAT CATATCTCAA ATACATAACC TGTAATATA 100

配列番号： 5608

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06572

配列：

GATCCCTGCT TCATAGATTT GCATCATTCA AGCATATCTT GTAAAACAAA CACATATTAT 60
GGGACTAGGA AATATTTATC TTTCCAAATT TGCCATAACA 100

配列番号： 5609

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06573

配列：

GATCCTAGCT GCAGATTGCA TCCCACAATG CGAGAATAAT AAAATAAAAT TNGATATTNG 60
AAA 63

配列番号： 5610

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06574

配列：

GATCNATGGT GTGACTCAAG CTCNCCTTA CCCAGGGGGG GTAAGGGCAG GCCTCTAGCT 60
ACTTGGAGTT GTCTGTAATA ATCTNGAAAG GCCCAAGGGC 100

配列番号： 5611

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06576

配列：

GATCTTGCAC ATGAAGCTAC AAAACTGGTA AGAAACAAAT GGCACATGTG NTGGGAATGG 60
AAGTCAACCT TTTTGAATTT TTCAAATGTA AGTCAGTCTG 100

【1107】

【配列表1017】

配列番号：5612
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06577
 配列：
 GATCCGCCGC CAGAAAGGTT ATGCATCATG TGCCACAGCC TCCAAGGTGC CCATCATGGA 60
 ATNTCGTGGG GGCTGTGGGC CHANTGCTGC CAGCCCACCC 100

配列番号：5613
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06578
 配列：
 GATCTNTTCC AACAGTTCTN TGTAACCAA ATGCTATTTT TCANTGCATT TGGACTGCTG 60
 ACCATTTAAA AGCAGCCTAT GATTGCTTCT TTTTGTAAG 100

配列番号：5614
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06579
 配列：
 GATCCTAAAA CGAAGAGAAT TTTGACTCTC CAGAAAGCTA ATAGCTGGTT CAACTGCAGG 60
 AAAAAATTGAA CATTACTAAT TTGAATGGAA AACACATGGT 100

配列番号：5615
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06580
 配列：
 GATCTNCCTC NACACCTNGG GCAAAGTCTA TCCGAAGATG GTTTCCTAGC TCTCCATTG 60
 CCATGATTTT CCTCCCATTC ATCATGAGGG AGTTTCTCAA 100

配列番号：5616
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06581
 配列：
 GATCATNTTG GAACCAGACA AGAATCCAAA GAAAAAAGA ACACAGACCA CCAGTGCAAA 60
 ACAAGAAAAA GCACCAAGTA AAAAGCCAGT GAAAAAGA 100

配列番号：5617
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06582
 配列：
 GATCAAAGTT AAGATTATAT CCTGTTTGTG GTATCAGATA TTTTCCTGTG TACAATTATA 60
 GGATTGTAAT CTAAACTGGA ATTTTATAGG AGTAAGTCAC 100

【1108】

【配列表1018】

配列番号： 5618

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06583

配列：

GATCCCAGAG GCTCTCCTCA CCTCANTGA GCTCCTTTNA AAGTAATTCA AGGGACTATN 60
TCACTCAGCC TCATTGCTG GACCAAATCT GGAGGGAGAA 100

配列番号： 5619

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06584

配列：

GATCGCTTGA GGCCAGTTCA AGACCAGCCT GGCCAACATG GCGAAACCCG TCTCCACTAA 60
AAATACAAA CTTAGCCAGG CGTGGTGGCG CGCGCCTGTA 100

配列番号： 5620

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06585

配列：

GATCCTGAAA GAGGACAAAC TACATTGCCT TTTAGACCTN TGACTCAAGA AGAAGATGAT 60
GACCAAAGGT GATTTGTAAC TTAACATGCC TTNTCCTGAT 100

配列番号： 5621

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06586

配列：

GATCCCCACA CTTACTCTAC CCTCTNGGCA AATTGGCATT CCGGTGGTGG GTTTTGNTC 60
CTTTAACACA TTAAATAAAT NAGTATATAG GATGTGAGGG 100

配列番号： 5622

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06587

配列：

GATCTGGGTG TGCTCTATGG GGAGTNTCA CGTCAANAG CAAATGTCTA TAAGGGGCC 60
TTTTAAATN AACATTTTCC TCATTGAGCA AGCNTGGATT 100

【1109】

【配列表1019】

配列番号： 5623
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06588
 配列：
 GATCCTCCCA CCTCAGCCTG CTGAGTAGCT GGGTCTACAG GTGCACACCA CCATGCCTGG 60
 CTAAAGGCAT GTCTGCATTT ATGCGAGGTG TGTGACCGG 100

配列番号： 5624
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06590
 配列：
 GATCAAATNA TTTGACTATT GCTAGACATT TCTATACTCT GTTGTAAACAC TGAGGTATCT 60
 CATTTGCCCA TGTTAATTTT TTTCTAAATA AATTGACAAA 100

配列番号： 5625
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06591
 配列：
 GATCTNCTTT ATAATTCTNC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60
 GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT 100

配列番号： 5626
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06592
 配列：
 GATCAGAGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGGAGAGA ATCATGCTGT 60
 TGCATNTAGA NCTTTCTGCT TTGCACAGGA AAGAGTCACA 100

配列番号： 5627
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06593
 配列：
 GATCCAATTA ACAAAATTCTG CACTGTGGCA ACTNAACGAN ATTATGCTTT GGACAGCTTT 60
 ATGTGTGAAT GTAAGAACAT ATTCTNAAGA AATGCTGTAA 100

配列番号： 5628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06594
 配列：
 GATCANACAG CCTACANCCA GCGCCGAGTG TGCATCANGG TAAAAGAGCT GAGGGCTCTC 60
 TNCAGGGAGC AGCCCATTTA GGTCTCTGTN GTTGTGTGTA 100

【1110】

【配列表1020】

配列番号： 5629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06595

配列：

GATCATATNA GACGAGNAAG AGGAAGACCT AAAAGTGCAT CTGCCAAAAA ACATGAGGAA 60
 GAAAGTGAGA AACAGGAAAA GGAAATTNAC ATCTATGCTA 100

配列番号： 5630

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06596

配列：

GATCAGTGTG AGTCCTGAAG CACTTTNAGN GCTGTGNGAA CGACATCCAC TTTGGGTTTC 60
 ATTCGTTTGT AAGCAGAGGA GCTGTCAGTC ACTCGTGCTT 100

配列番号： 5631

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06597

配列：

GATCATAAAA GGCTATTATC TATNCTGGGG AACGATTATA ACTTAAATAA TTATTTTAAT 60
 AAAAATACTA AGCTNNAAA 79

配列番号： 5632

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06598

配列：

GATCGGGCGG ATTGAGGATG TCANCCCCAT CCCCTCTGAC AGCACTCGCA GGAAGGGGGG 60
 TCGCCAGTGG TCGCCGTCTG TGAACAAGAT TCCTCAAAAT 100

配列番号： 5633

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06599

配列：

GATCATCCTG CAAGTGCTCT NGTGCCTAGG ATTCATCTTT CTTTTCACCG TAGGCCCTGA 60
 CTGGCATTNT ATTAGCAAAC TCATCACTAG TCGTNGTNCT 100

【1111】

【配列表1021】

配列番号：5634
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06600
 配列：
 GATCAAAACG ACGAAGAAAN GNCNCANAGA CTCAAATAAG GACAGAGTGA TTTCCAATAA 60
 TGTTC AATAG ATTTAGGAGC AGAAATGCAA GGGGCTGCAT 100

配列番号：5635
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06601
 配列：
 GATCTCAGTT TCAAATCTCC CCAAGCTGCC TAAATTGAAA AAGCTTGAAC TCAGTGAAAA 60
 TAGATTCTTT GGAGGTCTGG ACATGTTAGC TGA AAAA ACTT 100

配列番号：5636
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06602
 配列：
 GATCTCTTNG CGACAGTACC AAGCAGCGTT CTCTACACAG GTGACTTAAAG TTGCCTCTGT 60
 GTTGGCTGGC ATCCCTGAGT CCCCTNCGGG CTCCTATGGA 100

配列番号：5637
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06603
 配列：
 GATCATCTGA GCCTCAGGAG GTTGAGGCTG NAGTGAGCTG TGA CTNCGCC ACTGNACTCC 60
 AGTCTGGGAC AACAGAGCAA GACCCNGTCT TAAAAA AAAA 100

配列番号：5638
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06604
 配列：
 GATCTCCAGC TGCACAGGCC ACCGNCCCAG GGCCTGGCCG CTGTTACAGA AACAATAAAC 60
 CCTGATGGGC ATGGCAAA 78

配列番号：5639
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06605
 配列：
 GATCGTAACA ATGCCAAGAA GACACAAGAA TATGAGAAAG GAATTCCTAG AAAAAAGGCA 60
 AAGGTTTCAA TGA CTAAGCT AATTTT NCT AAGTCTACTG 100

【1112】

【配列表1022】

配列番号：5640

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06606

配列：

GATCGGAGAA TTGTGTAGGC GAATAGGAAA TATCATTCGG GCTTGATGTG GGGAGGGGTG 60
TTTAAGGGGT TGGCTAGGGT ATAATTGTCT GGGTCGCCTA 100

配列番号：5641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06607

配列：

GATCTCACTT CTGTCAGATG CTCCCATCCA CTATNAATGC ACTAGGTGGG AGGAGAGGGC 60
GGCAATGACA CTGCACCTCT CCTTTCCCAC CGCATTCCCT 100

配列番号：5642

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06608

配列：

GATCAAGTAA AAATGCAAAT CAATGATGCA AAGAAAACAG AAAAGAAAAA GAAGAAAAGA 60
CAGGATATTT CTGTTTATAA ATTAAAGCTG TAATATATTT 100

配列番号：5643

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06609

配列：

GATCTTGACC TCACGGTGTA AGAAGGGAGA GGATGGTTTC TCTTCTGCCC TCTCCCATGG 60
TGCCCGTGCC TCTNTGCTGT GTATGTGAAC CACCCACGTG 100

配列番号：5644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06610

配列：

GATCTTTTTA GATACAATCC TTATTNAAAA AGGAGANGAT AACTGAGGAT TCTAAAAAGA 60
AGCCATGGAA AAATCCCTA GTAAGCATCT ACTTCAGGCC 100

【1113】

【配列表1023】

配列番号：5645
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06611
 配列：
 GATCTTGTGC TCAACATGAT NCNTTAATAG AAGTTTTATN TTTCTGTGCA CTCTGCTAAT 60
 CATGTGGGTG AGCCAGTGA ACAACGGGAG ACCTGTGCTA 100

配列番号：5646
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06612
 配列：
 GATCTAATAG CTGAACATGAT TCAAACTGTA ATAAGCTCAT CAATTTTCANT TCTATGAAAA 60
 TGTGCTCTGT TGTACAGGA TGTTTCTGTT GGTTTTNTTC 100

配列番号：5647
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06613
 配列：
 GATCCCATAA TATAAATCAT ATCCTTTATA TTTAAGAATA TCTCAAATGT ATTCTTTNT 60
 TGTATGGTGG GTTTCCTAG GGACGTGTA CTACAGGCTT 100

配列番号：5648
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06614
 配列：
 GATCTATACA TGAACAGCAG AATGTATAAG CTAGCATTTA CTAGCATGTC TCTNATACTT 60
 TTGTNCAITT CTGTTAATCG TCATTTCTGT CCCCTCTGCA 100

配列番号：5649
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06615
 配列：
 GATCAGCACA TCCAAAAACA CCAAGACAAA CATCCATGTG GAGCAGAACC TNCCTGCCT 60
 CCGGAGTTCT GACCAGGTTT CCCAGCAGGC TGTTAAGCCT 100

配列番号：5650
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06616
 配列：
 GATCTATCAT TTTAATTGAT TCTGAAGCTT GTATTAATAA CTAGGCAATA NCATCATGGG 60
 ATACATAGGA GANGGCACAT TTTACAATCA TNCATTNTGG 100

【1114】

【配列表 1024】

配列番号： 5651
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06617
 配列：
 GATCTGCTGA CAAAACCTGG GAATTTGGGT TGTGTATCGG AATNTTTCAG TGCCTCAAAC 60
 AAATNTGTAT TTAACCTATG TAAAAGATAA GTCTGGAAT 100

配列番号： 5652
 配列の長さ：80
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06618
 配列：
 GATCATTTAA CATTCTGTGT ATGTAACAAA ATATCACATG CATAAATATT ATGTATCAAT 60
 AAAATTTTTT AATGGGCAAA 80

配列番号： 5653
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06619
 配列：
 GATCCGGTCA CTGCACTCCA GCCTNGGAGA CTACAGCAAG ACTCTNTCTC CAGTTAAA 58

配列番号： 5654
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06620
 配列：
 GATCTGAGGG GTGGTGCCTA CTTCCACTGT AAGAAAGAAT CTNGGTGGAT TTGTGTNTCA 60
 AATCANGATA AGAGAAGCCT GTTTAAAGGA GCAGATGCCA 100

配列番号： 5655
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06621
 配列：
 GATCATAAAC CGTTGCGGGA CAGAAGTAG ATATGTGATT GATTATNATG ATGGTGGTGA 60
 AGTCAACAAG GACTACCAGT TCACCATCCT GGACGTCCGT 100

配列番号： 5656
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06623
 配列：
 GATCCTCATC TTCCCCAAAT ACTCGTTCCC AAAATTGACG AGCCTGACAA TGTGCATGCC 60
 AGGCAAGGCT CTTGGGGTTC CCCTAAAACA CTCCTCTTT 100

【1115】

【配列表 1025】

配列番号： 5657

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06624

配列：

GATCTGGCTC AGTCTACTAT GGGCAGGGCC CCCCACCAAG CTGAGCCGAA TGGAGACAGC 60
TGAGCTGAGG CCTGACTTTT TCAATAAAAC ATTGTGTAGT 100

配列番号： 5658

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06625

配列：

GATCTGAGCT GATGACTTGT GAGAGAAAAA GGAACAGAG TAAAGCCATG GAAGCCATGA 60
ACAGTAAGAG ACTGCCGCCT GGCATGGTTT CTTCTTCTGC 100

配列番号： 5659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06626

配列：

GATCGATTGC AGTCAGAGCC TGAAAGTATC CGTAAATGGA GAGAAGAACA AATGGAACGC 60
TTGGAAGCCC TTGATGCCAA TNNTNGGAAG CAAGANGCAG 100

配列番号： 5660

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06627

配列：

GATCTTGGCT TCTNACAGTT CTNCCTGTCC AAACCTCCATC CTGTCCCTCA GGAACGGGGG 60
GAAAATTCTC CGAATGTTTT TGGTTTTTTG GCTGCTTGA 100

配列番号： 5661

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06628

配列：

GATCATCCTG TCTGGCTGCA GTGAGAGACC AACCCCTAAC AAGGGCTGGG CCACAGCAGG 60
GAGTGCAGCC CTACCTTCTT CCCTTGGCAG CTGGAGAAAT 100

【1116】

【配列表1026】

配列番号: 5662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06630
 配列:
 GATCCACAAA CTNCCTGACA CTACTNHCAT ATTTCCACTA AAGGAGATTG AGCTACAAAA 60
 GGAGGCCAGC CNTCGGTCTT CGTCGATGCC TGACTCAGGC 100

配列番号: 5663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06631
 配列:
 GATCCACTGC CTCGGCCTCC GAAAATCTGG AATNATAGAT GTGAGCCACT GCGCCAGGCC 60
 TGTAAATTTA TGTATCTTA TGTGATTATT TGAATGTCCC 100

配列番号: 5664
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06632
 配列:
 GATCCCCGTT CTCAAGTGTG NCNGGGAACA TAAACNGAGA TAACATGAAA AAACCTTGACA 60
 CAGAAA 66

配列番号: 5665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06633
 配列:
 GATCCTTNA A GGCAGCTGCC TTATCTTATT CCTTNTTGT TTTCCATACC TAGCCTAATA 60
 CCTAGCTTAT ATAAGGGAAC AGAATAAATA AACAATAAAG 100

配列番号: 5666
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06634
 配列:
 GATCCAGGGC CGTTCATGAA CCACTGGGCT GGATTNGACT GTTGAGTGTG GCAGTTAATG 60
 CCCCTCAANA AATCAAAGGA TGTCTTATAA GTGTCTTCCA 100

配列番号: 5667
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06635
 配列:
 GATCCTGGCC AGTACAAAGT CGTTGCTCTT GTTTATCTT CTCTTACAGA GTCTCCCTCC 60
 CTTTATAGAA TGTCAACCAA AGAGTGCCCT CCTCCCTCT 100

【1117】

【配列表 1027】

配列番号： 5668

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06636

配列：

GATCTCTCTC GCCACGGCAC CGTCAGCTCC TTTGTGGCCA AGCTTTTCAT CTTTGTGTCT 60
GCAGAGCTCT GAGCACTCGC TTCGCGTCGC GGGGTCTCCC 100

配列番号： 5669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06637

配列：

GATCAGCTTT NAGAGTGGTC CTAAGCAGTA AACTGGATGA TGTTCATTA GAAAAACATC 60
AATACTTCAT ATTTAAGTNT NAGTAGTTAC TACTGATTNG 100

配列番号： 5670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06638

配列：

GATCCTTG TG GACTGCCACT GCTGGCTGCC TCCTCTCCAA CTCATCAGAA GAGCATT TTG 60
ACAAAGACAG AGGACTTGGA CCAGGGCATG CCCTGTTGGG 100

配列番号： 5671

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06639

配列：

GATCCCGCCC TGACCCAGAG GAAGCCTCTA TTTATTTATN AGCTTTNGNT TACACCGTGG 60
AATTGACCCC TTCCTCCAGG GGTCTTGGGT GGGGGAGCCC 100

配列番号： 5672

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06640

配列：

GATCAGAGAA AATACGGTAC ATGTCCCAT GGAGGATATG GCTTGGNCTT GGAACGATTC 60
TTAACGTGGA TTCTGAATAG GTATCACATC CGANACGTGT 100

【1118】

【配列表 1 0 2 8】

配列番号： 5673

配列の長さ： 84

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06641

配列：

GATCTTCTTC ACACCAAGCT CATGGTTACA TNCCGTGAGG TGTCATGAAG AAAGTCTGT 60

TCAATAAGGT TTTGTAATGT TAAA 84

配列番号： 5674

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06642

配列：

GATCTGTGGC TGAATNGAG GGAGCGCCTG CTTCTTCTCC AGCTTGAAA AACAAATAGGA 60

GAAGGGTCAG CTCCGCGCGG GCATCATCCC TACCAGATTG 100

配列番号： 5675

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06643

配列：

GATCATCATA TCAAGATGAT ACCAAAAGTA TGTA AAAAGA AACCTGCATT ATTTTGTAA 60

NATTTCTTAT AGATATTTCA TGGTAAGATT AGCAGTCAAT 100

配列番号： 5676

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06645

配列：

GATCCTGCAA ATATCTTCTT TCCAGTTTGN TATTGTCATT TGNCTTTTGA CTTTGTCTG 60

GTATTTTTTG NTATGTAGAA ATNTTTATTT TCATGTAAGC 100

配列番号： 5677

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06646

配列：

GATCATCCGG TGAAGAACC AGTCCCTGNG CCCC AAGGAT GCCGGGGAAA CAGGACCNTC 60

TCCTTTCCTG GAGCTGCTTT AGCTGGATAT NNGNGGNTTT 100

配列番号： 5678

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06647

配列：

GATCTCCGTG GGAACATTTT CGTTGCTGTC GGTGCTGGCA GGAGCCTGTT TCTTCCTGGT 60

CCTGAAATAT AGAGGCCTGA TTAAATACTG GTTTCACACT 100

【1 1 1 9】

【配列表1029】

配列番号： 5679

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06649

配列：

GATCGTGCTG CACAACCGGA GAAGACAGAA TTACCTCTGC TCTTTTAATA TATAATGATG 60
GCTTTAAATA AANTTAGGAG AAAATGTCAA A 91

配列番号： 5680

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06650

配列：

GATCCAGAGA GTGGGGGTGA GGGGTGGGCC CTGAAGACTT TTTGTCTGTA GCTCTTGCAT 60
ATTGAGTGTA TAAACCCGGC TTCTGGACCA ACCCAAGATG 100

配列番号： 5681

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06651

配列：

GATCCTGGTG GCCACCAATN TGTTTGGCCG GGGGATGGAC ATTGAGCGAG TCAACATCGT 60
CTTTAACTAC GACATGCCTG AGGACTCGGA CACCTACCTG 100

配列番号： 5682

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06652

配列：

GATCAGAAGG CTCTGGNCAA GAGAATGAAA ATNAGGATGA GGAATAATAA ACTCTTTTTG 60
GCAAGCAAA 69

配列番号： 5683

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06653

配列：

GATCTCTTTG TCCCTGAGGT GTCAGCTGCC AACAAGAAGC ATTAGAACAA ACCATGCTGG 60
GTTAATAAAT TGCCTCATTC GTAAA 85

【1120】

【配列表1030】

配列番号：5684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06654
 配列：
 GATCTTGGAG TCGTGGAAGT GGTGCCCCAC CGGGTCCTGC GCCGTCAGCA CAAGCCACGC 60
 TTCACCACCA AGAGGCCCAA CACCTTCTTC TAGGTGCAGG 100

配列番号：5685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06655
 配列：
 GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC CCCATCTCTC 60
 CTAAAAATAG AAAAAAATT AGCCAGGCAT GGTGGCACAC 100

配列番号：5686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06656
 配列：
 GATCGATGTG CTCAGCCAAA TNCCTGTTT GAAATATCAT GTTAAATTAG AATGAATTTA 60
 TCTTTACCAA AAACCATGTT GCGTTCAAAG AGGTGAACAT 100

配列番号：5687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06659
 配列：
 GATCAAAACC AAAAAAATG NACCAAAGGC TTGGGTGGTG AGGGTGCTTA TCCTTTCTGT 60
 TATTTGTAG ATGAAAAAC TTCTTGGGA CCTCTTGAAT 100

配列番号：5688
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06660
 配列：
 GATCCTGTTT TGTAATAAAC ATATTTTGCC TTGAGTAAAT TTGTTGTAAG CTAA 56

配列番号：5689
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06661
 配列：
 GATCCTTCTT GTATCTTGAA GTTTGTACT TGGGATTCTT GGACTGATAA ATGAATCATC 60
 ACATTCTTCT GTTAAATATT TTCTTGGAAA 90

【1121】

【配列表1031】

配列番号: 5690

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06662

配列:

GATCTGAAGA AGATGATGAA GTTGTGGCAA TNATTAAGGA ATTGTTAGAT ACTAGAATAC 60
GGCCAACTGT GCAGGAAGAT GGAGGGGATG TAATCTACAA 100

配列番号: 5691

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06664

配列:

GATCAACTGA ACCAGTATGC CAAAACCAGG CATCCAATTT GTAAACCAAT TATGATAAAG 60
GACAAAATAA GCTGTTTGCC ACCTCAAAAC TTTATGAACT 100

配列番号: 5692

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06666

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAANCA AGTTTATAGA AGANCATGCC ACAAACCTAA GCAGGACCAA 60
GGAAGAGCTT TNAAGGCCTG AGGTCTGCGG AAGGTGGGAG 100

配列番号: 5693

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06667

配列:

GATCAGAATT ATAACCATGG AGAATTTTTT CTCTGAGCA TTTTAATATA CTTGAAAACA 60
ACATTGACTT GAAAAATTTC AGAACATTTT TCAGTACCTA 100

配列番号: 5694

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06668

配列:

GATCCTNAAG AGAGCTGTCC CAGCACTCTG GCCACCAGGA GGGCCANATT CCCANAAAC 60
TACCTNTTGC CCAAAGAACA TNCTCAGTAT TTGGGGCATT 100

配列番号: 5695

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06669

配列:

GATCCCAGTG TCTGAGTGAA CTAACAGTCC TGCTTTCAGC CACCATTITGT ACAAGACACC 60
CAGCACTGAA AGTCCCGCTG CCAGGAGCAA GGGATTCTTT 100

【1122】

【配列表1032】

配列番号: 5696

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06670

配列:

GATCCATGTT GAACAATACA TGTAGGTTCT TTTTCCACGC AATGTAAGAN CATGATATAC 60
TGTACGTTGG AAAGCATTTA CCTTATTTAT ATACCTGAAT 100

配列番号: 5697

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06672

配列:

GATCTGTCAT GCCCCACCGC CACCCCTACT CCCTTCAACC CTCCCTCTTT CTGCCCCATT 60
CCTCCACCC CCTCACTCCC ATTTCTAGC AAAATCAGAA 100

配列番号: 5698

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06673

配列:

GATCCTATGT NCTGCTTGCA CAGAGGCCTT TGGATTTTAA CCCAGGAGNT TCGNGAGNTG 60
AGAGCTGCCC TGTCTTTNAT TGAGCCTTAG CATTTCCTC 100

配列番号: 5699

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06674

配列:

GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAGAT GGATAATGTA NTTAGCTAAT TTTTGGTTTA 60
AATGANCTTN TTGGGTTAGC TTNCGTAAAT GNTATAATTT 100

配列番号: 5700

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06675

配列:

GATCCCCAGC TGGACTCCCC ACCCCCTGGC TTCCCCACCT CTCCAGGNGT CAAAGGTGAA 60
CCGAGTCCAG TATTAGCTGA ATGTCATTTT GTACACCACA 100

【1123】

【配列表1033】

配列番号：5701
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06676
 配列：
 GATCAATAAT ATATAAAATN TGAGTGTGGG TITGTATCTA ATAAAGTATG CCAACACCAA 60
 A 61

配列番号：5702
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06677
 配列：
 GATCTTGAGG CCCAACATGC TTGACTCTGC CCAAAAGTCT CCTTCCTCAG CAGGATGCAG 60
 CCTATTACAC TCAGCACAGN ATCTGGCACT CTTAGGTTCC 100

配列番号：5703
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06678
 配列：
 GATCCCAGGN TTCTGCGGAC CGACGATACG TTTAAATGTT GTTCTAGTAA ATATTCTTGA 60
 ATGTATTAAA ATGGCTGAAA CAAA 84

配列番号：5704
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06679
 配列：
 GATCGTGTTC TTAGATGAA ACCATCAAGA ACCCCCGCTC GACTGTGGAT GCTCCCACAG 60
 CAGCAGGCCG GGGCCGTGGT CGTGGCCGCC CCCACTGAGA 100

配列番号：5705
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06680
 配列：
 GATCTTCATT AGTCAAGNTT TAGTTATTTN GTTGGCTTTT CCATGTAGAT TTCCAAGTGA 60
 CATTAAACATA CTTTNATTAA AGAAAATTTG GAGACTGTTN 100

配列番号：5706
 配列の長さ：71
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06681
 配列：
 GATCGGGCCC CATGTCTGTG CTGTCTAGTT TGTGTTCAAA ATGTCAGAAT AAACACAGAA 60
 TAAATGTTAA A 71

【1124】

【配列表1034】

配列番号: 5707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06682
 配列:
 GATCTTTTAA AAAAGTTAAA GGACATCCTA GAGCCTTAAT AGTTAAGAAG NGTTAAATTA 60
 TCAAGCCTAT TTGTGCATTT CCTTTTNTTG AAAAAGGTAA 100

配列番号: 5708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06683
 配列:
 GATCTCCTTT TCCAGTGTG CACACTCCTG GTTTGGAAGT TTAATGGCGT TGCAACGGAA 60
 TCCTATATNC AGTTTCCTGT AATTTAATTG AAGAAAAATG 100

配列番号: 5709
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06684
 配列:
 GATCTGATAA CTTGAATTCA GAATATTAAG AAAATGAAGT AACTNATTTT CAAA 54

配列番号: 5710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06685
 配列:
 GATCTGTTTT TATAAGTGC TCCATGATTC TCTGAAAACA GTATACTATG TATCTAATTT 60
 TTGGATACAG GATGGACATA CGTACTCAA CTGTGTTTTT 100

配列番号: 5711
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06686
 配列:
 GATCCTATGG NTTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTA CTGTACA ACATTCAGTG CCCACATCCA 60
 TCTNTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC 100

配列番号: 5712
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06687
 配列:
 GATCTAGTTT GACTTTCTAG TTACTGGTGT TTTGAAGAGG GTATTTTATT GTTTTTTAAA 60
 AAAAGGTTCT TAAACATTAT TTGAAATAGT TAATATAAAT 100

【1125】

【配列表1035】

配列番号： 5713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06688

配列：

GATCTTCTTG ACCTTCTCCA TCATCGCCAT CCTTTCCCAA AGGCCAAGGA AGTGACCTGC 60
CTGCTGGCAT TGGCCAGACC ACAGCAGCAC CTCCTCCATG 100

配列番号： 5714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06689

配列：

GATCCCGTGT GCCACCAGGA GGGAGTGGCA GCTATAGTCT GGCACCAAAG TCCAGGACAC 60
CCAGTGGGGT GGAGTCGGAG CCACTGGTCC TNCTGCTGGC 100

配列番号： 5715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06690

配列：

GATCAAGGTG TGAATACTG AAGAAAATAA CTTGCTGGCT ATATAGGAAA ATGCTGTGGA 60
AATGAAGTGT GTATATACTT CTGGGAGGAA CAAATTTAAT 100

配列番号： 5716

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06691

配列：

GATCTGTGGG TGTTTTTAAA AAAACTCAAC CTATCTGGTG TTTTATTTTA ATGGATAAAA 60
ATGTAATTTT CCTAAGGTAG CAACTTATTT CCAAATTAAT 100

配列番号： 5717

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06692

配列：

GATCAAATAA ACTCANTTTT TTATGGTTAC TGTA AAAAGA CTGTNTAAGN CAGCTCAGCA 60
CCATGCTTCT NGTAAAAGCA GCTTCANTTA TCCA CTGGG 100

【1126】

【配列表1036】

配列番号： 5718
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06693
 配列：
 GATCTTAACA AGCTTAAAAA AGAATTTTAT GACCAGAATC CAACAAGAGC TCTATTTTGG 60
 AATTGTGCCC AAGTTGGTGA TGTCTACTCT AAAATTAATA 100

配列番号： 5719
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06694
 配列：
 GATCTGAACT GCCTCCTCCT TTCTCTGGCC TCTNCCCCCT TCCCTCTTCT CTTCAGCTAG 60
 GCTAGCTGGT TTGGAGTAGA ATGGCAACTA ATTCTAATTT 100

配列番号： 5720
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06696
 配列：
 GATCACGCTA CTGCACTCCA GTCTGGGCAA CAGAGCAAAA TCCTATCTCA AAAAATATAT 60
 ATATATTATC CAGCCCCAAA TGTTTATGGG GTTGTATTG 100

配列番号： 5721
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06697
 配列：
 GATCTTGTGT ATTTTGTCC ATATCCAATG TTATATGAAC TAATTGTATT GTTTTATACT 60
 GTGACCACAA ATATTATGCA ATGCACCATT TGTITTTTAT 100

配列番号： 5722
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06698
 配列：
 GATCTTAATG GGCAGGGTTA AGAAAGTTAT TTAATAATAA GTTACCTATT CTAATAAA 58

配列番号： 5723
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06699
 配列：
 GATCAGAGTG ATGTGTTATG CAGAGAATTA AAGGGTGATG TGATAAAGTG ATTGGGTCGT 60
 GCTTTATGTT GCACAAAAAA ATCTGGAGTA TAAGAAGTTG 100

【1127】

【配列表 1037】

配列番号： 5724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06700

配列：

GATCTTGTTA TTGATTAACC ATTTTCTTAT GCCTTGCTAT TGACATATTC ATGCTCTTTC 60
TACGTCTAGT GGCTGAAAAT GTTGCATGT GGNHCATTTG 100

配列番号： 5725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06701

配列：

GATCTGCATT CTGTAAAAGA GGTACTTTCC CATGATGTAG GCATGAAGTG GTGCCAGTAA 60
GCGTAGAGCG GNAAATNTTG ACITTAGTTA ACATIGGGTT 100

配列番号： 5726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06702

配列：

GATCCAGTAT AATTNCAGAT TCTNGTGTCC CATCGAAGTT TCTAGCAAGA GGACTGTTGT 60
CACATTTCCT TCTTGACTC ATTACTGGTC ACTGAAAACC 100

配列番号： 5727

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06703

配列：

GATCGCAATG AATTTNTAAA ATTACTATTT AANATATTGT TGAGATTCCA TTACCTCCAA 60
TCAGTCTTGG GACATTAGAA CAGTGGTATA ATTAAGACTG 100

配列番号： 5728

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06704

配列：

GATCTTTTTT ATTTTATAC ACATGACAAG ATTTTACATC AAGAATAGTC AGTTAAATAG 60
TACAAATTTA CATTATGAG GAATGTTAAA AAAAATTCAA 100

配列番号： 5729

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06705

配列：

GATCCATACA GGTGTTTGC CATCTTNCCT CTTGAGGTTT AGGAGATTCT AAATTGAATA 60
TTCCACGGTT TGGGGCAGCA TCCGGAAGTT TTCCCTATGN 100

【1128】

【配列表1038】

配列番号：5730

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06706

配列：

GATCTTTTGA CATACTCACT TTGAGTGGCA TATGCCCAGG AAAATATTTA AAAGAAAGAA 60
AAGCTATTTT TACAAAGTTT TCTAGCAGTT CCACTCAGAT 100

配列番号：5731

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06707

配列：

GATCCCCCGA ATAACCTTTT TCAATCAAGT TGAAAAACCA AACAGCTATG TAAAGTCCCC 60
AGGAGAGCTC TTTTTCCTT ATNTNCTCAT TTNTTTTGT 100

配列番号：5732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06709

配列：

GATCTGAAAC AGAAACCACC CTCCGGAACC GCCCAAGAAA GGNCTGCTCC ANANACTCTT 60
CAAGCGGCAG CATCAGAACA ATTCCAAGAG TTCGCCCAGC 100

配列番号：5733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06710

配列：

GATCCTTGGT ACCCCTAAAA AGATTGCNAA TTTNNTTCAT CTTTGCCATA TGGAGGACTG 60
TAACANACTT TGGACAGTGG CCTCTTNA GT TCCTCTGCAG 100

配列番号：5734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06711

配列：

GATCAAAACA AGATTTTCCC AGTAAGAATA TACTGGGACA TAACAAATGA AAATATTTAT 60
ACCAAAATAC CAAAAGTNAT TCACCTCTTT AAAATATCCT 100

【1129】

【配列表1039】

配列番号：5735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06712

配列：

GATCCAAGTG CGGAANTCAC AGAAGGAACG GATTACAATT CTCCTNCAGN TAGGGAACCC 60
CTAAGNCCAC AGAAGATAAG GAGGAAACAA TACAGAAACT 100

配列番号：5736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06713

配列：

GATCAAGTTT TTAATAATTGT NCTNTTATTG TTTTAAATTA AGAACTTTTT GAACTAAAC 60
CAGAACTCT GCCATAGTTC ATTGATTTTA ACATGAAACA 100

配列番号：5737

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06714

配列：

GATCCTGTGT GGAGAGGGAA TGTGAAATTA ACATCATTTT TTTTGGGAG AGACTTGTTT 60
TGGATGCCCC CTAATCCCCT TCTCCCCTGC ACTGTAAAT 100

配列番号：5738

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06715

配列：

GATCAACATG GTGGAACAAA ATGATAAAGA NCAGAAAACA TTTCAATATA TTAATAATAA 60
CTTTTTCCAA TATAAATCCT AAAATTCCTA TAACATAGTA 100

配列番号：5739

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06716

配列：

GATCACAAC TGTAAAAAAA ACTGCACACG CAAAAGACTA CAGCGAAATA TGTAATTNAT 60
TATNTTGT TCTCTCAGTG ATAAGATGGG GTGGTTTCTT 100

配列番号：5740

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06717

配列：

GATCGTAGCT AGTTTGTATT GTCITGTCAA TTGTACAGAC TTTTAAAAA AAACAACCAC 60
CAGTGAAATG TGTGTGTATA CAATAAACTG AAA 93

【1130】

【配列表1040】

配列番号：5741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06718

配列：

GATCAACATT TATGACCTAA GTCAGGTAAT ATACCTGGTT TACTTCTTTA GCATTTTNAT 60
GCAGACAGTC TGTATGCAC TGTGGTTTCA GATGTGCAAT 100

配列番号：5742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06719

配列：

GATCAAGCCA AAAAATCCAC CAGGAANTCC TACTGACTCT CTTTNTAAAA TATAGTCATT 60
TAACNGTCAA AAGAGTCCCC AATAATGTCA GTNCTAAGAT 100

配列番号：5743

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06720

配列：

GATCTCAGTA TCATACTGAG ACACCTCCCC TGAGCCTTAC CTACTTAAAT TGGTAACCGT 60
CCTACCAAAA TTTGTCAATT TNAATCAAGT GAGGCAAGTT 100

配列番号：5744

配列の長さ：56

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06721

配列：

GATCTGGAAG AGTCAAGAGA AGAGAGCAGA AAGCAGGCTC TTGCTGCTAA AAGAAA 56

配列番号：5745

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06722

配列：

GATCACCCGA GGTCAAGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC CCATCACTAC 60
TAAAAATATG TAAATTAGTC GGGCGTGGTG TCACGTGCCT 100

配列番号：5746

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06723

配列：

GATCTGTATT GGATAAGGAC CAATGNCAGC AAAGCAAAAA TGGCTTTAAN AGCTTGGTGT 60
TACITTTCTT AAGTTGTTTA ATTATAGTTA AGCAATTTCA 100

【1131】

【配列表 1041】

配列番号： 5747

配列の長さ： 69

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06724

配列：

GATCTAAAGA TGATGGAAAA CATCAGCTAC ATTAAATACT CATAAGCAAA ATAAAGGCTG 60
GCCTGTAAA 69

配列番号： 5748

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06725

配列：

GATCCAAAGG GAAGGGACTA TGCAAGGGCA TTTATAAACG NTGGACAAGG GTTCATTATA 60
GAACACCANT GTNATGGACT ATCCCAAGCA TGTACCACTG 100

配列番号： 5749

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06726

配列：

GATCTGAAAA AAAAGTTTCA CCGTTTGTTT TCTTACCTCA TTTTAAGAAG CATGTGAAAA 60
TGGGATACTA TAGACTACTG AGAATTTTCAG AAATTGAGAA 100

配列番号： 5750

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06727

配列：

GATCTGCAÇA GTTTGGTTTT TGCACAAAAG TCATTTAAAA AAATCTGAGT AATTGTCAAA 60
TATTAAAAGA AAGNTATTCT TCCTGGTAAG GAATACAGTT 100

配列番号： 5751

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06728

配列：

GATCCACCCT CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GAGGATTACA GGCATGAGCC ACCACAGCTG 60
CCCCCTTCT NTTTTATGNT TGGTTTTTNA GAAGGAATGA 100

【1132】

【配列表1042】

配列番号：5752
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06730
 配列：
 GATCCTTCCA CCTTGGCCTC CCAAAGCATT GGGATTACAG GCGAGAGCAC TTGGTTGGCT 60
 AAAATATTTA TATTACCTG NCATNATTTG TTGATTTGGG 100

配列番号：5753
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06731
 配列：
 GATCACAGTC TTCAGGTCCT CTAGCAGGGG TGAGGGAGAG CAGCGACTTC AGCTGAGTCC 60
 CTGCCAGTGG TTAAGCAAAC AATGGTTTCA AAATTCAAGG 100

配列番号：5754
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06732
 配列：
 GATCGCGCCA CTGCACTCCA ACCTGGGTGA CAGACTCTGT CTCGAGAACA AAACAAACAA 60
 ACAAAAAGAT TTTATTAAG ATATTTTGT TAACTCAGTAA 100

配列番号：5755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06733
 配列：
 GATCCATGGA CCATCTGGGT CATGGCGCCT GGTTTCAGAC AACCTGAATC AAATCTTAGG 60
 GGTGGGGCTT TGGGATGTCA TTGTTCAATA GGCACCTCAG 100

配列番号：5756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06734
 配列：
 GATCCTGAAG CTTACTATGC AGCCTACAAA CAGCCTTAGT AATTAAAACA TTTTATACCA 60
 ATAAAAATTT CAAATATTGC TAACTAATGT AGCATTAACT 100

配列番号：5757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06735
 配列：
 GATCAGATTG AGGTTATGCA TTTTGGCAA GAAAACCACG GCAATGATAT GCCCGTCTCG 60
 GTGCATTNA TCAGGAGATA CTTGATGTCC ATGTGTCATA 100

【1133】

【配列表1043】

配列番号: 5758

配列の長さ: 86

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06736

配列:

GATCCTTGAA TGAAGGAA CCCTCACCAT GGGGCTTACT GTTATAATNT TTCTTCATTT 60
ACTGTTATTA AAAGATTAT GAGAAA 86

配列番号: 5759

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06737

配列:

GATCAGAAGC TGCCAGGAAC AAGGAGAAGA CGCTCCCCTT CCTCACCTTC CCACCCCCAC 60
ATGGCTTCTC ANTCGGGGA AAGATACAAC TTAACCTTAA 100

配列番号: 5760

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06739

配列:

GATCCTNTGT ACATGAAATG AAAGGTGCAT CANCTTGGGG GCTGGGAAAC CTGCAGTATG 60
GNTTACTNC GTCCCTATCA CTGGTGTGGC TGTGGGCAA 100

配列番号: 5761

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06740

配列:

GATCTCAAGA AAAAGCAGGA ATTAAATAAG ACAAGGNNCA GATTAANATA CCTTTCCCAG 60
CAGGGGAAC AGCAAACCTTA AAGGTTCTAA GGCACANGAG 100

配列番号: 5762

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06742

配列:

GATCATGCAC TGTTGACCAC TGAGCAATCT GTGTNACACT AGAGTTCACA GGGCATTTTA 60
AGTGTAGACG TGAGTCCTTA AACATATTTN GNTTCTCTC 100

【1134】

【配列表 1044】

配列番号: 5763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06743
 配列:
 GATCCCTATA ACTCAAAATA ACTTGTTTGT AAAAGAAAAT TTGTTTACTT ACCCATTAGT 60
 AAGTTCCTGC ATATTCATTA TAAGATGGCA AATCAAACCT 100

配列番号: 5764
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06744
 配列:
 GATCCTGGAA GTAATCCGGG CACACTTACA TTTGTTGTCA ACAAGAACAA TCCTTTCATC 60
 TTCTTGGGCT TTCACATGAA CAGCCTTAAT AAAAACCGCC 100

配列番号: 5765
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06745
 配列:
 GATCACAAAT TAATGTTGGG GAAAATAAAG ATTTAATATT TCTTTAAATA GAAAAAGAAT 60
 TTGTTTTTCC TCGTTTAAGA GCAATGAGAA AATNATGGAA 100

配列番号: 5766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06746
 配列:
 GATCCAGGAA GCGGCTGGAG ACATTCCTGA GCCTCCTGGT CCAAAACCTG GCACCTGCAG 60
 AGACGCATAC CTAGAGGAAC TCTAACCCCG GTGTACCTGT 100

配列番号: 5767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06747
 配列:
 GATCAACATT CCAGGGTTGG TAATGTTGGA TGATGAAACA TTCATTTTAA CCTTGTGGAT 60
 GCTAGTGCTG TAGAGTTCAC TGTGTACAC AGTCTGTTTT 100

配列番号: 5768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06749
 配列:
 GATCTCACTA TAGAGGCATC ACTAATTGGG GAAAGACAGA CTAGGTAATA GTCAGATGTA 60
 ATATAGTATG TTTAANCTAT AGGATGGCAG GTNCATGANT 100

【1135】

【配列表1045】

配列番号： 5769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06750

配列：

GATCTGAAGT TGCAGGTAA GCTTGTNTGG TCAACATTCC AGTGTGAAA AATAATTTAA 60
ACAATCTTAT TCTCTTAATT CTTTGGCAA CAAAACTAT 100

配列番号： 5770

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06751

配列：

GATCAATGCA AAAATTGTTA TATATGAACA TATAACTGGA GTCGTCAAAA AGCAAATTAA 60
GAAAGATTTG GACGTTAGAA GTTGTCAATT AAAGCAGCCT 100

配列番号： 5771

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06752

配列：

GATCTTTACA ATTACAGTGT AGTAGACAAT TCGGAATTAA TITGAAACAC ATCACAACAT 60
AACTTGAGAA AATTTCTTAN TGTATATGTA GTGGTAATAA 100

配列番号： 5772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06753

配列：

GATCATAAAT TTTTCTCAGT GTCCTTTTGG TGTGAACAC ATATATCTGA AACCTGTATT 60
TAACCAGATA TTTCTACTCA ACTGAATATA CAAGTGATAA 100

配列番号： 5773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06754

配列：

GATCCACCCA CCTCGACCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ATGTAAGCCA CCGTGCCTGG 60
CCAAAGTTTT CTAATACCTG TTTATAATCC CCTTCTTTGT 100

【1136】

【配列表 1046】

配列番号: 5774

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06755

配列:

GATCTCTGTT TTGACTAAAC TAGAGGAAAA ATNATTGGAT GTGTTTATTC TTTTCTAAGC 60
AGAATGCTTT AACTTTGTAC TCTTTGAAAA ATAATGCTGA 100

配列番号: 5775

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06756

配列:

GATCCTGCTG TGGCACGGGG CCTATGTGTC TCTGTCCCGT CTGCTGTGAA GACATGATGC 60
TCTATTTATT GTAGAGAGTG ACTTTATTTG CTTTCTAGAA 100

配列番号: 5776

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06757

配列:

GATCTTNTCT ATACCATTTA ATGTAGAAAA ACTAATTTTC TATAATTNTN TCTATTAAAG 60
GTGACATTAA TGCTGATAGA AAAATATTCC CACATATATC 100

配列番号: 5777

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06758

配列:

GATCGCAAAG GGATTGTTCT TATAAAAGTG GCATAAATAA ATGCATCATT TTTAGGAGTA 60
TAGACAGATA TATCTTATTG TGGGGAGGGG AAAGAAATCC 100

配列番号: 5778

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06759

配列:

GATCTAGATC AGATTACCCA TAGCAGGGAA AATAATTCAT CACCTACCAA AGACTGTACG 60
GAAAGGTGTG TTATTTTCAA AATTGCATT TAGTTTGCAC 100

配列番号: 5779

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06760

配列:

GATCCTCTCG CTTGTCCACT GGGGCATGTA CAGTGGGCAC GGAAGCTGG AATTCGTATG 60
ACGGAGCTNT ATCTGANCTA CACTTACTGA ACAGCTTGAA 100

【1137】

【配列表1047】

配列番号： 5780

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06762

配列：

GATCANAGGT CTTGAGGTCT TTACATCTTG ACATATACAC TGAAAAAAAA GGGGGTTGTA 60
TGTATNAATG TGCTACCCAA ACCTNTGGCC GCCACTTTTA 100

配列番号： 5781

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06763

配列：

GATCTTAATG CTTCTCCTGC TCTGTAAGCC TCTNAAGAGC AATATCTAAT TAATTATTAC 60
TGTAATTTTT TAAAAGGCTT TAAAGTGCCT CAGGGGTCCC 100

配列番号： 5782

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06764

配列：

GATCTGTACT ACAGGAACCA AATGTCATGC GTCATACATG TGGGTATAAA GTACATAAAA 60
TATATCTAAC TATTCATAAT GTGGGGTGGG TAATACTGTC 100

配列番号： 5783

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06765

配列：

GATCTAGAAG TTGCAACATT CGTTTGATAG GAATTCCAGA AAAGNAGAGT TATGAGAATA 60
GGGCAGAGGA CATAATTAAG GAAATAATTG ATGAAANCTT 100

配列番号： 5784

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06766

配列：

GATCATTCCT GTATTAACT TTCATATGCC AAAAGGGTTT GTCCCGTTTN ATCTGCCATC 60
AGTGTTTGAC CTGTTTAGGG CAGAGGCAAT AAGTCAGAAG 100

【1138】

【配列表 1048】

配列番号: 5785
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06767
 配列:
 GATCCANGNT AAGAGGCNCC CCCCCGACCA GCAGAGGCTC ATCTTTGCAG GCAAGCAGCT 60
 GGAAGATGGC CGCACTCTT CTGACTACAA CATCCAGAAA 100

配列番号: 5786
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06768
 配列:
 GATCTACTCA GACAGGACCT TCGCACCTTT GCCAGAGTTT GAGCAGGAAG AGCATGATGG 60
 TGAGGTAAC TGGAGCTCTG ATGAAGACTT TATACAGCCC 100

配列番号: 5787
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06769
 配列:
 GATCGTTTTCT TTAGAAAAGT GGCATTGGCT TTTGAATATG AAATCTTCTC ATAGCTGCCT 60
 AAAAAAGACT AGAATGTATA TGGATATCAG AAACCTTTAA 100

配列番号: 5788
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06770
 配列:
 GATCTTCATC TGAATATGAC ATAAAAACAA CTTTATACCC AGAAAGTTAT TGATAAGTTC 60
 ATACATTGTA CGAAGAGTAT TTTTGACAGA NTATGTTTCA 100

配列番号: 5789
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06771
 配列:
 GATCCTCCTG CCTCAGCCTC CTGAGTAGAC GGATTATAGG CACCTTGCCC AGCTTCTATA 60
 GCAGCATTTT TTTCTAACAC CTAAAAATG GAAACAAGCC 100

配列番号: 5790
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06772
 配列:
 GATCTGTCTG TNCACATGCC TCTNTAGAGA GCAGCATTCC CAGGGACCTT GGAAACAGTT 60
 GGCAGTGTAA GGTGCTTGCN CCCCAGACA CATCCTAAAA 100

【1139】

【配列表1049】

配列番号： 5791

配列の長さ： 77

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06773

配列：

GATCANGAAG CTATTTTCNA TTCTGGGGAA CGATTATAAC TTAAATNATT GTTTTAATAA 60
AAATTCTAAG CTGAAA 77

配列番号： 5792

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06774

配列：

GATCCAATTT CTTTGTGGTA CCTGCAGTTT ACAAATAAT TTGACTTCAG TGAGCATATT 60
GGTATCTGGA TGTCCAATT TAGAACTAAA CCATATTTNT 100

配列番号： 5793

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06775

配列：

GATCTGCATA TNATGTATTA GGTTAGGTCA CAAAGGTTTT ATCTGAGGTG ATTTAAATAA 60
CTTCCTGATT GGAGTGTGA AGCTGACCNA TTTCTAATAA 100

配列番号： 5794

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06776

配列：

GATCGTAACC CCTTGTTGAC TAATCTNGCC GTGGTTTTGT NTAGGTCTGC AGGAAGGAAG 60
NCTNAAAAAG CGGACGAAGA TTTTNACTTA AGTGGGACTT 100

配列番号： 5795

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06777

配列：

GATCCTAGTA AGTCANTNGT AGTTTACTGG TGANGTGAGC ATTNTAGATT CCCCCNTTAT 60
CACTAATCAC ACAACAATTT TAAGAAGTAG GCTATAAAAC 100

【1140】

【配列表1050】

配列番号： 5796
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06778
 配列：
 GATCTCATTI GCTGGAATGA TTGATTTAAG AGTAAAATTA GCCACTGCCGT NTGTNTNGTG 50
 TATAGTAACC GGTTTTNTTG CACTTGTCTG TGGCTGAAAC 100

配列番号： 5797
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06780
 配列：
 GATCCTTATA AATNAGAAAC ATGCAAGCTT CAGCTGCTCG AGTTCTATAG TGTACCTAA 50
 ATCGTATGTG TATGATACAT AAGGTTATGT ATTAATTGTA 100

配列番号： 5798
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06781
 配列：
 GATCCGGCAA ACAAAACCACC GCTGGTAGCG CGTTTGTNTT TGTITGCAAG CTTCAGCTGC 50
 TCGANTTCTA TANNGCCACC TAAATCGTAT GTGTATGATA 100

配列番号： 5799
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06783
 配列：
 GATCCTTTTA AATNAAAAAT AAAGTTTTAA AAAAAACAT GCAAGCTTCA GCTGCTCGAG 50
 TTCTATAGTG TCACCTAAAT CGTATGTGTA TGATACATAA 100

配列番号： 5800
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06784
 配列：
 GATCTTCTCA ATGGGTGGNC TCCTGGTATT CGTGGGACCA CCTGTGGGCA CAGGAGCCAA 50
 TGTGTTTACG ACAGCTGGGC AGAGGGAGCT GCTAGTCAGC 100

配列番号： 5801
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06785
 配列：
 GATCTCAGAA TACAAATTTA AATAAATTAA TTTAATTCTC AAAACACCCT TGATTGGAAC 50
 TTACAGCTGC CCTCTGTAT TCGTGGGTTT AACCAATCAC 100

【1141】

【配列表1051】

配列番号： 5802

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06786

配列：

GATCCTGCAT TTATGGTGTA GTTCTGAGTC CTGAGACTTT TCTGCGTGAT GGCTATGCCT 60
TGCACACAGG TGTTGGTGAT GGGGCTGTTG AGATGCCTGT 100

配列番号： 5803

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06787

配列：

GATCTAATCC CTTCAAGGAA GTGATAACAC TGGAGTGGTA ACAAGAGGAG CAGGAAGCAA 60
GGCCAGCCCT GGTTCTCCAT CCCCATGTGT TTCAGGTGGA 100

配列番号： 5804

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06788

配列：

GATCATGTCT TTCAGAATCC ATGTACATAT AGGCTGTNCT AGCCACAGTG GTAGATTTAT 60
GATTCACATC CGAAAGTGTG CCTTAGTTAT CAATTTAACA 100

配列番号： 5805

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06789

配列：

GATCATGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CCAGGTGAGA CCCTGCCTCA AAAATAATAC 60
AATAAAAAGT AAAAGCAGCC CTGGGGAAAT GGAGACAGTG 100

配列番号： 5806

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06790

配列：

GATCTTTAAC TCCTCCTGGC TGCACCTGGG TAGGGATGGT GGCATCGATG CCCCTCTGTC 60
TGCTGAAGGA CCTGTTGCTG CTTCTGTCTT TTCACCCCTC 100

【1142】

【配列表1052】

配列番号：5807
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06791
配列：
GATCCACCCA CCTCGGCCCC ACAAAGTGCT AGGATTACAG GTGTGAGCCA CCATGCCCGG 60
CCCAGAATAC TTTTAAAAAG AAGAGCAGGT TAGAGGAAAG 100

配列番号：5808
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06792
配列：
GATCTGGTTG GGGTTTTGGG TTTTTGTTG TTGTTGTTTA TTTGTTATTT TAAAGCTAAA 60
TTGCACTTTT AAAAAAATAA TTGGTTGACT TAATATATTN 100

配列番号：5809
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06794
配列：
GATCCTATGT TGCTGGAAGT TGCCAAACAG GATGTTGTGC TCAATNACCC CATGTGAGTG 60
CGTGGACTCC TGGGAGCTCC TGCTCCNTAC AGTGGGCTGC 100

配列番号：5810
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06795
配列：
GATCCTGAGT AATCCTTTTA GAGCCCGAAG AGTCAAAACC CTCAATGTTT CCTCCTGCTC 60
TCCTGCCCCA TGTCACAATA TTTCAGGCTA AGGATGCCCC 100

配列番号：5811
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06796
配列：
GATCCTCCGG CCTCAGCTGG TCTACAGGCG GGTAATCAAG GGACTGGGAC TACAGGCGCG 60
CCCTGCCCGG CCGGACAAG TTTTGTATTT TTAGTAGAGA 100

配列番号：5812
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06797
配列：
GATCCGCGGA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGAGCAC GTGCGCCTGG 60
CCAAGAATGG ACATTTTTTA AAAAAACATC AGTACTTCCT 100

【1143】

【配列表 1053】

配列番号： 5813

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06798

配列：

GATCCTAGGC TCCCTCCATC CCTGGTATGT GGTCCCTCATT TTCATATAGA CCAAGAGCTA 60
GAGCTCCAGT TACCATTCTT TAAAGTATAT TTTAATGCCA 100

配列番号： 5814

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06800

配列：

GATCANCTAA GGTCAAGAGT TNGAGACCAG CCTGACCAAC ATNGTGAAAC CCTGTCTTTA 60
CTAAAAATAC AAAAATTTAC CAGGCACCTA TAATNCCAGC 100

配列番号： 5815

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06801

配列：

GATCAGTGGG CCTCCAAGGA GGGNCTGTAA AATGGAGGCC ATTGTGTGAG CCTATCAGAG 60
TTGCTGCAAA CCTGACCCCT GCTCAGTAAA GCACTTGCAA 100

配列番号： 5816

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06802

配列：

GATCCTGTAA GCAGACTTGG GCAGTCTCCT TTAGAAATAG GTTGTCTGTA CATGTTCTAN 60
GGTNTTGTAG ACACGTGTGA CTGTNTANGT GTATTGATGT 100

配列番号： 5817

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06803

配列：

GATCCATANA AGAGCTCCTA AAGAAGAACC CACATGAAAA ACTATCAGAA TCATGTTTAA 60
GCTAAACCCA TATNCAAAGA CCAANCNACG NACCACCATT 100

【1144】

【配列表 1054】

配列番号： 5818
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06804
 配列：
 GATCCTGGTG TGTGTATTAT ATAAAGAGAC CCTCCCCCTT ATTTTGTGTT TTCCATCCCT 60
 CTCCTTAAC AGGATTGAAA TAAACATGC TTCTGTTTTT 100

配列番号： 5819
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06805
 配列：
 GATCANCAAA ATCCAATTTT ACATGTGGCA CTAGGAAAAAT GGAATGCTAT AAAATTAATC 60
 CCCATCACCC AAGTAGGGAT GCTGGTGCTT TTATACTGAG 100

配列番号： 5820
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06806
 配列：
 GATCTCGGTC ACGTGTCCCG GCGGCTGAGG GGAAAGGAAG CGGGCATGAT TGTAGACAAT 60
 GAGGGGGTTC TCTGATGTA ATGAAATGCA ATTTTATGGT 100

配列番号： 5821
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06807
 配列：
 GATCTGGGCC CTGAAGTATA TAAGTAGGAA TTTGCAAGAT GGATGAGGTA GAAAAANGTA 60
 TTTTATATTG TGGAATAAAC AGAGGGAAGA GCCATTTGTC 100

配列番号： 5822
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06808
 配列：
 GATCTTCTAG TTNCTGTGTT GTTTAGACTC AAAGAATCAC AAATNTGTCA GTAACATGTA 60
 GTTGTTTAGT TATAATTCAG AGTGACAGA ATGGTAAAAA 100

配列番号： 5823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06809
 配列：
 GATCITAGCA CCCAACTCTG CTGCCCTTNC TGCTGGGCAG TGCCTNTCCT AAGAGGGGAC 60
 TCCCTAAAGG CCAGAGAGAG GGTGCTCATC TCCAGGACCT 100

【1145】

【配列表1055】

配列番号: 5824

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06810

配列:

GATCATGCTA GTNACTTCCT GCCCCAGGC ACCGTGCCAA ANACTGGATG CCCCCTACTC 60
 CTCAGGGGAC TGTCCAGGGC GCCCAGTGGT AGTGAGGGAG 100

配列番号: 5825

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06811

配列:

GATCTNCTTT ATAGCCANCT CTCCTCACTT AACAGGTACT TTCTCCAAA ACCTAAGAAC 60
 CAAAGTCTTC CGCTTGCAAC TTGGGATGGT GATATGGCTG 100

配列番号: 5826

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06812

配列:

GATCATCGCA AGGAAGNAGG CAGACAAGAG TAAGGCACAC CTGACTCTTA GGACTAGCAG 60
 TCAGAACAC GAGGAAAGNT TTTATTGCTA TCGGGGTAGG 100

配列番号: 5827

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06813

配列:

GATCTCTTGT CCACTAAGTA TCTTGTTAAA TGCCAGTATC TCAGTCTTTC TGAAGCCCTG 60
 AAATGGTAAT TGTAGCATT TCAAAAATNT CTTTCATTTG 100

配列番号: 5828

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06815

配列:

GATCTTCCAG ATTAGGCTAA ATGTAATGAA AACCTCTTAG GNTTATCTTG TGGAGCATCA 60
 ATTTTGAAG AATTATTGAA TTATCTTNCA AGAAAAAANT 100

【1146】

【配列表1056】

配列番号: 5829
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06816
 配列:
 GATCAGCCCT NCCCTTCAGC ATCCTCAGNT CCTGNAGCAG AGCCTGGAAG ACACCCTAAT 60
 GTGGCAGCTG TCTCAAACCT CCAAAAGCCC TGAGTTTCAA 100

配列番号: 5830
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06817
 配列:
 GATCCGCAGT CCTAACAGGG TGAGAAAGCA CAAGAGGGGC CAGCTCGGCT GAGGCCTGAG 60
 GAGAAATAAT GAGAAGTTTT GTTCGTTCT TGGGCTGGGG 100

配列番号: 5831
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06818
 配列:
 GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATNTAT TTGTGCTAA ATGTTCACTT TTTATAGTNA 60
 TGTCTGTAT TCTAAACAGT AAAGGGGNTT TATTNCTATC 100

配列番号: 5832
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06819
 配列:
 GATCTCAGAA GTTTTNAAAA ATAGCAAAGA AGACTGNATT TGGAAANCAAT GGTCTACAAT 60
 TGGNTGTAA ATNCTGAAGC TATGAAGAAT AAATATTTCA 100

配列番号: 5833
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06820
 配列:
 GATCTNTAGA ATTNTTATTG TAATTTTCCT ACTTCTTTGA TAAAAGAAAA ATAAGTCAGA 60
 TTGTTAACTC CAAGATTGAA AAAAAAACT-CTTGAAAGAN 100

配列番号: 5834
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06821
 配列:
 GATCCCTGCC CTINTCAAGA CTTTAGCTNT TCCTTCCATC CGGTGGCCTA TTCCAGGAAT 60
 TCCTCTTTTG CTTAAATCAG TTGGAGTTTG TNCCTGTTGC 100

【1147】

【配列表1057】

配列番号: 5835

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06823

配列:

GATCTTCCAT GTTTTGACGT TTGCAGTCAC ACACAACACC TTAGTTCCTC TAGGGGCTGT 60
 ACAGTATTGT GGCATCAGAT AATGCCACCA AAGGAGACAT 100

配列番号: 5836

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06824

配列:

GATCCAGGAT ATTTTTTAAG AGGTTCAAGC TTGTGACTGT TAGTAGTGCA AGGATTTGTA 60
 TGGGCTCAGT GATTACAAAC AAAGACATGC AAANTACAAC 100

配列番号: 5837

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06825

配列:

GATCCACCT TTGCTCCTGA CAACACTCAT TACACTAAAC ACCTCTTGGA TTTGGTGAAA 60

配列番号: 5838

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06826

配列:

GATCACTGGA TGGATAGCTC AGCCTGGGGC ATTTAGTGTT TTCCCTGGTG ATAAATCCCC 60
 AAGGCAGCTG GATTTGGAGC TGGTGGCAAG TTGAAATNAT 100

配列番号: 5839

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06827

配列:

GATCTTTGGA CTGAGAATGT TTGGTAACAT AGTCAAGCAT TTGTTAAGCC AAGTGTGGAA 60
 ATGTTCACTT TTAACTTTA CAGTTTTTTT AATGAGCAAT 100

配列番号: 5840

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06828

配列:

GATCTGGCCT TTTCTTAACA AAATCNGTGC AAAANATGCA GGTGGATGTC CCTAGGCTCTG 60
 TTTTCAAAGA ACTTTTCCA AGTNCITGTT TTATTTATTA 100

【1148】

【配列表 1058】

配列番号: 5841

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06829

配列:

GATCTCCATA AATNACTTAG TCTTCTATGT ATAGCTATCA AGGAAATAAA ACCAATTTTG 60
CCACAAA 67

配列番号: 5842

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06830

配列:

GATCAGAACA AAAACACCAC TCTTTAATGG GTCTTTTTCT TGGCTAGAAG TCTTTCCTCA 60
GTTTTTGTG ACTATCATAC GCTGATTGT GGGTNATGGA 100

配列番号: 5843

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06831

配列:

GATCAGGTGT CTATAACATT TTTAATTCTC TCTGGAACA GACTCAGGT TCTTTGGACC 60
AAATCCAAAA GAACACATAG CTGTAACACA GCTGTAGTTG 100

配列番号: 5844

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06832

配列:

GATCCGCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGAGCCCAG 60
NCTGTATCCA TGTNTTCTGC ATGTTGATTC AACCAGCTAC 100

配列番号: 5845

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06833

配列:

GATCATGATA CAATTATTTT ATTAAGTCAT GGTAAATAAC AAATGAATCC AGACTTGTCT 60
AACAGATTTT CCATCAACAA ATATTGTTAT GTGCAAAAGT 100

【1149】

【配列表 1059】

配列番号： 5846
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06834

配列：
GATCTATCCC TCGGGCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
GCCTAGCGGA NCCAGCTGG GAGCCAGAG GGTGGCAAGA 100

配列番号： 5847
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06835

配列：
GATCAACTTT CCTTCTGTGT GTGGCTCAGN AGTTCTTCTG CAGAGATGGC GCTATCTTTC 60
CTCCTCCTGT GATGTCCTGC TCCCAACCAT TTGTACTCTT 100

配列番号： 5848
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06836

配列：
GATCGCATCC CACAATGCCA GAATAATAAA ATAAAATTGG ATATTTGAGA AA 52

配列番号： 5849
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06837

配列：
GATCCTCCCG TCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCGCACACCA CCAATGCCCA 60
GCTGTTTTT GTGTTTTTCA TAGAGACGGG GTCTCACCAT 100

配列番号： 5850
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06838

配列：
GATCATNAAG GACATTCCGA ATCTGGAGGA CATCAGGAAG ACCTTACCAT CTGGCTGCTT 60
CAACACCCCG TCCATTGAAA AGCCCTAGTC TCTTTAGGGC 100

配列番号： 5851
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06839

配列：
GATCATAAAT ATTAATAATN AAAACTGAGA AACTATTAC AATGCATTCC TTATAAATAA 60
ATGCTACATT TAGTAACCA TTTACCCAA A 91

【1150】

【配列表1060】

配列番号: 5852

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06840

配列:

GATCAGCACA AGTAACAGAA AATNAGCCTG ACGGTGGCIT AAGCAATGGG AATGTTTATC 60
TCACATAGCA AAAAGTCTGT AAATAGATGG TTCTAGAGTT 100

配列番号: 5853

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06841

配列:

GATCCCACTC TGATTGCATC CATTCTCTG AAAGACTTGT TTGTNCTGCT TCTCTTCATA 60
TAAGTGAAGT GGCCTTATCC TTGGCATCCC CCTAAACAAA 100

配列番号: 5854

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06842

配列:

GATCCAGTGA CAATNTGCCC CCTGCCAGCC TGNGTGTCGT CACTCATCAT TCATTTCATC 60
ATNCTAGAGC CAGGTCTCTG CNTCCAGAC GCGGGGGNG 100

配列番号: 5855

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06843

配列:

GATCATTCTC TCTGAGGGCA GATGAGGCCG AGGAAANNAG TCTTGNAAT GTTAAATATG 60
ATGGGTAAAT TAAAAGITTT GCAACATTCT ACCTAATATT 100

配列番号: 5856

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06844

配列:

GATCGTGTTT ACAGAGGACT TCTTTAAAGT GTCACATTTT TAAAATGTAA ACATATTTTT 60
AATGCATACT TAAGTAATAT TTAAGAACT AAACAAAATA 100

配列番号: 5857

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06845

配列:

GATCTCCAAG AAGTGACTCT AGCAGAAGAT TTTATGGTGA TAAGCATNCC AATCANGAAA 60
TGAAACCAGT GTTCCTGAGT GCACACTGAC ATGTCTGTGA 100

【1151】

【配列表1061】

配列番号： 5858

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06846

配列：

GATCTGAAAT ACTGACAGNG TTCCCCAAAG TTAGATATTA ACACAGCTTT TNACNTCTCT 60
TATGAGAACT TTACTGTAAA TATACCTTTA TCATAGAAAT 100

配列番号： 5859

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06848

配列：

GATCCCAGAG TTCAGCCAGC CTGGGGTCCA GAACTCAAGA GTCCGCCTGC TTGGAGCTGG 60
ACCCAGCGGC CCANAGTCTA GCCAGCTTGG CTCCAATAGG 100

配列番号： 5860

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06850

配列：

GATCGCACAC TACGCTCCAG CCTAGGTGAC AGAGTGAGAC TCCATCTCAA CAACAACAAC 60
AACAAAAAAC CACAAAAACT ATATTTTAA TCATGTTTGG 100

配列番号： 5861

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06851

配列：

GATCTGAAA ANCTGCTGAC AGAGTGGCCA GACACAATAC CACTGTCTTT GGCTCTGGGG 60
NCAGTTGGCA TGCCAGGCCT GACTGCCTAC TTTGGCCTAC 100

配列番号： 5862

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06852

配列：

GATCCTGGTG CTATGTTTG AATGTCCCA CAAAACTCA TGTGAAATT GAATTGCCAT 60
TGTTTAACAG TATAAGGGGT GACTGGGCCA TGTGAGCTCT 100

【1152】

【配列表 1062】

配列番号: 5863
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06854
 配列:
 GATCCAGGGT GNCTAAAGAA TAGAAGTAGA GTTCCACCCA GGGCCAGAGG GAACAATCTG 60
 GGATTCAGAC ACAGCAGTGG TGCCAACGTG AATCTACCTC 100

配列番号: 5864
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06855
 配列:
 GATCTATTTA GGTGGAATA GTTGTGGATG TACTAAGAGT AATGAAATAA AATTATAGCT 60
 TCAAA 65

配列番号: 5865
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06856
 配列:
 GATCTTNGA CGAACTGAGC CACGAGCGTG GCTTTAAGGG CCGTCCGAAC GCTGCAGGCC 60
 GGCCAGGTCC CTGGCGTCC AGGCCTGGCC TACGCACCAC 100

配列番号: 5866
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06857
 配列:
 GATCCTATGT GAAAAGAAAA GTGAAGCAAC TGAATCTTCA GCATGTNCTC ATCGGCGGAC 60
 CTTCTTGTGT AATGTAACT GTGCCATGTT ATTAAAAAAT 100

配列番号: 5867
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06858
 配列:
 GATCTAGTAT AAACCTCACT TTA CTCTTTT GGAATAAAGT GATTGGNTAG GACCCCATTG 60
 CCAGGAATAA GANTCAATAT GCTGCTGAGA AGGAACCCAT 100

配列番号: 5868
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06859
 配列:
 GATCCTNAGC GGAGGTTAAG ATATTAAGTN ATTTCCATA TGAATCAGAA TTATATTGAT 60
 TCTGTGCAAT CAAAACAAAA GGCAGANTAG AATGCTGAGA 100

【1153】

【配列表1063】

配列番号：5869

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06863

配列：

GATCCTCAGA CCCTGCACAG CCCTGANTGG CTTACATCT NTTGGTCAGT GTCTTCATTG 60
TCCCCAGTCA GGGACCTNGG ATGTTTGTTA CTNCCAGAAG 100

配列番号：5870

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06864

配列：

GATCACACTG TGAAGATACA CAGAGTCAAT AAATGTGCAC TGTAATGGAC TTAAA 55

配列番号：5871

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06865

配列：

GATCCTGGAG AGCTCCCAGA CTTTGCTCAG CGTTCTCANG AGGNAAGCTG GGAACCTGAC 60
CAAGGCTACA GCCCCAGACC AGAAAAGTAG CGGCGGCAGG 100

配列番号：5872

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06866

配列：

GATCAATTGA TTGTTTAACA ATGGAATTTT GAGAAATATT TGGGTAGAAA AAAAAGTAGT 60
TTTAAAAGAN GAGAATCCAA CCATTAAAAAC ATCAAAANNT 100

配列番号：5873

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06867

配列：

GATCAGAGNN TAGTACAGAA GCCCTGACTC ATGCCTTNAG TANATACCAT ACAGCAAATA 60
AATGGTAGCA AAACATTAAA 80

配列番号：5874

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06868

配列：

GATCTTGCCT AAAGAGCAGT GGACCAAATA TGGAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTTCGGG AAAGAAAATG AAAGNCAAGA 100

【1154】

【配列表1064】

配列番号： 5875

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06869

配列：

GATCAGNATN TGGACTNCAC TGCTTACTNT TGGTTGGACT GGGACAATTT GGGGAATATC 60
TACTATGTTT ATCCTTCAAG AACCCATCAT CCCATTANAT 100

配列番号： 5876

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06870

配列：

GATCTATGGG TAATTTTAAA TTTTGCCTGT CAAGCTTAAN AGGGACTTGA CAACAGCTAG 60
GATNGAAATN ATTTCAACAC TTAAATATGC TTACTTTGTG 100

配列番号： 5877

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06871

配列：

GATCCACCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC AGTGCCCCGC 60
CTGTATTTGG TGATATTTA AAAAATTCTA CTTTGACCTT 100

配列番号： 5878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06872

配列：

GATCCTNTGT ATAACATCGG GGCCTTGCTC AGGGGCTGTT GCGTGGTTGC CCTGCATTGC 60
CTCCGNCGEA CCGCCTTCCG TATCAAAACC TAAATAGAAG 100

配列番号： 5879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06873

配列：

GATCATTATG TAGTTTCTGG ATTAAAAAAA TTTGTGTGTG AAGTTGCTTT GTAAAGTGCA 60
TGTGGAATTA ATGGGACAGT GTGCCCTTTG TGTTAGATGT 100

【1155】

【配列表 1065】

配列番号：5880
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06874

配列：
GATCACCACA AAGTCTGGCT CAGTGACTAT GGCTTTGCAA AACTAAACA TTCCTGTCTC 60
AAGTCCTGTA GATGGCTTGA AATAGTATAC ATAAGCATGC 100

配列番号：5881
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06875

配列：
GATCAGAAAC CCTCATTTAA TATAGATTAT TTTGAAATN AAAAAATTG TAACAAGGTG 60
GCTTCTTAC CCACCCTAAA ATGTAAATAA AACATGCAAG 100

配列番号：5882
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06876

配列：
GATCTTGTCT TTATCTACTT TCTTCAGTAA ACTCTGGAAG AAAAAACTT CCTGGAAGTT 60
TGGCAATCA TTTGCCATTA TTTNCCTTTC CTGAATTTTC 100

配列番号：5883
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06878

配列：
GATCCACCCC CAGGCCTTGC CCCTGCCCTC CCACGAATGG TTAATATATA TGTAATATA 60
TATTTNAGCA GTGACATTCC CAGAGAGCCC CAGAGCTCTC 100

配列番号：5884
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06879

配列：
GATCAAAAGC CAAGCTCTGT CCCCCTCAGC ACGTACCCT CCCTCACTGT AATCCCTGAC 60
TGTTTTCTCT AAATGAAGAA TTATTTAGAG AATATAANTT 100

配列番号：5885
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06880

配列：
GATCAAGTGA TACTAGGAAT ATAGGTACAA GTAAGACTGT CATTTNCATT GTTTTCTCTT 60
TGGACTGATT CTTTNCATTA TAACACCGTT GTGAAGTAGA 100

【1156】

【配列表1066】

配列番号: 5886
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06881
 配列:
 GATCACACCA CTGCATTCTT GCCTGGGTGA CAGAAGGAGA TTCCATCTCA AA 52

配列番号: 5887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06882
 配列:
 GATCTTTNAG TGCTTTGGGG ATGGGGTGGG CTGGGGTCCA TGGATGGGCA ACAGTGACTT 60
 TAATTACCTT TGCTGCTCTG CATTTCAG TTTATNCTTT 100

配列番号: 5888
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06883
 配列:
 GATCTTCCCA ATATGAACAA ATATACTATG TATATNGTGT GTATTTCTAG AAATCAATGG 60
 CAGCTGCTGA TGGNGTTGTA ATTACAANTC TATATAGNNT 100

配列番号: 5889
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06884
 配列:
 GATCAGGACC TACGTTAAGG TGGATTTTNA ATTATTTAAA ATTCTGATTT TGTTTTATTT 60
 TTAATTAATC TTTGGGGGAA GGATGGGAGG GGGGTGAGGG 100

配列番号: 5890
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06885
 配列:
 GATCCTTAAT GGTGGCCAGA GCTACCATGC AGTGCAAAAA TAAATTAAGT GAAAATGTAT 60
 TATTGAGATT AACAGTGCAA GGCCAATACA TTTTATAAAT 100

配列番号: 5891
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06886
 配列:
 GATCCTCAGT GAAGTGCATT CGGAATGAGG ATGGAACCTG GTTAACACCA AATGAATTTG 60
 AAGTCGAAGG AAAAGGAAGG AACGCAAGA ACTGGAAACG 100

【1157】

【配列表1067】

配列番号: 5892

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06887

配列:

GATCCCAGCT ACTTGGGAGG CTGAGGCAGG AGAATTGCTT GAACCCAGGA GACGGAGGTT 60
 TNAGCCAGCC GACACAGTGC CACTGTACTC CAGCCTTGGT 100

配列番号: 5893

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06888

配列:

GATCTCCAAG CGAACTCAGC CTCCTCCCAA GCTCCCTGTG GGTCTAGCC ACAAGCTCTC 60
 CAACAATTAC TATTGCACTC GCGATGGCCG NCGGGAATCT 100

配列番号: 5894

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06889

配列:

GATCTACACA TGTTGCCTTG CATTTGTGGT AATCTACACC AATGGAAACA TGTACTACAG 60
 CTATATTTGA TTATGTATGG ATATATTTGA AATAGTATAC 100

配列番号: 5895

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06890

配列:

GATCCTAAGC AAAATCGGAG ACTTGAACAA AGTTTGTTTC TGGCTGTNTG CCCTTCCATT 60
 TTCTGTTCTC TTCTTTCTCC CTGGAGATGA NAGAACACAG 100

配列番号: 5896

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06891

配列:

GATCANGTTC NGGGCTCTNT CAGCCGCCAC CTCTGGGAAA GAGAAAAGNT TTGGGTCCAC 60
 TGAACATCAT GTTGTAGAC GCTGACAGGT GGGGTCCTAA 100

【1158】

【配列表1068】

配列番号: 5897

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06893

配列:

GATCAGTTTT NTGCTGAAGG CACCTACTCA GTATCTTTTC CTCTTTATCA CTCTGCATTG 60
GTGAATTITAN TCCTCTCCTT TGTGTTCAAC TTTTGTNTGC 100

配列番号: 5898

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06894

配列:

GATCTGCAGC TTCGCGGGGA CAGAGATGTA ACCCAACTCG TTCACGGATG TNCCGCGCGC 60
CGTGTCAACG GCTGCGGGCC AGGGGTACTC GGAAGGCGCG 100

配列番号: 5899

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06895

配列:

GATCTAAATA TGTATTTTAT AATNTTCCCA TAATAAATTA TATAAGGTGG CTAAA 55

配列番号: 5900

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06896

配列:

GATCTGGTTT NATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTGCT TGAGGGGGNG GNATANTATG 60
TGGGTTTTTG TACAAACATG TTTCTCAGTG TGTGTTATT 100

配列番号: 5901

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06897

配列:

GATCCAATGA TTTAATTTTT GGAAGAAAA ATCCAGTGAT TAAAGTCATG CAAGGAGATG 60
GCCTGGGGCT TGCTAAAAGT CAGGTTGCAG TTTCCATTGC 100

配列番号: 5902

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06898

配列:

GATCTATCTC CCTGTTAGGT GTNCTTTTTT TCCTCTTTAG AAAGNAGCCA AGGNAACCAG 60
GGTCTCTCA AAGTGAAAA TACTGGAAGT NATGTACTGN 100

【1159】

【配列表 1069】

配列番号： 5903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06899

配列：

GATCCATTGC TTTAGACAG GACTGGGTTT TGCTGTCCAA TGATATACAN TAATAGTNCT 60
TCTTACAGCT AAGCTGGCCC CAGCCTTGTC TTGATATTAA 100

配列番号： 5904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06900

配列：

GATCAGTAAC TTTATCTCTA TCCTTAATGA ACATTTGTTT TATTGGTGGC TGGAAATATT 60
TCTATTGTAT TTCTGTGTAT ATNNTNAATA AAATAATTTT 100

配列番号： 5905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06901

配列：

GATCAGCAGC TCGGAAGACT CAGATGCCGA AAACCTCGTCC TCCCGAGAGC TGGATGACAG 60
CAGCAGTGAG TCCAGTGACC TCCANCTGGA AGGCCCCANC 100

配列番号： 5906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06902

配列：

GATCATGAAA AGAAAAATNA ATGGCAGGAA AAAAGTTTGG TCCTTAATAT ACTTTGGCCT 60
AGTNAATA TGTGCCTTTT TGGTGTGTTT TGTTCATCAC 100

配列番号： 5907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06903

配列：

GATCTAGGAG AGCGGGCTCT GAACGAGTAC CTGCGGGTCA AGACAGTGAC CTTTCATTAC 60
TGAAGAAAGG TCTTTNTGAG AAGAAAGTCC CTGCCCCCTCC 100

配列番号： 5908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06904

配列：

GATCAAAATC AATGGGAAGG TGCTGCCAAG GTGTCCTAAG CTTCTAGGAT AATATTNATN 60
CTCTCAGGCT TTTGGAAGT CTGCCCAAAG TCATAGTTCT 100

【1160】

【配列表1070】

配列番号：5909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06906

配列：

GATCTTTCCC NTTTGGATGT GCGTGTGTGT CTGCNTGTGC CATGTGCGTG GCACGCATAT 60
GAAGTGTGTG TCGGTGTGAA CGGCTTTGGG TCCTGCTGGT 100

配列番号：5910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06909

配列：

GATCAAAAA CCTAAANTCC ATAGGNACCC NAAATCCTCA CAGTTACAGA GACACCAAGA 60
AGANTCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGGC CTCCACAGTT 100

配列番号：5911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06910

配列：

GATCGAACGG ACTNTAAATC CGCTCTTTAT CGAAAGCTAA GCAAGCTGTG GCTTTTTTCC 60
AACTCCGTGT AACGATTCTA AGTGTAGTGT NGTAGGACCC 100

配列番号：5912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06911

配列：

GATCACTTGA GCCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATGGCTAATN AACACTAAGC 60
ATAGTTTTAA TGTCTTTNAT ATTAAAGACT TTCTCAAATT 100

配列番号：5913

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06912

配列：

GATCCATTCC AGCCACTCGG GGCTGACAGC GGCGACCCGT TCCAAAGTAA AAAGGGGTTT 60
GGGGACCCGT TTAGTGGAAG AGACCCATT GTCCCTCCT 100

【1161】

【配列表 1071】

配列番号： 5914

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06913

配列：

GATCTCGTCT CTAAATAAAA TATACAAAAG AGTATTGGGA GGGGGTATGA AGANTGTATA 60
GGGCAATANT TGAAATCTGT TGAAGCTGGG TACACAAAAG 100

配列番号： 5915

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06915

配列：

GATCAGTGGT TTCCATTGTC AGGACTGGGC ATGGGGAAGT NTGGCTGTAC AAGAGGAGCC 60
CAAGGGAACCT CCTTGTGGT GATGGAACG CTCTGTATCT 100

配列番号： 5916

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06916

配列：

GATCAGTGAA ATCCTAGGGT GCTCTATGAG ATTGTACTAG GCCTATNAAG AGTGGTAAGC 60
CAAATAGGTC TCCATGGGAG ATACATTATG TAAATAAATA 100

配列番号： 5917

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06917

配列：

GATCAAGAAT TGCAAAAATG GAAAAAATTA ATGAAAAGGC ATCTGATAAA TGTGGACGGC 60
TCCAAATCAT GTCCTTAGAA AATCTTTCTA TTGAAAAGGA 100

配列番号： 5918

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06918

配列：

GATCATCTGA GGTCAAGGAGT TCGAGACCAG CCAGGCCAAC ACGGTGAACC CCATCTTTAC 60
TAAAAATACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCCGGTGCCT 100

配列番号： 5919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06919

配列：

GATCACCTCC GGGCACAGGA TCGAGGAAC TGTTGACATT CAGGGATGTG ACCATAGAAT 60
TCTNTCTGGA GCAGTGGGAG TTTCTNAACC CTGCTCAGCA 100

【1162】

【配列表1072】

配列番号： 5920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06920

配列：

GATCTGTGCC CAGAGACGGG ACTGGNAGGG CCCACTTCAG GGTTCCTC TCCCCCTCTAA 60
GGCCGAAGAA GGGTCCTTCC CTCTCCCAA GACTTGGTGT 100

配列番号： 5921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06922

配列：

GATCATAAGT NCTTCTATCT GCTGAGCTTT ATTTATTNAT TTTGGACAGA AAGTTTGGTG 60
GGAAGGTTGC AATAAAATCA GAATCTCTCT TGTNTGAATT 100

配列番号： 5922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06923

配列：

GATCTTGTIT TAATTAAATA TGCCAGTTTG TATTTCCTG CCTTGGGATT TTTTNTGTC 60
CGCTGTACAG TATTCTAAGG NAAAAAGAAA AAGAAAGATG 100

配列番号： 5923

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06927

配列：

GATCCCAGGG AAGACGTCTC TCTCNGCATC CCAAGCCATN CAGCCCTTAT CGCTGTACCC 60
AGTAAACCCT CAATAAATAT CTTTNTCAGC CAGAAA 96

配列番号： 5924

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06928

配列：

GATCACTGTA TTAATTTTGG TTTATCTTGG CATATATNGT TCAGTTTGTN TTTATTTTAA 60
ATTTTNCCTT TTTTCCGAT TAGGCTTTGG TCAGCATTTT 100

【1163】

【配列表1073】

配列番号：5925

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06929

配列：

GATCTTTCTG CTTTCGAAGG TATANTGTAT CTATTICTGT CAGGAATNAT ATTCCAAAT 60
 GAAAATGTAA AGAACATTGG GAAATAATAA ACTTTCCTTT 100

配列番号：5926

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06930

配列：

GATCTGTGTT TGGAAAGAAA AGAAGGAAAC TAAGACGTGC GAGGGNAAGA AAAAGCAAAA 60
 CCTAATTAAG AAATATGTAT CCTCTATAAT NAGTTATNAC 100

配列番号：5927

配列の長さ：77

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06931

配列：

GATCGACCGG CACCGCTGTT GCCTCGTAAG CCATAGCGCA TGC GCGCTCT CAGAATAAAC 60
 AGGCCCTGCC TGGGAAA 77

配列番号：5928

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06932

配列：

GATCANATAA CAGAATGCAC CAGTCATCAG CTATTCAGTT GGTAAGCTTC CAGGAAAAAG 60
 GACAGGCAGA AAGAGTTTNA NACCTGAATA GCTCCCANAT 100

配列番号：5929

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06933

配列：

GATCCAGCTT CATTCAACAT TACTACCACT TATTIGATAA TNATAGAACC CAACTAGGCG 60
 CAATTTACAT TGACGCGTCA TGCCTTACCT GGAAGGACA 100

配列番号：5930

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06934

配列：

GATCTTCGTA ACGGCCTCGG CACGCTCCAC ACCCCTGGAG TCTCCCGAGG CCCCCATGTG 60
 CTGCTGAGTG GCCAAGATGA TGCCAGGCTG CCCTATACAC 100

【1164】

【配列表1074】

配列番号: 5931

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06935

配列:

GATCTCGGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCC GAGTCCTGGT TCAAACTATT CTCCTGCCTC 60
ANTCTCCTGA GTAGCTGGGA CTACAGNNAC GAGCCACCAC 100

配列番号: 5932

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06936

配列:

GATCAGTTTT GCCAAGGGGC CAGAATTATT CCTTGTTAGA ATTGCTCCAG TTCAAGTCTG 60
CTGCTTTCCT ACAGTTTTTC AAATTTTATA ATGTATTAAA 100

配列番号: 5933

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06937

配列:

GATCAAAGAA AATTTATCTC TTTTATAAAA CTTAAGGACA GTTGCAAAAG GCTTCAAGGA 60
ATTATCTCA ACATTATTCT TTCTATGTCC TAACTAAATT 100

配列番号: 5934

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06938

配列:

GATCTCCAGN GCGCAGTGGG TTGGAGGAAG TACTACGTGA CAGCTGGGGG AGCCTAGCCC 60
TTGTNTGGGN ACTCACACAT CCACTCTAAC CCTTCTNACC 100

配列番号: 5935

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06939

配列:

GATCTTGTGA CATTCCTTCT CCTGGACAAT NAGTCTCAGG AGCTCCTCAC CAAGCACCTT 60
GTTACCCCA CCCCTGCCCA CAAGAGAAAA CGCACGTAA 100

【1165】

【配列表 1075】

配列番号: 5936

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06941

配列:

GATCTTTTT CTAACACATA TTTGAACTGA ATAACAGACT TAAAGAAAGC CTTTGTTTAC 60
 ATTGCTATTT ACTTTTGTGT TTGGGGGAAA ATACGAGCGA 100

配列番号: 5937

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06942

配列:

GATCCCTCAG AAGACTTAAC TTGGCTGGAG TGGGAGGAAC TGAAAATACC ACTCCATGGT 60
 ATACCCATAT ATCCAAATCG TAGAGAACGA GAAGCTATGA 100

配列番号: 5938

配列の長さ: 54

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06943

配列:

GATCGGAGGT TGGGTTCTG ATTAACCTC ACTGTGTGT TTCTATNTCG GAAA 54

配列番号: 5939

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06945

配列:

GATCAGAGAN TTACCACCCC TGCTTNGAAG CAGTGTGGT GTATTCCAC TAAATAAAC 60
 CAACTGGTAT AACATTCCCT GGAGCTTAAT AAGCACTCAA 100

配列番号: 5940

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06946

配列:

GATCTGCAGA TTCCAAATGG GAATAAGCTC TATCATATTC TGAAACAAGA ATTAGAATGN 60
 CTTGAGAACG GGCAATAAC AAAGCAAACC AATATAATTA 100

配列番号: 5941

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06947

配列:

GATCATAAGG TGAAGTCCCA CAATAGGCCG TCTGCAAGCT GAGAAGCAGN GNAAGCCAGT 60
 CTCAGTCCCA AAACCCTAAC AGTAATCCTT TNCCTAACGTC 100

【1166】

【配列表1076】

配列番号: 5942
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06948
 配列:
 GATCATCTTG AATTACTGTG GGATGTANGT TTCAAAATTT TCAAAATAAG CCTTTGCAAG 60
 ATAAA 65

配列番号: 5943
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06949
 配列:
 GATCACATAC TGCAGTCCAG CCTAGGCAAC GNGCAAGAC GTCATCTCAA GGAAA 55

配列番号: 5944
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06951
 配列:
 GATCTCCCCA AATCCATTGN TNCACCAGG CCTCCCAGA ACCTCCTCAG TTCCTTCACA 60
 GTGCAACCCT NTGTACTTGG CCCGCAACCC ANTAGTATTG 100

配列番号: 5945
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06952
 配列:
 GATCAACTGA AAAAAGCATG ACTTTTGAAA TCTCTGAATG CCTTGGTTCT NAGTATTATC 60
 ATNCTTNATT GAATTTATTT CTNATTAAAN TATGTAGTTT 100

配列番号: 5946
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06953
 配列:
 GATCATGTGG AGTGAAAGGC AAATCTTACT GCTTAATGTA TAAACTCTCA CCACAGGAAG 60
 CATCGCTGTT TCCAATAAAT ATTGCTGAAG ACAGAAA 97

配列番号: 5947
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06954
 配列:
 GATCTGNCCA GTTNGTGTAT GAAATGGATT TGATAAAGTT TTTGCTAGTT ATTTACTACA 60
 TTTNGGGATT AATAAGTGAT TTATATGCAT ATTTTCTTGT 100

【1167】

【配列表1077】

配列番号： 5948
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06955

配列：
GATCCCAAGT GTTTAGAAAA CTAAGTAAAC TTTGTTGTCA AGCAATTTGT CCATGTGGAA 60
AGAATTTAAA GAGAAGCTGA ACAATGGAAT AAACAAATAA 100

配列番号： 5949
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06956

配列：
GATCTTAAAA ACTGCAGTAT TCCCCATT TTTAATGAGA GTGTGGGGCT GGCAGGGNTT 60
GGTTGGAGGG AGGAGAGAAG ACAGAGGAGC ACTTAAGGTG 100

配列番号： 5950
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06957

配列：
GATCCGTGGA AATAGCCTGG CTCCTCTTA CCCAGTAATG AGGGGCAGGG AAGGGAAGT 60
GGAGGCAGCC GTTTAGTCCT CCCTGCCCTG CCCACTGCCT 100

配列番号： 5951
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06958

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCTA ACACGGGGAA ACCCGTCTN TGCTGAGAAT AAAAAAATT 60
AGCTGGGCGT GGTGGCAGGC ACCTGTAGTG CCAGCTATTC 100

配列番号： 5952
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06959

配列：
GATCCAGTAC TATCAGAATG ACATCCCCTA CTGAGGAGGG GACCTTCGAG GGCCTCTGCC 60
CCATGTGCCC TCAAAGCTGT CCCACAATCA TGGAGCCCTG 100

配列番号： 5953
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06960

配列：
GATCAGATTA CCAGGAACAT AGGAGTGGAT TCCTGCCCCA ACCAAACCGC ATTCGTGTGG 60
ATTTTTTAT TCAACTTAAT TGGCTATTCC AAAGATTTT 100

【1168】

【配列表1078】

配列番号: 5954

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06961

配列:

GATCATGTGG ACCAGAGCAA ANNAAGTTC AGTTTGTGTC ACAATTCATT GCCAGACTTC 60
 ATTGGAATGC TTTGTTTGAT GATGTATGTH CATTCTCAGC 100

配列番号: 5955

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06963

配列:

GATCGTGGTG GTGGGGACTG GAGACCGGAC CGAGAGGCTG CAGTCCCAGG TGCTTCAAGC 60
 CATGAGGCAG CGGGGCATTG CTGTGGAAGT GCAGGACACG 100

配列番号: 5956

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06964

配列:

GATCTGGTGA AAATAGGATT ACATTGGAGC CAATTGAATA AATTTATTCT TTCAATCAAA 60

配列番号: 5957

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06965

配列:

GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATAAGATGGA GGAAGGAAAA 60
 AGGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACCTCT ACAGAGTGAA 100

配列番号: 5958

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06966

配列:

GATCATGGCT AACGGGCACA GGCTTCTTT TTTGGGTGAT GAAAATATTC TAAAATAACT 60
 GTAAAAATAT TGCACAACTC TGTNAACATG TGAAAACCCA 100

配列番号: 5959

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06967

配列:

GATCAGAGCA ACAGAACTTC CAGAGATAAT GGATAGAATG AAAGAATATA TATCTATATA 60
 TATTTAACAT GTTGTITAGT AATCCCTATT TTAATTCAAT 100

【1169】

【配列表1079】

配列番号： 5960
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06969
 配列：
 GATCTTGGAC TTCCCAGCCT CCAAACTGT GAGAAATAAA CTCCTGTTGT TTGTAAA 57

配列番号： 5961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06971
 配列：
 GATCATGGAC AGCTCACACC CTAATAAGTC CACATCTNCT CANNGTATA GCTGTTTTTT 60
 TCATTAGGTT TCCTATTATT CTGTACCTTG CAGCCATGAC 100

配列番号： 5962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06972
 配列：
 GATCTCCTCT TCCACCTCTT CCTGGTTCCT TTGCGGGGAA AATTGCACTA AAACAGAACC 60
 TTTTCTTAAT CCATGTTGGA AGGAAGCAAC AGTGAACCT 100

配列番号： 5963
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06973
 配列：
 GATCCCCACC CTCACCAGTC CCATTTCCT CCCTCCAGCT CTGCTTAGGC ATTTTGCCCC 60
 TCACCCCAAT GTTCCACACC ATCGACAACC AAGGGGTGAG 100

配列番号： 5964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06975
 配列：
 GATCTNCGAC TTCCAGAAAA CAGAACTGTG AAAAGNCAAG TTTCTGTNGT TTAACCACC 60
 CAATCTGAAG TATTTNGTA TGGCAGTCCT NGGCAGACTA 100

配列番号： 5965
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06976
 配列：
 GATCGTGCCG CTGCACTCCG GTCTGGGTGT CAAAGTGAGA CTCCATCTCA AA 52

【1170】

【配列表1080】

配列番号: 5966
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06977
 配列:
 GATCAAATAA TGATGTTAAA TTCTTAAATC ATATTTGCTA TGCAGCTGAA GATGATATTT 60
 TGATTTGTAT TITGGGGGTA CCTGTGTTGA GTTGATAAAC 100

配列番号: 5967
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06978
 配列:
 GATCGGGGGG GCACAGTGGC TCGTGCCTGT AATCCCAGCA CTTTGGGAGG CCTAAGCAGG 60
 CTGGTCGCTT GANCCCAAGA GTTCGAGACC AGCCTGGGCA 100

配列番号: 5968
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06979
 配列:
 GATCTGACTC TTCATTTNTA AGTTCCTTGT TACATCATGG TCATTTNCTA GTTTTTNACC 60
 AGACTCCCAT CTCACAATAA AATGCATCAA CAAGCAAA 98

配列番号: 5969
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06980
 配列:
 GATCTNAGCT ACTCCGGAGG CAGAGGCAGG AGAATCGCTT AAACCTGGGA GGCAGAGGTT 60
 GCAGTNAGCT GAGATTGCAC CACTGCACTC CAGCCTGGGC 100

配列番号: 5970
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06981
 配列:
 GATCTGCCGG CTCCCGCCCA GCCTGTGTNG AAAGAAGGCC CACGGGCACT AGGGGAGCCG 60
 AATTTACAA TCCCGCTGGG GCGNCCGGG CGGGAGAGAA 100

配列番号: 5971
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06982
 配列:
 GATCTTGTIT TNCCTCATCT GTAAAAGNAG GTTAACAAAG CTTTTCTGCC CACTTCTTGG 60
 GGAGAAGGGA ATAACATAAT TGGTAAA 87

【1171】

【配列表1081】

配列番号： 5972
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06983
 配列：
 GATCTTTGGC AGCGCATATG GCCTCTTTGG GGTTCATCGTC GCAATTNTTC AGACCTCCAG 60
 AGTGAAGATG GGTGACTAGA TGATATGTGT GGGTNGGGCC 100

配列番号： 5973
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06984
 配列：
 GATCTNTTTT TTTTGGTAG TTCCTCAGCT ATTCAGGAAG GTGTATTTNT GCCAGTAATT 60
 ATCCCTATGC TAATACTTTT TAAAACATTA CTAGTGAGTG 100

配列番号： 5974
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06985
 配列：
 GATCTCTATT ATNAGGCTAG ATGTATAGCC TCTACTCCCC CAGCTTCTTG CTCTTGACCC 60
 TGCACGTAA GTTGCCCTTC TATTAGCAGC CAAGGAAAAG 100

配列番号： 5975
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06986
 配列：
 GATCATGGAA TACAAGATAA TTTCTCAGGA ATCAGATGGT CTTATTCCAC ACCTGCAGGA 60
 ATGTCAGCAT TGCAACCACC ATGGCAAATA TTGATTTAAT 100

配列番号： 5976
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06987
 配列：
 GATCCACAGT GTTGGGCACA ACTTTGACGT TTCTTAAAAA AAAAAATTTAA A 51

配列番号： 5977
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06988
 配列：
 GATCCTTGAT TGGTGAAGG ATACACAAAA TCAGGCTGCT TCAGAGGAAG TCATCTGCTC 60
 ACAGGAATCA GGGTGAAGGC CAAGGACGGC ACTCAAGAAT 100

【1172】

【配列表1082】

配列番号：5978
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06989
 配列：
 GATCGCGCCA CTTCTCTCTA GCCCAGGCAA CAGAAAGAGG CCCCATCTCA GAAA 54

配列番号：5979
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06990
 配列：
 GATCCTTAAT TGCTACCACA TTTCAAACAA GAACTATGAC CAATTAAACT TTA CTGTTGT 60
 TGA ACTGCCA AA 72

配列番号：5980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06991
 配列：
 GATCCNTTGG GAATCCAGTT GAAGTTCCCA AATACTTTAT AAGAGTTTAT CAGACATCTC 60
 TAATTTGGCC ATGTCCAGTT TATACAGTTT ACAAATATA 100

配列番号：5981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06992
 配列：
 GATCATAAAA ATAGCAGNGC ATGTTNCCTG ATGATTTTAC AGTGCATATT GTCATGGCCA 60
 GGGCTTAGAG GTAGGGGAAA AACATGTGGA CAGCTTTGTG 100

配列番号：5982
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06993
 配列：
 GATCCATGCA AATTGTCGCA TCCGACGGGT TAACTTCTCA GACAGACTCT ACTCAGANGA 60
 TGAGCTGCCG GCAGAGTTCA AACTGTATCT CCCAGTTCAG 100

配列番号：5983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06994
 配列：
 GATCCTGGAC TGGGTACCTT ACATCAGTGG CAAGTTTAAG AAGGATAATT AATTACACAA 60
 ACCCTTACA GACTGCTCTG GTGCCTGGTG GCGCTANTCC 100

【1173】

【配列表 1083】

配列番号： 5984

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06995

配列：

GATCTTTGTA GGACTATATG TGTCAGTAAT NATGAGCTTC AATCCTGACA TTAATAACTT 60
ACTGTNGAGC AGAGAAGAGT TGCTTGTAAG CCTTGTGCTT 100

配列番号： 5985

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06996

配列：

GATCAGCAAT AAAAAAANAAC CTACAAAAAA NCCTATATTC NTTAATTNTT GCTTTTACGG 60
TGATATAGTG CATGCAAACC AGGAGCATTT TGTGTCTTAA 100

配列番号： 5986

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06997

配列：

GATCAAATAT TGGTTGAATG CCTATGTATG TCAGGCCCTG TGCTGAGCCA TGAGGATTAA 60
AAAGATGAAT AANCATATCT TGTTTAGGAA ATGGATGTAT 100

配列番号： 5987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06998

配列：

GATCGCTTGA ACCTGGGAGG CAGAATTTGC AATNAGCTGA GATTGCACCN TTGCACTCCN 60
GCCTGGGTGA CAGAGTGACA CTCTGTTTGA AACAAACAAA 100

配列番号： 5988

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06999

配列：

GATCACTTGA GCTCAGGAGT CCTAAACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGATAC CTTGTCTCTA 60
CCAAA 65

【1174】

【配列表 1084】

配列番号: 5989
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07000
 配列:
 GATCTTGAAT AATTCATAAT TCTCCACAG TAGAAATAAA ATAATTNCTG GCTAGTTATT 60
 TTCTTAAAAA TAAAAAAAT TTGAAACCT CAAA 94

配列番号: 5990
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07001
 配列:
 GATCCCTCTT TTCCAGAAAA TTCTGTGGA TTTTTCTGTA GGACTTTGTT CTCCACAAGC 60
 TTGAATTAAA GCAGGATTCA GTTGCAAA 89

配列番号: 5991
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07002
 配列:
 GATCAGCTGA AGTGTGTTTT AGACCAAAAC CATCTGGCCC CTTCGTTTTG CTCAGAGGAA 60
 GTAAATNTNC ACTTAAATGA AATTGAAAAC GCCATGTGGC 100

配列番号: 5992
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07003
 配列:
 GATCCCAGTT TGCCTTGCCA AATAAACTGT GTNTATGTGA GTNTATTAAA 50

配列番号: 5993
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07004
 配列:
 GATCCCAGCT TTTTCCCTC TCCACAAAA CCAGGTAGTG AAGTTATATT ACCAGTTACA 60
 GCAAAATACT TTGTGTTCA CAAGCAACAA TAAATGTAGA 100

配列番号: 5994
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07005
 配列:
 GATCTCCCTA CTCCATTNN CCCTTTAATT NAAGTGGCCA CATGTATATG TCTCCCTGC 60
 TGTGTTAGGA AAATGGGGC TGGATATCCC AGAATCAGA 100

【1175】

【配列表 1085】

配列番号： 5995
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07006
 配列：
 GATCGCTTTT GTGACTGTCC ATCTGTCCCT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTCCTTTGNT 60
 GNTTTGTTGG TATTGGGGAC ATTTCCACG GCTGAGTTNT 100

配列番号： 5996
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07007
 配列：
 GATCTACTGT AAAAAGAGGA TTAAGTAAAA TAAATNAGA GCAATTATAT ATATAAATAT 60
 ATATCATACA CAAA 74

配列番号： 5997
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07008
 配列：
 GATCACGGGA GCAATGCTGT ACGGTTTTGT ACACTGGTGG TTTGTTTCCT AGAAAACCCA 60
 TTGNTCTCT GGATTCTAG CACATTACTA AAAGAGCCTC 100

配列番号： 5998
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07009
 配列：
 GATCANNCTG ANCCAATTTA CCAAGCATT TTAAGGAGGA ATAATNCCAT ACCATGTAAA 60
 ATACCATGAT ATGCTGATTA TAATACATTA ACAAATTTTT 100

配列番号： 5999
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07011
 配列：
 GATCTACCCA ACTCTGTCAT CTGTAACAAC CAGTGATAAC TCTCTGTCT TGTA AAAAAGG 60
 GTTTATACAT AACTTGATTA TGGTTTCATT TTGTATTNC 100

配列番号： 6000
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07012
 配列：
 GATCGAATTN CNACCCCTAA NCTTGTCCGG ACGTATGGTC CAAATTCANA TTAAGGTGGT 60
 CACCAACCC GAGATGTCAG GAAAGGCCTT CTCAGAGAA 100

【1176】

【配列表1086】

配列番号: 6001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07013

配列:

GATCTAGAAT GGGGCTGCAA GNCGGTCCCC ATTTTGGATG GGTCACATTC AGACACCACA 60
CTATGGTTGC ATCACCTGTC ACACCGACCT AGACAGCTGG 100

配列番号: 6002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07014

配列:

GATCCATGAA GGAATCGGGA GTGGATGGAA TCGGGTAAAA CTGTCCTGGG GCCGGACCCG 60
TNGCCCAAAG TCCGGACCNN GACCNAAAA ACGCTTCCAT 100

配列番号: 6003

配列の長さ: 93

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07015

配列:

GATCCCAATT TTGTA AAAAT ATCTGTAATA TGTAAGCATA GGTATTTGTA TATCTTAAGA 60
AAAAAAGCCT AGAAATAAAG CCACAAAAAT AAA 93

配列番号: 6004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07016

配列:

GATCTCAATH TGCAAACTCC TTGGNCTCCA GACCCCTGTC TGGNTGGNAC TCCTAGCAGT 60
GTGTGGTTTC ATCAGGAAAT CCTTGCAGCA GGGGNTTAGA 100

配列番号: 6005

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07017

配列:

GATCATATAG AGTAGTTAAG ACAACTGTAA CAGCATTTTT TGAAATACAT TGTA AAAATAA 60
TAAAAGGTAA CATAATTAAA 80

配列番号: 6006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07018

配列:

GATCTTAAGC TCTGCTCTCA GCAGATTTC GGTGTACCAT TTGTAAACTG TACTGAAGGT 60
GTGTCCTCAA GAAGAAAGTG TTCAAATTAA AAAAGCTGCT 100

【1177】

【配列表1087】

配列番号：6007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07020

配列：

GATCNGGAGN ACTGTGGCCA GCAATTAACA CCATGTAGAC TTCNTAGTT CTTAAGTGGT 60
 TGAATTCNCT GCTTGTTCG TAACGTTATA AATAATTTAT 100

配列番号：6008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07021

配列：

GATCTCTCCC ATGCCTTTTA AGCAATTAGA ACTAGATAAT GCAGCCATTG GTCACCCAAT 60
 TAAATTTGAA AGGCCAGAAA TGCATGGATT AGCACTTCAG 100

配列番号：6009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07022

配列：

GATCATAGCC CTNNGCCTGG CGGCACAGCA GCACTTGCGT TCTCGGGGCT GTCGATTNCC 60
 TGCCACCTGG CCAGATAACC TCAAGATTTC CACCTTTTCT 100

配列番号：6010

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07023

配列：

GATCCCTTGT CCAGAAGAAG CCCATGGAAT ATTGAATGTA ATACATTTAG TCAATTAANT 60
 TTAAAGNAGA TTCTTATNTA ATAAA 85

配列番号：6011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07025

配列：

GATCCAGCTC AGGGGAGCCC TCCTCCTGAC TTTGGAGACC TCCTTCCAGA AAGACTGCTC 60
 GGACTATGGA CTCTGAGCTC TTAAGTTGCA CCCGCTGTAA 100

【1178】

【配列表1088】

配列番号: 6012

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07026

配列:

GATCCCTAGG GATTINTCAT CTTAAGACTC AAAAGGCTTA ATACCAGGAA CCACCTTGGC 60
AAGATATTTA CCCACCGGCC ATCTCTGTTT ACTCATGAAT 100

配列番号: 6013

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07027

配列:

GATCGGATTG ATTAAAAAAC AAATNCTCTG GAATTTTTTNC GTTCATGCTT TTCCGTATTC 60
TTTATGGCTT TTAAATAAAT ATACAATGGT TAATAGTAAA 100

配列番号: 6014

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07028

配列:

GATCAGGGGT CCGGCTGTCC TTCTGTCTG CTGCAGACTA AAGGTCTGGC CAATGTCTTG 60
CCCCACCCCG CCAGCCGCGA TACGGCGCAG TTCCTATATT 100

配列番号: 6015

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07029

配列:

GATCACTGCT GCTAGCTGAC TGGACCTCCC CATTGGAAGT TTGTAATTTT NCTTTGGCAA 60
AGTTTCATTG ACTAGTAGAA CTCATTCTGT TTTAGTGTAT 100

配列番号: 6016

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07030

配列:

GATCCTAAGG AAGGAAAAAG AAAGTGTTAA AAATTAATAA AGGTTTTTTT GAATCCCGTG 60
TCCTTCAAGT GCTTTCTAAC TTGAGAGGA AGAAATTGAC 100

配列番号: 6017

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07031

配列:

GATCTGCAAG TAGCCTAAAA ATGCGATTGC TGGTAAACCT GGCCTCAAAT TTCATACTAC 60
CATAACTNNT TTTATATATT GCCACTAATT TTGACTGGAT 100

【1179】

【配列表 1089】

配列番号: 6018

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07032

配列:

GATCTTATTT CATGAAGGTT GTATAAATGA AATCATTTCAG TAATGTATCT TTTTAAGACA 60
GGTTTTTTTT TTTCTCTCAG CACAATTTCC TTGAGGTTCA 100

配列番号: 6019

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07033

配列:

GATCTNTTTC ATAGTGTTCA AANCTGTATT ATTATATGTA GAGGGAAATA ATTTTCTCAA 60
CACTAATCGT TAATAACTAT TGTATTAAAT NGTCATNANG 100

配列番号: 6020

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07034

配列:

GATCTGCAGT TTCCCTTTT NTCCCCTCTG AAGAGTGGTT CTTATGTGCA ATCTGCAGTA 60
ACCTTGAAGT CCAGAGCTGC ACTATAGAGG AGAATGCATG 100

配列番号: 6021

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07035

配列:

GATCTGGGGT AGGGGGCACC CTACAGTGGG ACCCNTCCCN CATTATTCTT TCTNTCCAGC 60
CCCTCCCTCC CACTGGAGCA GCTCCAGAGN CATTCTCAC 100

配列番号: 6022

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07036

配列:

GATCTCGATA TTTCAAATGG GCTTTNATG CACTGTTGCC AAGAAAGGCT TTTCTGATT 60
TTTTNACAAN TNAATTTTG CACACTTTCA TTGGTGTCTT 100

【1180】

【配列表1090】

配列番号: 6023

配列の長さ: 90

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07037

配列:

GATCCCTGGG TTGCCCTGTC CCAACCTGCT TGTAGGTGC TTTCCCATAG NAGGCCCTTC 60
TTGAGAAACA ATAACTAGG TAGAACTAAA 90

配列番号: 6024

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07038

配列:

GATCTCAAAA CTCATTGTT GTACCATATA TNATGGTTTT NTGTCTATAT CATATATTTT 60
CCTACTTATG TGTTTAAATH CTATTTNGTH ATGTCAATCT 100

配列番号: 6025

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07039

配列:

GATCGGGGCC AGAGGCAGAA CCCTGGTGAG GAAGCTCCAG TCCTGCTCTC TACCCAGCCC 60
ATCTTGCCCTC CATGGTGCCT CTGGAGGCCT CTGGGCCTCC 100

配列番号: 6026

配列の長さ: 76

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07040

配列:

GATCCCACTG CAGTGGTGCC TACATTTATC ATCATGGCTC CTCTTGAATA AAATCTACCT 60
TACCATCTTC AACAAA 76

配列番号: 6027

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07041

配列:

GATCAGCACA GTAATGCCCA ACAATATTGT TTTAAACAA AAAATGTAAA CATTCAAAAG 60
AATCTCTCTA AATCACTGAT TAAATCATTT GACTGAAAAC 100

配列番号: 6028

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07042

配列:

GATCTGCCGN AAGTGCTATG CTCGCCTTCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGAA 60
GTGTGGTNAC ACCAACAACC TCGGTTCCTA GAAGCCGGTC 100

【1181】

【配列表 1091】

配列番号： 6029

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07043

配列：

GATCTACCCG NCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGCATTACAG GTGTGAGNCA CCGTGCCCGG 60
CACCAGNATC CTTTGGTATA GCCAAGCCTT TTGGTTACCG 100

配列番号： 6030

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07044

配列：

GATCTGAGCC CAGCGTACAG AGAAGGCTCT GTGCAGACAC TGCTCACACC TCCAGCTCCC 60
AGCTCACCTG CCCACAGGT GCCAGGNTAC CTNTTTNANT 100

配列番号： 6031

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07046

配列：

GATCTAGGAG AAGGGNCTCA TGCGGACCCT CACATGGGCA GAAAAATGGT GGTCATTGGC 60
CGACATCACA GTTTTCCNGT TTCCCACCCA GCTAAAAACC 100

配列番号： 6032

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07047

配列：

GATCAGTTAC ATTCACTAGT TGGTGAGTTT TGAAGAATAA CTACATTTNA TTTCAAACCTA 60
ACAAATGTAJ ACGGTTTTAG TTCAGTGTG AAGAATTNA 100

配列番号： 6033

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07048

配列：

GATCCCTTTT NAAAAATATA TGTATGCATG TNTGCATTAA AGAGTCTGAA AGGATACTTG 60
CCAAAGTGTA AAAGCATTTA TCTCTGGGAG GTGAGATTTG 100

【1182】

【配列表1092】

配列番号: 6034
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07049
 配列:
 GATCCAGACC ATCCTGGCTA ACATGATGAA ACCCTGTTGC NTGTNGTACC AACTACTTGG 60
 GAGGCTGAGG CAGGAGAATG GCATGAACTC GGGAGGCCGA 100

配列番号: 6035
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07050
 配列:
 GATCCTGGGA GCCTCTGTTT TTTGCGCATT TCAGACACAG TCTGTGTGGC GAGGAGTGTG 60
 ANGGNAGGAG CCTNGGGTGC AAGCCCGTGT NTTTGGCCTC 100

配列番号: 6036
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07052
 配列:
 GATCACACCA ATGCACTCCA GCCAGGGTGA GAGTGAGAGA CTGTCTCAAA 50

配列番号: 6037
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07053
 配列:
 GATCCTTCAG GCAGTAAGGG AGAGTTTTGC CTCCTTACAC AGTGGNCTTT GCTTGCACCT 60
 CCAGCTGGAG ATGGGTGTGC CCAGAAGTAA GCTTTGCATC 100

配列番号: 6038
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07054
 配列:
 GATCCGGTNA TGGTCTGGGC AGAGGCTGGG TCAGGAGTCC CAAAGGTCAG TGACAGTTTC 60
 TCAGAAAGAGG CCCAGCGTCC ACCTCTCTCC CAGGGCCAGA 100

配列番号: 6039
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07055
 配列:
 GATCATTCAC TGTITNGTT TTAAGACTGG TCAGTACTAT GAAGCTTCTG TGGTTTGTAT 60
 GATGTTTTAA CTTTCACTTT AAAGTGCATA GAATAAATTA 100

【1183】

【配列表 1093】

配列番号: 6040

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07056

配列:

GATCCGHAAG CNAGANACCC TGCAGGCTGG CGGGGACCCA NGGGAAGGC CTTCCCAGGC 60
 CCTTCTAACC CCTGTGGCCC TGGACTTTC TTGTNTGGAC 100

配列番号: 6041

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07057

配列:

GATCATAATC ACTGCCTTAC CHNCCTCAGG GTTGTNGTAA GGACTGAGTG TGTGGAAGTT 60
 TTTAATAAAC TTTGGATGCT AGTNTACTTA GGGGGTGTNC 100

配列番号: 6042

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07058

配列:

GATCTAGATT AGCAATATAA AGAAGCATAG TGGTACTCTG TTTACACTT TCAGTAGATT 60
 TATTAGAAGT CAAATNCTAT TCAACAGACA CITATTAGGA 100

配列番号: 6043

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07059

配列:

GATCTTTTGT GACTACAAC TCTNTTGTA ATAATGATAT ATGGTATTNC CATCGTCAGT 60
 TACCGAGTAT AGCCACTGGG TATCACTACT TTGTGTTAAA 100

配列番号: 6044

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07060

配列:

GATCCGCCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA CCATGCCAG 60
 CCAGNGATT AATTNTAAT AACTAATTN AGGGCACAAT 100

配列番号: 6045

配列の長さ: 96

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07061

配列:

GATCTCCAGG CCCAGCCTGG CCCCAAATAT TCTTTCCTTT CATCCTCAGC AAGTGCTGAG 60
 TCTGTGAATA AAGCCACATA ACCAGCGGGC ACTAAA 96

【1184】

【配列表 1094】

配列番号： 6046

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07062

配列：

GATCATAAAG CCACCGGCCA CTGCCACGCA TGTTCACCT GTGCCATCGT GCTCCCTCCT 60
GATGGGCACC GTGGTGGAGG AAGTCACCCA GCTGTTTCTC 100

配列番号： 6047

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07063

配列：

GATCCAACCTG GGAGAACCTC AGCCAATGCT GGAAGNATGA TTGAAGTACC TCTCTTTTNT 60
NACTCTTGTA CAGCTTAATG TGCAATAAAG GAAAAGTTAT 100

配列番号： 6048

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07065

配列：

GATCGACCTG AAATCCTCA CCAAAGTNCT CGNNCCGGAG CACGAAGTCC GGGAGGATGA 60
TGTCGACTGG GACTGGGACC ATCTGTTTAC TGAGGTGTCC 100

配列番号： 6049

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07066

配列：

GATCCACCAA AATAAATGTT TTCTNCATTT CCATTTGGAC TAAATCCCAC GAATGACAAC 60
TACCACCNHT TTTCCCTTTT NANTTAATAC TAAATATTGT 100

配列番号： 6050

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07067

配列：

GATCACACCC TGGAACAATT GGNGGATTGC TTGCTGCCCT GCATCTTAAG GCGTATTCTA 60
GCAGCAAAGC TTGTNATGCA CTGACTTGGG GCAAGTAAAA 100

【1185】

【配列表 1095】

配列番号: 6051
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07068

配列:
GATCTNCAGG GGNATGTTTT ACCATCTGNA TCCAGCCTCC TGCTAACTCC TAGCTGACTC 60
AGCATAGATT GTATAAANTA CCTTGTAAC GGCTCTTAGC 100

配列番号: 6052
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07069

配列:
GATCCGTNAA TNCNCGGAAT GGCAGGGGAA GCCTTGCACT AGGTTCGAGA GAAGCATCCT 60
CCACATCCTG TGTCAAAAC CCTGGTCTCC GTGGCACTTG 100

配列番号: 6053
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07071

配列:
GATCTAGAAT TNACATTTN CCTTCTTGT TCCAGGTGTT TCTATTTTT NTATTCTTTC 60
AGAGAAATCT CATATTCGG TGTATTATT GCTGTNACTA 100

配列番号: 6054
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07072

配列:
GATCCTCCAA AGGCCTGCCC CATGNATTTA ACAGTAATAC AGGAAGCATG GCAGGCACCA 60
TGCAAACCAA GGATGGATGG TGCAGTCCCT GTGTCAGTGG 100

配列番号: 6055
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07074

配列:
GATCAGAAAG NATTAATAT CACTACCACA TGAGTTAAAA CAAAAATGG AATAAAAAANC 60
AAAAGTGGTG TCTATGTTAT CAGTGGNTTA CTTGATAGGN 100

配列番号: 6056
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07075

配列:
GATCTTCACA AGGNTTGTAT TGGCCACATC CACGTCCTCC GAGCCTACAT CAAGACCCAA 60
GTGAACAAAG AGCTGGAGCA GCTCCAGGGG CTGGTGGAGG 100

【1186】

【配列表1096】

配列番号: 6057

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07076

配列:

GATCTAGTCA TCTGGTTAAG GATTTTAAGC AGATGCAACT ATAAACCCAA GAAACTGTAT 60
TACTATTACT GTTGGTCATA CTAAACCTGT CTATTTCCCTG 100

配列番号: 6058

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07079

配列:

GATCTCAGCT CACTGCAACT NNTGCCACCT GGGCTTAAGC CATCCTCCCA CTCAGCATC 60
CCAAATAGCT GGGACTGCAG GCACACACCA CCACACCCAG 100

配列番号: 6059

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07080

配列:

GATCCTGGAA TGTNTGCTGG NGAAATTTAA AATACTGGGG TTJTTTTGTTT AATGGTGCCT 60
ATTINGAGTT GGAAGTTGAA CAGCTGTTGC ATTACATACT 100

配列番号: 6060

配列の長さ: 91

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07081

配列:

GATCTGTCGT CTTCAAAAAA ATGGCAAAGT GGGAAATGTG GGAGGGGAAA ACACTTCAGA 60
ATAAAAGAGA TTAAAGAGAT GTATCAACAA A 91

配列番号: 6061

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07082

配列:

GATCAGGTTG TCTGCATTTG TTGGTGTAAG TGAACATCAT CACAGTTATC CTGAGTTGAG 60
TTTAAGCCAA ATANATGCAT AGAAAAGGGT CTCCTATTA 100

【1187】

【配列表1097】

配列番号： 6062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07083

配列：

GATCTGCCTG AAGAAAATAT CTGTTTCTA TATAAAAAA TTTTAAAAA TAATTGTAAA 60
GTTAGATTTA AAATTGTAAA ATATAAAATC ACAAAGGAAT 100

配列番号： 6063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07084

配列：

GATCCTTTTN AGTTTTCCA GGTGAGAAAT CCTATCAATT ATGINATAAT NATATGTTT 60
CCTNTTCAAA ATTTATAACA TAATTCCTGA CTGCATGGGT 100

配列番号： 6064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07085

配列：

GATCAGAACA GGCTTAAATT GATGCTATAG AACCAATTAC TCTGTATTAT CTTTGCAACT 60
CTTTGTAAG TCTAAAATTG TTTGGNAATA AAAGTTTATT 100

配列番号： 6065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07086

配列：

GATCTTCTAA TCGACAATCT ACATCATAGT GACCACCAGT AATCACCTGT AAGAGATTAA 60
AAAAGAAAAA TCACTGTGAA AAGTGTGAAA AATTAATCAG 100

配列番号： 6066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07087

配列：

GATCTGGTTA AGTGTGCGGC ATCTCATCCC CCACTCTNTC CCTTCTTGCT CCTGCTTCCC 60
CCTTATNACT TGCCAGCTCC TGCTTCACCT TCCACCATGA 100

配列番号： 6067

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07088

配列：

GATCTTCCAA AAATTTATTA AGTGTTTACT TTTAAAGTGC AAACAATGTT TTTAAGAGGT 60
GATATAAAGA AA 72

【1188】

【配列表1098】

配列番号: 6068

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07089

配列:

GATCCCTAGC TTGTTTTCTG TCAGTCATNC ATTGTAAGTA GCACATNGCA ACAACAATCA 60
TGCTTATGAN CAATACAGTC ACTAGGTNTT AGTTTTNTTT 100

配列番号: 6069

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07090

配列:

GATCATTTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG CCTNGCCAAC ATTGTGAAAC CCCCTNNTCT 60
ACTAAAAATA CAAAAATTAG CAGGNCATGG TGGCNCATGC 100

配列番号: 6070

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07091

配列:

GATCTGTGTG ACTGATGGGC AGGGCTCAAT GATGCCCAT T GAACTGAGCT TACTGCTCAC 60
ACCACTGACC TGGACCCNAA CAAAAAGCTG ATTGTCTTTT 100

配列番号: 6071

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07093

配列:

GATCTACCCA CCTTGGCATC CTAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGANTAC CAAGCCCGGC 60
TTTTTTTGT TTAGCATGGA GTTTCGNTCT TGTCACCCAG 100

配列番号: 6072

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07094

配列:

GATCTGGAGG TTTACAGAAG CCTTTACCCA TCCTGAGACT CAGTTCTGCT GTTGGTCTNC 60
AGAGAAGTGT CTGCACCTGC TGAGANGNAA TCACACCACT 100

【1189】

【配列表 1099】

配列番号: 6073

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07095

配列:

GATCTGTTGA AGAACTCAGC TGCTGGAAAC CATGCAAAAT GTTTTGAATT GCCCTTAAAA 60
 TATGCAAAAT GTTTTCTGNN TGCTTTATAT TCTTNCNGCT 100

配列番号: 6074

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07096

配列:

GATCCCTGCC CTTTGGCACA TCCACTGAAA GGCCAAACAG CAAGTCCGAG TGAGTTTAA 60
 ATATTAATTA ATCACCCTTT ATTTTTTACA CTTGAGAGTG 100

配列番号: 6075

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07097

配列:

GATCTAGAAA TTGCCCTCCT TTTACCCCTA CCATGAGCCC TACCAAAACC AAACCTANCC 60
 CTGGGCAACT AANTAAGGT ATTGGACATN CCCTTCTNAA 100

配列番号: 6076

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07098

配列:

GATCTGACTT CAGACAGAAA CCAATACCAG CTTCTTTTC CTTTAAACNT TTGAAGAGTG 60
 TTGATTTGTT ACTATATTAC GTATGCAAAA CTGGAGAGNG 100

配列番号: 6077

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07099

配列:

GATCCGTCCC TAACAACTA GGAGGCGTCC TTGCCCTATT ACTATCCATC CGTCAATCCG 60
 TAGCAATAAT CCCCATCCTN CGATTATATC CAAACAACAG 100

配列番号: 6078

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07100

配列:

GATCATGTAG GACGNGGCAT CCTGCCCTG GTAGAGAGGA CGAATNTTCC AAAACANTGG 60
 CCTCTACGGN AAAAAGAAGT AGTTAGTCA CCTTCTGGAC 100

【1190】

【配列表1100】

配列番号: 6079

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07101

配列:

GATCTTATTT AACCAAAGAC TATTTTCATTC CTGATATGAT TTGTGTGCTT GATTAAAATG 60
GNANTTAATG ATATTGAAA 79

配列番号: 6080

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07102

配列:

GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGAGAGA CCTCATCCTG AGAAAGGTTG 60
AGTTAATGTT AGAGTATAAG TGGTGGTAAT CTTGAATACT 100

配列番号: 6081

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07103

配列:

GATCAATATG TGA CTGGAAC CATTGGCGAG GATGAAGATT TGATAAAGTG GAAGGCACTG 60
TTTGAGGAAG TCCCTGAGTT ACTCACTGAG GCAGAGGAGG 100

配列番号: 6082

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07104

配列:

GATCTNATTG TATTGTGAA GGACTATTTT TNAACCTGTC CAAATAAACT CTGCAAAGNA 60
TTTCCACAAG AAA 73

配列番号: 6083

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07105

配列:

GATCCTGCCC TGCTCTCAGC CATAGTGAAG GACCAGCCCT AGGAGTCTGC GAGAGCCTCC 60
TTGGTTCCAT CGTGAAGCCA TAAACAGGAA TNCCTTTGGC 100

【1191】

【配列表 1 1 0 1】

配列番号： 6084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07106

配列：

GATCCCCTGC CTGGTGCCCA CACTGCCCTCG CAAGCGCTCG CCACCCTCAC GTGGCTCACC 60
TGCTGTTGAG CCTGTGCTG TCAATAAACG GTTTGAGGAT 100

配列番号： 6085

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07107

配列：

GATCTCGCCA CNGCACTCCA NCCTAGGTGA CAGAGCCAGA CTCTGTCTCA AAAAAATAAA 60

配列番号： 6086

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07108

配列：

GATCAGATAT ATCCACAACG NGTTTAAGAT TTTCAATATT CTTAGAGAAA ATCAATAAAG 60
TCAATAACTA CTCCACCATG AAA 83

配列番号： 6087

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07110

配列：

GATCAAAAAT TGTGGACATA TCTGCAAAAT ACTACCTATA GCCTCATGAA AGTACATTTT 60
ACAAAATGTA AANNNCAATG AACACTAAAT TTAAGAGCAG 100

配列番号： 6088

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07111

配列：

GATCGAGTCT GCTCTGACCT CTCAATCTCC TTTCCTCCCC AGGCTGCTGC TCCTGCTGCC 60
CTGTGGGCTG TGCCAAGTGT GCCCAGGGCT GCATCTGCAA 100

配列番号： 6089

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07112

配列：

GATCTCCAAG CAGGAATATG AGGAGGGCGG GAAGCAGTGC GTGGAGCGAA AGTNCCTTG 60
ATGGCACTCC TCCCCACACA CCTGCTCCCA AGCTCAGATG 100

【1 1 9 2】

【配列表 1102】

配列番号: 6090
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07113
 配列:
 GATCTTTAGC AGTCTCTTCT AGTTTCCCTG GATTTCACTG ATTTATTANT TAGGGAAAAT 60
 GAAAAGAGGA CCTTNCCTGTC CGCCTGCACT GCTTACTGGT 100

配列番号: 6091
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07114
 配列:
 GATCGCTTGA GCCTGGGTAG AGGCTGCTGT GAGCTGAAAT GCGCCNCTG CACTCCAGCC 60
 TGGGTAACAG AGCGAGNCCC CGACTCAATA AATAAATAAG 100

配列番号: 6092
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07115
 配列:
 GATCAGAACG AGCTGTTAGA ATTCAGAGTG CTAGAACTCG AAGTAAGAGA CTCTATCTGT 60
 TGTAAGACTCT CAAACGGAGC AGACATTCTC TTTGAACCCA 100

配列番号: 6093
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07116
 配列:
 GATCTTCAA ATCCAGGAGG GAACCGAGAT AACACAAGTA CAGGTGTGCA AAATTACTTA 60
 GTAAACTAT TTNTTCTATT ACTCCTTTTT TGCAAGTACA 100

配列番号: 6094
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07117
 配列:
 GATCCTCCTT CCTCAGCTAC TCAGGAGGCT GAGGCAGGNG AATGGCATGA ACCCAGGAGG 60
 CAGAGCTTGC AGGGAGCCAA GATTGTGCCA TGGCACTCCA 100

配列番号: 6095
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07118
 配列:
 GATCCTATAG GGAGGCCATT TCCTGTCTCTG GAATNAGTTT TTCTAAAATG TGAATAAACT 60
 TGTTTTATAA A 71

【1193】

【配列表1103】

配列番号： 6096
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07119
 配列：
 GATCAGAAAG TGTATTAA CAGAACTAC ATACATTTT NATGTCTCTC TGGACCCTTT 60
 GATTCTAAGT AAATTTNCAG TAAGTNAGCA GTAATAGACT 100

配列番号： 6097
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07120
 配列：
 GATCAAAAAG AGGAACTTG AAATGTGATG GTGTTTATAA TAAAAGATGG TAAACTAAA 60

配列番号： 6098
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07121
 配列：
 GATCTCCTTC AGAATTTTTC TCTTGACTTT GAATCTTTGC CTGTTTGTCT AAACATTGTA 60
 CTAACATTCT GTTTGAATTT GGAAGTATTC TAATACAAGA 100

配列番号： 6099
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07122
 配列：
 GATCCTGGAG CTGGAGCATG AGTGTCTGAC AATCAGAAGC ATGATGTCCA ATGTCNNGAT 60
 GGCCAGAATG AATGTAATAG TTCAGACCAA TGCCTGNCCA 100

配列番号： 6100
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07123
 配列：
 GATCCCAGCA TGGGGTGAGC ATGAAAGAGT GGCAAACAGA GTGGCATAAG ACAGATAAAA 60
 TACAAAAGGC AATTATACAA GGACCAGGAC CGCAGAGGCA 100

配列番号： 6101
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07124
 配列：
 GATCTGTCTA GCTTATTAAG CATGAACTG AATTGGAAAA ATAGCTCCAT TTTTGGTGC 60
 TTGGGAAGCA CAGTGACCAA AAAAGTTGTA TGGCTGCTTA 100

【1194】

【配列表 1104】

配列番号: 6102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07125

配列:

GATCCAGTTG GGAATAAGTG ACATCGTATC GGTTCTGTT CAGATGACAT GGGGAAGATG 60
ATGGTTCAGC CACTGGTACT ACGAGAATGT TTGTATTACC 100

配列番号: 6103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07126

配列:

GATCCTCAGG CTGGTATACG GCGCAATGTT GCATCAGCTN TGGGCAACTT GGGNCCTGAA 60
GGTTTGGGAG AGGAGCTGTT ACAGTGCGAA GTACCCAGC 100

配列番号: 6104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07127

配列:

GATCTCTCTC CGGCCCCCTA GAAGCCCTCT CCTCACTGCA GCCCTGGTGC TCTGGGGAAG 60
GAGGGGCATT GACAGGTGGT TTGACTGTTC ACCCAGCAGC 100

配列番号: 6105

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07128

配列:

GATCCGAGGG GAAATHTTTA GAGCCCTCAG GAGGAGGAAG AGACCGAGTT TTAGGAAAAA 60
CATCAAAGCT GGATAGGTTG GGCAGAAGAG CTGGGGATAG 100

配列番号: 6106

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07129

配列:

GATCACAGGG AAAAACCGAC CGAGCTCAGG AAGCCTAATC CAGGTGGTAA CCACAGAAGG 60
AAGGACGGAA CTCACCCAG CATATTTTA GGCCTCATCT 100

【1195】

【配列表1105】

配列番号: 6107
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07130
配列:
GATCCCAGTN AGTCATGAGC CTCAACCCCC TCCAGCCCAC TGGGGCTCTN ACCTCCACAT 60
GTGGGTAGAA GCTTNCCTGC CCCCTTNC TCCAGGAAGC 100

配列番号: 6108
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07131
配列:
GATCGCCTGA GCCCATGAGG CCAAGGCTGC AGTGAGCCAT GGTACGCCA CTGNATTCCA 60
GCCTGAGTGA CAGAGCAAGA CCCTGTTGAA AACACAACA 100

配列番号: 6109
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07132
配列:
GATCTAAAC TATTTTCTG TATAATATT ATTGCCGAA AGTTTGTITA TATTNAGAAG 60
TCTGACTATG ATGAATAAT CTAAATGCT TTGTTTAATT 100

配列番号: 6110
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07133
配列:
GATCCAAAGT AGCTGGGATT ACAGNCATGA TACCACANCA CAGTCATTTG AATNTATCAT 60
TACTTAGTAC TCTATTTTT TTCCCTGCTG CTCITTATGC 100

配列番号: 6111
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07134
配列:
GATCTCCTTT TGATTAATTT ATAGAGTTTT TGATTATATG TCTTTGTATG ANCTTTTTAG 60
TTATTGCTCA AATATCACAT TTNATATTTA TAACACAGGC 100

配列番号: 6112
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS07135
配列:
GATCTGGGAC TGGCAGGTTA TTAATCGAGA TACACTTGT AGGAGGGACA GGGTTCCCCC 60
AAGGCACTTT TAAAGATACT CTGTAAGAAC CATTACAAT 100

【1196】

【配列表1106】

配列番号: 6113
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07136
 配列:
 GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCGTTAAAT GCAACACGGA 60
 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA 100

配列番号: 6114
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07137
 配列:
 GATCCTAAGT AGAACCAGGT AATTGTCTCT TTTTCTAATA AGGAATTIGG GTAATTTTNA 60
 ATTTTNGTT TTTTAAAAA TAACCTAGAC TATGCAAAAC 100

配列番号: 6115
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07138
 配列:
 GATCAGAGCA GAACTAAATN AAATTAGAAT AAAGTTAAAC AATTAAAAAG AAA 53

配列番号: 6116
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07139
 配列:
 GATCGACTTA TACCTATGCT AAAGTTAACG GTCTGAGAAG GTAGATTAGT GGTTCCTAG 60
 GGCTAGGCAG TGGGTTTGGG GGTGGGAAT AGAAAGTGAC 100

配列番号: 6117
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07140
 配列:
 GATCCGCTCC TAACCTGCGA CCGCAGCTGA CCTTCTCCTG CCACTAGCCC GNCCCTGNCC 60
 TTAACANACC GGATGAAGTT TCCTTTTCTG TCGCGGGCGC 100

配列番号: 6118
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07141
 配列:
 GATCTATTTT GTGTGTTTTG AAACCTAGGT GCAATNTCCC CTGGAAAAAG CTAAAGAAAT 60
 GTATATGTTT AATNACATT TAAAATAAAA TATTATATAT 100

【1197】

【配列表 1107】

配列番号: 6119
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07142
 配列:
 GATCGATTTC ATAAAATTAA ACAAAGTGCT TTTAATGGAA AAAAAAAGA AA 52

配列番号: 6120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07143
 配列:
 GATCCACTGT AATAGTCCAG TTTGGGGTGC AGACAAGTGT GAAGAACTTC TGGAAAAGAC 60
 AGTAAAAAAC TGCTTGGCCC TGGCTGTTGA TAAGAAGCTG 100

配列番号: 6121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07144
 配列:
 GATCTTGGAG CTNCTGGAGA AGCAGGCTG CNAGCTGCTC AACCGTTCC AGGACTAGCC 60
 CCCGCAGGCT CGTGC GCCAC CCCGTCCTGG TGAATAAACG 100

配列番号: 6122
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07145
 配列:
 GATCCGATAA TGTACCATGT GCCTGCTGCT TTGGCCTGTG CTGTTTCTGC TTTTGGCCC 60
 TNACTTCCTG TGCTAGAGAA AGCCTTATTG GTGTTGGTGG 100

配列番号: 6123
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07146
 配列:
 GATCCAGGCC AATGCATGGC TATTGCTGTA AATCTTGATG TTTATTTCTG CCTTGTAAG 60
 TTCTATCAGC GCCTACCTGG AATTTAAAT TCAGTAGACA 100

配列番号: 6124
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07147
 配列:
 GATCAGAGTG GCTGGAGCAG AGTGAATNAG GAGGGAAGCT GAGTAGCAGC TATCTGAGAA 60
 GCAATGCAGC CCGCAGCTTA ACTTCAACAT GCTTTTAAAC 100

【1198】

【配列表 1108】

配列番号: 6125

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07148

配列:

GATCTTTGGC AAGAAACCCT AATCTCCCTC CAGAAACAGT GGACTCTCTA AAAAATATCC 60
TGACTTCTAA TAACATTGAT GTGAAGANAA TGACGGTCAC 100

配列番号: 6126

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07149

配列:

GATCCCATGT CTCTGCCAGG ACCAAGGCNG ATGTTTCCCC ACTAATAAAG TGCCGGGTGT 60
CAGCAAA 67

配列番号: 6127

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07150

配列:

GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGTCCACA TTAACCTCTAC AGACCAAACC ATTTGTATCT 60
GGCATCACTT ACTAACACAC GACATGCAGA AAAGCCGCAT 100

配列番号: 6128

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07151

配列:

GATCATAACT CTTTNTTGAA CTAGAGTATT TTTGCAGCAT TCCTTGTCAT CAGAAACATG 60
GTTAAAGTTT AAAACTAGAA GCAGCAGAAA ACTAGCTTGT 100

配列番号: 6129

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07152

配列:

GATCTTGIGN CATTNTTGAC CTTGGACCTG CTTGGTTAAG GAGGGAGTGG GCCAAACCAG 60
AGTCCCAGGA GCTAATGGAG CCAGGCCTGA CTCCTAGGAG 100

【1199】

【配列表 1109】

配列番号: 6130

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07153

配列:

GATCGGAGCC TACTTCCCTC CGCTCAGCCT NGAGGAGCTG AGNCCCTACT TCAGGGACCG 60
 TGGGTGGCCT CTGCCCGGGC CCCTCTAGAC GTGCACCAGA 100

配列番号: 6131

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07154

配列:

GATCCAAACC CAAGTCTTGA GCAATGTTTT TCTCAAAAAG CTGCTATCCA ATNATATAGG 60
 AAAATACATT GTGTTTTCTT AAACACACTT TTCTTTTTAA 100

配列番号: 6132

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07156

配列:

GATCAGTTGA TGTACACTTG TATTATTAAG GCACTCAATA AATCACTGTG GCTGATAACT 60
 GCAAA 65

配列番号: 6133

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07157

配列:

GATCCACATG GCACGGTGAC TGTAGTTAAT GCATTTTATA TGTCAAAATT CCTTANATAG 60
 TAGATTTTAA ATAATCTCAC CACAAAAAAG TAGATGTGTT 100

配列番号: 6134

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07158

配列:

GATCATCTTT ACAGTTCCTC GGGAAAATNT GAATGTCCTG CGTTTTGTTT TCTTTACTGT 60
 ATGAAAACAG GAAAATAAAA GAGAAATTTA GAAAATACAG 100

配列番号: 6135

配列の長さ: 52

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07159

配列:

GATCATGCCA CTGCACTCCA GTCTGGCAAC AGAGCAAGAC TCTTGTCTCA AA 52

【1200】

【配列表1110】

配列番号: 6136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07160
 配列:
 GATCTGGCCC AAGCTGGGCT CCCTNNAAGC CAAGAGAGCC TCTNATHGAC CCCGCCTGCC 60
 CGAATGAAAT CCGAACAGTT GGGGCTGTTC ATGGCAAGTG 100

配列番号: 6137
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07161
 配列:
 GATCTGGGGT CTGTTTTGTT CATTACTTTG TTCACTCCTT CTCCATTTA TTCATTCAAT 60
 AAACATTTAT TGGGAAA 77

配列番号: 6138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07162
 配列:
 GATCCGGCTT GCCCAGAAA GAGAAGACAGC CATGGAAGTG GAAGCCCCTT CAAAGCCAGC 60
 CAGGACTAGT GAACCACAGC TCAAAAGGCA AANGAAGACA 100

配列番号: 6139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07163
 配列:
 GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTGA CTGTNTACAT 60
 CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA 100

配列番号: 6140
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07164
 配列:
 GATCAGGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAC CAGAGTGAGA CACTGTTTAA A 51

配列番号: 6141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07165
 配列:
 GATCTGGGCA GGGAAATCA CATACCAGGG CTGTCTGTCTG GGGGGGTGGA GGGCTGGGGG 60
 AGGGATAGCA TTAGGGGAAA TACCTAATGT AAATNACAAG 100

【1201】

【配列表 1 1 1 1】

配列番号： 6142

配列の長さ： 75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07166

配列：

GATCAGGCCC CACCTTGTGT CTACCCCAT CCCCCTGTN AACGTNCCAC TGAATAAAGT 60
CGGGNAAACG AGAAA 75

配列番号： 6143

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07167

配列：

GATCTGAATT GAGGAAGTTG TAGTTTTTGC TCTCCCACTT CTTGGAAACC CCTATCTACT 60
TTCCTATGTA TTGACTACT TGAGGTAGCT TATACAAGTA 100

配列番号： 6144

配列の長さ： 79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07169

配列：

GATCTAAGCT GATTAAATC TAAAACTGG ATAAGAAGCT GTGGCTTGTA ATTAAAAATA 60
GACCTTTATT CACTAGAAA 79

配列番号： 6145

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07170

配列：

GATCAGGTAT TTAAAGGACA TCTGACAGTG CCTGGCACGG GATAGGTGCT CCATAAATGC 60
CTGTAGCTAT AATTATTACT GTNCCACTAG CTGTTTACTT 100

配列番号： 6146

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07171

配列：

GATCTGGAGT GGAAGGGGAA TTCATTTGTT CATTGTCTAT CCTTTTGTAT TGATTGAATT 60
TTTTATATAT ATATGTGAAT TTNCACAATA AAATTTTTTT 100

配列番号： 6147

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07173

配列：

GATCATAGCA CTNTATCATC TTAAAAGTTA ATAATAGATT ACTTGTAACA CAGGCTCACT 60
ATGNAGAAT TCATCAAGCT GTATGTACAT TTATTGTGCT 100

【1 2 0 2】

【配列表 1 1 1 2】

配列番号： 6148
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07174
 配列：
 GATCCGTCAC AACTAAGGA GATGGCAGGC ATTGACAGCT TCACTCCATG AAGGCCATCT 60
 CNGTTTCTCT CCTCCGTTA ACCAAGCTGT TGTGGTTTTT 100

配列番号： 6149
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07175
 配列：
 GATCGTAATG TAAATNCTT TTACCATGTC AAGAAATNAT TAAAAATAAA 50

配列番号： 6150
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07178
 配列：
 GATCCTGAAA AGATAGGGCT ATTGTCCCCT GCCTCCTTGG TCACTGCCTC TNGCTGCACG 60
 GNCTCCTNAG CCCACCCCTT TGGGGCACAA CCTGCCACTG 100

配列番号： 6151
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07179
 配列：
 GATCCCCGTA CCACAGTGGC AGCCATGCCC TTCCCCTGGG CTACCATTGT CCCTTTCCTC 60
 ACCCAGTTGG TAGAGGAGTC AGGAGGTGGG AGGCCGTGGG 100

配列番号： 6152
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07180
 配列：
 GATCATCCTG GGCAGCAAAG TCATACACTC TTGAGGGAAG AGAGAGACCT TCTCATATTG 60
 TTTTATATTG TTTTATACTC AGTACCTGTT TTAAGAAAAA 100

配列番号： 6153
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07181
 配列：
 GATCACAGGC CTTTGGAGCA CTTTTACTCT CTGAGAAGAA CTGGAGCTAG AGATGTAAAA 60
 TGGACAGTCT TGATGGGGTT GAGAACCTTC TGGGGAGCCA 100

【1 2 0 3】

【配列表 1 1 1 3】

配列番号： 6154

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS07182

配列：

GATCGNACCA CTGCACTCCA GCCTGGAAGA CCAAACGAGA CTCTGTATCA AAAAATAATA 60
 ATAATTAATA AAGTTTACT GGAAAAAGA AA 92

配列番号： 6155

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS07183

配列：

GATCAGCTAC AATGCCCTGT GTTAAATTNT TTAAAAGTTT CCCTTTTCTT TTTTGCCAAT 60
 AAAGTTGTAA ATAAAGACCA TCATACATTA AA 92

配列番号： 6156

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS07185

配列：

GATCCCTTCC CGCCACACNA TGCTCCGTTT TCTTCCGTTG TNAATGCCGC GTCCTGTCCT 60
 GGTGACAGGA GAACAATGTT GGTGAACGTC AAA 93

配列番号： 6157

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS07186

配列：

GATCTCCTTC TCACTGCATT CACTCGGTTT CCATAGCCCA AGTCATATTG TNTCTCTCCT 60
 GGACAGTAAT AACCTTTTNT TGGGCTCCCT GCTTCCAACC 100

配列番号： 6158

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS07187

配列：

GATCAGGAGG CCCACTTGGG TTTATAGTAT AGCCCTTCCT CCACTCCAC CAGACTTGCT 60
 CATTTTCCGA GTTTTAACT AGACTACACT CTATTGAGTT 100

【1 2 0 4】

【配列表 1 1 1 4】

配列番号: 6159
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07188
 配列:
 GATCTGAAAA CCAAGTGGTG ACCTAGGGAG GGAACAAGCH CTGTGCAGCA TTGATGAAAC 60
 TTAAGAAGATG AAGTCCTGGT CCGGGCACGG TGGCTCACTT 100

配列番号: 6160
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07189
 配列:
 GATCGCNCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAGGGCGAGA CTCAGTCTTA AA 52

配列番号: 6161
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07190
 配列:
 GATCGCACTA TTGCACTCAG TCTGGGCAAC AAGAGTGAAG CTNTATCTCC AAA 53

配列番号: 6162
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07191
 配列:
 GATCGCACCA TTGCACTCCA NCCTGGTCCA TNAGAGTGAA ACCCTGTCTC AAA 53

配列番号: 6163
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07192
 配列:
 GATCTNTGGC CCACTCCGCA TAAATCAGGT GCATAATGTA GCTGCCCCGGG CTTCTATACT 60
 GCAACATTGG CAAGGCAATT AGCTTGAAAA CTGAATTGAT 100

配列番号: 6164
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07193
 配列:
 GATCTATACC CTAAGCAGAT AGCAAAGAAG ATAATGGAGG AGCAATTGGT CATGGCCTTG 60
 GTTCCCTCA AAACAACGCT GCAGATTNT CTGCACAAAC 100

【1 2 0 5】

【配列表1115】

配列番号: 6165

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07194

配列:

GATCCATCAT NATGTAAAAA TTCACAATAT GGTTCAAATG TAACANTGCA GAATTGAATA 60
TGGAGGCATG CATAACCTTC CTCTTAGAAA ATGGCAGGTN 100

配列番号: 6166

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07195

配列:

GATCTTGCTT TAACTTTCAA CACTTAGAAA ATCTACAAAC ATTACAGACCT GTCTGGGTTG 60
GTATTGCCAC CCATGACATT TAACATGTTG TGATGCTTGA 100

配列番号: 6167

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07196

配列:

GATCAGTAGT CTCTATTCAA ACTTTNAAAA TGTCGTGGTA TTGTAACAAT ATATTTAATG 60
AAAGANGGTT ACAGACTCCC CTGAAGAACC ACCTTTCCTA 100

配列番号: 6168

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07199

配列:

GATCCAAACT CTACATCCAG AGATTATGAA AAATTCTTAT AGAATTTTGT AACAAGTATT 60
TACATGTTGG GTGAAAGANA TTTCATAGTC GTTGGAGTGC 100

配列番号: 6169

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07200

配列:

GATCTTCGCT GATTNNNTCC ATCAATNACC CGGAGCATCC ACTNACGCTA GAGGAGTTGA 60
ACGTAGTAGA GCAGGTGCGG GTTCAGGTGA GCGACCCCGA 100

配列番号: 6170

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07201

配列:

GATCAGTGCT CITCAAGGTG TCAAGATTAT CAAAGACATA AAAGANTGGN TGANCTGCCA 60
TAGATTGGNG GAGACAATGC AATGTCAAAT CCTGANTTGT 100

【1206】

【配列表 1116】

配列番号: 6171

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07202

配列:

GATCTTTAGT CCGAGTATGN GAAATTCAAG CAACTTTGCG AGANAAAGGA ATACTATTTT 60
TNAGNCAACA AATTAAGGAA CTTGAAAAGC TAAAAANTCA 100

配列番号: 6172

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07204

配列:

GATCANNGAA ACTAAACATT ACACCTTCTG GNCCTTNNATT TATGAAGTGG CACAGAATCT 60
AACTTTNCAC TGAATATCTT TCCATTGACA TCTCCTCTGC 100

配列番号: 6173

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07206

配列:

GATCTCCCAA GNAAGCACAA ATAGTTTTTT TCGCTAACTT AGTTATGAGT GAAGCCTCTG 60
TNCACCTATA ACTNGCCAGT TTCATTGGTG GAATAAGTCC 100

配列番号: 6174

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07209

配列:

GATCAGAGAA GGTTTTGTTT GTCCTTTTAA TCTTTACTTC TTTGAATTGT GAAAGTAATA 60
CTACATATTG ATAATAAATT CAAATAATAC AGAAGTATAT 100

配列番号: 6175

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07210

配列:

GATCCGTGCT GTCCAATCCG GTAGCCACAC ACGGCTCTCG GGCACCGCAC AGTGGCTAGT 60
CTGAAACCTG ACATGCTCTA AGTGTAATAAT ACATGGTGGA 100

【1207】

【配列表 1 1 1 7】

配列番号: 6176
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07211
 配列:
 GATCCTGGCC CTCCACCTNC CTCCAGGCCA CGAAATGGGA ATNCCAGCAC TAAGCCAGGC 60
 ACCGGGCAGA AGCTGGGCCT TCCGCCTCCN TTGGATGGGG 100

配列番号: 6177
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07212
 配列:
 GATCTAGATA TNAGGTTTTT CTCCTTCATT CTCAGCTGTC GAAGAAATCA AAGTAGCATA 60
 TGCACAAGGT TAAAAACCAC ATATACAAAT ACTATAGAAC 100

配列番号: 6178
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07213
 配列:
 GATCTGAGAG ATGATACATG ATACCAGATG AAAAGAAGGA GAAGTGTGTA CCATATGTTT 60
 TNAGCAGAGG NCCCTCCAAC TTATGGCATC AGGGGCAAAA 100

配列番号: 6179
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07214
 配列:
 GATCTTAAAA CTGAATAAAA ATATTTAATA AAACCTTGAA ATATTTTAAA 50

配列番号: 6180
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07215
 配列:
 GATCCATTCT ATCCATCCGT TATGTGGCTT TGCCATCCCA GCTTGGAGTG TCTTTACAAA 60
 GATAATAACA GTTGTCTTCT TTGCTCTCGT TTTGGATGCA 100

配列番号: 6181
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07216
 配列:
 GATCCTCAAT CAGTGGGTGG AGGATAACAG GGTAGATTCA CTTGTTTGCA CTINTACAGT 60
 TGTAGCTGCC AGTCCAGAAG TCCTCTAGAG CATGTTTACT 100

【1 2 0 8】

【配列表1118】

配列番号: 6182
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07217
 配列:
 GATCCGAGCG TCGTGAATC ACCTGAACTT TGAAGGTTG GCACTGGGGG GCCGCATCCC 60
 CCTGGGAAAT NACTGAACGC GGGGTTTCAN TGGGTCCCGC 100

配列番号: 6183
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07218
 配列:
 GATCTATTGG ACCAAACCTT CTGCACACTC GGGCAGTTCC CTCTCCAATG TCCGGTGCCA 60
 TCTTTCCTGA CCTTTGTTTC TTTCTGTTCA GGAACCATCA 100

配列番号: 6184
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07219
 配列:
 GATCTATCAT TACAAAATNA ATTGAATAAT AAAATAGTTT GGTAGAAACT TAAA 54

配列番号: 6185
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07220
 配列:
 GATCCAGAGT TGAAGACCCT TCAGCTGGCT CTGCCTGCCA GTGCCACANA GTGCCATGGC 60
 CCAGGAAGAC AGGTTTTNTT CCATCTAGGC CAGGCCATCC 100

配列番号: 6186
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07221
 配列:
 GATCTCTNCT AACNNTAGTA AATAAACACT AAAGTGGTGG GCTTTGATAA TGCAITTTNGT 60
 GGATACAAAA TCATCGNCTC ATCACTTTCT AGAATGAAAG 100

配列番号: 6187
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07222
 配列:
 GATCTNCCCT AGCCCTCTNT TCCAGAAGAT GCCCTCCAAT CCTTCCACC CNATTCCTTA 60
 ACTNTNGGA CCTCGTTTGG AAGTTTCTG TGGCCTTGGC 100

【1209】

【配列表1119】

配列番号：6188

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07223

配列：

GATCTAGTTT TCCAAGTAAC ATTTTGTGGT GACAGAAGCC TAAAAAAAAG CTAAATCAG 60
GAAAGAAAAG GAAAAATACG ANTTGAAAAT TAAGGAAATG 100

配列番号：6189

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07224

配列：

GATCACCTGC GTGTCCCATC TACAGACCTG CGGCTTCATA AAACCTNCTNA TTCTCTTCA 60
GCTTTGAAAA GGGTTACCCT GGGCACTGGC CTAGAGCCTC 100

配列番号：6190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07225

配列：

GATCTCAGCT ATTTAAATAC AAACCTGAAA AAAATATTTT TCCAGGGTAC CATAAATATG 60
ATTAANTNNH TAAAAAATTT AGTGTCACTT CATGAAAATA 100

配列番号：6191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07226

配列：

GATCCTGGGC TGCTGGTGCT ACCTGCGGCT GCAGCGCATC ANCCAGTCCG AGGACGAGGA 60
GAGCATCCTG GGGGATGGG AGACCAAGGA ACCCTTCCTG 100

配列番号：6192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07227

配列：

GATCTTGCCA CATCTGGCAC GGAGACGACA CAGTAATNCT GAAAAAGCCT CTATGTAGTC 60
CTGTTAGTNT CTAAAGAAC CTAAAAGCTN GGACCAGTAA 100

配列番号：6193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07228

配列：

GATCCAATGG ATTTAAACAG AAGCNCITTTG CCAGGCTTGC CAGCAAGAAG GCAGTGGAGG 60
AACTTGCCTA CAAATGGAGT GTTGAGGATA TGTAACITTC 100

【1210】

【配列表 1 1 2 0】

配列番号: 6194

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07229

配列:

GATCAGNAGA GGCCANGCTC CNCCCCACCC CAAACAGCAT GAACTTCCCA AGGCTCCATC 60
CCTTTCTCCC AGTGCACAGG CTGGTCACTT TCTCCGGGTA 100

配列番号: 6195

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07230

配列:

GATCTCAGAT TTTTTTTGAA GTTAACATGC CTGACACAGA CATCCTTTCC TCTCACAAGC 60
TGTGTGACTT AGTAGATAAA ATACTGCCTT CTGCCTTTGG 100

配列番号: 6196

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07231

配列:

GATCACTGGA CATCAAAGAT TCATTGCACT TATGAACAAG GAACCTTCTT TTCAATTTCT 60
GTGTAATTTG CAAGGCTGTA CAATGTGTGC TGATGCAAGC 100

配列番号: 6197

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07232

配列:

GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAA AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAANGTTTCA AATCTAGACA CTAATGTGT 100

配列番号: 6198

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07233

配列:

GATCGANACC ATCCTGGCTA ACATNATGAA GCCCCGTCTC TACTAGAGAT ACAGAAAATT 60
GGCTGGGTNC GGTGGCGGGC GCTTGTGGTA CCAGCTACTC 100

【1 2 1 1】

【配列表 1 1 2 1】

配列番号: 6199
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07235
 配列:
 GATCGAGGAC TATTCNGTG CTATTCATTC CTCCATTGCT AAACAGATNA AAAGCGACGG 60
 TTNCTNCACT AACAGCAGCT GGGAAAGANG TTATGCTTGT 100

配列番号: 6200
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07238
 配列:
 GATCCCAAGG ACCTGGAGCC ACGGGCTGCC AACTGCACTC GGGTACTGGT GTGGCATACT 60
 CGGACAGAGA AGCCCAAGAT GAAGCAGGAG GAGCAGCTGC 100

配列番号: 6201
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07241
 配列:
 GATCCACCAG CCTCAGCCTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAATGT AATNNTTTTT 60
 AAAAAAGAAA ACATGGNTGT AAAGAAAGTA AAGCTTCGTT 100

配列番号: 6202
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07243
 配列:
 GATCTGTGAC ACTNACATGG CTGTGGTGTG CATACTGTGT AGTTACATAG CCCTTCCAAT 60
 TCTGGGTCCA TTTGCACTAG CAAATTAATAA TATGCTTTGA 100

配列番号: 6203
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07244
 配列:
 GATCCCAAAAC NACTCACTCC TTAAATTCAC ACTTTGCCAC TTAACCTCCAG TGTGGATGAC 60
 AGAGCGAGAC CCTGCCTCAA A 81

配列番号: 6204
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07245
 配列:
 GATCAACCTC AACACCTGGC NTCTCANGCC TATATACCGA CATATNCAGC AAACCTNAT 60
 GNAGGCTACA AAGTACGGC AAGTACCCAC GTAACCTGACG 100

【図面の簡単な説明】

【図 1】

3' Mbo I cDNAライブラリーの作成を示す図である。

【図2】

プライマーの試験を示した図である。図中、Aは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Bはプライマーにより増幅したDNA断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

レーン1 ; FW (-40) / RV (-14)

レーン2 ; FW (-40) / RV (-36)

レーン3 ; FW (-40) / RV (-71)

レーン4 ; FW (-40) / RV (-29)

レーン5 ; FW (-47) / RV (-48)

アーティファクトは、矢印で示してある。

【図3】

SW (-40) 及びRV (-14) を用いたPCRを示した図である。図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはSW (-40) / RV (-14) を用いたPCR産物を電気泳動したパターンを示す。

【図4】

cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映を示す図である。

【図5】

3' 領域He p⁺G2 cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の検索頻度を示す図である。

【図6】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図7】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図8】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図9】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図10】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図11】

GS001418 (gs001418) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

【図12】

GS001457 (gs001457) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

【図13】

GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

【図14】

GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

【図15】

サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図である。

【図16】

GS000152 (クローンs14g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図17】

GS000041 (クローンs650) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図18】

GS000181 (クローンhm01e01) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図19】

GS000055 (クローンc13a18) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図20】

GS000180 (クローン s 479) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図21】

GS000094 (クローン s 173) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図22】

junk (クローン hm01g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図23】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図24】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図25】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図26】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図27】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図28】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図29】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図30】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図31】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図42】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図33】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図34】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図35】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図36】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図37】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図38】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図39】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図40】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図41】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図42】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図43】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図44】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図45】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図46】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図47】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図48】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図49】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図50】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図51】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図52】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図53】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図54】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図55】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図56】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図57】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図58】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図59】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図60】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図61】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図62】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図63】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図64】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図65】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図66】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図67】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図68】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図69】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図70】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図71】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図72】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図73】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図74】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図75】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図76】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図77】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図78】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図79】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図80】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図81】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図82】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図83】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図84】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図85】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図86】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図87】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図88】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図89】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図90】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図91】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図92】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図93】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図94】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図95】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図96】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図97】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図98】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図99】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図100】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図101】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図102】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図103】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図104】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図105】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図106】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図107】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図108】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図109】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図110】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図111】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図112】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図113】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図114】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図115】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図116】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図117】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図118】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図119】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図120】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図121】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図122】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図123】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図124】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図125】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図126】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図127】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図128】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図129】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図130】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図131】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図132】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図133】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図134】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図135】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図136】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図137】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図138】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図139】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図140】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図141】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図142】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図143】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図144】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図145】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図146】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図147】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図148】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図149】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図150】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図151】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図152】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図153】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図154】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図155】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図156】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図157】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図158】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図159】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図160】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図161】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図162】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図163】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図164】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図165】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図166】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図167】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図168】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図169】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図170】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図171】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図172】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図173】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図174】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図175】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図176】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図177】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図178】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図179】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図180】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図181】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図182】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図183】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図184】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図185】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図186】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図187】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図188】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図189】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図190】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図191】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図192】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図193】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図194】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図195】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図196】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図197】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図198】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図199】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図200】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図201】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図202】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図203】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図204】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図205】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図206】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図207】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図208】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図209】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図210】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図211】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図212】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図213】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図214】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図215】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図216】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図217】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図218】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図219】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図220】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図221】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図222】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図223】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図224】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図225】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図226】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図227】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図228】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図229】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図230】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図231】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図232】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図233】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図234】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図235】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図236】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図237】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図238】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図239】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図240】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図241】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図242】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図243】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図244】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図245】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図246】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図247】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図248】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図249】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図250】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図251】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図252】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図253】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図254】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図255】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図256】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図257】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図258】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図259】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図260】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図261】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図262】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図263】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図264】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図265】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図266】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図267】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図268】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図269】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図270】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図271】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図272】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図273】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図274】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図275】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図276】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図277】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図278】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図279】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図280】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図281】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図282】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図283】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図284】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図285】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図286】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図287】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図288】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図289】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図290】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図291】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図292】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図293】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図294】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図295】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図296】

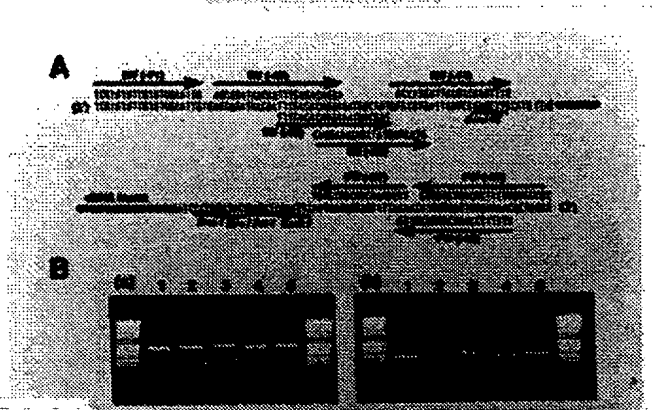
各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図297】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

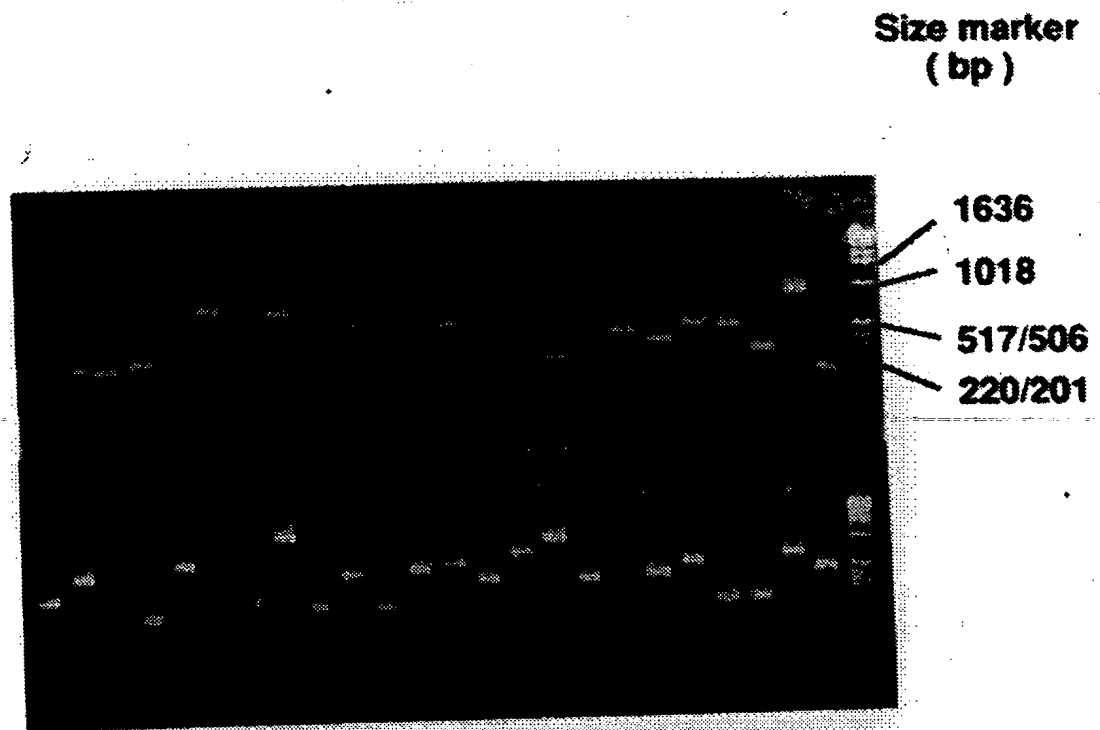
【図2】

図面代用写真



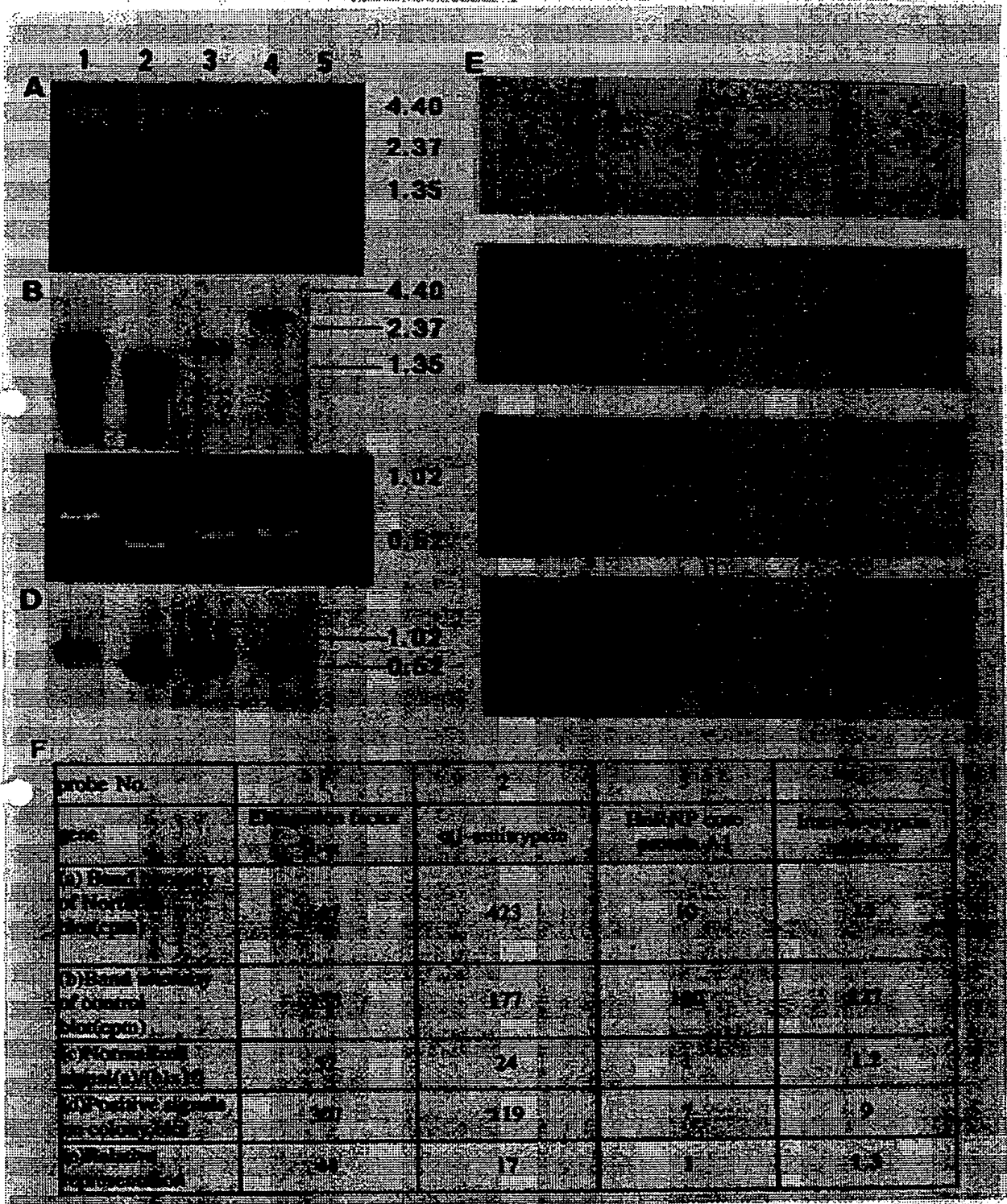
【図3】

図面代用写真



【図4】

図面代用写真



3 指向 Hep G2 cDNA ライブラリーにおける種々の cDNA の存在割合

グループ	クローン	遺伝子	A In 982 (%)	B "In 8,800 (%)"	C "In 26,400 (%)"
I	a15	延長因子-1 A α	22 (2.2)	307 (3.5)	NT
	c321	細胞的に制御された腫瘍タンパク質	12 (1.2)	89 (1.0)	NT
	tb038	α -1-アンチトリプシン	8 (0.8)	119 (1.4)	NT
	hm01b02	フェリチンの軽鎖	6 (0.6)	62 (0.7)	NT
	c13a04	NAD P (H) メナヂオン・オキシドレダクターゼ	4 (0.4)	27 (0.3)	NT
	hm02d02	リボソーム・タンパク質 S11	3 (0.3)	29 (0.3)	NT
	tb042	ヒト RNP コア・タンパク質 A1	2 (0.2)	7 (0.1)	NT
	s155	未知	1	2	5 (0.02)
	s159	未知	1	2	4 (0.02)
	s639	未知	1	1	3 (0.01)
II	s635	未知	1	0	2 (0.01)
	s170	未知	1	0	1 (0.004)
	s154	未知	1	0	1 (0.004)
	s167	未知	1	0	1 (0.004)
	s645	未知	1	0	1 (0.004)
	s647	未知	1	0	0 (<0.004)
	s632	未知	1	0	0 (<0.004)
	s155	未知	1	2	5 (0.02)
	s159	未知	1	2	4 (0.02)
	s639	未知	1	1	3 (0.01)

【図 6】

Sequences of primers											
GS	CN	Chromosomal position	Sense	Anti-sense	AT	HO	HE	MO	CO	G	T
gs000788	pm2386	1	CAGAGCCCACTACAGCTAT	AAGTTTATGTGGGGTCAG	48	114	115	104	110	1	2
gs001026	pm2444	1	AATGGACAGTTACACTTGA	CCAGCTCTCTTGACTTGAGA	48	83	84	>200	>200	1	1
gs001075	pm0883	1	TGAGCTGTGGATACGTATCT	ACAAGTACCCCTGAATGCT	48	124	124	103	107	4	4
gs001087	pm1772	1	GTCACTCTCAGCCATAGCAC	ACCATCTTACGCCACACACTT	50	104	104	180	>200	6	6
gs001094	pm0347	1	GCCCTTAACACGAGGAAGCTC	TAATTTCCCACTCCCGTAAAC	51	114	116	>200	200	1	1
gs001116	pm1771	1	GGGTTTTCAATAGGGGTATAGACC	GCCCAATCTGTCAAAACTGT	49	95	95	78	107	1	1
gs001161	pm0809	1	TTGCTGGATTGTAACCTTTG	GGCTGAACATTCACTCTTTG	47	97	97	-	200	1	1
gs001200	pm1351	1	TTAAGAACCCCTTATGGAGACC	AATAATCTGGTTAGTCACTTAC	47	97	98	-	-	1	1
gs001346	pm0982	1	TCAGTCTGCTTGGAGGATG	AATCAGACAGCAGTATTTG	53	120	122	>200	>200	1	1
gs001446	pm1818	1	AAGGTGTACAGGATATTTGAGA	TGCAATAGCCCAATCTCAAT	47	130	125	>200	>200	1	1
gs001464	pm1439	1	CCAAAGACCTCCCTTGAACA	TTTGGAGAGCCATAGACAG	51	100	100	>200	-	1	1
gs001468	pm0427	1	TACTCAGTGGAAAGATAAAG	CAGTGGACCACTTTTCTTA	40	98	98	-	-	2	2
gs001521	pm2786	1	CCCAATTCAAATTTGTTAAATG	TTTGAATCAGAGACATGAAGTT	43	102,175	100	>200	>200	1	1
gs001554	pm2281	1	CCAGAGAGTTCAGGGATTG	GGTACAAGTGCAATGACT	46	57	57	78	155	1	1
gs001572	pm2009	1	CCAAATCAATTTGTTAAATG	AAAGTTATTTGAGCTTCTT	44	88	58	>200	>200	4	4
gs001620	pm1350	2	CATGATACCTCTTGGGTGTA	AAACAGTAGTGGCAGCAAT	48	84	108	-	-	1	1
gs001606	pm1730	2	AGCTGAATGTGGCATGCT	CCGTTATTGCTACATGTCT	48	119	119	93	115	1	1
gs001681	pm0931	2	AAAGCAATACAAATACCAA	TTCAATATGTTTAAACCACTA	40	90	90	-	-	1	1
gs001690	pm0925	2	TAATGTACACGATGAATAG	TAATGTAAATATGACAGGTAA	45	88	88	-	-	1	1
gs001613	pm2010	2	CCAGATGGAAAGGGAAGTCT	CTGGAAATGGAAGAAATCAACAG	47	125	125	150	>200	1	1
gs001252	pm0935	2	TCGAGTTTGTCTCTAATAA	GGAAATATCAGTTCAGTTG	43	103	103	-	-	1	1
gs001288	pm2083	2	AGTCCCTTCTTGGCTCCTCAT	TATGCTCAGTGGCTTTATTG	52	137	137	>200	-	1	1
gs001436	pm2435	2	TTTGTACCTAGCTAAGAGTACT	ATCGGTGCCACACATAGTGA	45	105	108	-	-	1	2
gs001442	pm1871	2	TTATTAGGAGTCAATTATCTGTG	AGTTCCCATCTTCCACATG	45	67	65	>200	>200	1	2
gs001453	pm1245	2	TTGCTTCCCTCTCTAAGT	ATGTACAATTTGCTATGTAGG	45	75	75	170	190	1	1
gs001535	pm1246	2	ATCTAGTGTTTGTTGAAGTG	ACTGAATTTGCTCCCATCTG	44	88	87	-	-	1	1
gs000975	pm0449	3	CGAACATTTCACTCTCATA	ATGAATTTTAGGCAAGGAA	43	88	88	-	-	3	6
gs001001	pm1758	3	TCGGGCTCTTGGTGTGGA	GGCCCACTGAGTACAAATGTC	51	115	115	-	-	1	1
gs001218	pm2434	3	AAAGAAAGCAGACTGCCTAA	ATGTATAGACAATGCCAAG	42	90	90	-	-	1	1
gs001219	pm0868	3	GTAGTCTCTGCCCTTTAGC	AAGGATTTGATTTTGTACAT	43	77	77	-	-	1	1
gs001277	pm1728	3	GGTCTGTTTATTTTGAAT	AAACAAGGAGATGTTTGA	43	78	78	155	>200	1	1
gs001306	pm1822	3	GATCCTTGTGTGTAGTTCAATG	CTGCAAAATACAGGGAATCAT	46	83	83	160	140	1	1
gs001410	pm2209	3	ACCCCAATGCCAAATCCAGT	ACAGTCCGCCAGCCCTTACT	55	105	105	113	>200	1	1
gs001466	pm2455	3	ATCTAGCTGGCTGTAGTATT	TTAAGAGATGAATTTATTGGT	42	130	130	190	>200	1	1
gs000271	pm1252	4	GTCCCTTGTCTATCTGTGTTA	AAGCATTTATTGAGGTTTA	43	90	90	95	>200	1	3

gs000448	pm2256	4	GGCCAAGTTTCTCTAGTAT	GTTCAGTTTTATTACAGACA	42	62	62	>200	69	1	2
gs000452	pm1151	4	GTCCCATGCAGTGTGTAT	GTCAATATTCCATCATCA	43	80	80	-	-	1	1
gs000456	pm0888	4	AGAAATTATAGCATAGGT	TAGAGTCAAAAGTTGCTGTG	43	100	100	130	-	1	1
gs000460	pm2367	4	ATCAAAAGTTTAAATGCTCA	CATCCCATACATACAGTC	43	116	116	>200	180	1	1
gs000464	pm0804	5	TCTCGTGAAGAGCAGCACA	TCTAAAGGAAGAACAGCATC	49	101	102	113	200	1	1
gs000468	pm1888	5	AAGCAATGCCCTTATCCACAG	CTAAAGAGCTTGAACCCCTTCAT	45	87	87	>200	>200	1	1
gs000472	pm0319	5	TACCCAGATATTACAGT	QAGACATAAGCAGGTAAGAT	44	120	120	-	-	1	1
gs000476	pm2364	5	TTACCTTACGCTGTCTTAC	AGACAAATATCCCAAAAGC	47	80	80	100	>200	1	1
gs000480	pm1160	5	ATTTGTGAGTGTGTTACTA	AGAAATGGATGCTTTTATTC	43	101	89	>200	>200	1	1
gs000484	pm2720	6	AATGTCATAGTCTGCTTCA	TGCATCGTCAATGTCTTCT	44	78	78	72	>200	2	3
gs000488	pm1154	6	CATTGACACAGCAGCAACAG	CCTGGCCCTCTTCTGAGTA	53	102	104	145	200	1	1
gs000492	pm1216	6	TAGGCAAAACAGCAGAGAG	AAGGAGCTGGTGTACAGTTG	48	65	65	110	>200	1	1
gs000496	pm1788	6	TATATGCAAAATATCCAAAGTCTG	TCTAATATTGTGTGCTTATCT	48	90, >200	90	>200	>200	1	1
gs000500	pm0288	6	TTGTAAGTGTGTGCTCAGT	TTTAAATATGTCATGTAAT	42	86	70	>200	100	1	1
gs000504	pm0328	6	GCACCTAAGCCTCCCAAGT	TTTTATACAGTCCAAAGC	49	138	138	>200	>200	1	1
gs000508	pm2810	6	TCTGCATTGACAAGGACCAC	TTTGAGATTTTAAATGAGTCATC	43	82	82	>200	45	1	1
gs000512	pm0991	7	GACCTGAAAGTGTGAATGAGT	AAGTTAGCTTTATGGGATTT	45	119	119	>200	-	1	2
gs000516	pm0281	7	AGCCAAACTCGGGTCACT	CCAGGGACAGGTGAGTCAT	58	159	159	115	>200	4	4
gs000520	pm0210	7	AATCATTTGGCGAGAGTGA	AAGACAAGTTTATCCAGACA	45	88	88	130	-	1	1
gs000524	pm1102	7	TCAGGCAAGTCTGCTCAGATA	TTTGACGTTTAAATGCTTTA	44	77	78	170	-	1	1
gs000528	pm0956	8	AAGCAATGCGTTGTGACACTAG	TCCATTAATAGGCCAGCTTCAG	47	81	81	105	70	1	1
gs000532	pm2527	8	TTGCCCTAATGCTGTCTAG	AAAACGACACACAGTAAG	48	99	96	118	180	1	1
gs000536	pm2708	9	TGTATTGGATTGGATTCTC	CAAAAGCAAAACACAGATA	44	95	95	-	85	1	1
gs000540	pm0995	9	TTGCCATCAAAACACATACA	CTTGAGTTTGGTTTCTG	43	55	55	-	-	1	1
gs000544	pm0959	9	TTAAGAAATCACCCCTCATG	CACATGCTTATGGAACACT	44	74	74	72	73	1	1
gs000548	pm0547	10	AAGTATTGTGCAAGATGA	AAGAAACACTGCGTTGTGG	45	138	138	>200	>200	2	3
gs000552	pm2245	10	TGTGAAATGCTATCTCCT	GCATCGTTTCCATATCAGT	47	100	100	200	>200	1	1
gs000556	pm2884	11	ATCAAAACAAACATCCAGA	ACTAATATATAGTCCCACT	42	117	121	134	95	2	2
gs000560	pm0880	11	GAATAGCTTGGAGATTGAC	GGAGATCATACCTTCAGCA	46	100	100	84	95	1	1
gs000564	pm0445	11	AAAGTGACCTTGATGACAGTGA	TCAGGCCAAAATACATGCTGACT	50	153	153	>200	180	1	2
gs000568	pm2843	11	AGGGTGAAGGGTATTTTACG	CACATCATGGTTGAGAGCTA	47	83	85	-	-	2	2
gs000572	pm0559	11	AACCTCTAGTAAGGCATTG	TTATTAACCAATCCAGTA	37	47	47	125	53	1	1
gs000576	pm2810	11	CTGTAAAGGTTTTGGAAATTATGT	TTTCATTTTGTACGATTTATT	42	75, 82	75	145	>200	3	3
gs000580	pm0286	12	AGTGTATGGAAGACCTTGAG	GTTTCATTGAAACGGTGTAGC	48	130	130	103	>200	1	2
gs000584	pm2786	12	TGTCCGTATTACAGAACAGT	AATGATTTGATAGATAGCA	49	88	88	>200	120	1	2
gs000588	pm1193	12	CACAGCATAAAGAAATCATA	ACCTAATTTAGTTTCTCAC	46	100	100	-	-	1	1
gs000592	pm2790	12	CATCATGGTACAGTCAGAAG	CAGTTTGTCAAAATGTAATG	44	83	82	93	87	1	1
gs000596	pm1355	12	AGATGTCAGTATTTCTGCTAGG	GAGAACAGCAGTAAAGCAACAC	47	87	87	>200	>200	1	1
gs000600	pm0388	12	CCAAAGTCTAGGGTACAG	TCAATAGACCTTGGGTAC	47	95, 105	95	>200	>200	1	1
gs000604	pm2845	13	CTAAGATTAAATGCCATTCC	AGTTAGTGTATGCCAGAGGA	48	104	104	>200	-	1	2

【図 8】

gs001044	pm1659	13	TTTAAAGCCTATCAGAGTCA	AGACAGACTTATGCCATCTA	44	109,200	109	>200	100	1
gs001200	pm1731	13	GCTTCTTCCTGTGCTGTGT	GCAGTTAATCATGGCTATTCTCC	50	122	122	>200	180	1
gs001362	pm0118	13	ACTGAAATGGAACATAGTCT	TACATTACATGACATTGTGA	40	61	61	95	103	1
gs001366	pm0364	13	TGCTTAGCTTTCCCTCCTTA	GAGCATTTCTGTGTTCCTTA	45	67	67	-	-	1
gs001369	pm2301	13	CATGAACCTGTGCAGACAA	GCCTACTTTAATGCTGACC	51	100	100	100, >200	-	1
gs001482	pm0541	13	AAATGAATGTAAATAGCACT	ATTAGTTTACAGGAGAAAT	41	72	72	-	74	1
gs001367	pm0441	14	GTTTTAAGTTTTGATTTGGG	CATCCAGCTTACATTCTT	41	77	77	>200	180	3
gs001504	pm2307	14	CGTTCCTAACTGTGAATGC	AATGCTCAITTAITTCGAAG	42	55	55	>200	>200	1
gs001576	pm2019	14	ATCACAATTACCTTTAGTTG	ACGATACTTTATTGGAGAT	39	69	69	-	-	1
gs001339	pm2220	15	TCCCATCTCTCAGTTGAAT	TGAGAACAAAGAACCAAGT	47	70	70	80	150	1
gs000980	pm0985	16	TTGGAATGGAACCTTGCTA	ACTTATGCTGCCGTGAATGG	48	78	78	68	70	2
gs001242	pm1127	16	CCCTGTGTTTTACATGTTCA	TATTAATGTCCCAITTCAT	44	105	105	103	102	2
gs001516	pm2543	16	ACAGTGTAAATCAAGGTG	TCTGACAACTCAAGTGCAAT	45	53	53	>200	>200	1
gs001566	pm0913	16	TTTGTGCGACTATGTAAT	TCACITTTAATGGGAACCA	41	53	53	>200	>200	1
gs000806	pm1157	17	CTCTCATGTTCTGTACAAG	TAGAGGAGAAATCTGTGGTT	47	77	77	140	>200	2
gs001015	pm2369	17	ATATTACCTTCCCATCCAT	TCAATACGCTGCTGCAAGC	50	80	80	>200	>200	1
gs001156	pm0202	17	CAGAAATTAGTGCAGCAAT	TGCTATCTGCATCTTTAAGT	45	103	100	>200	>200	2
gs001173	pm2117	17	AAATCTGTGTGTTATTTCC	GTGATTTCTACTGTACATTGC	41	118	118	145	200	1
gs001301	pm1678	17	TAAATTTGTGGAATCTCTTGA	ACACATTTGGGTTTGTCTTAAC	47	100	100	95	97	1
gs001316	pm0514	17	TGTGACAGCAGCAGCTTCAT	TCTGACATTTAATCCACC	45	128	128	-	1	1
gs001356	pm0538	17	CATCTCAGACAGCAAGAAAC	ACCTAAGAGTCCAGAGAAAC	48	90	90	68	>200	1
gs001495	pm2212	17	TGACTGCAATAGGAGTGT	GAACATACCAGTTTATTCT	46	80	90	180	>200	1
gs001522	pm0842	17	GTCTTCAGCAGATTTGAGT	ACTTCTCTTGAAGACACA	45	68	68	160	-	1
gs001078	pm1815	19	TGTGTTCTCCAGCTTTGTAG	GTTACATTGCCCTTGGTACAG	48	65	85	>200	>200	1
gs001417	pm0289	19	GGATCAGACCAACAGTGTG	GCAAGGTATAAACAGATTTA	46	90	90	-	-	1
gs001467	pm1688	19	GGAAGCCACCTGCACCTCA	GGAGAGTATTGGGAACGGT	54	93	93	>200	>200	2
gs001069	pm1879	20	GCCATGCTTGTAAAGTGATGT	TTAAGAAGCCATTAGCTAGGATA	48	140	140	-	-	1
gs001088	pm1146	20	GGCTTAGGATTCACCTGCTC	ACCACCAAGGTGTTTCAAGG	52	66	66	160	>200	1
gs001089	pm0112	20	TGCTGATGACTTCTACAG	TCCCTATCATGGCTGCTGT	49	59	59	59, 115	59	1
gs001128	pm0332	20	GTGCTGGGTAGTCTGACTG	CAATGCTCTAAGAGGACAT	49	135	135	153	180	1
gs001132	pm0547	20	TCTGAATGATGATGGAACA	ATCTAGTCCCACCCAGTGA	48	109	109	-	-	1
gs001158	pm1774	20	GGAGCCACATGGGATTGATTG	AAATGTACCCCTGGGACCTC	52	124	124	>200	>200	1
gs001210	pm1235	20	AGCCATCTGTTATGTCTTA	GGAGCAGAAATGAACCTTCAC	44	90	90	>200	>200	1
gs001377	pm1701	20	TCCATGGTGTAGAAGCCAG	CCACATCTCCAACAGGGAGT	54	142	142	>200	74	1
gs001395	pm2101	21	GTCAAGTCAATGCTACACAG	TTTATAGTGCACACAGAGT	45	130	130	180	>200	1
gs001427	pm0646	21	CTTCTGCTATAAAGTAGAG	ACAATTGGTTCACCTAAATGA	39	58	58	145	>200	1
gs000978	pm0912	22	GGTGTAGTGTAAACATTAG	AGTTGCACCATCTCTGTC	48	124	124	>200	>200	1
gs001444	pm0911	22	GGTCTGTGTTGCTCCACTGTG	AGAAAGCCCAAGTAGTGC	48	65, 86	65	100	125	1
gs001473	pm2231	22	TGAGCTGCACCTACCTGTGAGAG	AAGCAGGTTGAGTTGGTTTTCT	50	94	94	67	135	2
gs001479	pm2328	22	TACAGCCCTCCAGCTAAAC	TTTATCTGCATCCACTAGAA	46	65	65	190	>200	1

【図9】

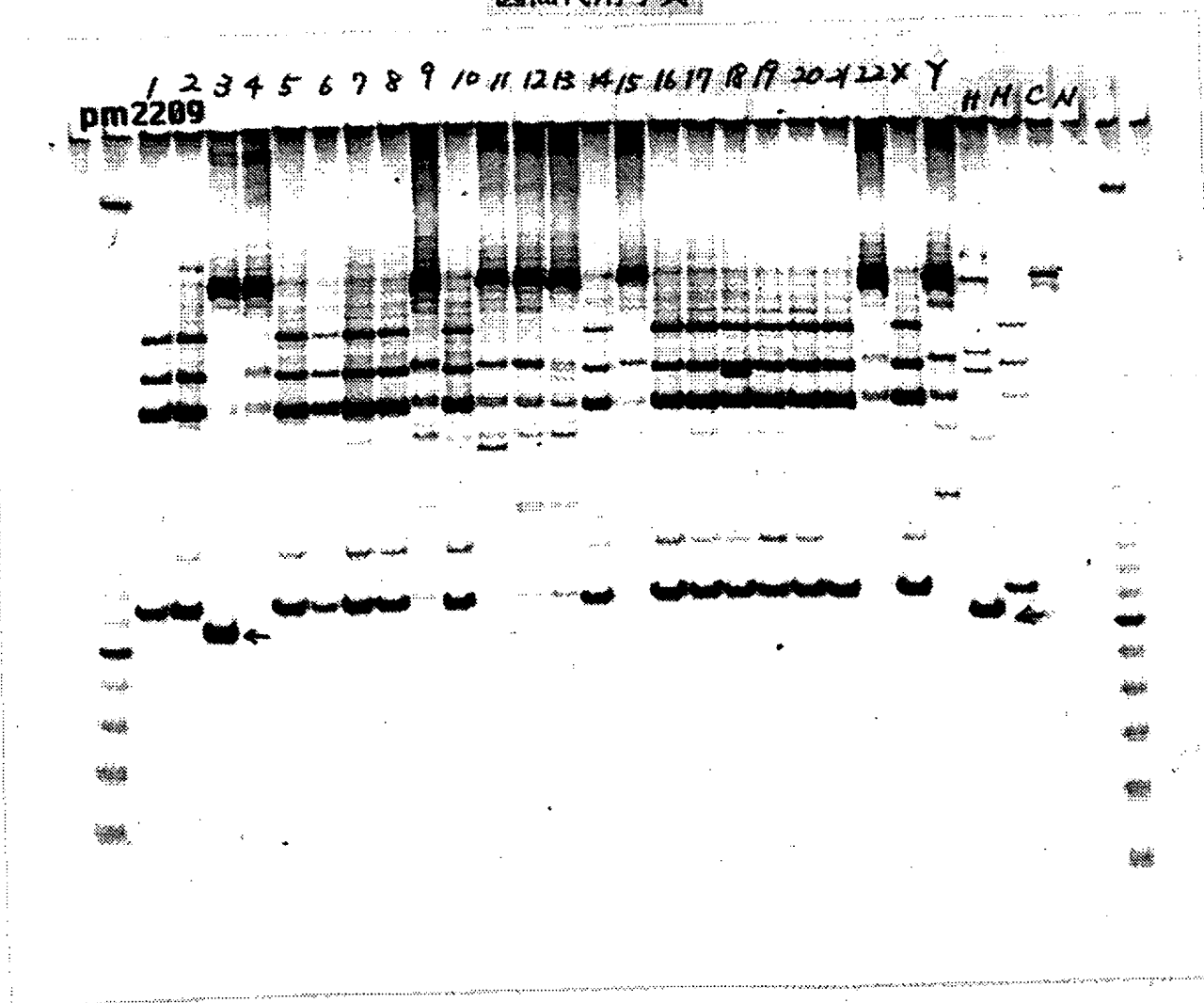
g000999	pm1759	X	CTGCCATAGTTACCTGGATT	TCACCCAGCACTATTAGCA	47	103	103	-	-	1	1
g001149	pm2180	X	GGAGGGAGATATAGATTGT	AAAAAATCAGAACTGA	46	70	70	135	150	1	1
g001161	pm0608	X	TTCTATAGTGTGACCAGTT	GGAGATTGAGATACAGAT	40	85	85	>200	77	1	1
g001406	pm1264	X	TAATGCCAGTGAATGTGCGTAA	GTAAGGTTTATCGTTGCATCAGA	47	82	82	>200	80	2	3
g001169	pm2289	X	ATCGTCTGTAATACATGTG	GGGAGAGACATCACAAGC	46	70	70	68	130	1	1
g001133	pm0113	1,18	ATCCGATGGAGTGTAAAT	AATAGAAGCTAAACACAA	44	69	69	170	-	1	1
g001404	pm2272	1,2,12,13,Y	TTGGAAATTGACATTCTGAT	TTTATTGTAAACAAGCACT	43	130	130	150	132	2	2
g000803	pm0314	1,2,3,5,8,12,14,17,X	TATCAAGCTGAATAATGTCAAC	TTACTGAATCCAGCCAAACCA	45	93	93	110	-	1	3
g000140	pm1461	1,3,4,5,8,16	TCCAATGAAGAAGGTGTTA	AGTTGACAGCCAGGTGAATG	48	98	98	100	100	1	3
g001354	pm1561	2,20,21,22	GTCTGTCAAGCCAAGATTCA	TTTTATTGTGTCTCCAAAT	48	110	110	170	150	1	1
g000336	pm2765	2,4,8,10,12,15,17,20,22,Y	GACCTGTGATCATTTGTGACT	TTATATGTTGTTTACACTCG	43	81	81	-	-	2	6
g001077	pm0943	2,5,14+C	GCCTGTGTTTACAGCACTC	ATCTCCGTTTGTCCAGTTA	46	82	82	>200	82	1	1
g001192	pm1853	2,8,12	TCTGAGGACATCCAAAGACAG	CAGTCAAAACCAAGCAAGTAT	49	95	95	93	180	1	1
g000213	pm1778	2,9,13,17,X	TGCAATAAAGGGAAGACCA	CCGTTGTAGGTGATGAATG	49	78	80	>200	>200	1	2
g000919	pm0885	20,X	GTCAATTGTATGCCAATTTC	ACATTTTATTTTTCACCG	37	45	45	-	-	1	2
g001109	pm0457	3,10,15	CATGTACTCAGAGGCACCTC	GCAAGTACAATCCCAACT	50	133	133	>200	150	2	2
g000071	pm2651	3,4+M	CAGGACTGAGCAGGAAG	GAITTAACCAITTAGGAAGC	50	101	101	101	88	3	3
g001428	pm2832	3,6	TAGGAATATGTTTACAGAG	ATAGTATGGTGTGACACAGTA	43	80	80	>200	120	1	1
g001391	pm1133	3,8	TGGAATTGCTTACCTGTT	ACCCCTCAGGAGATGTTAC	47	93	93	95	>200	1	1
g000077	pm2258	3,9,10,15	GCACATAAGCCAAATCAGA	CTCTTAACCAACCAAGCAG	50	98	98	>200	125	2	10
g000605	pm0828	4,6	GGATTCTATTGTGTGAT	GTTATTGTACGGGATTAC	44	105	100	>200	>200	2	4
g001212	pm1234	6,20	GCATTAAACAGGAACAATA	CTGTCCATGTGGCATAAAC	44	110	110	105	107	1	1
g001312	pm0808	7,18	AGATGCTAACATTAGGGATA	TTTTAGACATACAGAGGAT	43	81	81	102	-	1	1
g001441	pm1253	8,11	GCAGACTACAGGCTGATGGC	CCCTTACCCAGCAACTGTT	55	75,130	75	>200	>200	1	1
g001357	pm0115	9+M	ACCAATGTCACTGCTTTCTAAATA	CCCATATAGTGAAGAGTATGTT	48	125,155	127	125	>200	1	1
g001281	pm0428	10,15,22	AAGAAATTGTTACTGGATT	TTATCTGACTTGGAGGAAT	42	107	107	-	-	1	1
g001456	pm2420	10,15,22	AGTACCCCTGAGATATTAGTT	TTCAATTTATTGATTAGTTGA	46	100	100	170	-	1	1
g000290	pm2303	11+M	ATACCACTCCGCTGTCAAG	GAGAGCGTCTACTGTGTT	50	72	74	72	>200	3	20
g000314	pm2843	12,19	GCACCAAGAGAGATCCAG	TTGGGAATGAGAAATAACT	48	83	83	81	-	1	7
g000403	pm2773	12+M	GATCTCAGTTCTGCGTTTAT	TACATCAAAAGATGCAACAGT	44	80	80	79	88	1	1
g001487	pm2725	13,16	ATTCTGTGTGCTGCTTTCC	GTCTGTCTCTGATGCGTGA	46	82	80	135	180	1	1
g000976	pm2760	14,18	ACCTGTTTACCGCATCTT	AGGTATTTGTCCACAGAA	48	87	87	>200	>200	1	1
g001435	pm1683	17,20+C	TGTTGTTCCACCAATTGAGAC	AGAACAACATCAAAAGTGC	46	90	90	>200	>200	1	1
g001363	pm1748	17,22,Y	GAATGTCACTCAAGACGTAG	CTAGTTATATCTGGGCTCTG	44	81	81	>200	200	1	1
g000098	pm0864	17+O	TTTTATCCAGCAAGCACAAC	TCTTCGCTTCACTCTGCTC	49	120	120	>200	170	4	11
g001300	pm2217	17+O	ACTTAAGTAGCTTTGTACG	TGCCTCGTGTGTGATAATA	43	95	95	>200	05	1	1
g001440	pm1213	18+C	CCCAAGTAAAGGATTATGT	AGTGACGATGGAAGGATGTA	44	92	92	-	92	1	1
g001217	pm1118	19,20	TGCAGAGTAGTATTCAGAG	CGTAGGTGATCTTTTCAGC	46	75	72	180	85	1	1
g001009	pm2824	19,22	ATCCCTCTGTCTATTCAAC	GCTGTTTAACTCACTTCAAC	46	110	110	130	170	2	2
g001172	pm0887	19,22	GCCTGCATGTGTGTTGACTT	AACCTCTGGGAACAATCAT	48	91	89	180	88	1	1

【図10】

gs001057	pm2049	C	AGGACACAAACACGCTAT	TTTTCTGATTATGACATGAC	45	75	75	101	75	1	1
gs000473	pm1753	M	ATCTCTTTAGCCATCCTG	GTTAAGTCTGATGCCATT	42	84,100	84	64	>200	1	1
gs001098	pm2236	M	GTAGAGCTGCATTGACTACC	ACAGACAAGGAATAATCAT	42	108,98	110	110	112	1	1
gs001166	pm0506	M	GTCCACAGTCCAGCCTAAC	GCACATATTAGAATCCATC	46	74	74	74	>200	1	1
gs001454	pm2354	M	TGTTCTTTTGAGCTCTGCCT	TTTAACAGTCAATAATACATGTT	44	110	110	110	108	1	1
gs000026	pm2402	M+C	GCTAAGAAAGAGGCGCATCA	CTTAACGTATAGCCAGGTC	48	75	75	75	75	1	1
gs000253	pm2766	M+C	CACAACACAGCAACTTCAG	ATGGTTATTTATCAGATTG	41	83	83	82	83	2	3
gs000265	pm1704	M+C	TCCACCCAGAGAGACACACT	AATTCATAGGGAATAGGTTG	49	76,130	76	76	76	1	23
gs000302	pm2318	M+C	TCGAGAAAGACAAATACAC	GAAAGGGTTAGTCCATTGG	48	58	58	58	58	1	1
gs000543	pm1689	M+C	CATGAGGCTACGGAACAGG	AGGAGTCCGTGGGTCTTGAG	51	84	84	84	84	4	18
gs000675	pm1442	M+C	AAAGCATCTTGAGAGGAACA	GGAGGAGCTCGCTGGTCTTA	49	110,>200	110	110	110	1	9
gs000732	pm1452	M+C	GCAGCAGATACCTTTACACC	TGGTTCAATTCAGTTCCCTTC	51	102	105	102	102	3	13
gs000995	pm0268	M+C	GAGCTCTGTGAGGAAGTG	CAGACCCCATCTTTATACC	47	79	79	79	79	3	4
gs001016	pm2763	M+C	ACGATATTTATAGTATGTG	TCAAAACCTTAATATATGCT	40	93	93	91	92	1	1
gs001053	pm1144	M+C	AGATGAGTGTGGTCCAGAGA	CCATTCTGTCTATCCAGTT	52	135	140	135	135	1	1
gs001127	pm2290	M+C	ACTGTGTATGGAAGGTACAA	CCACACAGTGAAGCACCGTCT	47	85	85	85	85	1	1
gs001167	pm1626	M+C	GAGAGCCCTGCATCCTTTA	CTCCGTTTGGTCTTTCTGT	49	100	100	100	100	1	1
gs001216	pm2109	M+C	TAGTCAGAGATTCAGTAAGT	ACATGTATTTGATAGTCTT	42	110	110	110	110	1	2
gs001253	pm1240	M+C	AAGTGTTCGATCAAGACTG	AGTGAATAAGTCTCCACTCC	48	120	120	120	120	1	1
gs001281	pm1134	M+C	ACTTAAACCCACACAGCAT	ACAACAGCATCAATAGAA	47	97	97	97	97	1	1
gs001375	pm0952	M+C	AAGAGAGTTTCCCTGCTCA	ATCATGGCAGATGGCAAGGA	51	89	89	89	160	1	1
gs001366	pm2216	M+C	ATCTGCATGAQCTATAATCT	CGTTCTCTTTATTGACAT	45	108	108	108	108	1	1
gs001411	pm0958	M+C	ATGGTTTATCAGGGGTTTC	GAGACAAAGGCAGCTCTTA	47	80	77	80	80	1	1
gs001460	pm2626	M+C	ACATTGAATGGGATGAGGT	GGACATTTGTAGCCACAGC	51	75,55	75	75	75	1	2
gs001482	pm1210	M+C	TTGTTGACATTCCTTTAGAA	CAGTGCCTCTGTACTGAGACA	48	85	85	85	85	1	2
gs001490	pm0109	M+C	GCCACAGAGACATCATCCT	TCTTAGTAGGTGCTCTGGTG	51	98	98	98	98	1	1
gs00188	pm2042	No product	CAACCACTTAGCGTGAAGGT	GAAATACTCTGTCACTTA	45	87	87	87	87	1	1
gs000850	pm0304	No product	CTTTGGATATTTTCTCAT	CCCTCGGTACTTTTCTATG	43	60	60	60	62	1	2
gs000883	pm0866	No product	AGCCAGCCTCTTTGTATGTG	CTGGATTTGATTTTCAATAG	44	87	87	87	87	1	1
gs001254	pm1673	No product	TGTGGTATGAATAATATCTGA	TTATGAATGAAGACACACT	43	98	98	163	>200	1	1
gs001365	pm2808	No product	CAGTAGTGTGCTTTGAAATG	TTATGTGAATGTGGTGTGT	41	83	83	83	83	3	3
gs001373	pm0381	No product	TACAGCCGCTCTTAAAGTC	TTTGAGCATCAAGGAATCT	48	82	82	82	82	1	1
gs001556	pm0040	No product	TACATCTTCAGAGTCACTGG	TTTTCAAAAGCTTTATCTT	40	86	86	86	>200	1	1
gs001574	pm1284	No product	ATCAGAGCTCAGTTCTGTAG	ATTTTGCCTCTTGCATGCTC	44	57	57	87	87	2	2
gs001622	pm1606	No product	GATCTGTAGGCTTAAGTGA	TTTGCAGTTCAAGCTTATTC	45	54	54	54	54	1	1
gs001640	pm0852	No product	GATCTGTCTTCTTTTTCACA	TTTATAACAAGACACCATAC	36	45	45	45	45	1	1

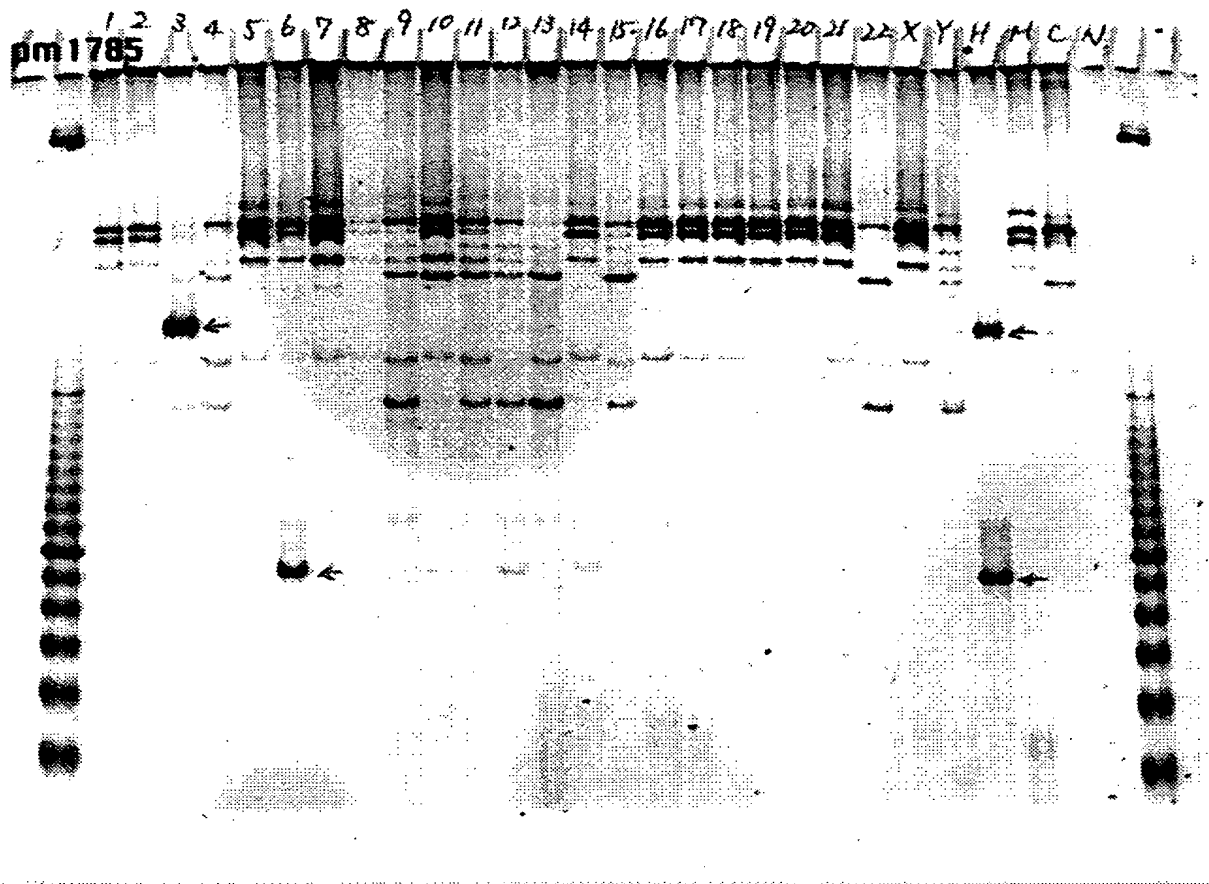
【図11】

図面代用写真



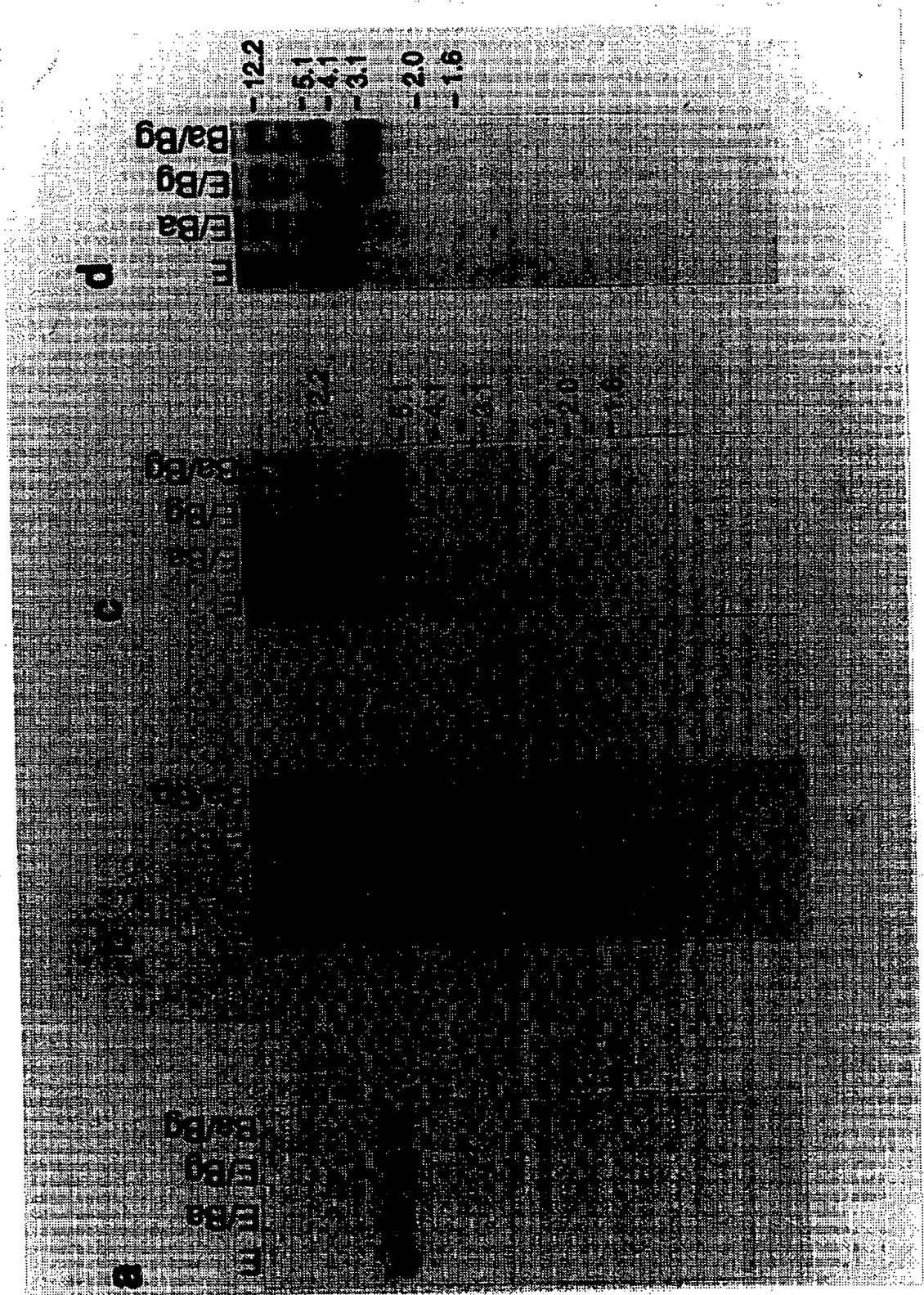
【図12】

図面代用写真



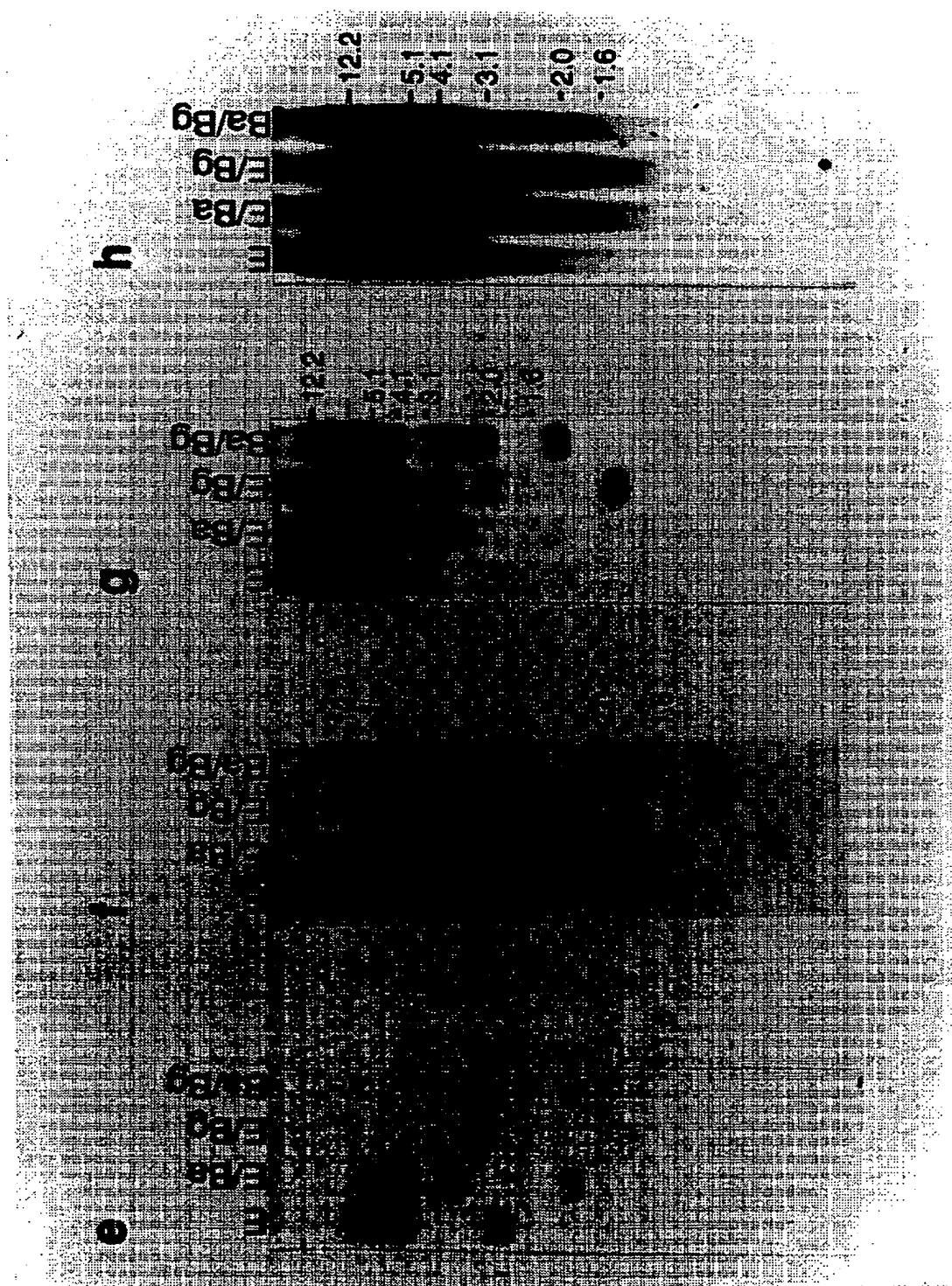
【図13】

図面代用写真



【図14】

図面代用写真



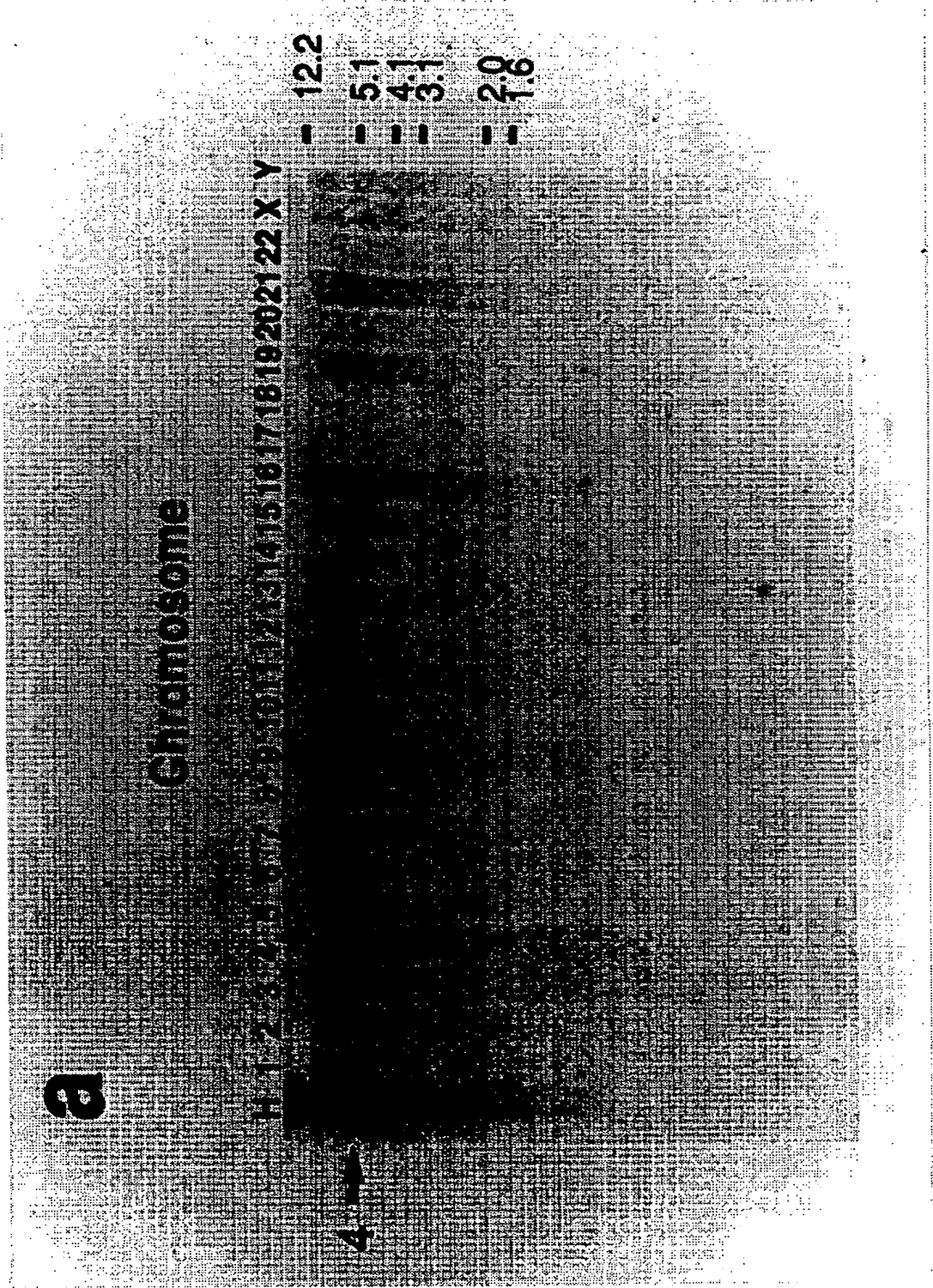
【図15】

サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリットセル

ハイブリット セルの名称	ヒト染色体の番号	親細胞	インタクトな 染色体(%)	転座した 染色体(%)
A9(neo-1)-4	1	A9	100 (0)	0
A9(neo-2)-1	2	A9	93 (8)	0
GM10253	3	CHO	100 (0)	0
GM10115	4	CHO	100 (0)	0
A9(neo-5)-4	5	A9	40 (0)	90
A9(neo-6)-3	6	A9	100 (60)	0
A9(neo-7)-2	7	A9	100 (89)	0
A9(neo-8)-1	8	A9	91 (82)	0
GM10611	9	CHO	79 (5)	11
A9(neo-10)-3	10	A9	94 (6)	75
A9(neo-11)-1	11	A9	24 (0)	76
GM10927A *	11	CHO	96 (21)	4
A9(neo-12)-4	12	A9	0 (0)	100
GM10868 *	12	CHO	82 (6)	0
GM10898	13	CHO	82 (0)	10
GM10479	14	3T6	76 (29)	0
A9(neo-15)-2	15	A9	9 (0)	78
GM11418 *	15	CHO	62 (0)	100
GM10567	16	A9	69 (0)	0
GM10498	17	LTMK	80 (10)	0
A9(neo-18)-5	18	A9	100 (66)	0
A9(neo-19)-1	19	A9	92 (23)	8
A9(neo-20)-3	20	A9	81 (5)	17
GM08854	21	A9	81 (24)	0
GM10027	22	CHO	93 (0)	100
GM10324	X	A9	81 (10)	0
GM06317	Y	CHW1103	91 (0)	9

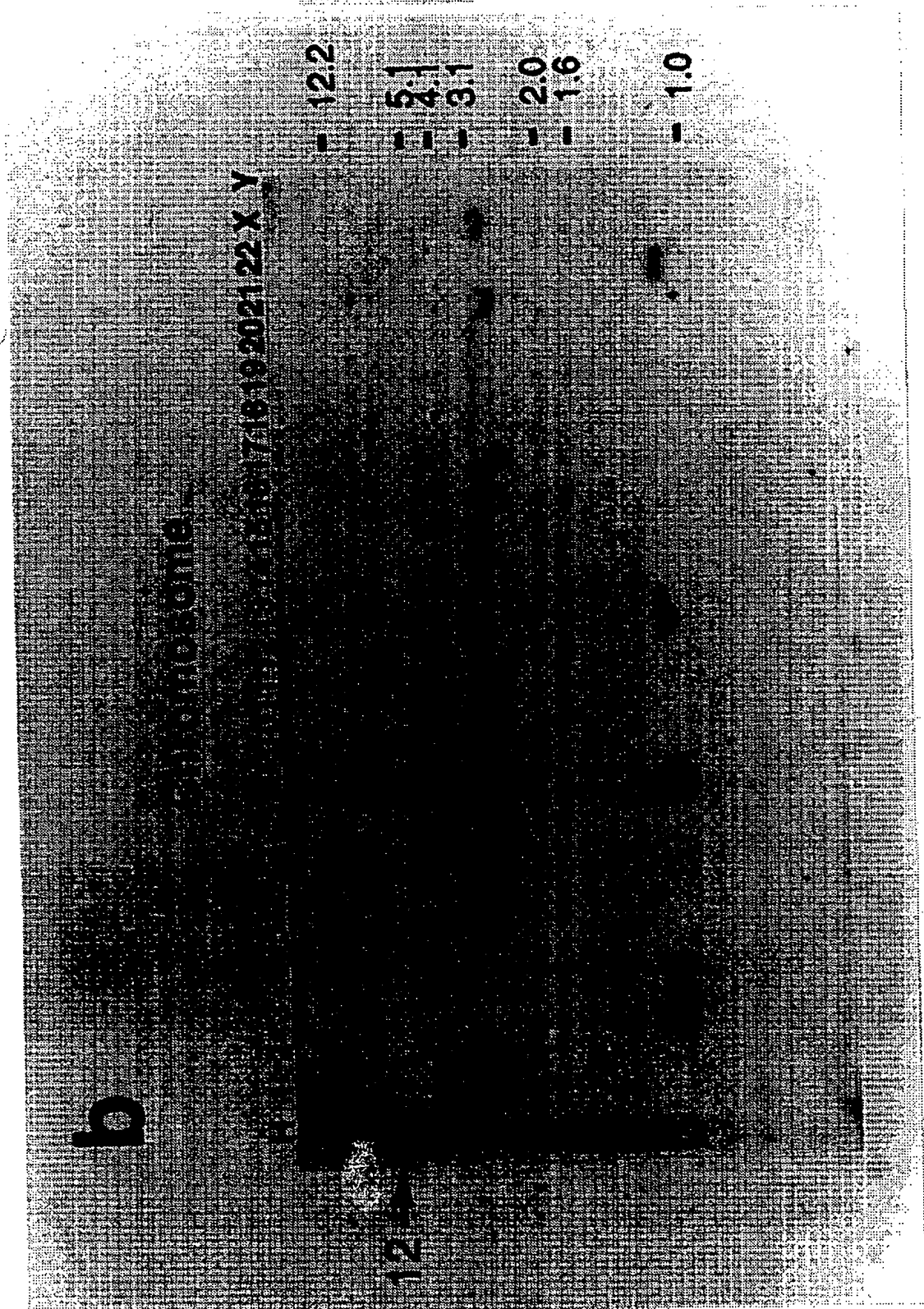
【図16】

図面代用写真

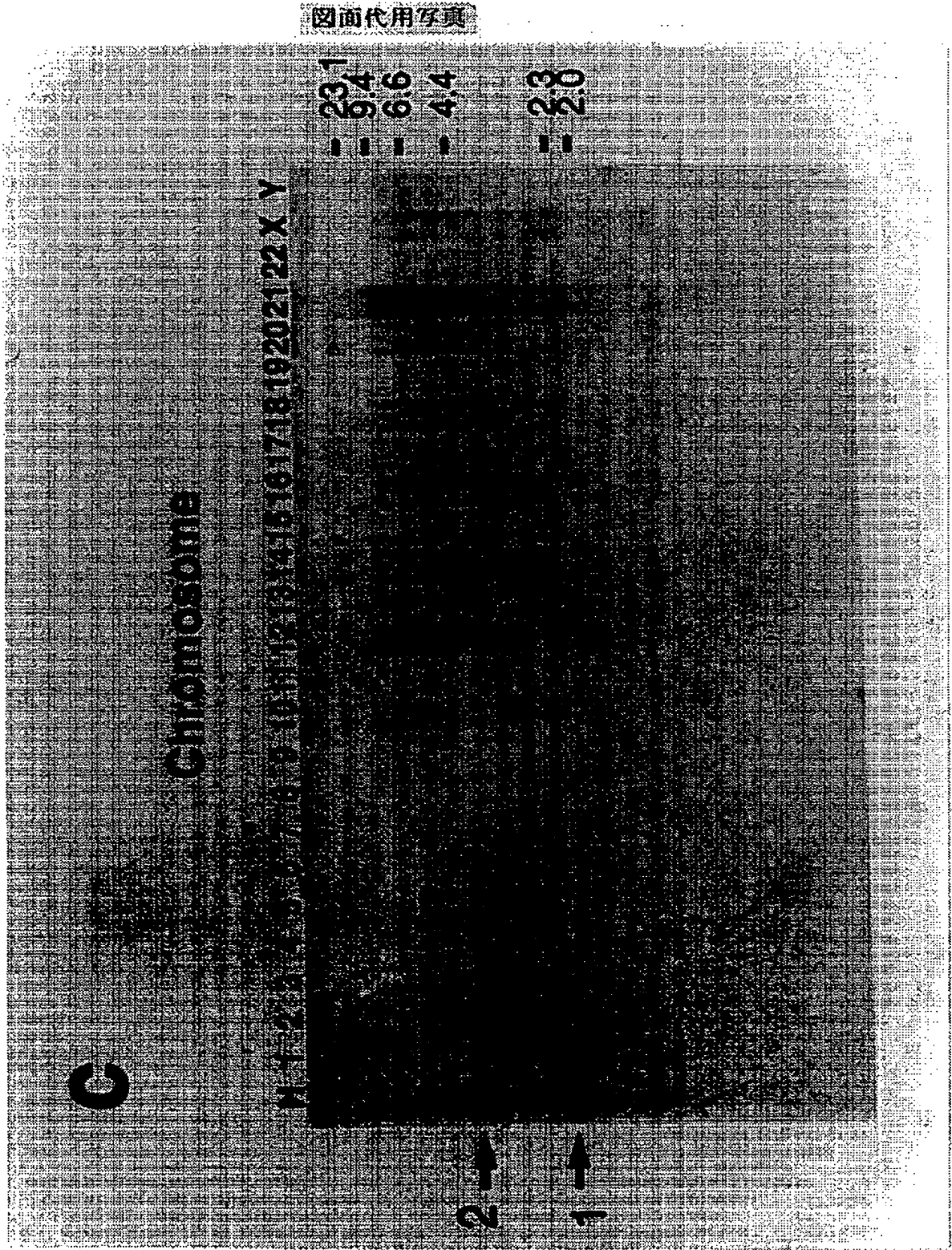


【図17】

図面代用写真

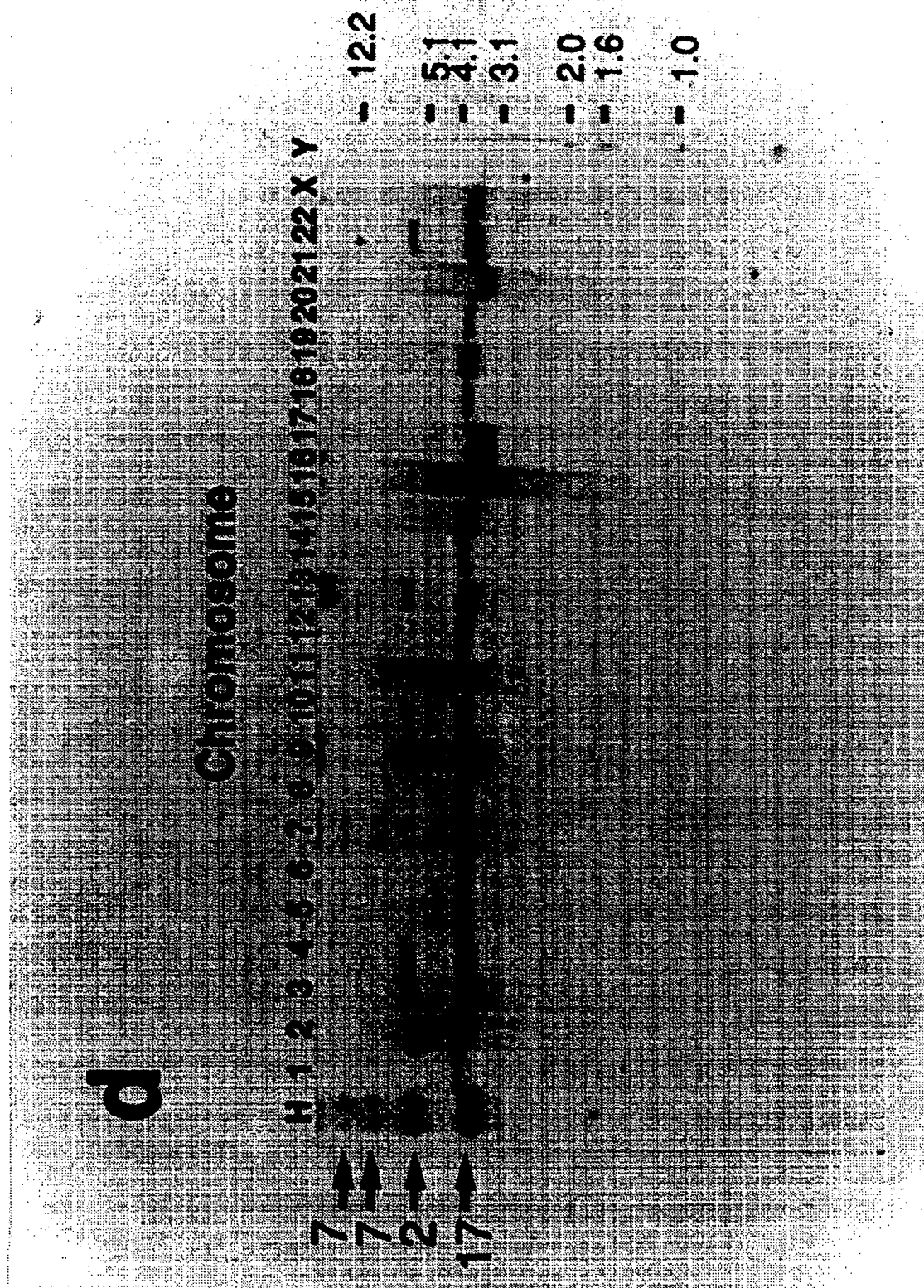


【図18】

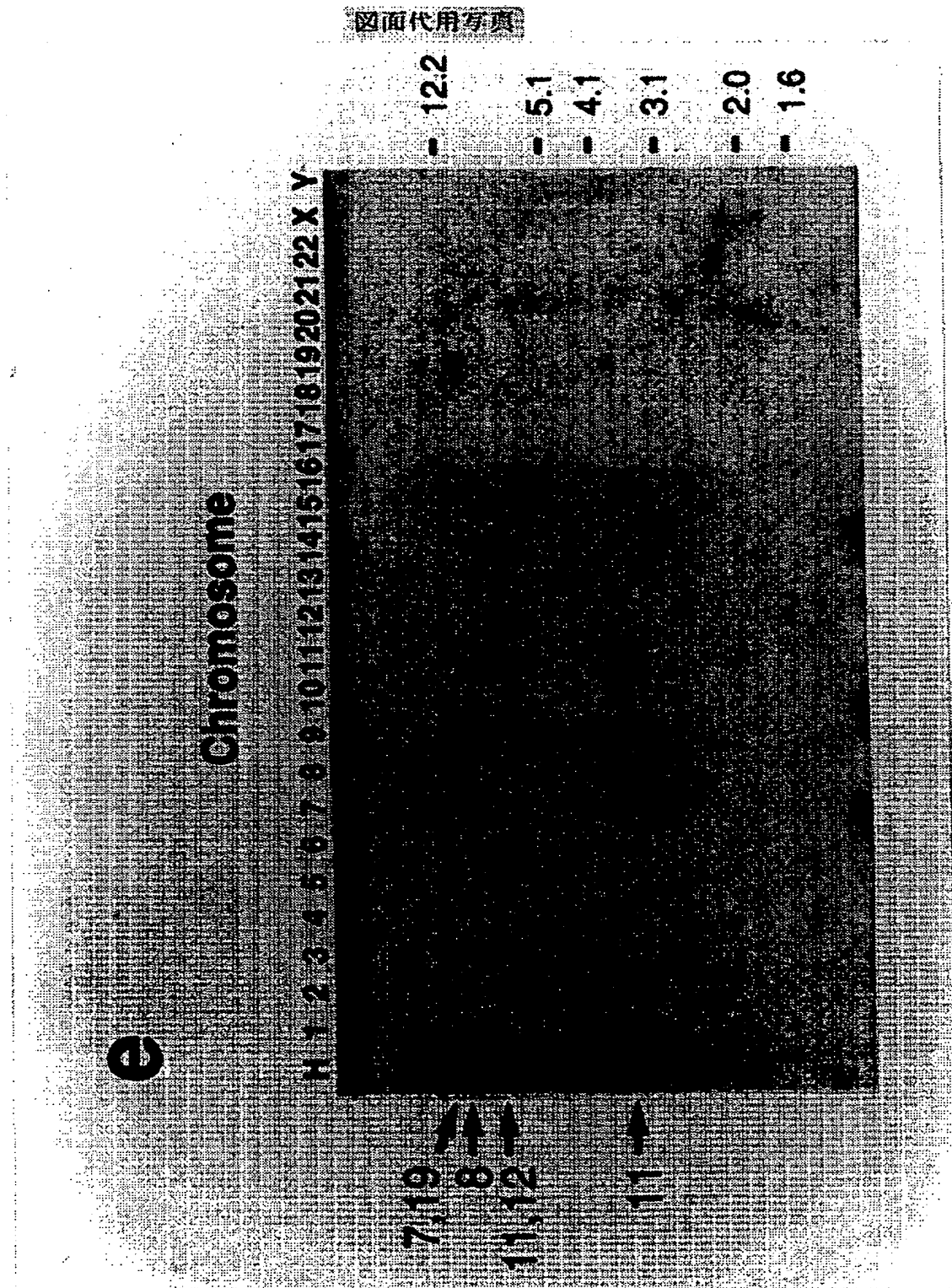


【図 19】

図面代用写真

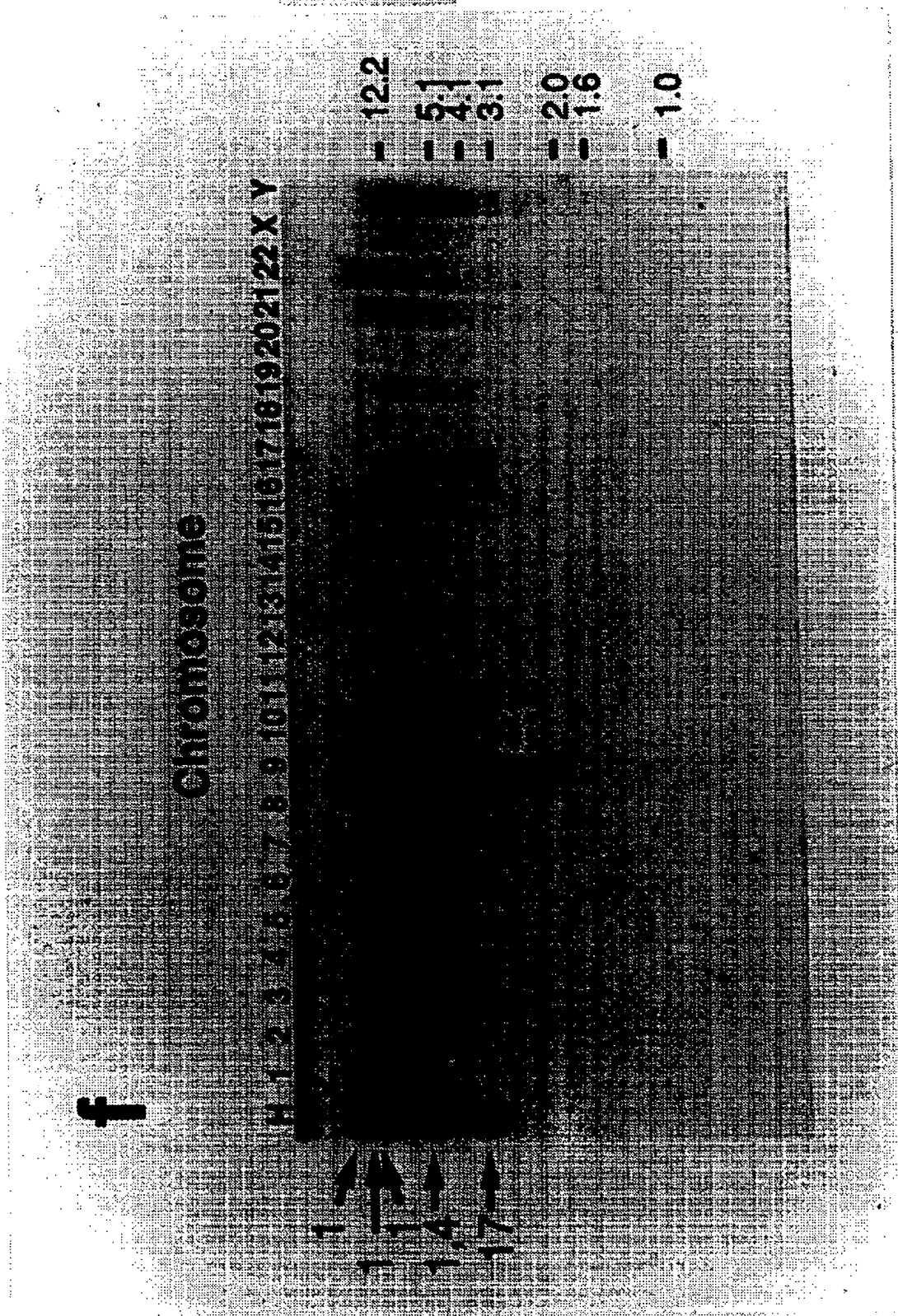


【図20】

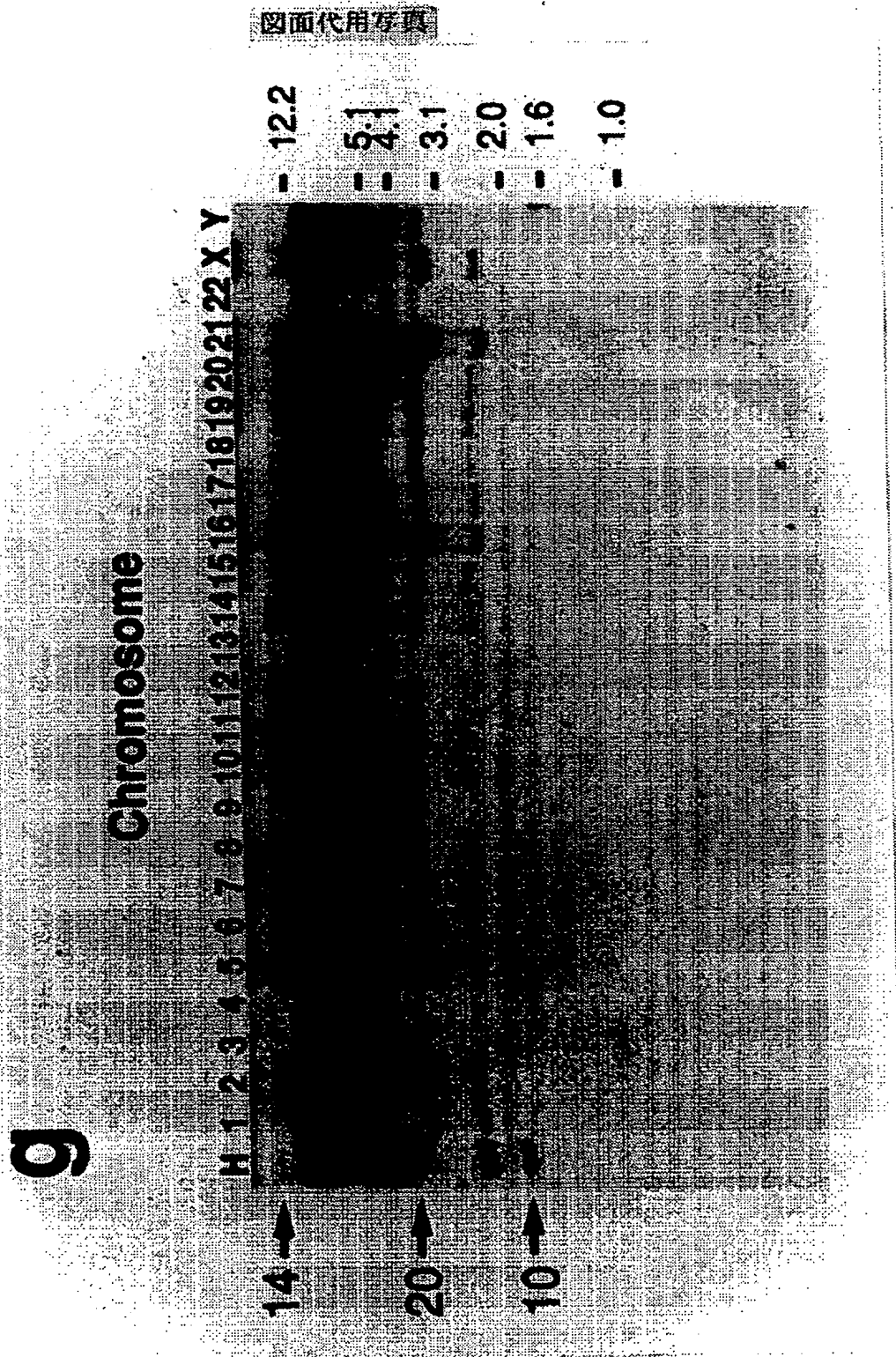


【図 2 1】

図面代用写真



【図22】



【図 2 3】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピング

クローン名		ヒト全染色体で出現したバンドの数					割当てられた染色体	バックグラウンド	
		配列長	E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg		マウス	チャイニーズ ハムスター
(単一のバンドが出現したもの)									
c12c11	GS000075	432	1	1	1	1	9	0	0
c12e06	GS000082	540	1	1	1	1	6,15	0	0
c12g01	GS000280	212	1	1	1	1	2	1	1
c13c05	GS000117	359	1	1	1	1	11+	0	0
c13c07	GS000120	355	1	1	1	1	2	0	0
c13f10	GS000206	267	1	1	1	1	14	0	0
c13h01	GS000279	183	1	1	1	1	12+	0	0
c13h02	GS000322	167	1	1	1	1	6	0	0
d0g02	GS000095	397	1	1	1	1	8	0	0
d0h07	GS000164	313	1	1	1	1	11	1	1
d1b10	GS000348	153	1	1	1	1	20	0	0
hm01a12	GS000228	246	1	1	1	1	Y?	0	0
hm01c09	GS000428	157	0	1	1	1	1	0	0
hm01c12	junk	394	1	1	1	1	17	0	0
hm01f05	GS000066	454	1	1	1	1	19,22	0	0
hm01f10	GS000299	178	0	1	1	1	10	0	0
hm01g09	GS000053	477	1	1	1	1	6	0	0
hm01h07	GS000115	368	1	1	1	1	12	0	0
hm02a02	GS000130	344	1	1	1	1	4	0	0
hm02a04	GS000329	164	1	1	0	0	10	0	0
hm02c01	GS000203	271	1	1	1	1	16	0	0
hm02e01	GS000016	590	1	1	1	1	20	0	0
hm02e02	GS000342	156	0	1	1	1	14	0	0
hm02e05	GS000401	223	1	1	0	0	n.d.	0	0
hm02g02	GS000191	278	1	1	1	1	17	0	0
hm05a05	GS000251	219	1	1	1	1	6	2	0
hm05a10	junk	392	1	1	1	1	1	1	1
hm05e10	GS000009	606	1	1	1	1	1	0	0
kmd01	junk	169	1	1	1	0	n.d.	0	0
s105	GS000001	703	1	1	1	1	5	0	0
s110	GS000057	471	1	1	1	1	8	0	0
s11d11	GS000307	#175	0	0	0	1	7	0	0
s11h01	GS000269	204	1	1	1	1	8	0	0
s147	GS000060	461	1	1	1	0	2	0	0
s14e06	junk	639	1	1	1	1	1	0	0
s14g02	GS000152	322	1	1	1	1	4	0	0
s14h12	GS000271	198	1	1	1	1	4	1	1
s150	GS000148	330	1	1	1	1	17	0	0
s156	GS000002	806	1	1	1	1	2	1	1
s15b11	GS000250	221	1	1	1	1	14	0	0
s179	GS000275	196	1	1	1	1	n.d.	0	0
s246	GS000234	241	1	1	1	1	9	0	0
s247	GS000347	153	1	1	1	1	1	0	0
s270	junk	185	1	1	1	1	19	0	0

【図24】

クローン名		ヒト全染色体で出現したバンドの数					割当てられた染色体	バックグラウンド	
		配列長	E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg		マウス	チャイニーズ ハムスター
s306	GS000266	205	1	1	0	1	X	0	0
s309	GS000171	305	1	1	0	1	1	0	0
s342	GS000328	165	1	1	1	1	4	3	2
s381	GS000265	207	1	1	0	1	6,15	1	1
s384	GS000165	312	1	1	1	1	1	0	0
s387	GS000276	195	1	1	1	1	17	0	0
s389	GS000295	180	1	1	1	1	n.d.	0	1
s443	GS000330	251	1	1	1	1	n.d.	0	0
s470	junk	261	1	1	1	1	17	0	0
s474	GS000192	278	1	1	1	1	5	0	0
s503	junk	312	1	1	1	1	12	0	0
s507	junk	600	1	1	1	1	1	2	1
s517	GS000334	161	1	1	1	1	14	1	1
s632	junk	587	1	1	1	1	2	0	0
s633	GS000166	311	1	1	1	1	22	2	1
s650	GS000041	644	1	1	1	1	12	1	1
tw1-04	GS000026	537	1	1	1	1	3,7	0	0
tw1-19	GS000218	255	1	1	1	1	17	0	0
tw1-32	junk	250	1	1	1	1	5	0	0
tw1-37	GS000237	235	1	1	1	1	22	0	0
tw1-42	junk	391	1	1	1	1	8	1	1
tw1-48	GS000098	178	1	1	1	1	14	0	0
tw1-96	GS000138	389	1	1	1	1	11	0	0
(2本のバンドが出現したもの)									
c12f12	GS000195	277	1	2	2	2	1,	1	1
c13d02	GS000042	503	2	2	1	1	2,	0	0
hm01a06	GS000129	344	2	2	2	2	11,18	3	5
hm01a07	GS000207	269	2	2	2	2	7,	0	0
hm01d05	GS000232	243	2	2	2	1	2,	0	0
hm01e01	GS000181	292	2	2	2	2	1,2	0	0
hm02a08	GS000435	302	2	2	2	2	3,	1	1
hm02c04	GS000221	253	2	2	2	2	3,	0	0
hm02c05	GS000146	332	2	2	2	2	17,19,22	0	0
hm05f07	GS000048	503	1	1	2	1	3,	0	0
s11d06	GS000268	205	2	2	2	2	11,12	0	0
s11g12	GS000337	255	2	2	2	2	6,	0	0
s124	GS000088	404	2	2	2	2	9,	1	1
s144	GS000132	342	1	2	2	2	1,7	0	0
s14f08	GS000239	243	1	2	2	2	2,	3	2
s15e02	junk	439	2	2	1	2	6,	0	0
s16b09	junk	420	1	1	1	2	10,14	0	0
s17c09	GS000248	223	2	2	2	2	14,	0	0
s231	junk	284	2	2	2	2	11,	0	0
s254	GS000124	353	2	2	2	2	1,	3	1
s255	GS000235	239	2	2	2	2	11,	0	0
s272	junk	195	2	2	2	2	10,16	1	1

【図25】

		ヒト全染色体で出現したバンドの数				相当でもれた染色体	バックグラウンド	
クローン名	配列長	E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg		マウス	チャイニーズ ハムスター
s311	GS000092	383	1	1	2	2	16,	1
s313	junk	182	2	2	1	0	20,	0
s317	GS000100	389	0	0	1	2	14,14	1
s336	GS000184	387	2	2	2	2	12,14	0
s338	GS000189	283	2	2	2	1	22,X	0
s339	GS000283	187	2	1	1	2	17,	0
s394	GS000068	449	2	1	2	2	13,14	0
s396	junk	277	2	2	2	2	17,	0
s455	junk	452	1	2	2	1	4,	0
s456	GS000286	182	2	2	2	2	8,10	1
s465	GS000201	274	1	1	2	2	6,15	0
s635	junk	260	1	1	1	2	9,13	0
s639	GS000267	205	1	2	2	2	2,X	0
s656	GS000025	#590	2	2	0	2	6,11	0
tw1-33	junk	352	2	2	2	2	1,	0
tw1-39	GS000153	#321	2	2	2	2	17,	0
tw1-70	GS000061	441	1	1	2	1	11,	0
tw1-80	junk	453	2	2	1	2	9,17	2
tw1-87	GS000158	316	2	2	2	2	7,	0
(3本のバンドが出現したもの)								
d0h06	GS000080	417	3	3	3	1	1,	0
hm05b07	junk	386	2	3	3	3	5,	0
hm05g02	GS000209	267	2	2	2	1	3,17,19	1
s129	GS000107	378	3	3	3	3	n.d.	1
s178	GS000357	146	1	2	2	3	2,	0
s17a10	GS000294	181	3	3	3	3	2,13,22	1
s308	GS000412	688	2	2	2	3	XX	1
s401	GS000224	249	2	3	3	3	6,6,	0
s654	GS000045	491	3	3	3	3	1,22,	0
tw1-82	GS000208	267	3	3	3	3	13,	4
(4本のバンドが出現したもの)								
c12g07	GS000154	320	4	4	2	3	5, 14,	0
c13a08	GS000055	508	3	3	4	4	2,7,7,17	1
c13c04	GS000106	#376	4	3	3	3	n.d.	0
c13e09	GS000302	195	4	2	4	4	2,17,	7
s136	GS000160	315	4	4	4	4	4,X	2
s163	GS000004	#618	4	4	4	2	4,4,8,20	3
s479	GS000180	293	4	4	2	2	7,8,11,11,12,19	0
(5本以上のバンドが出現したもの)								
c12f08	GS000253	217	5	5	5	2	2,7,9,14,	2
hc01	junk	374	12	12	15	18	1,2,6,	22
hd10	junk	361	4	4	4	8	n.d.	12
he10	junk	178	6	2	3	3	6,8,9,19,21,	3
hm01c05	GS000305	176	9	7	5	5	X,	9
hm01f04	GS000246	215	8	10	5	5	n.d.	12
hm01g02	junk	411	9	6	6	4	10,14,20,	14

【図 26】

		ヒト全染色体で出現したバンドの数				割当てられた染色体	バックグラウンド	
クローン名		配列長	E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg		
hm02f09	GS000273	442	8	7	7	5	3,3,6,11,13,14,15,16	0
hm05a02	GS000098	373	5	6	4	6	2,8,17,	3
hm05a04	GS000236	#239	6	6	6	7	n.d.	8
kmb01	junk	350	3	5	5	5	13,	14
s11f06	GS000316	170	6	6	6	4	1,2,2,3,4,6,13,15,	0
s14f01	GS000407	262	12	11	10	9	1,6,9,13,	6
s173	GS000094	397	5	4	6	8	1,1,1,1,4,17	0
s265	GS000323	167	10	12	11	14	18,	9
s341	junk	494	9	9	8	6	n.d.	15
s406	GS000118	364	6	7	5	4	2,7,8,18,20,20	4
tw1-46	junk	593	9	10	10	10	1,1,2,2,6,11,X,	3
tw1-63	junk	203	8	10	10	12	3,4,	17
(バンドが出現しなかったもの)								
c13g02	GS000340	157	0	0	0	0	-	-
hm01e10	junk	232	0	0	0	0	-	-
hm02d11	GS000274	196	0	0	0	0	-	-
s328	GS000278	194	0	0	0	0	-	-
s359	GS000199	279	0	0	0	0	-	-
s511	junk	283	0	0	0	0	-	-
s645	GS000012	#784	0	0	0	0	-	-
s647	GS000105	360	0	0	0	0	-	-
s651	junk	540	0	0	0	0	-	-

【図 27】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1	89	patent number	size	F	hepG2	HL60	granulo	mono	40wliver	19wliver	adult liver	lung	adipose	endothel	ostechlast	colon mucosa	small cell carci.	retina	cerebral cortex	adenocarci (lung)	squamous cell ca(lung)	keratinocyte	fibroblast	Alzheimer	Accession number of target mRNA	match %	match size	match starts at (GS)	match starts at (GenBank)	GenBank target size
2	0000001	1	703	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	M77349	95.2	461	1	2003	2691
3	0000002	2	659	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05249	94.8	620	1	894	1512
4	0000003	3	624	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5	0000004	4	618	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6	0000005	5	615	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	I45702	91	613	1	1777	2388
7	0000006	6	614	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
8	0000007	7	607	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
9	0000008	8	606	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
10	0000009	9	606	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
11	0000010	10	605	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00856	90.3	607	1	784	1397
12	0000011	11	598	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 2 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
13	0000012	12	597	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
14	0000013	13	594	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
15	0000014	14	592	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
16	0000015	15	574	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
17	0000016	16	573	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
18	0000017	17	567	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
19	0000018	18	562	17	3	2	1	1	0	1	0	0	1	2	0	0	2	1	1	0	2	0	0	0	0	0	113802	92.9	536	1	316	845
20	0000019	19	581	98	17	8	2	26	0	0	1	1	3	1	3	4	2	4	2	6	4	5	5	4	X16869	94.6	479	1	1153	1696		
21	0000020	20	556	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
22	0000021	21	555	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31469	98.8	333	1	319	651	
23	0000023	22	544	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
24	0000025	23	543	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
25	0000026	24	537	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
26	0000028	25	535	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	003225	90.8	534	1	520	1431	
27	0000029	26	528	5	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
28	0000030	27	528	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
29	0000031	28	527	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
30	0000033	29	519	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
31	0000034	30	514	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	1	0	1								
32	0000036	31	513	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
33	0000037	32	512	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
34	0000038	33	510	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
35	0000039	34	310	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	M77233	96.4	303	1	16	600	

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
36	0000040	35	507	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
37	0000041	36	505	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
38	0000042	37	503	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5								
39	0000043	38	503	5	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
40	0000044	39	497	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
41	0000045	40	497	4	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
42	0000046	41	494	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
43	0000047	42	487	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
44	0000048	43	322	8	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	2	0	X67951	94.4	322	1	483	937	
45	0000049	44	486	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53595	93.6	392	1	348	1170	
46	0000050	45	485	14	1	0	2	0	0	1	0	1	0	1	0	0	1	3	0	3	0	1	0	0	M24070	96	421	1	1039	1452	
47	0000051	46	479	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
48	0000053	47	477	4	1	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
49	0000055	48	476	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
50	0000056	49	471	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
51	0000057	50	471	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
52	0000060	51	461	3	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
53	0000061	52	460	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
54	0000062	53	458	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
55	0000064	54	458	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
56	0000065	55	458	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
57	0000066	56	454	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
58	0000067	57	452	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							

【図 29】

【図 30】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
59	0000068	58	449	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
60	0000069	59	447	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M22382	93.1	432	1	1505	2227
61	0000070	60	444	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
62	0000071	61	459	5	1	0	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
63	0000072	62	441	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16961	93.4	376	1	1131	1538
64	0000073	63	435	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
65	0000074	64	433	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
66	0000075	65	432	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
67	0000076	66	431	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
68	0000077	67	459	25	1	3	2	5	1	0	0	2	2	0	1	1	1	1	0	1	0	4	0	0	L20868	96.3	456	1	933	1379
69	0000078	68	626	10	1	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	2	0	X07979	90.9	572	1	3054	3614
70	0000079	69	534	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
71	0000080	70	417	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08246	93	415	4	3501	3934
72	0000081	71	416	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70218	91.6	250	1	837	1382
73	0000082	72	415	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
74	0000083	73	415	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
75	0000084	74	410	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	K03195	99.3	410	1	2134	2856
76	0000085	75	408	20	5	3	1	0	0	1	0	2	0	0	2	0	3	0	0	1	0	2	0	0	M84334	94.6	406	1	1356	1760
77	0000086	76	408	4	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
78	0000087	77	406	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
79	0000088	78	404	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
80	0000089	79	417	29	1	3	2	2	0	1	0	1	0	5	0	0	2	0	0	1	4	7	0	0	X17206	94.5	397	1	543	934
81	0000090	80	403	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
82	0000091	81	621	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	M84326	95.1	487	1	1204	1815	
83	0000092	82	399	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
84	0000093	83	397	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
85	0000094	84	400	8	1	0	1	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0							
86	0000095	85	397	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
87	0000096	86	394	46	6	5	4	2	0	0	1	2	6	5	1	2	1	1	1	3	3	3	0	0							
88	0000097	87	392	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
89	0000098	88	393	7	1	0	0	0	2	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
90	0000099	89	391	8	2	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	Z11793	96.1	385	1	1637	2038
91	0000100	90	389	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
92	0000101	91	389	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
93	0000102	92	391	38	2	4	0	3	0	1	1	1	6	2	1	2	8	0	1	1	1	4	0	0	X64707	93.3	387	1	346	942	
94	0000103	93	383	4	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	V01514	99.7	380	1	1650	2029	
95	0000104	94	385	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
96	0000105	95	380	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
97	0000106	96	379	8	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1							
98	0000107	97	378	2	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
99	0000108	98	384	24	2	3	0	0	1	0	1	0	1	0	3	0	0	0	0	3	6	2	1	1	M10939	95.4	372	1	117	487	
100	0000109	99	583	5	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
101	0000110	100	375	2	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
102	0000111	101	381	34	7	0	0	1	9	12	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K01396	92.6	376	1	983	1352	
103	0000113	102	374	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
104	0000114	103	387	33	1	1	5	0	1	0	0	3	0	1	3	1	1	1	0	3	3	1	0	9	0	X04098	92.2	383	1	1551	1918

【図 3 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
105	0000115	104	368	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
106	0000116	105	367	10	2	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	1	0	0	0	M1430	95.6	362	1	840	1200	
107	0000117	106	366	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
108	0000118	107	364	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0							
109	0000119	108	363	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
110	0000120	109	348	3	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
111	0000121	110	430	3	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
112	0000122	111	357	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
113	0000123	112	356	12	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	2	0	2	0	X55954	98.8	336	1	144	479	
114	0000124	113	356	3	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
115	0000125	114	356	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
116	0000127	115	350	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
117	0000128	116	352	5	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	X54326	98	348	1	4238	4586	
118	0000129	117	348	6	1	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X65923	96.6	348	1	168	518	
119	0000130	118	344	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
120	0000131	119	351	4	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
121	0000132	120	342	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
122	0000133	121	352	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
123	0000134	122	358	18	1	0	0	1	0	1	1	1	0	1	2	0	4	1	0	0	3	1	1	1	M16660	95.9	343	1	2205	2543	
124	0000135	123	373	75	5	4	0	14	2	4	2	0	2	0	4	1	1	0	3	5	14	1	12	1	M11147	99.1	336	1	488	822	
125	0000136	124	337	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
126	0000137	125	337	8	2	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
127	0000138	126	336	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
128	0000139	127	338	8	1	1	0	1	0	0	0	0	0	1	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	X03445	93.4	335	1	1698	2029
129	0000140	128	347	10	1	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	2						
130	0000141	129	334	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
131	0000142	130	356	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	1	0	0	0	0	0	0						
132	0000143	131	346	5	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
133	0000144	132	332	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
134	0000145	133	332	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
135	0000146	134	333	8	1	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
136	0000147	135	329	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05682	98.8	329	1	1245	1618
137	0000148	136	326	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
138	0000149	137	325	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
139	0000150	138	326	12	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	4	0	0	1	0	3X05607	98.4	320	1	452	771	
140	0000151	139	324	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
141	0000152	140	322	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
142	0000153	141	321	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
143	0000154	142	323	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
144	0000155	143	349	59	1	0	3	8	0	3	0	2	2	3	4	5	1	0	5	15	4	1	2	0M11948	93.8	321	1	110	425	
145	0000156	144	369	11	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	0	0	3	0M23613	98.6	348	1	949	1296	
146	0000157	145	324	11	1	0	0	0	0	8	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M64982	96.9	323	1	5109	5943	
147	0000158	146	316	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
148	0000159	147	323	4	1	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M30496	98.6	283	1	519	802	
149	0000160	148	334	7	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	1	0						
150	0000161	149	315	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 3 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
151	0000162	150	329	44	1	4	3	2	1	0	1	2	5	2	4	4	2	0	0	2	2	1	7	1	M17887	98.7	312	1	149	460
152	0000163	151	329	19	1	0	0	1	0	1	0	1	0	0	1	2	0	1	0	1	4	0	4	2	M17886	95.7	305	1	210	512
153	0000164	152	313	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
154	0000165	153	312	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
155	0000166	154	334	3	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
156	0000167	155	309	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
157	0000168	156	309	5	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							
158	0000169	157	307	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
159	0000170	158	306	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
160	0000171	159	305	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
161	0000172	160	310	13	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	5	3	0	1	0	0	0	0	M12623	98.3	301	1	879	1187
162	0000173	161	306	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	M26658	98.7	305	1	31	2490
163	0000174	162	260	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
164	0000175	163	303	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
165	0000176	164	298	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	M03000	99.7	291	1	1269	1560
166	0000177	165	335	12	2	2	0	1	0	2	1	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0							
167	0000178	166	295	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M06323	100	295	1	1001	1634
168	0000179	167	294	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
169	0000180	168	300	6	2	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
170	0000181	169	292	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
171	0000182	170	292	5	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	M34671	99	97	1	1575	1671
172	0000183	171	291	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
173	0000184	172	401	4	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 3 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
174	0000185	173	290	11	2	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	1	0						
175	0000186	174	288	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
176	0000187	175	285	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
177	0000188	176	290	8	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	1	0	1						
178	0000189	177	283	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
179	0000190	178	281	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02645	98.9	281	1	1114	1393
180	0000191	179	278	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
181	0000192	180	281	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
182	0000193	181	277	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
183	0000194	182	278	34	3	0	0	0	0	21	8	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16961	98.9	275	1	1265	1538
184	0000195	183	277	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
185	0000196	184	282	67	1	0	0	0	0	6	11	9	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	M10617	94.9	274	4	193	462
186	0000197	185	277	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36951	93.8	273	1	685	2034
187	0000198	186	276	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
188	0000199	187	276	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
189	0000200	188	276	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
190	0000201	189	274	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
191	0000202	190	273	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
192	0000203	191	271	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
193	0000204	192	270	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
194	0000205	193	166	5	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
195	0000206	194	276	5	2	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
196	0000207	195	273	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

【図 3 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
197	0000208	196	267	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
198	0000209	197	267	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
199	0000210	198	384	10	1	0	1	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	M36341	98.4	384	1	1135	1529	
200	0000211	199	304	#	8	24	2	10	0	4	2	5	16	9	1	5	0	3	0	12	5	1	0	4							
201	0000212	200	267	12	1	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	2	1	0	4	0	0	0	M95775	98.9	264	1	175	438	
202	0000213	201	264	4	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
203	0000215	202	257	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
204	0000216	203	257	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
205	0000217	204	256	5	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
206	0000218	205	255	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
207	0000219	206	264	7	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	D13388	97.7	220	1	1216	1435	
208	0000220	207	253	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
209	0000221	208	253	4	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1							
210	0000222	209	252	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
211	0000223	210	251	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
212	0000224	211	249	7	1	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
213	0000225	212	248	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
214	0000226	213	247	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
215	0000227	214	247	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
216	0000228	215	256	8	2	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0							
217	0000229	216	246	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
218	0000230	217	244	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X17206	98.5	202	31	733	934	
219	0000231	218	286	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
220	0000232	219	243	3	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
221	0000233	220	242	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
222	0000234	221	241	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
223	0000235	222	239	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
224	0000236	223	239	10	1	1	0	0	0	1	1	1	1	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0							
225	0000237	224	250	7	2	0	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
226	0000238	225	237	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02888	99.6	234	1	739	976	
227	0000239	226	243	4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0							
228	0000240	227	232	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
229	0000241	228	237	7	1	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	X59357	99.6	237	1	258	602	
230	0000242	229	236	5	2	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
231	0000243	230	227	7	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	X12881	100	225	1	1174	1407	
232	0000244	231	163	54	2	0	14	1	0	0	0	0	0	0	1	2	3	0	1	3	7	2	4	11	3	X63432	95.7	163	1	1141	1802
233	0000245	232	226	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
234	0000246	233	228	25	3	5	0	1	0	1	1	0	3	3	1	0	1	0	0	2	2	1	1	0							
235	0000247	234	308	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
236	0000248	235	230	7	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0							
237	0000249	236	228	8	1	0	5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M4636	99.1	222	1	2607	2828	
238	0000250	237	221	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
239	0000251	238	219	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
240	0000252	239	287	4	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
241	0000253	240	222	14	2	1	2	0	0	1	0	0	0	0	0	2	2	0	0	2	1	0	1	0							
242	0000254	241	221	14	1	0	0	0	2	0	0	1	2	1	0	1	0	2	0	1	3	0	0	0	M24096	98.1	214	1	1152	1365	

【図 3 7】

【図 3 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
243	0000255	242	217	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
244	0000256	243	216	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
245	0000257	244	216	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
246	0000258	245	220	4	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	X04588	95.4	217	3	1857	2077
247	0000259	246	223	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
248	0000260	247	216	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
249	0000261	248	212	10	2	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0	X65460	99	204	1	1607	1809
250	0000262	249	220	34	2	7	2	0	1	1	2	0	3	6	0	1	3	0	0	3	0	1	2	0	M17885	98.6	210	1	888	1097
251	0000263	250	214	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
252	0000264	251	208	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
253	0000265	252	207	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
254	0000266	253	205	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
255	0000267	254	205	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X55330	97.3	112	83	1	2150
256	0000268	255	208	5	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
257	0000269	256	204	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63679	98.3	116	1	1152	1267
258	0000270	257	212	9	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	3	0	1	0	0	0	1	X04526	95.2	209	1	2887	3088
259	0000271	258	209	18	2	0	1	2	0	1	0	0	2	0	0	0	5	0	1	2	0	1	1	0						
260	0000272	259	197	7	1	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	J05262	100	197	1	931	1148
261	0000273	260	196	93	9	6	4	13	2	11	2	1	12	14	0	6	0	6	0	3	1	3	0	0	L13806	94.8	192	1	375	563
262	0000274	261	196	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
263	0000275	262	196	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
264	0000276	263	197	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0						
265	0000277	264	197	36	3	0	0	0	0	8	14	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29882	100	191	1	234	424

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
266	0000278	265	194	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
267	0000279	266	193	10	2	0	1	1	0	0	0	0	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
268	0000280	267	196	3	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64228	99.5	196	1	6389	6597
269	0000281	268	189	6	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	L07395	100	189	1	2036	2226
270	0000282	269	189	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
271	0000283	270	187	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
272	0000284	271	187	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
273	0000285	272	190	74	6	14	1	8	0	3	4	1	4	4	3	5	3	5	0	2	5	1	1	4						
274	0000286	273	189	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	LI1284	96.3	189	1	1999	2222
275	0000287	274	186	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
276	0000288	275	185	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
277	0000289	276	185	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
278	0000290	277	184	77	5	9	3	8	4	2	1	1	1	7	4	1	4	5	0	2	6	5	3	6	X66699	98.4	184	1	163	349
279	0000291	278	183	6	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	1	0	1	0							
280	0000292	279	188	47	4	12	1	0	2	1	1	4	6	4	0	0	2	0	0	5	4	0	1	0	M60854	100	181	1	358	538
281	0000293	280	182	54	6	13	1	6	2	4	3	3	2	5	0	1	0	4	0	0	2	2	0	0						
282	0000294	281	195	4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
283	0000295	282	180	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
284	0000296	283	183	8	1	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	M86737	100	183	1	2641	2839
285	0000297	284	179	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
286	0000298	285	179	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
287	0000299	286	178	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
288	0000300	287	182	22	2	1	0	2	0	1	0	0	1	1	2	0	3	1	4	2	0	1	1	0	M37104	98.3	179	1	294	471

【図40】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
289	0000301	288	178	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
290	0000302	289	201	4	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
291	0000303	290	176	10	2	2	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	L09260	96	176	1	1141	1322
292	0000304	291	176	36	2	1	2	2	1	0	1	1	3	2	2	3	1	0	4	2	6	0	3	0	M26880	99.4	175	1	2088	2309
293	0000305	292	176	38	1	6	0	2	2	3	1	2	1	4	4	2	2	0	2	0	1	4	1	0						
294	0000306	293	175	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
295	0000307	294	175	4	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
296	0000308	295	185	8	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	3	1	0	Y00052	98.9	182	1	542	723
297	0000309	296	174	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
298	0000310	297	406	4	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M72709	98.8	85	1	1634	1717
299	0000311	298	173	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
300	0000312	299	173	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
301	0000313	300	172	15	1	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	2	1	0	3	2	Y00472	96.8	63	1	767	829
302	0000314	301	173	34	1	3	1	3	0	1	1	5	1	1	0	0	7	2	0	3	2	0	3	0	X06617	96.4	168	1	378	543
303	0000315	302	167	19	3	4	1	0	0	1	0	1	3	2	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	L06498	99.4	161	1	345	505
304	0000316	303	170	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
305	0000317	304	176	10	1	0	0	0	3	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0						
306	0000318	305	169	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
307	0000320	306	169	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
308	0000322	307	167	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
309	0000323	308	167	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
310	0000325	309	166	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
311	0000326	310	165	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
312	0000327	311	170	16	1	3	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	2	3	0	X03342	96.4	169	1	328	505
313	0000328	312	171	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
314	0000329	313	164	3	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
315	0000330	314	261	8	1	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
316	0000331	315	163	5	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
317	0000332	316	165	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X12517	98.8	165	1	554	733
318	0000333	317	164	15	1	0	0	3	0	0	0	1	1	4	0	0	0	0	0	2	2	0	1	0	M34539	98.1	157	1	1375	1532
319	0000334	318	161	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
320	0000335	319	176	61	1	16	4	3	1	1	0	3	7	3	1	6	6	1	2	2	1	1	1	1	M36072	100	165	1	727	891
321	0000336	320	167	35	1	2	2	2	0	1	0	0	5	6	0	1	2	0	3	4	3	1	1	1	S45214	97	167	1	308	478
322	0000337	321	258	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
323	0000338	322	157	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
324	0000339	323	157	7	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	J03934	96.8	155	1	857	2447
325	0000340	324	161	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
326	0000341	325	157	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
327	0000342	326	161	3	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
328	0000343	327	163	12	2	0	0	1	0	0	2	0	1	0	0	0	3	0	0	1	0	2	0	0	L07633	97.4	153	1	833	965
329	0000344	328	156	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
330	0000346	329	255	8	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	1	S462658	99.6	250	1	569	826
331	0000347	330	153	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
332	0000348	331	153	6	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1						
333	0000349	332	154	19	2	2	0	0	1	0	0	2	1	2	0	1	0	0	1	1	3	1	1	1	X53280	100	104	1	863	979
334	0000350	333	152	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【图 4 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD		
335	0000351	334	155	8	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	1	2	0	0								
336	0000352	335	165	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0								
337	0000353	336	149	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0									
338	0000354	337	151	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	1									
339	0000355	338	147	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
340	0000356	339	151	35	1	17	0	2	2	1	3	0	0	5	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	X53777	96	151	1	582	770		
341	0000357	340	154	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0									
342	0000358	341	146	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
343	0000359	342	146	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0									
344	0000360	343	146	15	2	2	1	0	0	0	0	1	1	1	1	0	1	0	0	2	1	0	2	0	X60036	98.6	147	1	1171	1330		
345	0000361	344	147	10	1	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	1	1	0	0	3	0	0								
346	0000362	345	140	19	1	0	0	0	0	0	0	2	0	12	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0								
347	0000363	346	144	24	1	0	0	0	1	0	1	1	0	5	0	2	0	1	1	3	2	2	1	3	D14696	98.6	141	1	1262	1402		
348	0000364	347	291	#	17	0	0	0	#	#	#	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L00132	98.6	290	1	1961	2251		
349	0000365	348	139	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
350	0000366	349	143	4	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0								
351	0000367	350	138	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
352	0000368	351	140	9	1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	M31627	98.6	141	1	1657	1818		
353	0000369	352	142	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10379	98.6	142	1	1581	1725		
354	0000370	353	154	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0									
355	0000372	354	134	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
356	0000373	355	133	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0									
357	0000374	356	137	9	1	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0								

【図 4 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
358	0000375	357	132	26	2	3	0	3	1	2	0	0	3	5	0	0	1	0	0	2	2	0	0	2								
359	0000376	358	142	17	2	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	1	4	1	3	1								
360	0000377	359	142	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1								
361	0000378	360	131	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
362	0000379	361	131	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
363	0000380	362	143	37	1	12	0	1	0	1	3	0	2	5	2	0	1	3	1	3	1	1	0	0								
364	0000381	363	133	18	1	0	2	6	0	0	0	0	0	0	0	6	0	1	0	0	0	1	1	0								
365	0000382	364	133	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0									
366	0000383	365	130	24	3	1	3	3	0	1	0	0	2	0	0	1	3	0	0	1	3	2	1	0								
367	0000384	366	157	7	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
368	0000385	367	132	4	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
369	0000386	368	197	5	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0								
370	0000387	369	128	3	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
371	0000388	370	127	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
372	0000389	371	129	4	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
373	0000390	372	125	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
374	0000391	373	125	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
375	0000392	374	132	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0									
376	0000393	375	131	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
377	0000394	376	123	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
378	0000395	377	123	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
379	0000396	378	123	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
380	0000397	379	121	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									

【図 4 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
381	0000398	380	121	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
382	0000399	381	119	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
383	0000400	382	119	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
384	0000401	383	225	11	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	2	1	1	0						
385	0000402	384	121	13	1	0	0	2	2	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0
386	0000403	385	147	19	7	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	3	0	1	0	2	0	2							
387	0000404	386	117	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
388	0000405	387	119	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
389	0000406	388	115	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
390	0000407	389	115	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
391	0000408	390	113	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
392	0000409	391	113	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
393	0000410	392	118	3	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
394	0000411	393	112	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
395	0000412	394	112	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
396	0000413	395	111	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
397	0000414	396	110	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
398	0000415	397	110	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
399	0000416	398	109	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
400	0000417	399	116	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
401	0000418	400	113	85	5	22	1	13	1	5	1	0	10	10	0	0	0	9	0	1	6	0	0	1						
402	0000419	401	114	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
403	0000420	402	106	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0						

【 4 5 】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
404	0000421	403	107	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	4	1	1	0	0	3						
405	0000422	404	112	15	1	3	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	1	2	1	1	0	0	1	1M0036	91.4	105	1	1462	1835	
406	0000423	405	105	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
407	0000424	406	104	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
408	0000425	407	104	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
409	0000426	408	109	12	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	4	1						
410	0000427	409	110	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
411	0000428	410	157	3	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X61970	99.4	157	1	756	959	
412	0000429	411	103	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
413	0000430	412	105	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
414	0000431	413	104	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0							
415	0000433	414	105	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
416	0000434	415	105	10	1	0	0	2	1	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	0	1	1	0							
417	0000435	416	101	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
418	0000436	417	100	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
419	0000437	418	103	23	5	4	2	2	0	0	2	1	0	2	1	0	1	2	0	0	0	0	0	1X57958	98	101	1	754	861	
420	0000438	419	96	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
421	0000439	420	99	8	1	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0							
422	0000440	421	95	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
423	0000441	422	97	3	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
424	0000442	423	92	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
425	0000443	424	92	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
426	0000444	425	98	6L	6	10	1	4	2	4	1	1	0	3	1	0	5	0	0	1	4	8	5	5M81757	98.9	90	1	410	510	

【図 4 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
427	0000445	426	100	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0									
428	0000446	427	93	4	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
429	0000447	428	94	32	2	6	1	1	0	3	2	0	2	6	2	0	1	0	0	3	1	1	1	0	557263	94.7	94	1	836	932		
430	0000448	429	206	12	1	0	1	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	1	0	1	0	2	0	1								
431	0000450	430	481	21	3	2	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	10								
432	0000451	431	87	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
433	0000453	432	93	3	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
434	0000454	433	85	6	1	0	0	1	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
435	0000455	434	85	6	2	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0								
436	0000456	435	91	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	2	0	1	0								
437	0000457	436	84	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
438	0000458	437	82	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
439	0000459	438	82	6	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	2	0								
440	0000460	439	79	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	107493	97.5	79	1	395	692		
441	0000461	440	86	3	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
442	0000462	441	78	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
443	0000463	442	85	19	2	2	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	2	2	2	3	1	X02152	94.7	76	1	1587	1661		
444	0000464	443	86	16	1	1	2	0	0	1	0	0	1	3	0	1	1	0	0	0	2	2	1	0	D13630	98.6	74	1	2925	2998		
445	0000465	444	83	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X17644	96	75	1	2513	2587		
446	0000466	445	77	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
447	0000467	446	80	4	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
448	0000468	447	73	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
449	0000469	448	197	5	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0								

【図 4 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
450	0000470	449	75	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0								
451	0000471	450	72	6	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0								
452	0000473	451	73	10	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	0								
453	0000474	452	68	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16354	100	68	1	3387	3464		
454	0000475	453	68	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
455	0000477	454	67	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
456	0000478	455	70	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
457	0000479	456	65	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
458	0000480	457	65	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
459	0000481	458	70	19	1	1	0	0	1	0	3	0	0	2	0	0	1	3	0	0	3	0	1	3							
460	0000482	459	64	6	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0								
461	0000483	460	63	3	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	005272	100	51	1	2808	2858	
462	0000484	461	68	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
463	0000485	462	62	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
464	0000486	463	61	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
465	0000487	464	61	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	0	3	0							
466	0000488	465	61	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
467	0000489	466	61	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1								
468	0000491	467	60	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
469	0000493	468	65	4	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0							
470	0000494	469	66	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0								
471	0000495	470	70	9	1	2	1	0	0	1	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
472	0000496	471	56	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図 4 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
473	0000497	472	65	10	1	1	1	3	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
474	0000498	473	54	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
475	0000500	474	56	46	6	4	1	1	0	2	2	2	3	3	2	3	1	1	0	0	3	8	1	2	1					
476	0000503	475	52	7	1	2	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
477	0000504	476	54	40	1	5	1	0	0	1	1	1	0	2	2	2	3	4	2	1	6	2	3	3	0	0	0	0	0	0
478	0000505	477	57	7	2	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
479	0000506	478	54	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
480	0000507	479	51	5	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
481	0000510	480	80	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
482	0000511	481	77	7	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	1	0						
483	0000532	482	669	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
484	0000533	483	651	32	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	4	0	1	1	1	4	4	3	9	2	0	0	0	0	0	0
485	0000534	484	324	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
486	0000535	485	569	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
487	0000536	486	556	4	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
488	0000537	487	551	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
489	0000538	488	520	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
490	0000539	489	517	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
491	0000540	490	515	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
492	0000541	491	510	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
493	0000542	492	507	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
494	0000543	493	155	53	0	9	4	5	0	2	2	0	2	11	0	2	7	4	0	0	1	3	1	0	0	0	0	0	0	0
495	0000544	494	499	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
496	0000545	495	516	22	0	3	0	2	0	0	2	1	2	3	0	1	3	1	1	0	1	1	1	0	M94314	93.4	439	1	75	556
497	0000546	496	497	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
498	0000547	497	494	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
499	0000548	498	489	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64716	94.4	478	2	24	497	
500	0000549	499	487	2	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
501	0000551	500	481	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
502	0000552	501	472	4	0	1	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
503	0000553	502	461	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
504	0000554	503	459	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
505	0000555	504	461	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	D14662	97.5	481	1	395	1653	
506	0000556	505	453	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
507	0000557	506	446	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
508	0000558	507	434	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
509	0000560	508	430	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
510	0000561	509	428	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
511	0000562	510	422	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
512	0000564	511	417	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
513	0000565	512	421	40	0	4	2	5	0	1	1	1	1	1	4	5	1	1	0	4	6	2	0	1M30684	96.1	411	1	519	929	
514	0000567	513	413	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0L06432	95.9	98	#	332	549	
515	0000568	514	407	3	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
516	0000569	515	402	7	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0						
517	0000571	516	396	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
518	0000572	517	384	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 50】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD			
519	0000573	518	383	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0										
520	0000574	519	381	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
521	0000575	520	381	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0J04564	93.5	370	4	736	1099				
522	0000576	521	377	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
523	0000577	522	375	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
524	0000578	523	374	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
525	0000579	524	374	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M37583	90.5	370	1	40	873				
526	0000580	525	372	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
527	0000581	526	371	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
528	0000582	527	382	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
529	0000583	528	382	30	0	2	5	3	0	0	1	3	1	3	0	2	1	4	0	0	2	1	2	0	0X73460	95.8	378	1	900	1272			
530	0000584	529	367	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
531	0000585	530	365	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
532	0000586	531	396	6	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0M18377	95.5	396	1	2559	2970		
533	0000589	532	360	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
534	0000590	533	267	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0										
535	0000591	534	352	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M96954	97.2	351	1	1045	1401			
536	0000592	535	351	12	0	1	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	2	4	0	0	0	0M84643	97.9	338	1	174	506			
537	0000593	536	348	4	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0									
538	0000594	537	347	11	0	3	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0M14199	99.7	341	1	136	475			
539	0000595	538	346	3	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0Y00282	98.5	344	1	1968	2509			
540	0000596	539	346	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
541	0000597	540	345	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0									

【図 5 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
542	0000598	541 354	3	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
543	0000599	542 343	3	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
544	0000600	543 340	6	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
545	0000601	544 339	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
546	0000602	545 339	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
547	0000603	546 339	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
548	0000604	547 355	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
549	0000606	548 331	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
550	0000607	549 330	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
551	0000608	550 329	14	0	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	1	0	0	0	1	1	211566	97.6	327	1	878	1640
552	0000609	551 329	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
553	0000610	552 328	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
554	0000611	553 328	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
555	0000612	554 322	3	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
556	0000614	555 318	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
557	0000615	556 317	4	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X67688	97.5	317	1	1735	2106
558	0000616	557 314	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
559	0000617	558 313	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
560	0000618	559 310	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
561	0000619	560 310	4	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
562	0000620	561 308	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
563	0000621	562 300	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
564	0000622	563 299	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S43127	98	298	1	1145	1441

【図 5 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
565	0000623	564	301	4	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
566	0000624	565	297	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
567	0000625	566	304	3	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
568	0000626	567	301	4	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
569	0000627	568	294	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
570	0000628	569	296	4	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
571	0000629	570	307	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
572	0000630	571	296	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
573	0000631	572	288	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
574	0000632	573	292	5	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0						
575	0000633	574	287	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
576	0000634	575	285	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
577	0000635	576	285	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
578	0000636	577	287	4	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
579	0000637	578	282	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
580	0000638	579	279	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
581	0000639	580	279	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
582	0000640	581	280	6	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	2	0						
583	0000641	582	300	8	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	1	0	0						
584	0000642	583	278	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
585	0000643	584	277	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
586	0000644	585	277	16	0	5	0	2	0	1	1	0	0	3	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
587	0000645	586	276	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
588	0000646	587	275	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
589	0000647	588	307	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M31520	97.4	305	1	133	620	
590	0000648	589	277	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0						
591	0000649	590	279	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
592	0000650	591	273	43	0	14	2	6	0	2	0	1	1	2	1	6	3	2	0	0	0	1	2	0	LD6432	97.4	265	1	280	549
593	0000651	592	275	7	0	4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	LD7916	97.4	266	1	906	1171	
594	0000652	593	269	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
595	0000653	594	270	7	0	1	0	0	0	0	0	0	1	9	0	0	1	0	2	0	0	1	0	1	JD4046	97.7	264	1	1910	2175
596	0000654	595	268	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X54942	97.8	268	1	348	627	
597	0000656	596	267	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
598	0000657	597	265	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
599	0000658	598	264	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
600	0000659	599	262	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
601	0000661	600	259	7	0	2	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
602	0000662	601	259	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
603	0000663	602	257	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
604	0000664	603	252	2	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
605	0000665	604	250	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
606	0000666	605	250	3	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X65867	98.4	248	1	1335	1692	
607	0000667	606	247	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
608	0000668	607	246	8	0	2	0	1	0	0	0	1	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
609	0000669	608	284	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
610	0000670	609	249	9	0	1	0	0	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	M60857	98.4	249	1	600	861

【図 5 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
611	0000671	610	244	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
612	0000672	611	244	7	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	X65975	97.9	241	1	2915	3319
613	0000673	612	242	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X57500	98.8	242	1	2728	2969
614	0000674	613	245	5	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
615	0000675	614	245	24	0	4	1	4	0	1	0	2	1	1	0	0	2	5	0	0	1	0	2	0	L01124	100	237	1	291	530
616	0000676	615	241	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
617	0000677	616	240	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
618	0000678	617	240	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
619	0000679	618	242	13	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	3	1	2	2						
620	0000680	619	239	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
621	0000681	620	238	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	L01457	100	238	1	2484	2739
622	0000682	621	254	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
623	0000683	622	247	18	0	1	2	0	1	0	0	0	1	1	0	1	0	2	2	1	3	0	0	3	X13238	96.1	230	1	194	422
624	0000684	623	235	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
625	0000685	624	238	14	0	2	5	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
626	0000686	625	234	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
627	0000687	626	251	16	0	1	3	5	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0						
628	0000689	627	235	34	0	1	1	2	0	1	3	3	0	4	0	3	2	2	2	1	2	1	5	1						
629	0000690	628	231	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
630	0000691	629	231	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
631	0000692	630	229	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
632	0000693	631	230	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
633	0000694	632	202	3	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【55】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
634	0000695	633	226	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
635	0000696	634	226	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
636	0000697	635	226	7	0	2	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	PL8082	96.9	226	1	1640	1880
637	0000698	636	226	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
638	0000699	637	222	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
639	0000700	638	222	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
640	0000701	639	221	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
641	0000702	640	220	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
642	0000703	641	220	12	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	1	1	2						
643	0000704	642	219	33	0	4	1	0	0	1	0	1	1	6	1	2	3	2	0	0	0	3	8	0	MT3791	97.7	217	1	506	722
644	0000705	643	215	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
645	0000706	644	214	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
646	0000707	645	215	9	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	1	0	2	1	0	MT4194	92.3	209	1	887	1093
647	0000708	646	220	24	0	1	0	2	0	1	0	3	3	3	2	0	1	0	1	0	2	3	2	0						
648	0000710	647	210	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
649	0000711	648	208	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
650	0000712	649	206	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
651	0000713	650	244	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0							
652	0000714	651	231	7	0	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	MT7620	99	202	1	531	732
653	0000715	652	200	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
654	0000716	653	199	37	0	5	3	3	0	0	0	2	1	3	0	1	3	1	0	2	9	2	2	0	XS6999	96.5	199	1	300	501
655	0000717	654	199	6	0	1	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	IL9067	97.5	198	1	2231	2444
656	0000718	655	206	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							

【図 5 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD	
657	0000719	656	198	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
658	0000720	657	198	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
659	0000721	658	197	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
660	0000722	659	197	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
661	0000723	660	201	10	0	1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	0	2	1	0	E10376	97	202	1	509	753	
662	0000725	661	199	9	0	1	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	0	1	0	2	0	0	0								
663	0000726	662	196	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
664	0000727	663	201	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0								
665	0000728	664	197	4	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1064
666	0000729	665	195	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0								
667	0000730	666	196	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0								
668	0000731	667	194	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
669	0000732	668	246	47	0	6	3	4	0	1	5	1	1	1	0	1	6	2	0	2	7	0	4	3							
670	0000733	669	192	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
671	0000734	670	191	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0								
672	0000735	671	188	11	0	1	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	1	3	0							
673	0000736	672	184	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
674	0000737	673	184	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
675	0000738	674	180	4	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0							
676	0000739	675	179	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
677	0000740	676	179	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
678	0000741	677	177	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
679	0000742	678	175	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図 5 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
680	0000743	679	179	44	0	7	1	7	2	6	1	0	1	8	0	0	3	3	2	0	0	2	0	1						
681	0000745	680	176	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
682	0000746	681	173	10	0	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	1	1						
683	0000747	682	173	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
684	0000748	683	326	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
685	0000749	684	173	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
686	0000750	685	173	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
687	0000751	686	170	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
688	0000752	687	170	4	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
689	0000753	688	239	6	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0	0	0	0						
690	0000754	689	170	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1							
691	0000755	690	168	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	000723	97.6	168	1	989	1192
692	0000757	691	169	5	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1							
693	0000758	692	171	3	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	D14663	97	164	1	1145	1308
694	0000759	693	167	17	0	4	1	1	0	1	1	0	0	2	1	0	2	2	0	0	0	1	0	1	M13932	97.5	159	1	320	477
695	0000760	694	166	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
696	0000761	695	175	8	0	1	2	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
697	0000762	696	165	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X05875	93.8	160	1	761	920
698	0000763	697	164	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
699	0000764	698	171	3	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
700	0000765	699	164	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X05875	93.2	161	1	761	920
701	0000766	700	162	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
702	0000768	701	160	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 5 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
703	0000769	702	161	8	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	4						
704	0000770	703	159	3	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
705	0000771	704	159	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
706	0000772	705	161	5	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0							
707	0000773	706	157	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
708	0000774	707	160	5	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0						
709	0000775	708	155	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63692	98.1	155	1	5018	5194
710	0000777	709	154	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
711	0000778	710	153	2	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
712	0000779	711	152	3	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X55668	92.6	149	1	824	965
713	0000780	712	152	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	X70944	100	152	1	2916	3071
714	0000781	713	151	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
715	0000782	714	152	7	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	2	0	1	0						
716	0000783	715	147	4	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
717	0000784	716	146	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
718	0000785	717	145	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X37716	100	145	1	329	491
719	0000786	718	145	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
720	0000787	719	145	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
721	0000788	720	154	4	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
722	0000789	721	144	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	ML5502	96.5	141	1	1310	1447
723	0000790	722	149	4	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X59417	96.6	149	1	824	979
724	0000791	723	145	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0						
725	0000792	724	142	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
726	0000793	725	142	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
727	0000794	726	142	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
728	0000795	727	147	28	0	1	1	2	0	1	3	0	5	0	2	0	4	5	0	1	2	0	1	0						
729	0000796	728	140	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
730	0000797	729	150	29	0	4	0	1	0	2	1	0	1	1	2	1	5	2	1	0	4	1	3	0	J02964	100	137	1	362	498
731	0000798	730	140	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
732	0000799	731	141	11	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	2	1	0	1	0	1	0	1	X63423	94.3	141	1	545	691
733	0000800	732	136	5	0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
734	0000801	733	135	6	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	J04823	99.2	132	1	342	472
735	0000802	734	135	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
736	0000803	735	134	7	0	1	1	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
737	0000804	736	134	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
738	0000805	737	134	5	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
739	0000806	738	137	6	0	1	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
740	0000807	739	133	14	0	2	0	1	1	0	1	0	1	3	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0	X69392	99.2	133	1	357	773
741	0000808	740	132	6	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
742	0000809	741	132	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
743	0000810	742	131	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	V00568	95.4	130	1	1953	2121
744	0000811	743	383	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
745	0000813	744	128	7	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	1	1							
746	0000814	745	128	7	0	1	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0						
747	0000815	746	128	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
748	0000816	747	138	9	0	1	5	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M33552	100	125	1	1507	1631

【図60】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
749	0000817	748	127	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0									
750	0000818	749	124	16	0	4	1	1	0	2	1	0	0	0	0	4	0	2	0	0	0	0	1									
751	0000819	750	124	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
752	0000820	751	124	11	0	1	0	0	0	2	0	1	0	0	1	0	2	0	1	2	1	0	0									
753	0000821	752	123	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
754	0000822	753	122	3	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
755	0000823	754	122	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
756	0000824	755	122	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0									
757	0000825	756	122	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
758	0000826	757	273	5	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0									
759	0000827	758	144	9	0	1	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	837	
760	0000828	759	132	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0								
761	0000829	760	117	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1									
762	0000830	761	117	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
763	0000831	762	119	4	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0									
764	0000832	763	167	6	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	1	0								
765	0000833	764	179	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0									
766	0000834	765	121	11	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	1	0	0	1	4	1	0								
767	0000835	766	303	5	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0									
768	0000836	767	372	5	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2035	
769	0000837	768	114	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
770	0000839	769	120	5	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4066	4181
771	0000840	770	115	6	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0								

【図 6 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
772	0000841	771	113	10	0	5	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0								
773	0000842	772	112	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
774	0000843	773	112	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
775	0000844	774	130	5	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
776	0000845	775	111	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
777	0000846	776	110	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
778	0000847	777	109	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
779	0000848	778	109	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	Y00711	100	107	1	1154	1260		
780	0000849	779	109	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
781	0000850	780	109	7	0	1	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0								
782	0000851	781	108	14	0	5	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	3	0	0	0	1	D00761	100	87	1	737	823		
783	0000852	782	108	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
784	0000853	783	106	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34082	90.5	105	1	591	702		
785	0000854	784	130	5	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1								
786	0000855	785	104	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
787	0000856	786	107	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0								
788	0000857	787	103	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
789	0000858	788	125	5	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0								
790	0000859	789	103	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
791	0000860	790	102	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
792	0000861	791	99	24	0	6	0	2	0	1	0	0	1	4	1	0	2	3	0	1	1	0	1	1	M31520	93.5	92	5	529	620		
793	0000862	792	94	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
794	0000863	793	101	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								

【図 6 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
795	0000864	794	93	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0							
796	0000865	795	100	44	0	9	2	1	0	0	0	2	2	8	2	1	4	1	0	3	5	4	0	0	MS5409	100	89	1	1067	1155
797	0000866	796	92	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
798	0000867	797	93	8	0	1	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0						
799	0000868	798	90	4	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
800	0000869	799	90	4	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0							
801	0000870	800	88	4	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
802	0000871	801	88	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0							
803	0000872	802	88	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
804	0000873	803	86	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
805	0000874	804	86	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
806	0000875	805	87	21	0	2	3	1	1	1	0	0	0	0	0	0	3	0	1	1	6	1	0	1						
807	0000876	806	86	7	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	1	1	0	1	0	0	0							
808	0000877	807	84	5	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
809	0000878	808	84	3	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
810	0000879	809	84	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
811	0000880	810	82	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
812	0000881	811	81	3	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
813	0000882	812	81	13	0	1	0	1	0	0	0	0	2	2	2	0	0	1	1	0	1	1	1							
814	0000883	813	78	4	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
815	0000884	814	78	3	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
816	0000885	815	77	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
817	0000886	816	77	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【表 63】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
818	0000887	817	75	13	0	2	1	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	4	1	0						
819	0000889	818	75	15	0	1	0	0	1	1	1	1	0	1	0	0	1	0	0	0	4	2	1	1						
820	0000890	819	129	2	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
821	0000891	820	73	4	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
822	0000892	821	82	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						
823	0000894	822	72	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
824	0000895	823	72	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
825	0000896	824	71	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
826	0000897	825	71	9	0	2	1	0	0	0	2	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
827	0000898	826	84	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
828	0000900	827	73	24	0	1	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	6	1	1	3	0	2	4	2	K00558	100	69	1	1528	1596
829	0000903	828	69	3	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
830	0000904	829	69	8	0	1	0	0	0	0	1	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1						
831	0000905	830	72	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	L16991	98.6	73	1	989	1250
832	0000906	831	68	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
833	0000908	832	67	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
834	0000910	833	342	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
835	0000911	834	72	8	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	2	0	0	0	1						
836	0000912	835	66	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
837	0000913	836	65	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
838	0000914	837	65	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
839	0000915	838	63	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
840	0000917	839	68	38	0	3	1	3	0	3	3	0	2	1	1	5	6	3	0	0	0	3	3	1						

【図 64】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
841	0000918	840	63	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
842	0000919	841	109	5	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
843	0000920	842	62	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
844	0000922	843	61	9	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	2	1	0	0								
845	0000924	844	56	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
846	0000925	845	56	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
847	0000926	846	55	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
848	0000929	847	52	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
849	0000930	848	52	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1								
850	0000931	849	52	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
851	0000932	850	52	13	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	1	1	1	1	0	0	3							
852	0000934	851	53	26	0	3	1	1	0	1	5	0	2	3	0	0	3	2	3	0	0	0	0	2	X13923	100	48	1	392	439	
853	0000935	852	52	4	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	IL3773	94.2	52	1	9332	9390	
854	0000936	853	51	5	0	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
855	0000937	854	61	38	0	1	5	0	0	0	0	12	0	6	4	0	2	0	0	2	2	1	0	3							
856	0000938	855	59	6	0	1	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
857	0000955	856	71	6	0	3	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
859	0000972	858	661	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
860	0000973	859	641	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
861	0000974	860	627	49	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	5	5	0	5	16	9	5							
862	0000976	861	617	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
863	0000977	862	372	5	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0							

【図 6 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
864	0000978	863	595	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
865	0000979	864	581	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
866	0000980	865	293	10	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	3	1	0	1	0	0	2							
867	0000981	866	566	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
868	0000982	867	556	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
869	0000983	868	555	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
870	0000984	869	554	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	004739	100	136	1	1068	1813
871	0000985	870	549	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
872	0000986	871	543	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
873	0000987	872	538	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
874	0000988	873	533	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
875	0000989	874	532	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
876	0000990	875	528	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
877	0000991	876	526	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
878	0000992	877	526	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
879	0000993	878	520	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
880	0000994	879	343	12	0	0	2	1	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	1	0	1	0	0	5X59834	93.3	298	1	2169	2727	
881	0000995	880	517	17	0	0	3	1	1	0	1	1	1	0	0	2	0	1	3	0	2	0	1							
882	0000996	881	515	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
883	0000997	882	514	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
884	0000998	883	513	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
885	0000999	884	510	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
886	0001000	885	504	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 6 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
887	0001001	886	500	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
888	0001002	887	500	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
889	0001003	888	500	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
890	0001004	889	498	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
891	0001005	890	494	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
892	0001006	891	375	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
893	0001007	892	462	22	0	0	3	0	0	0	0	1	1	0	2	2	1	0	5	1	1	2	2	1						
894	0001009	893	490	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
895	0001010	894	467	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
896	0001011	895	465	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
897	0001012	896	465	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
898	0001013	897	492	5	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
899	0001015	898	478	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
900	0001016	899	474	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
901	0001017	900	473	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
902	0001018	901	473	5	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0						
903	0001019	902	468	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
904	0001020	903	462	6	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
905	0001021	904	462	8	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	1	1	0	2	1	0						
906	0001023	905	459	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
907	0001024	906	457	6	0	0	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
908	0001025	907	457	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
909	0001026	908	454	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【图 6 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
910	0001027	909	453	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
911	0001028	910	452	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
912	0001029	911	466	11	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	1	0	0	0	1	1	003077	94.8	466	1	2034	2767	
913	0001030	912	461	8	0	0	2	1	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	00034304	94.4	448	1	505	944	
914	0001032	913	453	8	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	4	0	0	00030345	92.6	443	1	2409	2848	
915	0001033	914	445	3	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
916	0001034	915	444	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
917	0001035	916	440	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
918	0001036	917	439	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
919	0001037	918	435	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
920	0001038	919	433	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
921	0001039	920	431	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0							
922	0001040	921	431	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
923	0001041	922	430	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
924	0001042	923	428	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
925	0001043	924	428	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
926	0001044	925	424	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
927	0001045	926	422	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	00064229	97.5	355	1	2345	2699
928	0001046	927	422	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	000682809	95.4	410	1	1572	1976
929	0001047	928	410	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
930	0001048	929	342	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	00015470	99.7	340	1	699	1500
931	0001049	930	407	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
932	0001051	931	407	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【図 6 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
933	0001052	932	95	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
934	0001053	933	405	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	MS2423	90.3	380	24	3711	4221
935	0001054	934	405	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
936	0001055	935	404	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
937	0001057	936	399	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
938	0001061	937	397	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74782	98.3	347	1	1115	1460
939	0001062	938	402	7	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	V00599	97.2	394	1	1011	1441
940	0001063	939	396	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
941	0001064	940	394	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
942	0001065	941	393	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
943	0001066	942	393	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
944	0001067	943	392	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
945	0001068	944	391	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
946	0001069	945	390	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
947	0001070	946	389	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
948	0001071	947	390	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
949	0001072	948	543	5	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
950	0001073	949	387	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
951	0001074	950	387	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X63071	97.3	377	1	4591	4972
952	0001075	951	386	9	0	0	4	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2						
953	0001076	952	383	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
954	0001077	953	382	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13435	99	311	69	608	917
955	0001078	954	381	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 6 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
956	0001079	955	380	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
957	0001080	956	380	5	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
958	0001081	957	398	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
959	0001082	958	379	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
960	0001083	959	376	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
961	0001084	960	375	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
962	0001085	961	374	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	1						
963	0001086	962	376	7	0	0	2	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0						
964	0001087	963	371	13	0	0	6	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	2	2	0	0	0						
965	0001088	964	368	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
966	0001089	965	367	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
967	0001090	966	366	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
968	0001091	967	364	5	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
969	0001092	968	364	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D12902	93	343	16	1	1391
970	0001093	969	362	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
971	0001094	970	360	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
972	0001095	971	357	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
973	0001096	972	192	5	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	X66899	99.5	190	1	1981	2371
974	0001097	973	356	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
975	0001098	974	356	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X52195	98.4	64	1	477	540
976	0001099	975	356	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
977	0001100	976	356	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
978	0001101	977	356	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 70】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
979	0001102	978	355	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
980	0001103	979	355	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
981	0001104	980	352	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M60091	98.6	351	1	945	1295
982	0001105	981	358	8	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	3	0						
983	0001106	982	354	12	0	0	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	M19045	98.3	348	1	1138	1483	
984	0001107	983	351	11	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	1	1	2	0	0	1	0	1	0	M75883	97.7	347	1	2225	2570	
985	0001108	984	420	5	0	0	1	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
986	0001109	985	349	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
987	0001110	986	349	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
988	0001111	987	345	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
989	0001112	988	308	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	I20010	99.4	308	1	7851	8240
990	0001115	989	357	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
991	0001116	990	340	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
992	0001117	991	340	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
993	0001118	992	339	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
994	0001119	993	339	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
995	0001120	994	339	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
996	0001122	995	337	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
997	0001123	996	337	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
998	0001126	997	334	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
999	0001127	998	333	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70218	92.2	332	1	837	1382
1000	0001128	999	329	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1001	0001129	1000	332	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1002	0001130	1001	330	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
1003	0001131	1002	330	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M50721	94.6	331	1	1900	2231
1004	0001132	1003	336	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
1005	0001133	1004	328	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1006	0001134	1005	326	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1007	0001135	1006	325	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1008	0001136	1007	322	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1009	0001137	1008	322	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1010	0001138	1009	353	6	0	0	1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
1011	0001139	1010	319	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1012	0001140	1011	318	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	I11066	95.8	310	1	2517	2845
1013	0001141	1012	316	9	0	0	3	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0						
1014	0001142	1013	315	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1015	0001143	1014	315	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1016	0001144	1015	315	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1017	0001145	1016	347	7	0	0	4	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
1018	0001147	1017	313	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1019	0001148	1018	311	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1020	0001149	1019	308	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1021	0001150	1020	308	5	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	M50613	93.5	308	1	3730	4053
1022	0001151	1021	307	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
1023	0001152	1022	306	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1024	0001153	1023	306	3	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図72】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1025	0001154	1024	308	13	0	0	2	1	1	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2	1	2	0	003191	96.7	301	1	496	793
1026	0001155	1025	304	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1027	0001156	1026	304	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1028	0001157	1027	169	7	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1						
1029	0001158	1028	303	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1030	0001159	1029	303	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1031	0001160	1030	303	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1032	0001161	1031	303	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1033	0001162	1032	302	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1034	0001163	1033	435	12	0	0	1	1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	1	1	1	0	1	2						
1035	0001164	1034	298	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0023197	99	297	1	1140	1437	
1036	0001165	1035	328	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
1037	0001166	1036	298	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1038	0001167	1037	297	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
1039	0001168	1038	297	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1040	0001169	1039	296	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1041	0001170	1040	294	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1042	0001171	1041	293	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1043	0001172	1042	293	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
1044	0001173	1043	308	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
1045	0001174	1044	292	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1046	0001175	1045	363	11	0	0	1	2	1	4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1							
1047	0001176	1046	288	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1623	0001827	1622	226	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1624	0001828	1623	224	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1625	0001829	1624	222	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1626	0001830	1625	222	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1627	0001831	1626	219	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1628	0001832	1627	220	6	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	X51345	97	219	1	1580	1797
1629	0001833	1628	216	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X14813	93	213	1	1432	1642
1630	0001834	1629	214	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1631	0001835	1630	214	4	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
1632	0001836	1631	211	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1633	0001837	1632	211	1	0	0	0	1	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1634	0001838	1633	212	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1635	0001839	1634	208	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1636	0001840	1635	210	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
1637	0001841	1636	208	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1638	0001842	1637	203	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1639	0001843	1638	203	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1640	0001844	1639	201	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1641	0001845	1640	201	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1642	0001846	1641	217	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1643	0001847	1642	200	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1644	0001848	1643	200	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1645	0001849	1644	333	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図 9-9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
1646	0001850	1645	199	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
1647	0001851	1646	196	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1648	0001852	1647	196	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1649	0001853	1648	195	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1650	0001854	1649	194	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1651	0001855	1650	268	7	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0							
1652	0001856	1651	193	4	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1653	0001857	1652	193	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		M3146	100	186	6	1612	1797
1654	0001858	1653	193	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1655	0001859	1654	192	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1656	0001860	1655	188	3	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
1657	0001861	1656	189	13	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	1	2	0	1	2	0	2	1	0						
1658	0001862	1657	183	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1659	0001863	1658	361	14	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	2	2	2	1	0	1	0	1	2	0						
1660	0001864	1659	183	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1661	0001865	1660	178	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1662	0001866	1661	178	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
1663	0001867	1662	189	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0							
1664	0001868	1663	174	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1665	0001869	1664	173	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1666	0001870	1665	172	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1667	0001871	1666	171	5	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1668	0001872	1667	171	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		M13932	94	167	1	136	477

【図100】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1669	0001873	1668	171	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1670	0001874	1669	170	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1671	0001875	1670	167	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
1672	0001876	1671	165	8	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	1	0	1	2	1	0	M96982	93	163	1	745	904
1673	0001877	1672	165	5	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0							
1674	0001878	1673	165	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1675	0001880	1674	161	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1676	0001881	1675	158	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1677	0001882	1676	158	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15400	99	153	1	4588	4740	
1678	0001883	1677	155	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1679	0001884	1678	155	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1680	0001885	1679	161	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1681	0001886	1680	153	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1682	0001887	1681	444	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1683	0001888	1682	151	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1684	0001889	1683	150	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1685	0001890	1684	148	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1686	0001891	1685	568	6	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0							
1687	0001892	1686	146	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1688	0001893	1687	144	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1689	0001895	1688	151	6	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	2	0	1	0	0							
1690	0001896	1689	140	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1691	0001897	1690	139	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図101】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1692	0001898	1691	139	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1693	0001899	1692	143	13	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	3	1	0	0	1	1	3	0	K00557	95	145	1	1104	1246	
1694	0001900	1693	136	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1695	0001901	1694	136	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1696	0001902	1695	136	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M98252	99	136	1	2804	2939		
1697	0001903	1696	135	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1698	0001904	1697	135	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0								
1699	0001905	1698	136	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
1700	0001906	1699	134	3	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
1701	0001907	1700	134	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1702	0001908	1701	134	21	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	4	0	0	0	0	3	9	0	1	0	L16510	99	126	1	1871	1996	
1703	0001909	1702	140	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X71129	100	140	1	699	852		
1704	0001910	1703	133	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1705	0001911	1704	133	9	0	0	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	2	0							
1706	0001912	1705	131	4	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L09209	99	131	1	2598	3725		
1707	0001913	1706	130	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1708	0001914	1707	130	3	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1709	0001915	1708	130	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1710	0001916	1709	129	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
1711	0001917	1710	129	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1712	0001918	1711	128	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
1713	0001919	1712	137	77	0	0	0	5	0	1	0	3	5	6	12	3	2	0	0	7	23	5	2	3							
1714	0001920	1713	128	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
1715	0001921	1714	127	1	0	0	0	1	0	0	0	0	-0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1716	0001922	1715	126	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1717	0001923	1716	240	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
1718	0001924	1717	124	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0								
1719	0001925	1718	124	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1720	0001926	1719	146	16	0	0	0	2	0	0	0	2	0	0	3	0	0	1	2	1	0	0	2	3M29870	100	64	1	516	579			
1721	0001927	1720	120	3	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
1722	0001928	1721	121	10	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	3	0	0								
1723	0001929	1722	125	14	0	0	0	1	0	1	0	4	0	0	0	0	0	2	1	1	3	1	0	0								
1724	0001930	1723	119	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1725	0001931	1724	85	4	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
1726	0001932	1725	116	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1727	0001933	1726	278	8	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	4	1	0	0	X60111	98	276	1	756	1120		
1728	0001934	1727	171	5	0	0	0	1	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1729	0001935	1728	115	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1730	0001936	1729	115	2	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M24283	94	114	1	2851	3003		
1731	0001937	1730	115	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1732	0001938	1731	114	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0								
1733	0001939	1732	119	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1								
1734	0001940	1733	113	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1735	0001941	1734	113	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1736	0001943	1735	111	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1737	0001944	1736	113	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0								

【図103】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1738	0001945	1737	109	5	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0							
1739	0001946	1738	329	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
1740	0001947	1739	109	5	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0							
1741	0001948	1740	215	3	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
1742	0001949	1741	107	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1743	0001950	1742	107	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1744	0001951	1743	106	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1745	0001952	1744	106	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1746	0001953	1745	117	13	0	0	0	2	2	0	0	0	1	0	1	0	3	0	2	0	1	0	1							
1747	0001954	1746	106	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1748	0001955	1747	106	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1749	0001956	1748	105	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1750	0001957	1749	105	3	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1751	0001958	1750	107	5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
1752	0001959	1751	119	4	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
1753	0001960	1752	114	5	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1							
1754	0001961	1753	102	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1755	0001962	1754	101	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1756	0001963	1755	100	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1757	0001964	1756	99	5	0	0	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
1758	0001965	1757	97	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0							
1759	0001966	1758	99	4	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0							
1760	0001967	1759	95	12	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	2	1	0	0	2	1	2							

【図104】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
1761	0001968	1760	94	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1762	0001969	1761	89	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1763	0001970	1762	89	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1764	0001972	1763	88	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1765	0001973	1764	87	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1766	0001974	1765	85	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
1767	0001975	1766	88	6	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
1768	0001976	1767	84	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0						
1769	0001977	1768	82	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1770	0001978	1769	82	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1771	0001979	1770	81	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1772	0001981	1771	79	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1773	0001982	1772	79	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1774	0001983	1773	80	16	0	0	0	1	0	0	0	0	3	2	3	0	1	1	0	2	1	0	2	0						
1775	0001984	1774	79	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1776	0001985	1775	78	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1777	0001986	1776	75	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1778	0001987	1777	75	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1779	0001988	1778	78	2	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1780	0001989	1779	74	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1781	0001990	1780	72	4	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1782	0001991	1781	69	5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1						
1783	0001992	1782	68	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図105】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1784	0001994	1783	66	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1785	0001995	1784	66	10	0	0	0	4	0	1	0	0	2	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	XL3710	97	63	1	1039	1100
1786	0001996	1785	65	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1787	0001997	1786	65	6	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	XL3973	100	62	1	1860	1921	
1788	0001998	1787	65	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1789	0001999	1788	65	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1790	0002000	1789	62	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1791	0002001	1790	313	4	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1792	0002002	1791	60	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1793	0002003	1792	59	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1794	0002005	1793	58	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1795	0002006	1794	57	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	ML6750	97	57	1	2239	2297	
1796	0002007	1795	59	12	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	2	0	1	4	0	0	1M69023	100	56	1	1064	1119	
1797	0002010	1796	52	4	0	0	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1798	0002011	1797	51	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1799	0002012	1798	54	11	0	0	0	2	0	0	0	2	2	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	1						
1800	0002013	1799	53	9	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	2	2	0						
1801	0002025	1800	58	7	0	0	0	1	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
1802	0002039	1801	557	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1803	0002040	1802	518	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1804	0002041	1803	513	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0ML29038	91	505	1	3509	4153	
1805	0002042	1804	499	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1806	0002043	1805	483	8	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0K02215	95	477	1	1435	2099	

【図106】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1807	0002044	1806	481	5	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1808	0002045	1807	462	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
1809	0002046	1808	448	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1810	0002047	1809	448	13	0	0	0	0	2	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	XL4174	99	140	#		7	2339
1811	0002048	1810	432	4	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0								
1812	0002049	1811	430	19	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	10	0	0	0	0	3	0	0	4	0	K01228	92	432	1	2919	3347	
1813	0002050	1812	428	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1814	0002051	1813	401	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1815	0002052	1814	396	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
1816	0002053	1815	392	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1817	0002054	1816	389	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1818	0002055	1817	388	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1819	0002056	1818	379	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1820	0002057	1819	379	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1								
1821	0002058	1820	358	5	0	0	0	0	1	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1822	0002059	1821	358	6	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	1	0	0	X67698	97	346	1	448	808	
1823	0002060	1822	344	7	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M3159	98	341	1	2135	2474	
1824	0002062	1823	338	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1825	0002063	1824	336	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1826	0002064	1825	335	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
1827	0002065	1826	335	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64877	100	335	1	690	1040	
1828	0002066	1827	334	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0							
1829	0002067	1828	328	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図107】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1830	0002068	1829	328	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
1831	0002069	1830	328	7	0	0	0	0	1	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0							
1832	0002070	1831	319	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1833	0002071	1832	315	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1834	0002072	1833	315	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1835	0002073	1834	332	13	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	3	0	3	0	1	0	0	2	0							
1836	0002074	1835	311	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0							
1837	0002075	1836	309	7	0	0	0	0	1	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X07173	96	308	1	2782	3089	
1838	0002076	1837	301	4	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1							
1839	0002077	1838	302	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
1840	0002078	1839	293	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1841	0002079	1840	291	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64925	96	281	1	1708	1989	
1842	0002080	1841	288	8	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	2							
1843	0002081	1842	288	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1844	0002082	1843	285	6	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	M25113	98	279	1	298	576	
1845	0002084	1844	282	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1846	0002085	1845	279	82	0	0	0	0	16	26	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00637	98	274	1	956	1230	
1847	0002086	1846	275	4	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
1848	0002087	1847	269	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1849	0002088	1848	268	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1850	0002089	1849	265	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1851	0002090	1850	261	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1852	0002091	1851	263	6	0	0	0	0	1	0	0	2	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14036	98	210	1	878	1088	

【図108】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1853	0002092	1852	264	10	0	0	0	0	2	1	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00129	98	254	1	629	882
1854	0002093	1853	244	11	0	0	0	0	2	3	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02747	100	241	1	1412	1652
1855	0002094	1854	243	6	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0						
1856	0002095	1855	240	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S46963	100	240	1	1564	1814
1857	0002096	1856	239	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X17544	99	237	1	1308	1545
1858	0002097	1857	231	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04481	100	229	1	2381	2609
1859	0002098	1858	231	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1860	0002099	1859	228	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1861	0002100	1860	236	5	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0						
1862	0002101	1861	227	2	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1863	0002102	1862	229	4	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
1864	0002103	1863	224	5	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0						
1865	0002104	1864	223	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M25897	98	223	1	187	439
1866	0002105	1865	227	#	0	0	0	0	6	4	3	10	0	36	22	0	0	0	0	2	1	2	22	1	X02761	99	219	1	7462	7680
1867	0002106	1866	219	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1868	0002107	1867	219	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1869	0002108	1868	219	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M28880	97	215	1	5979	6192
1870	0002110	1869	217	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1871	0002111	1870	216	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1872	0002112	1871	213	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1873	0002113	1872	210	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1874	0002115	1873	208	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1875	0002116	1874	208	12	0	0	0	0	3	2	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M12272	100	208	1	1262	1486

【図109】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
1876	0002117	1875	201	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ML4057	99	70	1	1884	2171	
1877	0002118	1876	200	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	JO0127	97	188	11	1989	2182	
1878	0002119	1877	198	4	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0							
1879	0002120	1878	200	19	0	0	0	0	3	12	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1880	0002121	1879	194	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	JO2770	95	191	1	1773	1963
1881	0002122	1880	190	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1882	0002123	1881	188	21	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	12	4	0	0	1	0	1	0	0							
1883	0002124	1882	184	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1884	0002126	1883	181	7	0	0	0	0	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1885	0002127	1884	181	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1886	0002128	1885	179	3	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1887	0002129	1886	178	4	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ML1723	99	175	1	1785	1959
1888	0002130	1887	175	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1889	0002131	1888	172	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	JO3810	100	169	1	3000	3168	
1890	0002132	1889	170	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1891	0002133	1890	168	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
1892	0002134	1891	168	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1893	0002135	1892	167	5	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0							
1894	0002136	1893	165	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1895	0002137	1894	165	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0							
1896	0002138	1895	163	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
1897	0002139	1896	159	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1898	0002140	1897	154	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							

【図110】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1899	0002141	1898	151	8	0	0	0	0	5	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12654	100	148	1	1506	1653
1900	0002142	1899	150	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1901	0002143	1900	149	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1902	0002144	1901	148	4	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	Z15108	96	140	1	1998	2146
1903	0002145	1902	147	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1904	0002146	1903	146	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1905	0002147	1904	144	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05016	100	134	1	2732	2865
1906	0002148	1905	141	21	0	0	0	0	3	6	6	4	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	M36501	100	127	1	1915	2041
1907	0002149	1906	142	4	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1908	0002150	1907	133	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1909	0002151	1908	130	14	0	0	0	0	9	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1910	0002152	1909	247	7	0	0	0	0	1	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K02403	96	245	1	5155	5406
1911	0002153	1910	132	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1912	0002154	1911	128	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1913	0002155	1912	127	24	0	0	0	0	7	3	11	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	M12530	98	124	1	2175	2298
1914	0002156	1913	128	7	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	M86511	99	124	1	1204	1327
1915	0002157	1914	126	34	0	0	0	0	1	0	2	0	0	12	0	0	0	0	0	5	0	0	14	0	M14083	100	89	1	2849	2937
1916	0002158	1915	122	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
1917	0002159	1916	121	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1918	0002160	1917	119	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1919	0002161	1918	120	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M91029	97	110	1	3250	3359
1920	0002162	1919	116	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1921	0002163	1920	116	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						

【図111】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1922	0002164	1921	120	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1923	0002165	1922	115	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1924	0002166	1923	112	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
1925	0002167	1924	112	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02761	99	101	6	7470	7680
1926	0002168	1925	112	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1927	0002169	1926	112	5	0	0	0	0	2	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1928	0002170	1927	112	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
1929	0002171	1928	160	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1930	0002172	1929	110	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1931	0002173	1930	275	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1932	0002174	1931	108	25	0	0	0	0	4	1	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13692	100	101	1	637	737
1933	0002175	1932	108	3	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1934	0002176	1933	272	13	0	0	0	0	3	1	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29844	97	96	1	325	420
1935	0002177	1934	109	7	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	1	1	0	0	0	1	0	0						
1936	0002178	1935	104	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1937	0002179	1936	104	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1938	0002180	1937	103	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1939	0002181	1938	106	12	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	1	1	0	0	2	1	0	3	0						
1940	0002182	1939	272	3	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1941	0002183	1940	101	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1942	0002184	1941	99	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1943	0002185	1942	99	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1944	0002186	1943	99	21	0	0	0	0	1	1	2	0	0	2	1	0	0	2	1	0	2	0	1	8X14723	96	99	1	1551	1676	

【図 1 1 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1945	0002187	1944	90	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1946	0002188	1945	90	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1947	0002189	1946	91	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1						
1948	0002191	1947	86	6	0	0	0	0	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04608	99	83	1	842	923
1949	0002192	1948	86	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1950	0002193	1949	91	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1951	0002194	1950	84	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86752	97	73	11	2040	2113
1952	0002195	1951	79	8	0	0	0	0	4	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1953	0002196	1952	78	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1954	0002197	1953	77	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1955	0002198	1954	76	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1956	0002199	1955	76	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	I00972	99	76	1	2595	2718
1957	0002200	1956	75	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0						
1958	0002202	1957	74	32	0	0	0	0	15	12	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64983	100	60	1	8480	8878
1959	0002203	1958	73	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1960	0002204	1959	73	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1961	0002205	1960	72	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1962	0002206	1961	66	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1963	0002207	1962	65	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1964	0002208	1963	62	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1965	0002209	1964	62	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1966	0002210	1965	61	3	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1967	0002211	1966	59	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 1 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1968	0002212	1967	59	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M35433	98	57	1	143	282
1969	0002213	1968	57	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1970	0002214	1969	56	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1971	0002215	1970	111	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
1972	0002216	1971	167	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1973	0002237	1972	516	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D90282	93	101	1	5116	5215
1974	0002238	1973	483	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1975	0002239	1974	452	6	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2	M24095	97	454	1	885	1443
1976	0002240	1975	339	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1						
1977	0002241	1976	424	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1978	0002242	1977	418	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X60364	98	416	1	1523	1941
1979	0002243	1978	413	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1980	0002244	1979	412	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86609	93	399	1	665	1207
1981	0002245	1980	406	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1982	0002246	1981	401	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1983	0002247	1982	384	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14091	94	380	1	1496	1872
1984	0002248	1983	383	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1985	0002249	1984	375	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X67055	93	374	1	2279	2807
1986	0002250	1985	370	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1987	0002251	1986	368	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X01396	92	370	1	983	1352
1988	0002252	1987	367	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1989	0002254	1988	353	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00484	92	275	1	48	333
1990	0002255	1989	351	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
1991	0002256	1990	342	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M76766	99	339	1	930	1268
1992	0002257	1991	340	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04225	98	210	1	306	1239
1993	0002258	1992	339	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1994	0002259	1993	344	5	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	K03001	94	332	1	1273	1603
1995	0002260	1994	332	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1996	0002261	1995	331	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1997	0002262	1996	326	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M28614	100	262	64	83	519
1998	0002263	1997	321	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
1999	0002264	1998	321	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2000	0002266	1999	315	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2001	0002268	2000	312	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2002	0002269	2001	310	4	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M19922	99	233	1	1149	1382
2003	0002270	2002	305	2	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2004	0002271	2003	301	9	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	2	1	0	0	0	M77025	96	303	1	1100	1415
2005	0002272	2004	311	9	0	0	0	0	0	2	0	2	0	0	0	0	2	0	0	3	0	0	0	0	X00457	93	308	1	752	1048
2006	0002274	2005	297	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	S46622	97	297	1	1821	2134
2007	0002275	2006	293	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2008	0002276	2007	290	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M63175	97	192	1	655	1810
2009	0002277	2008	289	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2010	0002278	2009	279	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2011	0002279	2010	274	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J00127	94	188	83	1988	2182
2012	0002280	2011	280	3	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2013	0002281	2012	271	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 114】

【図 115】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2014	0002282	2013	270	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2015	0002283	2014	265	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X58529	95	264	1	2068	2325	
2016	0002285	2015	359	9	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	4	0	J03464	96	358	1	4976	5416	
2017	0002287	2016	242	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53414	100	240	1	1360	1600	
2018	0002288	2017	239	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2019	0002289	2018	238	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2020	0002290	2019	236	16	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	315	545	
2021	0002291	2020	235	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S74678	98	80	1	1406	2302
2022	0002292	2021	233	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15386	93	231	1	315	545
2023	0002293	2022	229	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2024	0002294	2023	223	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2025	0002295	2024	221	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M17886	99	210	10	303	512
2026	0002296	2025	219	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2027	0002297	2026	216	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2028	0002298	2027	210	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2029	0002299	2028	219	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
2030	0002300	2029	208	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1							
2031	0002301	2030	202	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S99471	97	137	1	929	1065	
2032	0002302	2031	224	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2033	0002303	2032	195	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2034	0002304	2033	193	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2035	0002305	2034	192	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2036	0002306	2035	191	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図116】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2037	0002307	2036	186	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2038	0002308	2037	379	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
2039	0002309	2038	395	12	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	2	1	2	4	0	X15183	96	174	1	2742	2912
2040	0002310	2039	188	3	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2041	0002311	2040	178	5	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0							
2042	0002312	2041	176	5	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2043	0002313	2042	174	6	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	1	0	X61971	100	174	1	444	624
2044	0002314	2043	172	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2045	0002315	2044	170	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2046	0002316	2045	167	7	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	3	0	0	0	0	0	1	M38188	100	164	1	728	891
2047	0002317	2046	155	4	0	0	0	0	0	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2048	0002318	2047	151	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2049	0002319	2048	148	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2050	0002321	2049	143	6	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	2	0	0	M15796	99	137	1	1095	1231
2051	0002322	2050	142	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13656	96	129	10	1673	1801
2052	0002323	2051	156	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2053	0002324	2052	138	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2054	0002325	2053	137	5	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
2055	0002326	2054	134	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2056	0002327	2055	133	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2057	0002328	2056	132	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2058	0002329	2057	130	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
2059	0002330	2058	130	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 1 1 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2060	0002331	2059	130	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2061	0002332	2060	129	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2062	0002333	2061	129	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2063	0002334	2062	148	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2064	0002336	2063	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2065	0002337	2064	126	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2066	0002338	2065	126	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2067	0002339	2066	125	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2068	0002340	2067	124	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2069	0002341	2068	123	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2070	0002342	2069	120	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2071	0002343	2070	119	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2072	0002345	2071	127	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
2073	0002346	2072	117	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2074	0002347	2073	115	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2						
2075	0002348	2074	114	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2076	0002349	2075	114	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2077	0002350	2076	113	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2078	0002351	2077	109	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2079	0002352	2078	108	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2080	0002353	2079	108	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2081	0002354	2080	104	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2082	0002355	2081	294	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2083	0002356	2082	101	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2084	0002357	2083	102	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2085	0002358	2084	95	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69078	98	95	1	3127	3228	
2086	0002359	2085	90	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2087	0002360	2086	90	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2088	0002361	2087	87	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2089	0002362	2088	88	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1							
2090	0002363	2089	85	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2091	0002364	2090	82	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2092	0002365	2091	80	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2093	0002366	2092	80	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2094	0002367	2093	80	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
2095	0002368	2094	76	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2096	0002369	2095	70	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00317	99	67	1	2027	2093	
2097	0002370	2096	64	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2098	0002371	2097	64	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2099	0002372	2098	61	6	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0							
2100	0002373	2099	60	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2101	0002374	2100	66	11	0	0	0	0	0	1	1	1	5	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0							
2102	0002375	2101	59	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2103	0002376	2102	73	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2104	0002377	2103	56	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64594	100	56	1	1839	1927	
2105	0002378	2104	55	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0						

【図 1 1 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2106	0002379	2105	54	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2107	0002380	2106	52	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0								
2108	0002382	2107	263	9	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	1	1	2	0	0	0	2	0	0	0							
2109	0002399	2108	451	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2110	0002400	2109	441	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
2111	0002401	2110	440	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2112	0002402	2111	411	5	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
2113	0002403	2112	408	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03557	100	273	1	1370	1642	
2114	0002404	2113	397	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2115	0002406	2114	219	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0							
2116	0002408	2115	380	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2117	0002409	2116	323	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	J05037	95	305	1	1093	1393	
2118	0002410	2117	375	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01396	95	371	1	983	1352	
2119	0002411	2118	374	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M62401	97	378	1	1500	1880	
2120	0002412	2119	369	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2121	0002413	2120	368	3	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2122	0002414	2121	368	2	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2123	0002415	2122	368	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65131	98	340	1	1994	2798	
2124	0002416	2123	365	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2125	0002417	2124	363	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01396	97	347	1	559	1352	
2126	0002418	2125	362	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00442	98	211	#	1199	1412	
2127	0002419	2126	362	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2128	0002420	2127	355	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図120】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2129	0002421	2128	350	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2130	0002422	2129	344	7	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2131	0002423	2130	339	3	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2132	0002424	2131	334	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2133	0002425	2132	330	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S4975	99	178	1	410	790
2134	0002426	2133	327	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2135	0002427	2134	324	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2136	0002428	2135	355	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	9	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
2137	0002429	2136	324	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2138	0002430	2137	324	2	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2139	0002431	2138	321	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2140	0002432	2139	319	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M81182	98	319	1	3042	3397
2141	0002433	2140	315	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2142	0002434	2141	311	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01500	96	309	1	1214	1520
2143	0002435	2142	309	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K00485	93	214	12	107	323
2144	0002436	2143	307	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2145	0002437	2144	306	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2146	0002438	2145	306	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2147	0002439	2146	305	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
2148	0002441	2147	250	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
2149	0002442	2148	301	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04794	98	300	1	834	1132
2150	0002443	2149	302	6	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
2151	0002444	2150	297	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19297	100	294	1	790	1083

【図 121】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2152	0002445	2151	295	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2153	0002446	2152	294	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
2154	0002447	2153	292	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2155	0002448	2154	280	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2156	0002449	2155	280	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2157	0002450	2156	278	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2158	0002452	2157	277	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2159	0002453	2158	275	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2160	0002454	2159	274	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2161	0002455	2160	266	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2162	0002456	2161	306	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
2163	0002457	2162	264	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2164	0002458	2163	259	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2165	0002459	2164	255	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2166	0002461	2165	248	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M5943	98	236	1	1746	1981
2167	0002462	2166	245	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2168	0002463	2167	244	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0L1245	99	245	1	857	1101
2169	0002464	2168	237	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2170	0002465	2169	234	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M18930	99	231	1	1553	1783
2171	0002466	2170	233	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2172	0002467	2171	229	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2173	0002468	2172	227	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2174	0002469	2173	226	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2175	0002470	2174	226	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2176	0002471	2175	224	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	IL1708	99	219	1	1124	1344
2177	0002472	2176	221	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2178	0002473	2177	210	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2179	0002474	2178	209	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2180	0002475	2179	203	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2181	0002476	2180	200	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2182	0002477	2181	200	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2183	0002478	2182	197	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2184	0002479	2183	201	6	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1						
2185	0002480	2184	196	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0X01630	100	196	1	1355	1560
2186	0002481	2185	195	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2187	0002482	2186	194	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2188	0002483	2187	192	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M3149	100	192	1	1856	2051
2189	0002484	2188	192	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2190	0002486	2189	187	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0IL3176	91	173	15	5142	5417
2191	0002487	2190	187	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2192	0002488	2191	186	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2193	0002489	2192	179	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0M76707	98	177	1	988	1166
2194	0002490	2193	179	6	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
2195	0002491	2194	177	4	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2196	0002493	2195	176	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2197	0002494	2196	175	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 2 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2198	0002495	2197	166	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2199	0002496	2198	164	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2200	0002497	2199	164	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2201	0002498	2200	163	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2202	0002499	2201	162	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2203	0002500	2202	154	3	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2204	0002501	2203	154	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2205	0002502	2204	153	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2206	0002503	2205	151	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2207	0002504	2206	345	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2208	0002505	2207	147	4	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X04701	97	147	1	2139	2386
2209	0002506	2208	145	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2210	0002507	2209	144	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
2211	0002508	2210	143	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2212	0002509	2211	141	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2213	0002510	2212	137	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2214	0002511	2213	135	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2215	0002512	2214	135	13	0	0	0	0	0	0	1	0	1	8	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	M85289	99	132	1	14196	14327
2216	0002513	2215	133	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2217	0002514	2216	138	6	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1						
2218	0002515	2217	130	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2219	0002516	2218	176	5	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1							
2220	0002517	2219	130	6	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	J03746	97	127	1	784	909

【図125】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2244	0002546	2243	102	19	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0							
2245	0002547	2244	93	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2246	0002548	2245	92	5	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0							
2247	0002549	2246	91	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2248	0002551	2247	89	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2249	0002552	2248	88	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2250	0002553	2249	88	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2251	0002554	2250	88	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2252	0002555	2251	96	6	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2253	0002556	2252	86	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2254	0002557	2253	90	5	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2255	0002559	2254	85	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2256	0002560	2255	84	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2257	0002562	2256	80	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2258	0002563	2257	79	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2259	0002564	2258	78	4	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2260	0002565	2259	76	4	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2261	0002567	2260	74	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2262	0002568	2261	73	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2263	0002569	2262	73	3	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2264	0002570	2263	72	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2265	0002571	2264	74	6	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	2	0	0	1	0	0						
2266	0002572	2265	71	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 1 2 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
2267	0002573	2266	71	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2268	0002574	2267	71	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2269	0002575	2268	69	3	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2270	0002576	2269	69	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2271	0002577	2270	69	3	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2272	0002578	2271	68	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2273	0002580	2272	63	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2274	0002581	2273	63	4	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0						
2275	0002582	2274	85	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
2276	0002583	2275	60	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2277	0002585	2276	67	3	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
2278	0002586	2277	58	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2279	0002588	2278	55	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2280	0002589	2279	53	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2281	0002590	2280	53	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2282	0002591	2281	52	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2283	0002592	2282	50	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2284	0002593	2283	50	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2285	0002612	2284	290	3	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2286	0002627	2285	556	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2287	0002628	2286	527	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2288	0002629	2287	458	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2289	0002630	2288	452	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図127】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2290	0002631	2289	451	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2291	0002632	2290	446	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31899	96.4	446	1	2302	2751
2292	0002633	2291	424	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2293	0002634	2292	414	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2294	0002635	2293	281	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2295	0002637	2294	400	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2296	0002638	2295	400	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2297	0002639	2296	386	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2298	0002640	2297	384	9	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1						
2299	0002641	2298	383	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
2300	0002642	2299	424	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2301	0002643	2300	378	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2302	0002644	2301	370	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2303	0002645	2302	370	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2304	0002646	2303	367	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2305	0002648	2304	359	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2306	0002650	2305	357	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2307	0002651	2306	355	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2308	0002652	2307	354	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2309	0002653	2308	352	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2310	0002654	2309	351	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2311	0002656	2310	357	15	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	2	2	0	2	3	2	0	0	0	X00497	92.3	351	1	962	1304
2312	0002657	2311	344	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【图 1 2 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
2313	0002658	2312	462	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0									
2314	0002659	2313	341	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2315	0002660	2314	338	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2316	0002661	2315	441	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2317	0002662	2316	336	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2318	0002663	2317	363	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	
2319	0002664	2318	232	5	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	
2320	0002665	2319	330	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2321	0002666	2320	328	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2322	0002667	2321	327	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2323	0002668	2322	326	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2324	0002669	2323	322	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2325	0002670	2324	321	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2326	0002672	2325	319	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0								
2327	0002673	2326	326	5	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0									
2328	0002675	2327	313	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
2329	0002676	2328	364	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0									
2330	0002677	2329	308	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0									
2331	0002678	2330	306	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0									
2332	0002679	2331	305	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0								
2333	0002680	2332	303	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2334	0002681	2333	302	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2335	0002682	2334	301	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 1 2 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2336	0002684	2335	284	13	0	0	0	0	0	0	0	1	0	5	3	0	0	0	0	0	1	1	2	0	X14787	96.1	284	1	5182	5722
2337	0002685	2336	299	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2338	0002686	2337	297	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2339	0002687	2338	297	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2340	0002688	2339	297	2	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2341	0002689	2340	324	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2342	0002690	2341	291	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2343	0002691	2342	290	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M55542	97.6	289	1	2370	2881	
2344	0002692	2343	225	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2345	0002693	2344	285	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03553	97.8	276	1	504	991	
2346	0002694	2345	285	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2347	0002695	2346	283	5	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
2348	0002696	2347	283	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2349	0002697	2348	283	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2350	0002698	2349	282	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2351	0002699	2350	284	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2352	0002700	2351	280	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2353	0002701	2352	279	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2354	0002702	2353	278	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2355	0002703	2354	519	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2356	0002704	2355	272	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2357	0002705	2356	272	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2358	0002706	2357	273	13	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2359	0002707	2358	270	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2360	0002708	2359	353	7	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	1	0	0	0	0	1	0	1	0						
2361	0002709	2360	268	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29873	95.1	263	1	2644	2907
2362	0002710	2361	268	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2363	0002711	2362	268	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2364	0002712	2363	398	7	0	0	0	0	0	0	0	1	1	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	X53331	94.1	392	1	217	603
2365	0002713	2364	266	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2366	0002714	2365	265	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2367	0002715	2366	265	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2368	0002716	2367	379	14	0	0	0	0	0	0	0	2	8	0	1	1	0	0	0	2	0	0	0	0	X04412	93.6	375	1	2229	2602
2369	0002717	2368	261	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2370	0002718	2369	259	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2371	0002719	2370	296	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2372	0002721	2371	254	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2373	0002722	2372	253	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16562	98.4	252	1	3303	3653
2374	0002723	2373	253	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2375	0002724	2374	252	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00532	98.8	251	1	694	950
2376	0002725	2375	251	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2377	0002727	2376	308	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13748	96.3	218	87	1090	1383
2378	0002728	2377	245	4	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D16366	98	245	1	1	244
2379	0002729	2378	249	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2380	0002730	2379	240	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2381	0002731	2380	245	6	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	2	1	0	0	0						

【図131】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2382	0002732	2381	239	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2383	0002733	2382	239	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2384	0002734	2383	237	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2385	0002735	2384	236	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K03000	97	235	1	768	1560
2386	0002736	2385	236	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2387	0002737	2386	245	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2388	0002738	2387	231	4	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2389	0002739	2388	236	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2390	0002740	2389	235	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2391	0002741	2390	233	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2392	0002742	2391	232	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2393	0002743	2392	232	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2394	0002744	2393	232	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2395	0002745	2394	236	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2396	0002746	2395	229	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03503	99.1	226	1	1221	1446
2397	0002747	2396	227	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2398	0002749	2397	223	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2399	0002750	2398	221	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2400	0002751	2399	220	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2401	0002752	2400	220	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2402	0002753	2401	339	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2403	0002754	2402	219	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2404	0002755	2403	219	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 3 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2405	0002756	2404	218	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	XL5977	99.5	216	1	392	608
2406	0002758	2405	217	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2407	0002760	2406	216	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2408	0002761	2407	215	4	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
2409	0002762	2408	214	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2410	0002764	2409	212	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2411	0002765	2410	212	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2412	0002767	2411	213	6	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	0	1	1	0	0	0						
2413	0002768	2412	211	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2414	0002769	2413	211	6	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
2415	0002770	2414	205	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2416	0002771	2415	205	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2417	0002772	2416	205	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2418	0002773	2417	204	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2419	0002774	2418	203	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2420	0002775	2419	203	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2421	0002776	2420	205	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2422	0002777	2421	201	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	001740	99.5	200	1	8592	9009
2423	0002778	2422	200	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2424	0002779	2423	198	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2425	0002780	2424	198	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2426	0002781	2425	196	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2427	0002782	2426	359	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						

【図 133】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2428	0002783	2427	198	4	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0								
2429	0002785	2428	196	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M91211	96.9	163	1	1230	1391	
2430	0002786	2429	195	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2431	0002787	2430	194	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2432	0002788	2431	193	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2433	0002789	2432	193	3	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86667	99	192	1	1219	1560	
2434	0002790	2433	192	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83738	97.9	192	1	3744	3956	
2435	0002791	2434	276	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
2436	0002792	2435	190	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2437	0002793	2436	189	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0							
2438	0002794	2437	187	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2439	0002795	2438	187	6	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	3						
2440	0002796	2439	184	2	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2441	0002797	2440	181	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2442	0002798	2441	180	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2443	0002799	2442	186	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2444	0002800	2443	180	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2445	0002801	2444	180	6	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0							
2446	0002802	2445	179	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65018	98.2	171	1	1230	1410	
2447	0002803	2446	178	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2448	0002804	2447	178	3	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2449	0002805	2448	176	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2450	0002806	2449	175	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【图 1 3 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD	
2451	0002807	2450	174	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2452	0002808	2451	174	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70991	95.4	174	1	2015	2192	
2453	0002809	2452	172	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2454	0002810	2453	171	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2455	0002811	2454	170	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14665	100	165	1	3377	3541	
2456	0002812	2455	196	10	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	2							
2457	0002813	2456	216	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
2458	0002814	2457	173	8	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	3	2							
2459	0002815	2458	223	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0							
2460	0002816	2459	168	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2461	0002817	2460	168	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2462	0002818	2461	167	3	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2463	0002819	2462	167	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2464	0002820	2463	167	24	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	15	0	0	0	2	2	0	1	1	1	X02490	91.9	135	14	435	568	
2465	0002821	2464	407	4	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X68277	94.1	404	1	1601	2000	
2466	0002822	2465	166	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2467	0002823	2466	165	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1							
2468	0002824	2467	164	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2469	0002825	2468	164	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2470	0002826	2469	164	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2471	0002827	2470	162	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2472	0002828	2471	161	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2473	0002829	2472	159	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 135】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2474	0002830	2473	159	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2475	0002831	2474	158	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
2476	0002832	2475	157	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2477	0002833	2476	405	6	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0	MS1013	90.4	407	1	4603	5122	
2478	0002834	2477	156	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2479	0002835	2478	191	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0								
2480	0002836	2479	155	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	MS2449	90.7	150	1	1084	1233	
2481	0002837	2480	154	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2482	0002838	2481	154	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2483	0002839	2482	153	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2484	0002840	2483	153	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
2485	0002843	2484	152	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0								
2486	0002844	2485	151	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2487	0002845	2486	150	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2488	0002846	2487	149	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2489	0002847	2488	151	5	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2490	0002848	2489	147	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2491	0002849	2490	207	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2492	0002850	2491	146	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2493	0002851	2492	144	7	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	2							
2494	0002852	2493	143	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2495	0002853	2494	290	8	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	3	0	MS8366	98.3	287	1	1158	1444	
2496	0002854	2495	143	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図 1 3 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2497	0002855	2496	143	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J00271	95.7	138	5	1362	1703
2498	0002856	2497	140	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2499	0002857	2498	139	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2500	0002858	2499	139	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2501	0002859	2500	138	5	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
2502	0002860	2501	159	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2503	0002861	2502	137	9	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	3	0	1	0	0	1	1						
2504	0002862	2503	135	5	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2						
2505	0002863	2504	135	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2506	0002864	2505	135	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2507	0002865	2506	135	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X57347	94.8	134	1	509	1874
2508	0002866	2507	135	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2509	0002867	2508	134	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2510	0002868	2509	134	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2511	0002869	2510	133	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2512	0002870	2511	132	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2513	0002872	2512	131	3	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2514	0002873	2513	133	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
2515	0002874	2514	130	4	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
2516	0002875	2515	130	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2517	0002876	2516	129	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2518	0002877	2517	129	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2519	0002878	2518	129	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図137】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2520	0002879	2519	128	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2521	0002880	2520	127	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2522	0002881	2521	128	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2523	0002882	2522	125	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2524	0002883	2523	125	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2525	0002884	2524	124	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2526	0002885	2525	124	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2527	0002886	2526	123	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2528	0002887	2527	123	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2529	0002888	2528	121	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2530	0002889	2529	120	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95724	98.3	117	1	2991	3132
2531	0002890	2530	122	6	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0							
2532	0002891	2531	119	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2533	0002893	2532	118	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2534	0002894	2533	118	89	0	0	0	0	0	0	0	87	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
2535	0002895	2534	118	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2536	0002896	2535	118	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2537	0002897	2536	117	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2538	0002898	2537	116	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2539	0002899	2538	116	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2540	0002900	2539	117	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	X02751	98.3	117	1	333	2436
2541	0002901	2540	119	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
2542	0002902	2541	115	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2543	0002903	2542	119	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
2544	0002904	2543	114	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2545	0002905	2544	119	7	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	3	0	0	1	0	0	0	1							
2546	0002906	2545	113	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2547	0002907	2546	348	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0								
2548	0002908	2547	111	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2549	0002909	2548	110	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2550	0002910	2549	110	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
2551	0002911	2550	110	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2552	0002912	2551	109	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
2553	0002913	2552	109	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2554	0002914	2553	109	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2555	0002915	2554	107	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0							
2556	0002916	2555	112	7	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	3	0	0								
2557	0002917	2556	109	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
2558	0002919	2557	108	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2559	0002920	2558	311	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
2560	0002921	2559	107	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2561	0002922	2560	105	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2562	0002923	2561	103	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
2563	0002924	2562	104	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M31606	95.9	97	5	1475	1571	
2564	0002925	2563	103	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2565	0002926	2564	102	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

【図 1 3 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2566	0002927	2565	102	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2567	0002928	2566	101	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2568	0002929	2567	390	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
2569	0002930	2568	227	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2570	0002931	2569	106	11	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	5	0	1	0	0	2	D10653	100	100	1	1644	1743
2571	0002932	2570	99	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2572	0002933	2571	98	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2573	0002934	2572	97	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2574	0002935	2573	93	4	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2575	0002936	2574	92	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2576	0002937	2575	91	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2577	0002938	2576	96	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
2578	0002940	2577	88	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2579	0002942	2578	87	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2580	0002943	2579	227	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2581	0002944	2580	87	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2582	0002946	2581	86	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2583	0002947	2582	86	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2584	0002948	2583	85	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2585	0002949	2584	85	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2586	0002950	2585	85	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2587	0002951	2586	85	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2588	0002953	2587	84	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 140】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2589	0002955	2588	84	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0							
2590	0002957	2589	82	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2591	0002958	2590	82	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	860088	92.7	82	1	2535	4121	
2592	0002959	2591	81	5	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	2436
2593	0002960	2592	81	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2594	0002961	2593	81	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2595	0002962	2594	79	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2596	0002963	2595	79	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2597	0002964	2596	75	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2598	0002965	2597	73	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
2599	0002966	2598	72	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1100
2600	0002967	2599	72	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2440
2601	0002968	2600	72	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2602	0002969	2601	74	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2603	0002970	2602	71	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2604	0002971	2603	72	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0							
2605	0002972	2604	69	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2606	0002973	2605	69	6	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	500
2607	0002974	2606	68	7	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	3	0	0	1	0							
2608	0002975	2607	68	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2609	0002976	2608	68	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2610	0002977	2609	68	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2611	0002978	2610	67	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 1 4 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2612	0002979	2611	66	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
2613	0002980	2612	66	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2614	0002981	2613	64	4	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	84526	98.4	63	1	894	1071
2615	0002982	2614	63	4	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2616	0002983	2615	61	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
2617	0002984	2616	60	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2618	0002985	2617	58	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2757
2619	0002986	2618	58	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2620	0002987	2619	74	3	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2621	0002988	2620	57	3	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57501	98.2	57	1	1336	1400
2622	0002989	2621	56	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1408
2623	0002990	2622	55	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2624	0002991	2623	59	8	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0	2							
2625	0002992	2624	54	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2563
2626	0002993	2625	53	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2208
2627	0002994	2626	52	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2628	0002995	2627	52	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2629	0002996	2628	52	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2630	0002997	2629	52	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3414
2631	0002998	2630	51	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2632	0002999	2631	50	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2633	0003002	2632	50	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0							
2634	0003005	2633	51	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2635	0003028	2634	165	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
2636	0003030	2635	254	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0								
2637	0003031	2636	271	3	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0								
2638	0003053	2637	489	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2639	0003055	2638	471	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2640	0003056	2639	435	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02874	93.5	429	1	209	634	
2641	0003058	2640	411	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2642	0003059	2641	410	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2643	0003060	2642	408	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2644	0003061	2643	398	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2645	0003062	2644	394	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	D14662	97.1	375	1	1280	1653	
2646	0003063	2645	392	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2647	0003064	2646	385	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0								
2648	0003065	2647	385	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2649	0003066	2648	385	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2650	0003067	2649	381	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2651	0003068	2650	370	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2652	0003069	2651	344	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2653	0003070	2652	324	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
2654	0003071	2653	340	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2655	0003072	2654	335	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2656	0003073	2655	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
2657	0003074	2656	335	44	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	18	0	0	0	0	0	20	1	0	2	0	X14420	97.3	329	1	4459	5460

【図 1 4 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2658	0003075	2657	305	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	X61598	96.4	304	1	1507	1936
2659	0003077	2658	352	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	1						
2660	0003078	2659	321	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2661	0003079	2660	320	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2662	0003080	2661	303	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2663	0003081	2662	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2664	0003082	2663	314	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2665	0003083	2664	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2666	0003084	2665	308	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2667	0003085	2666	302	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2668	0003086	2667	302	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2669	0003087	2668	353	5	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	S45630	99.3	298	1	394	691	
2670	0003088	2669	296	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2671	0003089	2670	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2672	0003090	2671	290	7	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	3	0	1	0							
2673	0003091	2672	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2674	0003092	2673	287	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0						
2675	0003094	2674	281	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2676	0003095	2675	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12623	97.1	279	1	159	1187	
2677	0003096	2676	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2678	0003097	2677	274	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2679	0003098	2678	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2680	0003099	2679	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63546	91	266	7	7537	7878	

【図 1 4 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2681	0003100	2680	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2682	0003101	2681	268	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2683	0003102	2682	267	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
2684	0003103	2683	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2685	0003104	2684	265	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M27508	99.6	265	1	1741	2007
2686	0003105	2685	300	12	0	0	0	0	0	0	0	0	2	3	4	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
2687	0003106	2686	263	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X58295	99.2	256	1	1333	1606
2688	0003108	2687	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2689	0003109	2688	257	13	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2690	0003110	2689	257	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2691	0003111	2690	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2692	0003112	2691	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2693	0003115	2692	432	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	J03037	91.5	435	1	941	1551
2694	0003116	2693	250	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2695	0003117	2694	247	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2696	0003118	2695	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2697	0003119	2696	347	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
2698	0003120	2697	242	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2699	0003121	2698	410	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0						
2700	0003122	2699	240	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	1	J03544	96.6	236	1	3586	3616
2701	0003123	2700	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2702	0003124	2701	236	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2703	0003125	2702	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 145】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2704	0003126	2703	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2705	0003127	2704	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2706	0003128	2705	232	13	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0	2	1	0	0	1	4	1	0	X15480	96	224	1	500	725
2707	0003129	2706	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2708	0003131	2707	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2709	0003132	2708	222	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2710	0003133	2709	222	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2711	0003134	2710	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2712	0003135	2711	219	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2713	0003136	2712	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2714	0003138	2713	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2715	0003139	2714	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2716	0003140	2715	216	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2717	0003141	2716	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2718	0003142	2717	211	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	1	0	0	2	1	X13839	99.5	210	1	1121	1330
2719	0003145	2718	236	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
2720	0003146	2719	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2721	0003147	2720	206	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2722	0003148	2721	205	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	X51405	99.5	205	1	2216	2443
2723	0003149	2722	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2724	0003150	2723	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2725	0003151	2724	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z11793	93.9	197	1	154	2038
2726	0003152	2725	198	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0						

【図 1 4 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2727	0003153	2726	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2728	0003154	2727	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2729	0003155	2728	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2730	0003156	2729	192	12	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	2	1	0	6	0						
2731	0003157	2730	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2732	0003159	2731	189	3	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2733	0003160	2732	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2734	0003162	2733	187	4	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2735	0003163	2734	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2736	0003164	2735	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2737	0003166	2736	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2738	0003167	2737	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2739	0003168	2738	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2740	0003169	2739	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2741	0003170	2740	286	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2742	0003171	2741	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2743	0003172	2742	176	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2744	0003173	2743	396	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2745	0003175	2744	180	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2746	0003176	2745	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2747	0003177	2746	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2748	0003178	2747	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2749	0003179	2748	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図147】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2750	0003180	2749	178	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2751	0003181	2750	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2752	0003182	2751	170	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2753	0003183	2752	167	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2754	0003185	2753	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2755	0003186	2754	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2756	0003187	2755	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2757	0003188	2756	159	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2758	0003189	2757	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2759	0003190	2758	153	3	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2760	0003192	2759	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X67001	97.8	137	1	2676	2938
2761	0003193	2760	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2762	0003194	2761	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2763	0003195	2762	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2764	0003196	2763	145	6	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	1	1	1						
2765	0003197	2764	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2766	0003198	2765	142	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2767	0003200	2766	142	47	0	0	0	0	0	0	0	0	4	4	20	0	0	0	0	0	0	0	0	1	J03040	97.9	142	1	1968	2133
2768	0003201	2767	141	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2769	0003202	2768	140	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2770	0003204	2769	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2771	0003205	2770	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2772	0003206	2771	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 4 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2773	0003207	2772	141	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	1	0	1	0	0						
2774	0003208	2773	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2775	0003212	2774	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2776	0003213	2775	129	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2777	0003214	2776	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2778	0003215	2777	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2779	0003216	2778	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D10040	95.3	127	1	3055	3634
2780	0003217	2779	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2781	0003218	2780	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2782	0003219	2781	128	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
2783	0003220	2782	126	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2784	0003221	2783	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2785	0003222	2784	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2786	0003223	2785	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	853910	98.4	124	1	2325	2463
2787	0003224	2786	131	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2788	0003225	2787	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2789	0003227	2788	388	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	KL3519	96.1	387	1	1250	1832
2790	0003229	2789	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2791	0003230	2790	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2792	0003231	2791	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2793	0003233	2792	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2794	0003234	2793	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2795	0003235	2794	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図149】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2796	0003236	2795	217	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2797	0003237	2796	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2798	0003239	2797	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2799	0003240	2798	324	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0							
2800	0003241	2799	191	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
2801	0003242	2800	111	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2802	0003243	2801	109	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2803	0003244	2802	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2804	0003245	2803	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2805	0003247	2804	108	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2806	0003248	2805	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2807	0003249	2806	124	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0						
2808	0003251	2807	104	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2809	0003252	2808	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2810	0003253	2809	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2811	0003255	2810	124	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2							
2812	0003257	2811	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2813	0003258	2812	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2814	0003259	2813	100	6	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	IL9182	93.9	93	1	1010	1115
2815	0003261	2814	98	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2816	0003263	2815	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ML5856	96.8	94	1	3055	3549
2817	0003264	2816	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98398	96.9	96	1	1840	1942
2818	0003267	2817	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 150】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2819	0003268	2818	93	4	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2820	0003271	2819	89	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2821	0003274	2820	95	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	MB4526	100	93	1	720	1071
2822	0003279	2821	84	6	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	2						
2823	0003281	2822	79	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2824	0003282	2823	79	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2825	0003283	2824	77	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2826	0003284	2825	77	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2827	0003285	2826	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2828	0003286	2827	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2829	0003289	2828	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08647	100	71	1	533	603
2830	0003294	2829	73	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3						
2831	0003296	2830	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2832	0003297	2831	66	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2833	0003299	2832	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15977	96.7	60	1	549	608
2834	0003300	2833	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2835	0003304	2834	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16940	94.7	57	1	1224	1279
2836	0003305	2835	68	12	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	2	2	2	0	2	0						
2837	0003306	2836	58	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2838	0003307	2837	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2839	0003308	2838	57	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2840	0003310	2839	56	5	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
2841	0003311	2840	59	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						

【図151】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2842	0003312	2841	55	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2843	0003313	2842	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2844	0003315	2843	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2845	0003317	2844	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2846	0003318	2845	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2847	0003319	2846	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2848	0003324	2847	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X05978	100	48	1	362	439
2849	0003325	2848	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2850	0003326	2849	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2851	0003331	2850	55	24	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	10	1	0	0	0	6	2	0	3	0						
2852	0003332	2851	53	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
2853	0003356	2852	131	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M68510	100	128	1	3228	3355
2854	0003374	2853	431	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14658	96.5	429	1	889	1370
2855	0003375	2854	429	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2856	0003376	2855	427	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2857	0003377	2856	306	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
2858	0003378	2857	398	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2859	0003379	2858	395	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	M65028	98	394	1	1021	1357
2860	0003380	2859	388	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M24070	96.1	386	1	1063	1452
2861	0003381	2860	80	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2862	0003382	2861	394	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
2863	0003383	2862	376	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2864	0003384	2863	370	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 152】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2865	0003385	2864	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2866	0003386	2865	366	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2867	0003387	2866	365	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2868	0003388	2867	353	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
2869	0003389	2868	363	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2870	0003390	2869	361	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2871	0003391	2870	325	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X04744	93.2	325	1	1304	1962
2872	0003392	2871	344	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2873	0003393	2872	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15606	96.2	339	1	704	1041
2874	0003394	2873	333	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
2875	0003395	2874	348	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2876	0003396	2875	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2877	0003397	2876	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2878	0003398	2877	331	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2879	0003399	2878	351	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2880	0003400	2879	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2881	0003401	2880	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2882	0003402	2881	395	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	X72841	95.2	394	1	1556	1943
2883	0003403	2882	330	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2884	0003404	2883	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2885	0003405	2884	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2886	0003406	2885	328	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2887	0003407	2886	327	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 153】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2888	0003408	2887	327	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2889	0003409	2888	326	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2890	0003410	2889	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2891	0003411	2890	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2892	0003412	2891	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2893	0003413	2892	323	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X66397	97.2	323	1	7170	7496	
2894	0003414	2893	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2895	0003415	2894	319	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2896	0003416	2895	319	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
2897	0003417	2896	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2898	0003418	2897	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2899	0003419	2898	307	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	6	0	0	0	0	0	0	0	0							
2900	0003420	2899	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2901	0003421	2900	305	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0							
2902	0003422	2901	305	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2903	0003423	2902	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2904	0003424	2903	351	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X629536	95.1	350	1	970	1416	
2905	0003426	2904	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2906	0003427	2905	297	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2907	0003428	2906	296	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2908	0003429	2907	296	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0						
2909	0003430	2908	356	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
2910	0003431	2909	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
2911	0003432	2910	289	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2912	0003433	2911	286	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2913	0003434	2912	286	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2914	0003435	2913	285	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2915	0003436	2914	284	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
2916	0003437	2915	283	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2917	0003438	2916	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2918	0003439	2917	278	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X14957	96	278	1	1629	1907
2919	0003440	2918	276	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2920	0003441	2919	274	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	M86667	97.6	83	1	1085	1560
2921	0003442	2920	273	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2922	0003443	2921	352	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	4	1	0						
2923	0003444	2922	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2924	0003445	2923	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2925	0003446	2924	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2926	0003447	2925	264	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	854769	96.2	264	1	161	429
2927	0003448	2926	257	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2928	0003449	2927	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2929	0003450	2928	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2930	0003451	2929	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2931	0003452	2930	254	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2932	0003453	2931	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2933	0003454	2932	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 5 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
2934	0003455	2933	254	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0							
2935	0003456	2934	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2936	0003457	2935	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2937	0003458	2936	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98479	95.1	247	1	1311	1557
2938	0003459	2937	249	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2939	0003460	2938	245	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	3	0	0	1	0	05481	95.5	242	1	2363	2620	
2940	0003461	2939	384	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0							
2941	0003462	2940	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2942	0003463	2941	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2943	0003464	2942	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2944	0003465	2943	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2945	0003466	2944	347	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2946	0003467	2945	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2947	0003468	2946	271	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0							
2948	0003469	2947	235	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	014134	100	234	1	1436	2229
2949	0003470	2948	234	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2950	0003471	2949	233	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2951	0003472	2950	231	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2952	0003473	2951	231	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
2953	0003474	2952	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2954	0003476	2953	327	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2955	0003477	2954	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2956	0003478	2955	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図156】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2957	0003479	2956	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2958	0003480	2957	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2959	0003481	2958	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2960	0003482	2959	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2961	0003483	2960	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2962	0003484	2961	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2963	0003485	2962	212	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M6342	98.6	210	1	1079	1666
2964	0003486	2963	212	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	1	0						
2965	0003487	2964	212	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2966	0003488	2965	211	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2967	0003489	2966	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2968	0003490	2967	208	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2969	0003491	2968	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2970	0003492	2969	203	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2971	0003493	2970	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2972	0003494	2971	200	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2973	0003495	2972	199	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2974	0003496	2973	319	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
2975	0003497	2974	193	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M34671	100	191	1	917	1671
2976	0003498	2975	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2977	0003499	2976	193	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
2978	0003500	2977	192	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2979	0003501	2978	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図157】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
2980	0003502	2979	190	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0						
2981	0003503	2980	193	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
2982	0003504	2981	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2983	0003505	2982	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2984	0003506	2983	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2985	0003507	2984	176	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2986	0003508	2985	172	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2987	0003509	2986	172	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
2988	0003510	2987	170	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2989	0003511	2988	354	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
2990	0003512	2989	258	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2991	0003513	2990	81	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2992	0003514	2991	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2993	0003515	2992	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2994	0003516	2993	225	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
2995	0003517	2994	168	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2996	0003518	2995	167	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	195929	100	96	1	1335	1433
2997	0003519	2996	167	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2998	0003520	2997	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2999	0003521	2998	166	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	113597	97.6	166	1	2220	3511
3000	0003522	2999	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3001	0003523	3000	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3002	0003524	3001	163	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						

【図 158】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3003	0003525	3002	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3004	0003526	3003	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M3308	100	161	1	4937	5102
3005	0003527	3004	161	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3006	0003528	3005	161	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3007	0003529	3006	160	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	2	0	1	1						
3008	0003530	3007	157	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3009	0003531	3008	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3010	0003532	3009	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3011	0003533	3010	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3012	0003534	3011	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3013	0003535	3012	156	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0						
3014	0003536	3013	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3015	0003537	3014	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3016	0003538	3015	153	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3017	0003539	3016	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3018	0003540	3017	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3019	0003541	3018	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3020	0003542	3019	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3021	0003543	3020	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3022	0003544	3021	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3023	0003545	3022	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3024	0003546	3023	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3025	0003547	3024	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 159】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3026	0003548	3025	241	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
3027	0003549	3026	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3028	0003550	3027	148	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
3029	0003551	3028	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3030	0003552	3029	171	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3031	0003553	3030	145	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
3032	0003554	3031	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3033	0003555	3032	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3034	0003556	3033	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3035	0003557	3034	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3036	0003558	3035	147	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0							
3037	0003559	3036	140	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3038	0003560	3037	153	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0						
3039	0003561	3038	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3040	0003562	3039	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3041	0003563	3040	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3042	0003564	3041	206	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	2						
3043	0003565	3042	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3044	0003566	3043	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	022637	100	127	1	1222	1348
3045	0003567	3044	129	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
3046	0003568	3045	129	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3047	0003569	3046	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3048	0003570	3047	140	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	1	0	0	0							

【図 1 6 0】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3049	0003571	3048	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3050	0003572	3049	223	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0								
3051	0003573	3050	132	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	4	J04615	99.2	129	1	1198	1326	
3052	0003574	3051	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3053	0003575	3052	123	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0							
3054	0003576	3053	270	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
3055	0003577	3054	127	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0							
3056	0003578	3055	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3057	0003579	3056	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M61764	94.4	108	1	1460	1568	
3058	0003580	3057	176	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
3059	0003581	3058	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3060	0003582	3059	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3061	0003583	3060	132	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	M10321	95.4	131	1	5755	6360	
3062	0003584	3061	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03171	100	115	1	2641	2755	
3063	0003585	3062	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3064	0003586	3063	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3065	0003587	3064	116	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0								
3066	0003588	3065	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3067	0003589	3066	116	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
3068	0003590	3067	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
3069	0003591	3068	179	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	1	0	2	0	2	0	L06328	97.8	179	1	1061	1404	
3070	0003592	3069	239	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X59543	97.1	238	1	2559	3075	
3071	0003593	3070	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3072	0003594	3071	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3073	0003595	3072	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3074	0003596	3073	113	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	95.5	111	1	479	978
3075	0003597	3074	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3076	0003598	3075	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3077	0003599	3076	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.3	98	52	8	1760
3078	0003600	3077	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3079	0003602	3078	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3080	0003603	3079	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3081	0003604	3080	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3082	0003605	3081	238	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3083	0003606	3082	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3084	0003607	3083	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3085	0003608	3084	159	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0						
3086	0003609	3085	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3087	0003610	3086	186	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	93.4	182	1	3284	3798
3088	0003611	3087	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3089	0003612	3088	98	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3090	0003613	3089	98	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3091	0003614	3090	107	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3092	0003615	3091	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3093	0003616	3092	95	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3094	0003617	3093	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図162】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3095	0003618	3094	183	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3096	0003619	3095	91	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3097	0003620	3096	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3098	0003621	3097	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3099	0003622	3098	91	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3100	0003623	3099	238	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	ML1718	95	238	1	920	1317
3101	0003624	3100	196	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
3102	0003625	3101	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3103	0003626	3102	90	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3104	0003627	3103	89	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	X63564	100	86	1	6647	6732
3105	0003628	3104	88	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3106	0003629	3105	85	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	2	0	1	0	0						
3107	0003631	3106	89	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
3108	0003632	3107	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3109	0003633	3108	82	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3110	0003634	3109	81	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	1	0	0	1	3						
3111	0003635	3110	79	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3112	0003636	3111	78	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3113	0003637	3112	77	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3114	0003638	3113	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3115	0003639	3114	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3116	0003640	3115	78	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3117	0003641	3116	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3118	0003642	3117	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3119	0003643	3118	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3120	0003644	3119	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3121	0003645	3120	69	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3122	0003646	3121	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3123	0003647	3122	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3124	0003648	3123	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3125	0003649	3124	64	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	1	0	0	1	0	0	1	0						
3126	0003650	3125	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3127	0003651	3126	68	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
3128	0003652	3127	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3129	0003653	3128	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3130	0003654	3129	55	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3131	0003655	3130	53	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3132	0003659	3131	51	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
3133	0003661	3132	76	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3134	0003679	3133	451	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3135	0003680	3134	445	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3136	0003681	3135	439	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X62320	95.1	430	1	1700	2152
3137	0003682	3136	431	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3138	0003683	3137	427	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3139	0003684	3138	423	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3140	0003685	3139	421	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 164】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3141	0003686	3140	410	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3142	0003688	3141	402	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3143	0003689	3142	409	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
3144	0003690	3143	400	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	J04164	96.7	399	1	388	853	
3145	0003691	3144	337	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
3146	0003693	3145	397	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3147	0003694	3146	236	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	ML9311	90	249	1	697	1126	
3148	0003695	3147	391	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3149	0003696	3148	389	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3150	0003697	3149	380	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3151	0003698	3150	352	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2	1	4	1	1						
3152	0003699	3151	375	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3153	0003701	3152	369	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X71973	97.8	358	1	524	896	
3154	0003702	3153	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3155	0003703	3154	366	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3156	0003704	3155	364	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3157	0003705	3156	963	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3158	0003707	3157	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64571	92.1	353	1	4646	5022	
3159	0003708	3158	358	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M94556	98.3	355	1	275	628	
3160	0003709	3159	356	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
3161	0003710	3160	325	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2							
3162	0003711	3161	352	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3163	0003712	3162	349	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						

【図 165】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3164	0003713	3163	348	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3165	0003714	3164	348	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3166	0003715	3165	370	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3167	0003716	3166	370	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0						
3168	0003717	3167	346	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3169	0003718	3168	344	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3170	0003719	3169	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3171	0003720	3170	339	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3172	0003721	3171	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3173	0003722	3172	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3174	0003723	3173	334	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3175	0003724	3174	330	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
3176	0003725	3175	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3177	0003726	3176	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3178	0003727	3177	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3179	0003728	3178	327	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3180	0003729	3179	324	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3181	0003730	3180	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3182	0003731	3181	320	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
3183	0003732	3182	320	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3184	0003733	3183	319	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3185	0003734	3184	303	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	0	0	0						
3186	0003736	3185	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 6 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3187	0003737	3186	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3188	0003738	3187	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3189	0003739	3188	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3190	0003740	3189	306	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0								
3191	0003741	3190	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3192	0003742	3191	305	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3193	0003743	3192	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	121186	97.3	300	1	2029	2328
3194	0003744	3193	303	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0							
3195	0003745	3194	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3196	0003746	3195	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3197	0003747	3196	298	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3198	0003748	3197	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3199	0003749	3198	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3200	0003750	3199	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3201	0003751	3200	211	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
3202	0003752	3201	294	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	4	0							
3203	0003753	3202	293	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
3204	0003754	3203	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3205	0003755	3204	394	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	4	0	0	X02598	97.7	393	1	227	760	
3206	0003756	3205	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00285	96.6	58	1	6745	9090
3207	0003757	3206	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3208	0003758	3207	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D90228	97.6	287	1	1184	1518
3209	0003759	3208	285	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図167】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3210	0003760	3209	284	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3211	0003761	3210	281	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0							
3212	0003762	3211	279	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3213	0003763	3212	277	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3214	0003764	3213	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3215	0003765	3214	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S43246	91.2	57	11	2387	2886
3216	0003766	3215	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36035	92.6	272	1	392	821
3217	0003767	3216	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3218	0003768	3217	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3219	0003769	3218	267	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X51699	96.7	241	1	211	451
3220	0003770	3219	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3221	0003771	3220	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3222	0003772	3221	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3223	0003773	3222	260	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3224	0003774	3223	225	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
3225	0003775	3224	215	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	I11373	95.8	212	1	4478	4688
3226	0003776	3225	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3227	0003777	3226	256	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3228	0003778	3227	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3229	0003779	3228	252	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3230	0003780	3229	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03459	99.6	246	1	1815	2060
3231	0003781	3230	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3232	0003782	3231	251	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	D13636	97.2	248	1	3347	3594

【図168】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3233	0003783	3232	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3234	0003784	3233	250	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3235	0003785	3234	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3236	0003786	3235	250	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3237	0003787	3236	252	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
3238	0003788	3237	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3239	0003789	3238	227	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	1	0	0	1						
3240	0003790	3239	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3241	0003791	3240	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3242	0003792	3241	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3243	0003793	3242	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3244	0003794	3243	242	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
3245	0003795	3244	242	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3246	0003796	3245	241	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3247	0003797	3246	240	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3248	0003798	3247	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3249	0003799	3248	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3250	0003800	3249	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3251	0003801	3250	515	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3252	0003802	3251	227	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	D13639	100	224	1	6255	6478
3253	0003803	3252	224	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3254	0003804	3253	310	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	1						
3255	0003805	3254	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 169】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3256	0003806	3255	219	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0								
3257	0003807	3256	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3258	0003808	3257	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3259	0003809	3258	217	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0								
3260	0003810	3259	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3261	0003811	3260	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3262	0003812	3261	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0								
3263	0003813	3262	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3264	0003814	3263	212	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3265	0003815	3264	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3266	0003816	3265	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3267	0003817	3266	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3268	0003818	3267	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3269	0003819	3268	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3270	0003820	3269	209	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
3271	0003821	3270	334	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0							
3272	0003822	3271	207	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1							
3273	0003823	3272	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3274	0003824	3273	201	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0								
3275	0003825	3274	199	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
3276	0003826	3275	391	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
3277	0003827	3276	194	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
3278	0003828	3277	190	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図170】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3279	0003829	3278	190	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3280	0003830	3279	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3281	0003831	3280	188	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3282	0003832	3281	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3283	0003833	3282	184	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3284	0003834	3283	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3285	0003835	3284	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3286	0003836	3285	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3287	0003837	3286	227	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	7	1	0	0	0						
3288	0003838	3287	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04665	100	171	1	3674	4434
3289	0003839	3288	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X61123	95.3	170	1	1050	1783
3290	0003840	3289	170	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3291	0003841	3290	168	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3292	0003842	3291	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3293	0003843	3292	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3294	0003844	3293	166	45	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	8	3	0	9	0	J03464	96.9	162	1	4723	5416
3295	0003845	3294	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3296	0003846	3295	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3297	0003847	3296	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08246	97.5	163	1	2385	3934
3298	0003848	3297	164	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3299	0003849	3298	162	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3300	0003850	3299	162	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3301	0003851	3300	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図171】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3302	0003852	3301	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3303	0003853	3302	159	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0							
3304	0003854	3303	158	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3305	0003855	3304	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3306	0003856	3305	390	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
3307	0003857	3306	156	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
3308	0003859	3307	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3309	0003860	3308	137	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
3310	0003861	3309	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3311	0003862	3310	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3312	0003863	3311	153	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3313	0003864	3312	144	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	1	0	0	0	0	113803	99.3	143	1	35	312
3314	0003865	3313	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3315	0003866	3314	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3316	0003867	3315	157	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	5	3	3	1	0	1081457	99.3	145	1	465	609
3317	0003868	3316	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3318	0003869	3317	332	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	1						
3319	0003870	3318	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3320	0003871	3319	355	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3321	0003872	3320	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3322	0003873	3321	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3323	0003874	3322	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3324	0003875	3323	147	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 172】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3325	0003876	3324	147	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0							
3326	0003877	3325	150	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0							
3327	0003878	3326	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3328	0003879	3327	143	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	3	0							
3329	0003880	3328	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3330	0003881	3329	142	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3331	0003882	3330	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3332	0003883	3331	141	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3333	0003884	3332	139	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3334	0003885	3333	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3335	0003886	3334	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3336	0003887	3335	136	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3337	0003888	3336	135	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
3338	0003889	3337	133	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0							
3339	0003890	3338	132	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0							
3340	0003891	3339	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3341	0003892	3340	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3342	0003893	3341	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3343	0003894	3342	131	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3344	0003895	3343	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3345	0003896	3344	433	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	2	0	0	0	0	D10522	96.1	407	1	1997	2589
3346	0003897	3345	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3347	0003898	3346	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図 173】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3348	0003899	3347	128	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3349	0003900	3348	127	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3350	0003901	3349	131	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0	0	0	0	1						
3351	0003902	3350	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3352	0003903	3351	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3353	0003904	3352	122	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3354	0003905	3353	122	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
3355	0003906	3354	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3356	0003907	3355	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	IL3923	100	116	1	9539	9662	
3357	0003908	3356	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3358	0003909	3357	273	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	ML4676	94.5	273	1	2088	2435
3359	0003910	3358	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3360	0003911	3359	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3361	0003912	3360	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3362	0003913	3361	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3363	0003914	3362	312	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	556151	93.2	293	1	979	1270
3364	0003915	3363	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3365	0003916	3364	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3366	0003917	3365	116	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3367	0003918	3366	116	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3368	0003919	3367	116	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	IL12350	94.7	113	1	5395	5784
3369	0003920	3368	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3370	0003921	3369	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 174】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3371	0003922	3370	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3372	0003923	3371	113	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3373	0003924	3372	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3374	0003925	3373	117	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
3375	0003926	3374	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3376	0003927	3375	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3377	0003928	3376	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3378	0003929	3377	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3379	0003930	3378	110	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3380	0003931	3379	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X1580	93.6	110	1	1128	2291
3381	0003932	3380	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3382	0003933	3381	213	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3383	0003934	3382	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3384	0003935	3383	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3385	0003936	3384	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3386	0003937	3385	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3387	0003938	3386	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3388	0003939	3387	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3389	0003940	3388	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31211	95.8	96	1	662	757
3390	0003941	3389	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3391	0003942	3390	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3392	0003943	3391	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3393	0003944	3392	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 175】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3394	0003945	3393	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3395	0003946	3394	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3396	0003947	3395	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3397	0003948	3396	97	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
3398	0003949	3397	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3399	0003951	3398	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3400	0003952	3399	93	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3401	0003954	3400	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3402	0003955	3401	91	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3403	0003956	3402	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3404	0003958	3403	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3405	0003959	3404	88	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3406	0003960	3405	88	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3407	0003961	3406	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3408	0003962	3407	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3409	0003963	3408	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M76729	92.9	84	1	6245	7138
3410	0003964	3409	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3411	0003965	3410	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3412	0003966	3411	88	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	9	0	0	5	M35618	95.5	88	1	7295	7390	
3413	0003967	3412	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L13210	98.6	73	1	2185	2257	
3414	0003968	3413	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3415	0003969	3414	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3416	0003971	3415	67	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	2						

【図 176】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3417	0003972	3416	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3418	0003973	3417	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3419	0003974	3418	65	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0							
3420	0003975	3419	64	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
3421	0003976	3420	65	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0							
3422	0003977	3421	63	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0							
3423	0003978	3422	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3424	0003979	3423	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3425	0003980	3424	61	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	1	0	X52947	100	58	1	2981	3038
3426	0003981	3425	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3427	0003982	3426	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3428	0003984	3427	59	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
3429	0003985	3428	58	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0							
3430	0003986	3429	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3431	0003987	3430	121	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0							
3432	0003988	3431	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3433	0003989	3432	60	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	2						
3434	0003993	3433	53	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0							
3435	0004020	3434	521	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3436	0004021	3435	501	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
3437	0004022	3436	485	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	DL3641	93.5	431	1	2737	3259
3438	0004023	3437	471	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3439	0004024	3438	466	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							

【図177】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3440	0004025	3439	464	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3441	0004026	3440	302	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	1	2	2	1	X05236	95	301	1	947	1440
3442	0004028	3441	452	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3443	0004029	3442	450	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3444	0004030	3443	444	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3445	0004031	3444	439	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3446	0004032	3445	437	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3447	0004033	3446	424	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3448	0004034	3447	422	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3449	0004035	3448	408	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3450	0004036	3449	378	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M80783	98	375	1	3139	3512
3451	0004037	3450	376	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3452	0004039	3451	368	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3453	0004040	3452	374	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	M83088	96	365	1	1957	2320
3454	0004041	3453	369	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
3455	0004042	3454	358	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3456	0004044	3455	354	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
3457	0004045	3456	354	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
3458	0004046	3457	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3459	0004047	3458	348	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0						
3460	0004048	3459	346	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3461	0004049	3460	346	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	S45936	96	350	1	2281	2687
3462	0004050	3461	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図178】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3463	0004051	3462	333	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0							
3464	0004052	3463	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3465	0004053	3464	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3466	0004054	3465	339	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	4	0	0	0	0	3						
3467	0004055	3466	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3468	0004056	3467	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3469	0004057	3468	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X02160	100	154	1	1927	5180
3470	0004058	3469	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3471	0004059	3470	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3472	0004060	3471	329	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	1						
3473	0004061	3472	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M88458	94	325	1	536	1180
3474	0004062	3473	324	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3475	0004063	3474	339	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0						
3476	0004064	3475	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3477	0004065	3476	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3478	0004066	3477	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3479	0004067	3478	309	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
3480	0004068	3479	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3481	0004069	3480	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3482	0004070	3481	351	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	M15042	94	317	1	2560	2929
3483	0004071	3482	305	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3484	0004072	3483	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3485	0004073	3484	303	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3486	0004074	3485	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M62831	97	300	1	1467	1811
3487	0004075	3486	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3488	0004076	3487	415	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	X53143	98	273	1	379	651
3489	0004077	3488	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3490	0004078	3489	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3491	0004079	3490	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3492	0004080	3491	300	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	1	2	0						
3493	0004081	3492	287	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3494	0004082	3493	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3495	0004083	3494	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3496	0004084	3495	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3497	0004085	3496	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3498	0004087	3497	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3499	0004088	3498	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L11315	95	271	1	3144	3741
3500	0004089	3499	270	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	D00099	97	270	1	3174	4108
3501	0004090	3500	267	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	M58459	100	264	1	594	870
3502	0004091	3501	263	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	L08044	92	243	1	166	398
3503	0004092	3502	257	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	M35252	99	250	1	836	1104
3504	0004093	3503	255	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
3505	0004094	3504	255	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0						
3506	0004095	3505	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3507	0004096	3506	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3508	0004097	3507	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 180】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3509	0004098	3508	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65131	95	246	1	237	2798
3510	0004099	3509	183	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0							
3511	0004100	3510	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14658	100	243	1	452	1370
3512	0004101	3511	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03363	99	236	1	4238	4473
3513	0004102	3512	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3514	0004103	3513	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M24048	97	235	1	1113	1347	
3515	0004104	3514	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3516	0004105	3515	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X53578	97	233	1	1795	2043	
3517	0004106	3516	243	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1							
3518	0004107	3517	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	J04501	98	223	1	3309	3531	
3519	0004108	3518	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3520	0004109	3519	224	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3521	0004110	3520	294	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0							
3522	0004111	3521	221	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M37197	93	219	1	2983	3216	
3523	0004112	3522	220	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0							
3524	0004113	3523	219	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3525	0004114	3524	215	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0							
3526	0004115	3525	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3527	0004116	3526	212	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	2	0	0	0	M93036	97	212	1	413	672	
3528	0004117	3527	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3529	0004118	3528	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3530	0004119	3529	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3531	0004120	3530	321	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3532	0004121	3531	205	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3533	0004122	3532	205	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3534	0004123	3533	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3535	0004125	3534	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3536	0004126	3535	200	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3537	0004127	3536	209	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0							
3538	0004128	3537	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3539	0004129	3538	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3540	0004130	3539	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3541	0004131	3540	187	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0		M75099	97	186	1	377	562
3542	0004132	3541	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3543	0004133	3542	177	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	2	0	1						
3544	0004134	3543	173	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	M75099	98	173	1	345	562
3545	0004135	3544	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3546	0004136	3545	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M34079	96	168	1	1172	1341
3547	0004137	3546	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3548	0004139	3547	165	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
3549	0004140	3548	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X56976	93	164	1	3066	3419
3550	0004141	3549	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3551	0004142	3550	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3552	0004143	3551	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3553	0004144	3552	159	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	5	1	X69654	99	156	1	283	438
3554	0004145	3553	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							

【図 182】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3555	0004146	3554	391	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
3556	0004147	3555	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3557	0004148	3556	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3558	0004149	3557	151	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3559	0004150	3558	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3560	0004151	3559	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3561	0004152	3560	148	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1M73547		96	148	1	2918	3178
3562	0004153	3561	147	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
3563	0004154	3562	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3564	0004155	3563	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3565	0004156	3564	140	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3566	0004157	3565	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3567	0004158	3566	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3568	0004159	3567	136	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
3569	0004160	3568	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3570	0004161	3569	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3571	0004162	3570	134	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1						
3572	0004163	3571	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3573	0004164	3572	132	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3574	0004165	3573	154	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	1	0	J03592	96	127	1	980	1116
3575	0004166	3574	133	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0						
3576	0004167	3575	125	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0						
3577	0004169	3576	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 183】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3578	0004170	3577	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3579	0004171	3578	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3580	0004172	3579	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3581	0004173	3580	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3582	0004174	3581	120	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0						
3583	0004175	3582	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3584	0004176	3583	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3585	0004177	3584	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3586	0004178	3585	116	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3587	0004179	3586	82	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
3588	0004180	3587	157	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3589	0004181	3588	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3590	0004182	3589	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3591	0004183	3590	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3592	0004184	3591	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3593	0004186	3592	95	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
3594	0004187	3593	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3595	0004188	3594	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3596	0004189	3595	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3597	0004190	3596	90	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0						
3598	0004191	3597	87	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	003058	100	81	1	1422	1502	
3599	0004192	3598	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3600	0004193	3599	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0096684	99	83	1	1027	1144	

【図 1 8 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3601	0004194	3600	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3602	0004195	3601	80	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3603	0004196	3602	112	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3604	0004197	3603	74	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
3605	0004198	3604	74	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3606	0004199	3605	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3607	0004200	3606	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3608	0004201	3607	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3609	0004202	3608	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3610	0004203	3609	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3611	0004204	3610	153	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
3612	0004205	3611	64	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3613	0004206	3612	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3614	0004207	3613	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3615	0004210	3614	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3616	0004211	3615	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3617	0004212	3616	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3618	0004213	3617	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3619	0004214	3618	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3620	0004215	3619	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3621	0004216	3620	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3622	0004218	3621	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3623	0004219	3622	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 8 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3624	0004220	3623	SL	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3625	0004247	3624	466	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	M94630	96	328	1	767	1154
3626	0004248	3625	429	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3627	0004249	3626	419	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3628	0004250	3627	419	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3629	0004252	3628	404	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3630	0004253	3629	403	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3631	0004256	3630	396	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3632	0004257	3631	392	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3633	0004258	3632	392	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3634	0004259	3633	391	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3635	0004261	3634	386	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3636	0004264	3635	375	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3637	0004265	3636	372	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3638	0004266	3637	372	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
3639	0004267	3638	370	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
3640	0004268	3639	370	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3641	0004269	3640	368	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
3642	0004270	3641	364	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3643	0004271	3642	363	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3644	0004272	3643	361	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3645	0004273	3644	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3646	0004274	3645	356	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図186】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3647	0004275	3646	355	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3648	0004276	3647	352	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3649	0004278	3648	348	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	1					
3650	0004279	3649	347	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3651	0004280	3650	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3652	0004281	3651	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3653	0004282	3652	340	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3654	0004284	3653	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3655	0004285	3654	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3656	0004286	3655	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3657	0004287	3656	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3658	0004288	3657	390	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	X58141	96	356	1	3557	3936
3659	0004289	3658	73	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3660	0004290	3659	328	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3661	0004291	3660	328	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3662	0004292	3661	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3663	0004293	3662	326	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
3664	0004294	3663	325	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1						
3665	0004295	3664	390	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
3666	0004296	3665	324	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3667	0004297	3666	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3668	0004298	3667	320	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3669	0004299	3668	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 8 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3670	0004300	3669	318	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3671	0004302	3670	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3672	0004303	3671	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3673	0004304	3672	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3674	0004305	3673	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3675	0004306	3674	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3676	0004307	3675	374	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
3677	0004308	3676	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3678	0004309	3677	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3679	0004310	3678	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3680	0004311	3679	347	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0						
3681	0004312	3680	312	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0						
3682	0004313	3681	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3683	0004314	3682	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3684	0004315	3683	351	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3685	0004316	3684	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3686	0004317	3685	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3687	0004318	3686	302	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3688	0004319	3687	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3689	0004320	3688	300	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
3690	0004321	3689	299	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
3691	0004322	3690	417	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	1	0	1	1	0	2	2	MB6400	100	415	1	2379	2834
3692	0004323	3691	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

【図188】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3693	0004324	3692	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3694	0004325	3693	293	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
3695	0004326	3694	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3696	0004327	3695	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3697	0004328	3696	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3698	0004329	3697	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3699	0004330	3698	288	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
3700	0004331	3699	285	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3701	0004332	3700	285	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3702	0004333	3701	282	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3703	0004334	3702	303	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
3704	0004335	3703	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3705	0004336	3704	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3706	0004337	3705	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3707	0004339	3706	269	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0							
3708	0004340	3707	266	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0							
3709	0004341	3708	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3710	0004342	3709	270	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0							
3711	0004343	3710	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3712	0004344	3711	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0		982299	98259	1	1779	2037	
3713	0004345	3712	255	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1							
3714	0004346	3713	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3715	0004347	3714	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図 1 8 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3716	0004348	3715	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3717	0004349	3716	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3718	0004351	3717	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3719	0004352	3718	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3720	0004353	3719	243	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3721	0004354	3720	241	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0	M63167	98	217	1	2394	2610
3722	0004355	3721	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3723	0004356	3722	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3724	0004357	3723	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3725	0004358	3724	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3726	0004359	3725	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3727	0004360	3726	237	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3728	0004361	3727	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	K02054	97	224	1	575	797
3729	0004362	3728	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3730	0004363	3729	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3731	0004364	3730	228	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
3732	0004365	3731	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3733	0004366	3732	224	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3734	0004368	3733	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3735	0004369	3734	221	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3736	0004370	3735	219	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
3737	0004371	3736	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3738	0004372	3737	215	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0						

【図190】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3739	0004373	3738	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X62534	99	212	1	550	1301
3740	0004374	3739	211	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3741	0004375	3740	390	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
3742	0004377	3741	235	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
3743	0004378	3742	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3744	0004379	3743	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3745	0004380	3744	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3746	0004381	3745	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3747	0004382	3746	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3748	0004383	3747	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3749	0004384	3748	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3750	0004385	3749	202	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3751	0004386	3750	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3752	0004387	3751	200	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3753	0004388	3752	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3754	0004389	3753	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3755	0004390	3754	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3756	0004391	3755	195	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
3757	0004392	3756	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3758	0004393	3757	195	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3759	0004394	3758	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3760	0004395	3759	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3761	0004396	3760	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
3762	0004397	3761	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3763	0004398	3762	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3764	0004399	3763	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3765	0004400	3764	185	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3766	0004401	3765	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3767	0004402	3766	180	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	3	0	1	0	DI3629	97	177	1	4282	4457
3768	0004403	3767	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X05026	95	179	1	516	1074
3769	0004404	3768	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	MI523	99	175	1	4222	4396
3770	0004405	3769	332	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0							
3771	0004406	3770	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3772	0004407	3771	186	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0						
3773	0004408	3772	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3774	0004409	3773	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3775	0004410	3774	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3776	0004411	3775	169	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0							
3777	0004412	3776	167	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0							
3778	0004414	3777	168	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0	0						
3779	0004415	3778	162	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1						
3780	0004416	3779	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3781	0004417	3780	160	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0							
3782	0004418	3781	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3783	0004419	3782	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3784	0004420	3783	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図 192】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
3785	0004421	3784	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3786	0004422	3785	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3787	0004423	3786	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3788	0004424	3787	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3789	0004425	3788	161	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	3							
3790	0004426	3789	156	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0							
3791	0004427	3790	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3792	0004428	3791	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3793	0004429	3792	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3794	0004430	3793	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3795	0004431	3794	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3796	0004432	3795	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3797	0004433	3796	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3798	0004434	3797	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3799	0004435	3798	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3800	0004436	3799	150	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0							
3801	0004437	3800	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3802	0004439	3801	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3803	0004440	3802	149	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0							
3804	0004441	3803	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3805	0004442	3804	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3806	0004443	3805	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
3807	0004445	3806	137	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 193】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3808	0004446	3807	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3809	0004447	3808	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3810	0004448	3809	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3811	0004449	3810	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3812	0004450	3811	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3813	0004452	3812	129	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3814	0004453	3813	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3815	0004454	3814	126	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0						
3816	0004455	3815	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3817	0004456	3816	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3818	0004457	3817	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3819	0004460	3818	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3820	0004461	3819	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3821	0004462	3820	125	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	X04526	100	125	1	1493	3088
3822	0004463	3821	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3823	0004464	3822	133	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	1	0	0	0	0	1						
3824	0004465	3823	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3825	0004466	3824	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3826	0004467	3825	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3827	0004468	3826	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3828	0004469	3827	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3829	0004470	3828	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3830	0004471	3829	114	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						

【図 194】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD		
3831	0004472	3830	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	094046	95	114	1	1932	2389	
3832	0004473	3831	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3833	0004474	3832	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3834	0004476	3833	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3835	0004478	3834	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3836	0004482	3835	182	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0								
3837	0004483	3836	105	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	1	0	1	0								
3838	0004484	3837	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3839	0004485	3838	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3840	0004486	3839	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3841	0004487	3840	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3842	0004488	3841	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	73459	97	99	1	217	721
3843	0004489	3842	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3844	0004491	3843	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3845	0004492	3844	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3846	0004493	3845	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3847	0004494	3846	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3848	0004495	3847	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3849	0004496	3848	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3850	0004497	3849	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3851	0004498	3850	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0								
3852	0004499	3851	96	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0								
3853	0004500	3852	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D00860	100	83	1	1974	2075

【図 196】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3877	0004528	3876	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3878	0004529	3877	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3879	0004530	3878	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3880	0004531	3879	64	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
3881	0004532	3880	62	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
3882	0004533	3881	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3883	0004534	3882	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3884	0004535	3883	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3885	0004536	3884	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3886	0004537	3885	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3887	0004538	3886	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3888	0004539	3887	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3889	0004541	3888	58	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3890	0004542	3889	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3891	0004543	3890	56	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3892	0004544	3891	56	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3893	0004546	3892	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3894	0004547	3893	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3895	0004548	3894	85	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
3896	0004549	3895	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3897	0004551	3896	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3898	0004552	3897	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3899	0004556	3898	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

【図 1 9 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3900	0004557	3899	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
3901	0004597	3900	443	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0							
3902	0004598	3901	423	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
3903	0004599	3902	413	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3904	0004600	3903	410	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3905	0004601	3904	402	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3906	0004602	3905	393	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3907	0004603	3906	392	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3908	0004604	3907	385	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3909	0004605	3908	383	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3910	0004606	3909	383	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3911	0004607	3910	380	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1							
3912	0004608	3911	377	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3913	0004609	3912	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	XL2453		99	362	1	1217	1582
3914	0004610	3913	360	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3915	0004611	3914	359	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1							
3916	0004612	3915	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3917	0004613	3916	359	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3918	0004614	3917	358	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3919	0004615	3918	356	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3920	0004616	3919	355	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3921	0004617	3920	351	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3922	0004618	3921	349	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							

【図 198】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3923	0004619	3922	346	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3924	0004620	3923	347	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3925	0004621	3924	345	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3926	0004623	3925	342	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3927	0004624	3926	409	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0							
3928	0004625	3927	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3929	0004626	3928	331	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0							
3930	0004627	3929	331	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3931	0004628	3930	328	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3932	0004629	3931	327	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0							
3933	0004630	3932	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3934	0004631	3933	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3935	0004632	3934	324	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3936	0004633	3935	319	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3937	0004634	3936	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3938	0004635	3937	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3939	0004636	3938	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3940	0004637	3939	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3941	0004638	3940	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3942	0004639	3941	312	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3943	0004640	3942	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3944	0004641	3943	307	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3945	0004642	3944	306	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0							

【図199】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
3946	0004643	3945	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3947	0004644	3946	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3948	0004645	3947	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3949	0004646	3948	301	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0							
3950	0004647	3949	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3951	0004648	3950	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3952	0004649	3951	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3953	0004650	3952	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3954	0004651	3953	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3955	0004652	3954	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3956	0004653	3955	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3957	0004654	3956	287	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3958	0004655	3957	298	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	M22349	98	285	1	1990	2273
3959	0004656	3958	287	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
3960	0004657	3959	286	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3961	0004658	3960	283	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3962	0004659	3961	283	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3963	0004660	3962	281	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3964	0004661	3963	280	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3965	0004662	3964	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
3966	0004663	3965	301	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
3967	0004664	3966	276	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
3968	0004665	3967	276	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1						

【図200】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
3969	0004666	3968	279	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
3970	0004667	3969	273	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
3971	0004668	3970	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3972	0004669	3971	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	113738	93	269	1	4278	4545
3973	0004670	3972	267	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3974	0004671	3973	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3975	0004672	3974	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3976	0004673	3975	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3977	0004674	3976	263	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
3978	0004675	3977	261	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3979	0004676	3978	315	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
3980	0004677	3979	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3981	0004678	3980	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3982	0004679	3981	257	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
3983	0004680	3982	257	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3984	0004681	3983	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3985	0004682	3984	254	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3986	0004683	3985	252	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3987	0004684	3986	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3988	0004685	3987	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3989	0004686	3988	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3990	0004687	3989	250	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
3991	0004688	3990	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

【図 201】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
3992	0004689	3991	245	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
3993	0004690	3992	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3994	0004691	3993	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3995	0004692	3994	242	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3996	0004693	3995	241	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
3997	0004694	3996	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3998	0004695	3997	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3999	0004696	3998	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4000	0004697	3999	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4001	0004698	4000	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4002	0004699	4001	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4003	0004700	4002	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4004	0004701	4003	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4005	0004702	4004	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4006	0004703	4005	231	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4007	0004704	4006	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4008	0004705	4007	242	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
4009	0004706	4008	230	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
4010	0004707	4009	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	XL5088	94	230	1	1045	1292
4011	0004708	4010	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4012	0004709	4011	226	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4013	0004710	4012	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4014	0004711	4013	221	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0						

【図202】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4015	0004712	4014	221	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4016	0004713	4015	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4017	0004714	4016	218	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4018	0004715	4017	217	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1						
4019	0004716	4018	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4020	0004717	4019	217	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4021	0004718	4020	216	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4022	0004719	4021	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4023	0004720	4022	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4024	0004721	4023	214	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0							
4025	0004722	4024	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4026	0004723	4025	212	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4027	0004724	4026	211	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4028	0004725	4027	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4029	0004726	4028	232	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	3	10	0	0	X64879	100	232	1	587	1692
4030	0004728	4029	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4031	0004729	4030	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4032	0004730	4031	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4033	0004732	4032	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4034	0004733	4033	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4035	0004734	4034	205	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4036	0004735	4035	204	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	J02966	100	204	1	1097	1320
4037	0004736	4036	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							

【図 203】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4038	0004737	4037	202	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4039	0004738	4038	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4040	0004739	4039	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4041	0004740	4040	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4042	0004741	4041	200	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4043	0004742	4042	200	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4044	0004743	4043	200	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	S42457	98	198	1	2483	2857
4045	0004744	4044	200	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0							
4046	0004745	4045	199	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4047	0004746	4046	199	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4048	0004747	4047	198	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4049	0004748	4048	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4050	0004750	4049	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4051	0004751	4050	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4052	0004752	4051	194	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1						
4053	0004753	4052	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4054	0004754	4053	191	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0							
4055	0004755	4054	264	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4056	0004756	4055	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4057	0004757	4056	150	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0							
4058	0004758	4057	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4059	0004759	4058	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4060	0004760	4059	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							

【図204】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4061	0004761	4060	182	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4062	0004762	4061	181	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	3	0	1	0	JD4056	100	178	1	1032	1209
4063	0004763	4062	180	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0						
4064	0004764	4063	180	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4065	0004765	4064	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4066	0004766	4065	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4067	0004767	4066	177	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4068	0004768	4067	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4069	0004769	4068	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4070	0004770	4069	174	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4071	0004771	4070	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4072	0004772	4071	170	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1						
4073	0004773	4072	169	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4074	0004774	4073	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4075	0004775	4074	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	ME2958	97	166	1	2820	2985
4076	0004776	4075	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4077	0004777	4076	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4078	0004778	4077	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4079	0004779	4078	176	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0						
4080	0004780	4079	164	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4081	0004781	4080	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4082	0004782	4081	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4083	0004783	4082	161	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0						

【図 205】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4084	0004784	4083	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4085	0004785	4084	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4086	0004786	4085	158	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0							
4087	0004787	4086	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4088	0004788	4087	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4089	0004789	4088	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4090	0004790	4089	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4091	0004791	4090	155	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0							
4092	0004792	4091	153	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4093	0004793	4092	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4094	0004794	4093	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4095	0004795	4094	149	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
4096	0004796	4095	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4097	0004797	4096	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4098	0004798	4097	148	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	MZ7319	97	148	1	462	799
4099	0004799	4098	149	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4100	0004800	4099	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4101	0004801	4100	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4102	0004802	4101	146	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4103	0004803	4102	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4104	0004804	4103	144	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4105	0004805	4104	143	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4106	0004806	4105	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							

【図206】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4107	0004808	4106	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4108	0004809	4107	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4109	0004810	4108	141	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
4110	0004811	4109	140	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	57445	96	140	1	596	735	
4111	0004812	4110	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4112	0004813	4111	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4113	0004814	4112	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4114	0004815	4113	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4115	0004816	4114	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4116	0004817	4115	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4117	0004818	4116	135	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	1	X72760	99	136	1	1830	1971	
4118	0004819	4117	133	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
4119	0004820	4118	132	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0							
4120	0004821	4119	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4121	0004822	4120	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4122	0004823	4121	130	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	M65217	100	101	1	2311	2411
4123	0004824	4122	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4124	0004826	4123	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4125	0004827	4124	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4126	0004828	4125	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4127	0004829	4126	122	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0							
4128	0004830	4127	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							
4129	0004831	4128	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0							

【図207】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4130	0004832	4129	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4131	0004833	4130	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4132	0004834	4131	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4133	0004835	4132	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4134	0004836	4133	115	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4135	0004837	4134	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4136	0004838	4135	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4137	0004839	4136	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4138	0004840	4137	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4139	0004841	4138	111	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	X02317	100	111	1	517	874
4140	0004842	4139	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4141	0004843	4140	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4142	0004844	4141	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4143	0004845	4142	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4144	0004846	4143	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4145	0004847	4144	109	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4146	0004848	4145	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4147	0004850	4146	109	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	2	0	0						
4148	0004851	4147	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4149	0004852	4148	107	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
4150	0004853	4149	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4151	0004854	4150	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4152	0004855	4151	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

【図208】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4153	0004856	4152	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4154	0004859	4153	102	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0						
4155	0004860	4154	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4156	0004861	4155	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4157	0004862	4156	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4158	0004863	4157	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4159	0004864	4158	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4160	0004865	4159	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4161	0004866	4160	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4162	0004867	4161	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4163	0004868	4162	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4164	0004869	4163	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4165	0004870	4164	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4166	0004871	4165	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4167	0004872	4166	91	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
4168	0004873	4167	91	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0						
4169	0004874	4168	90	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0						
4170	0004875	4169	90	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0						
4171	0004877	4170	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4172	0004878	4171	88	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3						
4173	0004879	4172	88	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
4174	0004881	4173	87	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2						
4175	0004882	4174	86	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

【図 209】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4176	0004883	4175	86	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4177	0004884	4176	85	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4178	0004885	4177	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4179	0004886	4178	84	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
4180	0004887	4179	83	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
4181	0004888	4180	83	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	2	0	0	0	0	0						
4182	0004889	4181	82	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	1						
4183	0004890	4182	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4184	0004891	4183	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4185	0004892	4184	81	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4186	0004893	4185	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4187	0004894	4186	79	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4188	0004895	4187	79	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	1	0	0	0	0	0						
4189	0004897	4188	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4190	0004898	4189	76	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4191	0004900	4190	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4192	0004902	4191	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4193	0004903	4192	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4194	0004904	4193	74	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0						
4195	0004905	4194	72	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2	0	0	0	0	0						
4196	0004907	4195	70	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4197	0004908	4196	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4198	0004909	4197	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

【図210】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4199	0004910	4198	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L03785	100	65	1	597	661
4200	0004912	4199	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4201	0004913	4200	64	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1						
4202	0004914	4201	75	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0						
4203	0004915	4202	63	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4204	0004916	4203	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4205	0004917	4204	62	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4206	0004918	4205	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4207	0004919	4206	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4208	0004920	4207	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4209	0004921	4208	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4210	0004922	4209	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4211	0004923	4210	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4212	0004924	4211	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M74826	97	58	1	2396	2457
4213	0004925	4212	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4214	0004926	4213	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4215	0004927	4214	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4216	0004928	4215	57	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4217	0004929	4216	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4218	0004930	4217	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4219	0004932	4218	55	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4220	0004934	4219	53	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
4221	0004939	4220	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

【図 2 1 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4222	0004940	4221	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4223	0004942	4222	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4224	0004944	4223	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4225	0004945	4224	51	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4226	0004946	4225	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4227	0004947	4226	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4228	0004948	4227	56	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0							
4229	0004950	4228	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4230	0004955	4229	113	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0							
4231	0004985	4230	131	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4232	0004986	4231	50	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4233	0004987	4232	282	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4234	0004988	4233	257	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4235	0004989	4234	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4236	0004990	4235	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4237	0004991	4236	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4238	0004992	4237	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4239	0004993	4238	471	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4240	0004994	4239	338	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4241	0004997	4240	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4242	0004998	4241	313	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							
4243	0004999	4242	271	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0		M74775	94	270	1	2097	2493
4244	0005001	4243	345	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		Y00839	99	341	1	3286	3624

【図 2 1 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4245	0005002	4244	406	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4246	0005003	4245	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4247	0005004	4246	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4248	0005005	4247	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4249	0005006	4248	259	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	0	0	0	1						
4250	0005007	4249	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4251	0005008	4250	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4252	0005009	4251	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4253	0005010	4252	362	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0						
4254	0005011	4253	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4255	0005013	4254	169	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	7	1	0	0	Y00503	96	164	1	1197	1360
4256	0005014	4255	379	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4257	0005016	4256	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M16276	98	196	1	1121	1763
4258	0005018	4257	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4259	0005019	4258	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4260	0005021	4259	271	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	L20493	98	269	1	761	1032
4261	0005022	4260	80	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4262	0005023	4261	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4263	0005024	4262	64	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
4264	0005025	4263	296	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4265	0005026	4264	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4266	0005027	4265	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4267	0005028	4266	179	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4268	0005029	4267	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4269	0005030	4268	325	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
4270	0005031	4269	304	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
4271	0005033	4270	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4272	0005034	4271	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4273	0005035	4272	370	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	M97935	95	366	1	3429	3970
4274	0005037	4273	529	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	M11233	92	460	1	1540	2038
4275	0005039	4274	365	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4276	0005040	4275	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4277	0005041	4276	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4278	0005042	4277	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4279	0005043	4278	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4280	0005044	4279	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K14618	98	321	1	1043	1359
4281	0005045	4280	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4282	0005046	4281	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4283	0005047	4282	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4284	0005051	4283	287	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	M59911	93	289	1	4163	4637
4285	0005052	4284	170	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0						
4286	0005053	4285	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4287	0005054	4286	100	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4288	0005055	4287	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4289	0005056	4288	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4290	0005058	4289	222	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図 2 1 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD	
4291	0005059	4290	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	I03426	95	306	1	2875	3233	
4292	0005060	4291	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4293	0005061	4292	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4294	0005062	4293	208	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
4295	0005063	4294	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4296	0005064	4295	552	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4297	0005065	4296	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4298	0005066	4297	553	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4299	0005068	4298	313	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4300	0005069	4299	176	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4301	0005070	4300	389	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X07393	91	370	1	2132	2509
4302	0005071	4301	436	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						
4303	0005073	4302	533	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4304	0005074	4303	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4305	0005075	4304	451	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4306	0005076	4305	197	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0							
4307	0005077	4306	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4308	0005079	4307	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4309	0005080	4308	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4310	0005081	4309	449	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0							
4311	0005082	4310	247	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	X03067	95	246	1	815	1081	
4312	0005083	4311	424	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4313	0005085	4312	296	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						

【図 2 1 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4314	0005086	4313	374	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4315	0005087	4314	510	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4316	0005088	4315	466	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4317	0005089	4316	470	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4318	0005090	4317	476	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4319	0005091	4318	77	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	1						
4320	0005092	4319	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4321	0005094	4320	314	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4322	0005095	4321	489	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4323	0005096	4322	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	J03241	98	290	1	2235	2529
4324	0005099	4323	173	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
4325	0005100	4324	307	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
4326	0005102	4325	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4327	0005103	4326	69	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	X69819	100	69	1	1666	1817
4328	0005104	4327	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4329	0005105	4328	303	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
4330	0005106	4329	349	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
4331	0005107	4330	257	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4332	0005108	4331	210	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	1	0	X54079	95	205	1	586	789
4333	0005109	4332	559	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4334	0005110	4333	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4335	0005111	4334	377	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	3	0	0	0	M63438	94	374	1	720	1244
4336	0005112	4335	415	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図 2 1 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4337	0005113	4336	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4338	0005114	4337	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4339	0005115	4338	231	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4340	0005116	4339	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4341	0005117	4340	419	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4342	0005118	4341	75	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4343	0005119	4342	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4344	0005120	4343	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4345	0005121	4344	587	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4346	0005122	4345	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4347	0005123	4346	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4348	0005124	4347	355	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
4349	0005126	4348	115	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4350	0005127	4349	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4351	0005128	4350	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4352	0005129	4351	354	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
4353	0005130	4352	161	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
4354	0005132	4353	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4355	0005133	4354	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4356	0005134	4355	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4357	0005135	4356	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4358	0005136	4357	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4359	0005137	4358	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4360	0005138	4359	212	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4361	0005139	4360	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4362	0005140	4361	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4363	0005141	4362	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4364	0005142	4363	90	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	X07834	99	88	1	679	1026
4365	0005143	4364	362	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4366	0005144	4365	99	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0						
4367	0005145	4366	80	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
4368	0005147	4367	263	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4369	0005148	4368	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4370	0005149	4369	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4371	0005150	4370	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4372	0005151	4371	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4373	0005152	4372	260	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4374	0005153	4373	261	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4375	0005155	4374	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4376	0005156	4375	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4377	0005157	4376	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4378	0005158	4377	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4379	0005159	4378	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4380	0005160	4379	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4381	0005161	4380	89	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4382	0005162	4381	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図 2 1 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4383	0005163	4382	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4384	0005164	4383	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4385	0005165	4384	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4386	0005166	4385	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4387	0005167	4386	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4388	0005168	4387	52	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0						
4389	0005169	4388	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4390	0005170	4389	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4391	0005172	4390	257	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4392	0005173	4391	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4393	0005174	4392	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4394	0005176	4393	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4395	0005177	4394	76	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0						
4396	0005178	4395	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4397	0005180	4396	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4398	0005181	4397	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4399	0005182	4398	179	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
4400	0005183	4399	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4401	0005184	4400	194	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4402	0005185	4401	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4403	0005186	4402	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4404	0005187	4403	185	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4405	0005188	4404	108	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0						

【図 2 1 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4406	0005190	4405	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4407	0005191	4406	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4408	0005192	4407	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4409	0005194	4408	209	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
4410	0005195	4409	58	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	109209	91	55	1	3673	3725
4411	0005196	4410	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4412	0005197	4411	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4413	0005198	4412	241	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4414	0005199	4413	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	110284	100	51	1	3826	4117
4415	0005200	4414	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4416	0005201	4415	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4417	0005203	4416	390	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4418	0005204	4417	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4419	0005205	4418	272	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4420	0005206	4419	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4421	0005207	4420	207	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0						
4422	0005208	4421	189	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0						
4423	0005209	4422	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4424	0005210	4423	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4425	0005211	4424	258	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	M74817	99	251	1	761	1011
4426	0005212	4425	173	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4427	0005213	4426	62	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4428	0005214	4427	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図 220】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4429	0005215	4428	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4430	0005216	4429	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4431	0005217	4430	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4432	0005218	4431	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4433	0005219	4432	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4434	0005220	4433	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4435	0005221	4434	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4436	0005222	4435	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4437	0005223	4436	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4438	0005224	4437	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4439	0005227	4438	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4440	0005228	4439	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4441	0005229	4440	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4442	0005230	4441	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4443	0005231	4442	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4444	0005232	4443	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4445	0005233	4444	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4446	0005234	4445	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		157650	98	64	1	1236	1299
4447	0005235	4446	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4448	0005236	4447	263	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		158354	99	261	1	2258	3630
4449	0005237	4448	65	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4450	0005238	4449	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4451	0005239	4450	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4452	0005240	4451	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X64330	96	188	4	3910	4297
4453	0005241	4452	308	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
4454	0005242	4453	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4455	0005243	4454	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4456	0005244	4455	120	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4457	0005245	4456	185	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4458	0005246	4457	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4459	0005247	4458	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4460	0005248	4459	363	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
4461	0005249	4460	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4462	0005250	4461	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4463	0005251	4462	104	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4464	0005252	4463	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4465	0005253	4464	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4466	0005254	4465	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4467	0005255	4466	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4468	0005259	4467	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4469	0005260	4468	84	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4470	0005262	4469	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4471	0005263	4470	423	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
4472	0005264	4471	122	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
4473	0005266	4472	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	ME59040	95	84	1	1706	1794
4474	0005267	4473	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図221】

【図 2 2 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4475	0005269	4474	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4476	0005270	4475	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4477	0005271	4476	98	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0							
4478	0005272	4477	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4479	0005273	4478	102	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4480	0005274	4479	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4481	0005275	4480	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4482	0005276	4481	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4483	0005278	4482	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4484	0005279	4483	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4485	0005280	4484	411	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4486	0005281	4485	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4487	0005282	4486	342	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4488	0005283	4487	547	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4489	0005284	4488	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4490	0005285	4489	153	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4491	0005286	4490	216	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
4492	0005287	4491	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4493	0005288	4492	289	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4494	0005289	4493	121	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4495	0005290	4494	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4496	0005291	4495	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4497	0005292	4496	252	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

【図 2 2 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4498	0005293	4497	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4499	0005294	4498	564	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4500	0005295	4499	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4501	0005296	4500	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4502	0005297	4501	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4503	0005298	4502	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4504	0005300	4503	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	222969	99	130	1	3405	3786
4505	0005301	4504	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4506	0005302	4505	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4507	0005303	4506	363	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4508	0005304	4507	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4509	0005305	4508	496	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4510	0005306	4509	415	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4511	0005307	4510	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4512	0005308	4511	353	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	X68148	98	354	1	2662	3031
4513	0005309	4512	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	Y0971	97	64	1	2392	2457
4514	0005310	4513	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4515	0005311	4514	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4516	0005312	4515	328	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							
4517	0005313	4516	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4518	0005314	4517	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4519	0005315	4518	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
4520	0005316	4519	105	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						

【図 2 2 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4521	0005317	4520	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4522	0005318	4521	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4523	0005319	4522	170	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4524	0005320	4523	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4525	0005321	4524	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4526	0005322	4525	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4527	0005323	4526	90	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
4528	0005325	4527	58	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0						
4529	0005326	4528	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4530	0005327	4529	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4531	0005328	4530	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4532	0005329	4531	331	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4533	0005331	4532	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4534	0005332	4533	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4535	0005333	4534	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4536	0005334	4535	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4537	0005335	4536	376	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4538	0005336	4537	170	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4539	0005337	4538	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4540	0005339	4539	372	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4541	0005340	4540	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4542	0005341	4541	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4543	0005342	4542	109	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						

【図225】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4544	0005343	4543	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4545	0005344	4544	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4546	0005345	4545	396	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0							
4547	0005346	4546	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4548	0005347	4547	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4549	0005349	4548	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4550	0005350	4549	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4551	0005351	4550	321	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4552	0005352	4551	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4553	0005353	4552	285	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4554	0005354	4553	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	101411	90	324	2	223	636	
4555	0005355	4554	194	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1							
4556	0005356	4555	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4557	0005357	4556	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4558	0005359	4557	365	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4559	0005360	4558	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4560	0005361	4559	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4561	0005362	4560	247	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4562	0005363	4561	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4563	0005364	4562	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4564	0005365	4563	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4565	0005366	4564	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0								
4566	0005367	4565	79	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 2 2 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4567	0005368	4566	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4568	0005370	4567	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4569	0005371	4568	352	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4570	0005372	4569	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4571	0005373	4570	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4572	0005374	4571	371	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4573	0005375	4572	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4574	0005376	4573	313	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
4575	0005377	4574	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4576	0005378	4575	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4577	0005379	4576	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4578	0005381	4577	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4579	0005382	4578	204	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0						
4580	0005383	4579	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4581	0005384	4580	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4582	0005387	4581	305	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4583	0005388	4582	106	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4584	0005389	4583	167	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1						
4585	0005390	4584	110	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	14	ML3577	100	99	1	2041	2139
4586	0005391	4585	216	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	JD5459	99	216	1	630	1266
4587	0005392	4586	103	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4588	0005393	4587	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4589	0005394	4588	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

【図227】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4590	0005395	4589	266	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0						
4591	0005396	4590	72	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	7						
4592	0005398	4591	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4593	0005399	4592	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4594	0005400	4593	292	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
4595	0005401	4594	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M69054	96	265	1	645	918
4596	0005402	4595	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4597	0005404	4596	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4598	0005406	4597	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4599	0005407	4598	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4600	0005408	4599	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4601	0005409	4600	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4602	0005410	4601	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4603	0005411	4602	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4604	0005412	4603	366	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	2	0	0						
4605	0005413	4604	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4606	0005414	4605	352	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4607	0005415	4606	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4608	0005416	4607	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4609	0005417	4608	275	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4610	0005418	4609	109	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1						
4611	0005419	4610	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4612	0005420	4611	230	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						

【図 2 2 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4613	0005421	4612	354	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4614	0005422	4613	348	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4615	0005423	4614	266	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4616	0005424	4615	279	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
4617	0005425	4616	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4618	0005426	4617	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4619	0005427	4618	413	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4620	0005428	4619	55	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4621	0005429	4620	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4622	0005430	4621	419	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4623	0005431	4622	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4624	0005432	4623	239	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4625	0005433	4624	51	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4626	0005434	4625	279	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
4627	0005435	4626	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4628	0005436	4627	392	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4629	0005437	4628	162	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4630	0005438	4629	122	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1						
4631	0005439	4630	287	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4632	0005440	4631	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4633	0005441	4632	286	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4634	0005442	4633	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4635	0005443	4634	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4636	0005444	4635	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4637	0005445	4636	64	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4638	0005446	4637	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4639	0005447	4638	70	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4640	0005448	4639	183	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4641	0005451	4640	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4642	0005452	4641	202	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4643	0005453	4642	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4644	0005454	4643	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4645	0005455	4644	221	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4646	0005456	4645	176	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4647	0005457	4646	335	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1						
4648	0005458	4647	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4649	0005459	4648	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4650	0005460	4649	372	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4651	0005461	4650	278	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4652	0005462	4651	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4653	0005464	4652	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4654	0005465	4653	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4655	0005466	4654	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4656	0005467	4655	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4657	0005468	4656	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4658	0005469	4657	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

【 2 2 9 】

【図 230】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4659	0005470	4658	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4660	0005471	4659	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4661	0005472	4660	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4662	0005474	4661	335	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4663	0005475	4662	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4664	0005476	4663	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4665	0005477	4664	345	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4666	0005478	4665	342	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4667	0005479	4666	50	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
4668	0005480	4667	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4669	0005481	4668	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4670	0005482	4669	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4671	0005483	4670	252	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4672	0005484	4671	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4673	0005485	4672	192	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4674	0005486	4673	314	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4675	0005488	4674	51	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4676	0005490	4675	313	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0						
4677	0005491	4676	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4678	0005492	4677	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4679	0005493	4678	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4680	0005494	4679	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4681	0005495	4680	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

【図 2 3 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4682	0005496	4681	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4683	0005497	4682	145	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
4684	0005498	4683	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4685	0005502	4684	241	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4686	0005503	4685	64	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1							
4687	0005504	4686	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4688	0005505	4687	338	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4689	0005506	4688	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4690	0005507	4689	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4691	0005508	4690	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4692	0005509	4691	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4693	0005510	4692	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4694	0005511	4693	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4695	0005513	4694	187	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0							
4696	0005514	4695	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4697	0005515	4696	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4698	0005516	4697	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4699	0005518	4698	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4700	0005519	4699	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4701	0005520	4700	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4702	0005521	4701	355	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4703	0005522	4702	381	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							
4704	0005523	4703	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0							

【図 2 3 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4705	0005524	4704	133	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4706	0005525	4705	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4707	0005526	4706	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4708	0005527	4707	226	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4709	0005528	4708	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4710	0005529	4709	68	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4711	0005531	4710	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4712	0005532	4711	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4713	0005533	4712	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4714	0005534	4713	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4715	0005535	4714	311	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4716	0005536	4715	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4717	0005538	4716	118	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4718	0005539	4717	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4719	0005540	4718	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4720	0005541	4719	164	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4721	0005544	4720	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4722	0005545	4721	137	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4723	0005547	4722	259	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4724	0005548	4723	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4725	0005551	4724	183	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4726	0005552	4725	234	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4727	0005553	4726	316	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4728	0005555	4727	303	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4729	0005556	4728	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4730	0005558	4729	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4731	0005559	4730	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4732	0005560	4731	120	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4733	0005561	4732	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4734	0005562	4733	362	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4735	0005563	4734	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4736	0005564	4735	368	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4737	0005565	4736	64	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1						
4738	0005566	4737	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4739	0005567	4738	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4740	0005568	4739	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4741	0005570	4740	106	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4742	0005571	4741	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	106328	97	103	1	1302	1404
4743	0005572	4742	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4744	0005573	4743	356	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0						
4745	0005574	4744	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4746	0005575	4745	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	067734	99	81	1	4419	4546
4747	0005576	4746	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4748	0005577	4747	311	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	002611	95	308	1	502	809
4749	0005578	4748	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4750	0005579	4749	248	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						

【図 2 3 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4751	0005580	4750	66	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4752	0005581	4751	59	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1						
4753	0005582	4752	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4754	0005583	4753	322	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1						
4755	0005584	4754	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4756	0005585	4755	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4757	0005586	4756	301	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4758	0005587	4757	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4759	0005588	4758	120	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
4760	0005589	4759	296	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4761	0005590	4760	67	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
4762	0005591	4761	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4763	0005593	4762	233	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	M2567	98	114	1	118	1231
4764	0005595	4763	281	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
4765	0005596	4764	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4766	0005598	4765	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4767	0005599	4766	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4768	0005600	4767	83	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	M2315	98	80	1	3702	3781
4769	0005601	4768	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4770	0005602	4769	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4771	0005603	4770	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4772	0005604	4771	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4773	0005606	4772	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

【図 2 3 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4774	0005607	4773	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4775	0005608	4774	300	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4776	0005610	4775	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4777	0005612	4776	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4778	0005613	4777	328	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4779	0005614	4778	140	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4780	0005615	4779	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4781	0005616	4780	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4782	0005617	4781	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4783	0005618	4782	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4784	0005619	4783	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4785	0005620	4784	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4786	0005621	4785	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4787	0005622	4786	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4788	0005623	4787	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4789	0005624	4788	135	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0						
4790	0005625	4789	64	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1						
4791	0005627	4790	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4792	0005628	4791	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4793	0005629	4792	209	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
4794	0005630	4793	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4795	0005631	4794	177	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4796	0005632	4795	376	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0							

【图 2 3 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4797	0005634	4796	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4798	0005635	4797	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4799	0005636	4798	244	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4800	0005637	4799	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4801	0005639	4800	307	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2							
4802	0005640	4801	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4803	0005642	4802	159	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0							
4804	0005643	4803	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4805	0005644	4804	309	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0							
4806	0005645	4805	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4807	0005646	4806	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4808	0005647	4807	226	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0							
4809	0005648	4808	311	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	X04741	100	310	1	330	1014	
4810	0005649	4809	95	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4811	0005650	4810	312	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2							
4812	0005651	4811	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	112136	99	307	1	94	1831	
4813	0005652	4812	371	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0							
4814	0005653	4813	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M36661	97	257	1	1338	1598	
4815	0005654	4814	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4816	0005655	4815	271	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4817	0005656	4816	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4818	0005657	4817	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
4819	0005658	4818	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X02778	96	299	1	506	800

【図 2 3 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
4820	0005659	4819	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4821	0005660	4820	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4822	0005661	4821	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	108112	96	111	1	1011	1344
4823	0005662	4822	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4824	0005665	4823	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4825	0005667	4824	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4826	0005668	4825	113	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	1						
4827	0005669	4826	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4828	0005671	4827	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4829	0005673	4828	141	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4830	0005674	4829	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4831	0005676	4830	236	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
4832	0005679	4831	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4833	0005680	4832	79	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
4834	0005681	4833	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4835	0005682	4834	267	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4836	0005683	4835	78	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4837	0005684	4836	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4838	0005685	4837	244	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4839	0005686	4838	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4840	0005687	4839	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4841	0005688	4840	246	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	X62078	96	240	1	2189	2436
4842	0005689	4841	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

【図 2 3 8】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4843	0005690	4842	346	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4844	0005692	4843	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4845	0005693	4844	228	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	99	222	1	114	1335
4846	0005694	4845	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	94	229	1	2593	2838
4847	0005695	4846	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4848	0005696	4847	88	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4849	0005697	4848	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4850	0005700	4849	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4851	0005701	4850	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	99	145	1	950	1098
4852	0005704	4851	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4853	0005706	4852	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4854	0005707	4853	147	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4855	0005708	4854	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4856	0005709	4855	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4857	0005710	4856	374	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
4858	0005711	4857	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	97	117	1	2439	2570
4859	0005712	4858	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4860	0005713	4859	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4861	0005714	4860	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4862	0005715	4861	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4863	0005716	4862	347	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4864	0005717	4863	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4865	0005718	4864	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	98	284	1	2120	2402

【図 239】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4866	0005719	4865	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4867	0005720	4866	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4868	0005721	4867	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X03342	93	233	1	190	505
4869	0005722	4868	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X06667	98	63	1	802	1560
4870	0005723	4869	105	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4871	0005724	4870	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4872	0005725	4871	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4873	0005726	4872	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4874	0005727	4873	61	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	I06105	100	60	1	1297	1649
4875	0005729	4874	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4876	0005730	4875	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4877	0005731	4876	140	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4878	0005732	4877	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4879	0005733	4878	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4880	0005734	4879	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4881	0005735	4880	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4882	0005736	4881	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4883	0005738	4882	98	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0						
4884	0005739	4883	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4885	0005740	4884	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4886	0005741	4885	81	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4887	0005742	4886	213	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0						
4888	0005743	4887	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

【図240】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4889	0005747	4888	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4890	0005748	4889	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	080244	95	324	1	3373	3984
4891	0005749	4890	212	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4892	0005751	4891	284	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4893	0005752	4892	60	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0						
4894	0005754	4893	144	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
4895	0005755	4894	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4896	0005756	4895	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4897	0005757	4896	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4898	0005758	4897	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4899	0005759	4898	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4900	0005763	4899	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4901	0005765	4900	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4902	0005767	4901	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4903	0005768	4902	202	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0K62571	97	73	#	1430	1512
4904	0005769	4903	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4905	0005770	4904	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4906	0005772	4905	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4907	0005773	4906	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4908	0005774	4907	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4909	0005775	4908	349	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0D13643	95	343	1	3150	4186
4910	0005776	4909	354	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4911	0005777	4910	81	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						

【図 2 4 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4912	0005778	4911	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4913	0005779	4912	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4914	0005780	4913	361	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	3	0	0	J00269	91	359	1	1268	1617	
4915	0005781	4914	102	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1							
4916	0005782	4915	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4917	0005783	4916	210	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1							
4918	0005784	4917	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4919	0005785	4918	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4920	0005786	4919	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4921	0005787	4920	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4922	0005789	4921	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4923	0005790	4922	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4924	0005792	4923	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4925	0005793	4924	75	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	M87068	93	67	1	361	427
4926	0005794	4925	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4927	0005795	4926	209	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
4928	0005796	4927	334	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4929	0005797	4928	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L12350	100	204	1	5181	5784
4930	0005798	4929	208	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2							
4931	0005799	4930	84	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X02851	100	84	1	1936	2027
4932	0005801	4931	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4933	0005804	4932	328	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X03803	91	323	1	525	956
4934	0005805	4933	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【図242】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
4935	0005807	4934	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4936	0005808	4935	301	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1							
4937	0005810	4936	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4938	0005813	4937	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4939	0005814	4938	102	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
4940	0005815	4939	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4941	0005816	4940	287	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4942	0005817	4941	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4943	0005818	4942	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4944	0005819	4943	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4945	0005820	4944	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4946	0005821	4945	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4947	0005823	4946	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4948	0005824	4947	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4949	0005825	4948	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	XL5183	98	321	1	2133	2912	
4950	0005826	4949	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4951	0005827	4950	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4952	0005829	4951			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	ML9723	94	343	1	1152	1869	
4953	0005830	4952	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4954	0005831	4953	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4955	0005832	4954	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4956	0005833	4955	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
4957	0005834	4956	342	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						

【図243】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4958	0005835	4957	337	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	X54232	97	313	1	3380	3692
4959	0005836	4958	290	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
4960	0005837	4959	111	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
4961	0005838	4960	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4962	0005839	4961	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4963	0005840	4962	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4964	0005841	4963	68	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4965	0005842	4964	223	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
4966	0005843	4965	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4967	0005844	4966	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4968	0005845	4967	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4969	0005846	4968	135	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	1	0	0					
4970	0005847	4969	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L10844	93	223	3	125	1855
4971	0005848	4970	281	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4972	0005849	4971	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4973	0005850	4972	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4974	0005851	4973	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M87770	100	124	1	4132	4268
4975	0005852	4974	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4976	0005854	4975	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4977	0005855	4976	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4978	0005856	4977	55	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0						
4979	0005857	4978	312	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
4980	0005858	4979	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M86667	100	168	1	376	1560

【図244】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
4981	0005859	4980	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M18391	95	118	1	3253	3370
4982	0005860	4981	166	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4983	0005862	4982	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4984	0005863	4983	211	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0					
4985	0005864	4984	314	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M26252	92	312	1	1817	2306
4986	0005865	4985	259	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
4987	0005866	4986	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4988	0005867	4987	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4989	0005868	4988	82	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4990	0005869	4989	286	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4991	0005870	4990	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4992	0005871	4991	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4993	0005872	4992	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4994	0005874	4993	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4995	0005875	4994	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4996	0005876	4995	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4997	0005877	4996	224	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4998	0005879	4997	303	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4999	0005880	4998	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5000	0005882	4999	389	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5001	0005883	5000	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M64571	91	323	1	4646	5022
5002	0005885	5001	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5003	0005886	5002	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

【図 2 4 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5004	0005887	5003	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5005	0005888	5004	350	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
5006	0005889	5005	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5007	0005890	5006	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5008	0005892	5007	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5009	0005893	5008	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5010	0005894	5009	329	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	M17783	98	101	1	1091	1191	
5011	0005895	5010	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M21551	96	330	1	295	640	
5012	0005896	5011	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5013	0005897	5012	97	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0							
5014	0005898	5013	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5015	0005899	5014	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5016	0005900	5015	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5017	0005902	5016	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5018	0005903	5017	320	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5019	0005907	5018	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X62571	94	308	1	1071	1512	
5020	0005908	5019	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5021	0005912	5020	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5022	0005913	5021	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5023	0005914	5022	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5024	0005916	5023	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5025	0005917	5024	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5026	0005918	5025	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【図246】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
5027	0005919	5026	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5028	0005920	5027	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5029	0005921	5028	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X63629	99	126	1	3046	3171	
5030	0005923	5029	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5031	0005924	5030	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5032	0005925	5031	259	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5033	0005926	5032	349	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5034	0005927	5033	202	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5035	0005928	5034	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5036	0005932	5035	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5037	0005933	5036	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5038	0005934	5037	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5039	0005937	5038	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5040	0005938	5039	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5041	0005939	5040	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5042	0005940	5041	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5043	0005941	5042	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5044	0005942	5043	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5045	0005943	5044	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5046	0005946	5045	325	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	119183	90	51	1	983	2002	
5047	0005947	5046	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5048	0005948	5047	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5049	0005949	5048	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【图 2 4 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5050	0005951	5049	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M65028	92	343	1	1021	1537
5051	0005952	5050	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5052	0005953	5051	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M37712	99	147	1	3717	3863
5053	0005954	5052	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5054	0005955	5053	322	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0						
5055	0005956	5054	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5056	0005957	5055	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5057	0005959	5056	182	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	M27319	99	65	1	735	799
5058	0005960	5057	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5059	0005961	5058	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5060	0005962	5059	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5061	0005963	5060	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5062	0005964	5061	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5063	0005966	5062	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5064	0005967	5063	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5065	0005968	5064	284	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5066	0005969	5065	345	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5067	0005970	5066	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5068	0005971	5067	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5069	0005974	5068	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5070	0005975	5069	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5071	0005976	5070	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5072	0005977	5071	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

【図248】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5073	0005978	5072	307	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	183197	94.8	305	1	495	1268
5074	0005980	5073	335	1	0																									
5075																														1550
5076	0005982	5075	325	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
5077	0005983	5076	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5078	0005984	5077	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5079	0005987	5078	293	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0							
5080	0005988	5079	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5081	0005989	5080	354	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5082	0005991	5081	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5083	0005992	5082	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5084	0005993	5083	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5085	0005994	5084	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5086	0005996	5085	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5087	0005997	5086	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5088	0005998	5087	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5089	0005999	5088	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5090	0006000	5089	300	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5091	0006001	5090	300	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5092	0006002	5091	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5093	0006004	5092	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5094	0006005	5093	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							
5095	0006007	5094	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0							

【図 2 4 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5096	0006008	5095	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5097	0006010	5096	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5098	0006011	5097	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5099	0006013	5098	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5100	0006014	5099	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5101	0006015	5100	351	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5102	0006016	5101	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5103	0006017	5102	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5104	0006018	5103	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5105	0006019	5104	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5106	0006020	5105	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5107	0006021	5106	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5108	0006022	5107	364	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5109	0006023	5108	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5110	0006024	5109	98	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0
5111	0006025	5110	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5112	0006026	5111	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5113	0006027	5112	345	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5114	0006028	5113	298	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5115	0006029	5114	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5116	0006030	5115	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5117	0006031	5116	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5118	0006032	5117	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 2 5 0】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5119	0006033	5118	63	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	J03909	100	52	1	981	1032
5120	0006034	5119	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5121	0006035	5120	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5122	0006036	5121	234	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5123	0006038	5122	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5124	0006039	5123	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5125	0006040	5124	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5126	0006041	5125	316	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	X68314	98	316	1	629	971
5127	0006042	5126	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5128	0006043	5127	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5129	0006044	5128	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5130	0006045	5129	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5131	0006046	5130	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5132	0006047	5131	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5133	0006048	5132	62	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
5134	0006049	5133	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5135	0006050	5134	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5136	0006051	5135	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5137	0006052	5136	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5138	0006053	5137	230	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0						
5139	0006054	5138	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5140	0006055	5139	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5141	0006056	5140	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 251】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5142	0006057	5141	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5143	0006058	5142	288	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5144	0006059	5143	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5145	0006060	5144	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5146	0006061	5145	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5147	0006062	5146	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5148	0006064	5147	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5149	0006065	5148	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5150	0006066	5149	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5151	0006067	5150	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5152	0006068	5151	125	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0						
5153	0006069	5152	277	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5154	0006070	5153	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5155	0006071	5154	62	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5156	0006072	5155	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5157	0006073	5156	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5158	0006074	5157	88	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5159	0006075	5158	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5160	0006076	5159	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5161	0006077	5160	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5162	0006078	5161	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5163	0006079	5162	121	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5164	0006080	5163	377	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【252】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
5165	0006081	5164	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5166	0006083	5165	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5167	0006084	5166	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5168	0006085	5167	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5169	0006086	5168	199	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5170	0006087	5169	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5171	0006089	5170	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5172	0006090	5171	340	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5173	0006091	5172	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5174	0006092	5173	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5175	0006093	5174	86	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5176	0006094	5175	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5177	0006095	5176	242	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5178	0006097	5177	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5179	0006098	5178	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5180	0006100	5179	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5181	0006101	5180	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5182	0006102	5181	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5183	0006103	5182	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5184	0006104	5183	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5185	0006105	5184	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5186	0006107	5185	124	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0							
5187	0006108	5186	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

【図 2 5 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5188	0006109	5187	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5189	0006110	5188	94	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5190	0006111	5189	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5191	0006112	5190	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5192	0006113	5191	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5193	0006114	5192	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5194	0006115	5193	88	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5195	0006116	5194	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5196	0006117	5195	56	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5197	0006118	5196	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5198	0006119	5197	316	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
5199	0006122	5198	222	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5200	0006123	5199	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5201	0006125	5200	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5202	0006126	5201	340	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5203	0006127	5202	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5204	0006128	5203	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5205	0006129	5204	346	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5206	0006130	5205	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5207	0006131	5206	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5208	0006133	5207	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5209	0006136	5208	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5210	0006137	5209	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5211	0006138	5210	190	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5212	0006139	5211	199	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5213	0006141	5212	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5214	0006142	5213	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5215	0006144	5214	331	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5216	0006145	5215	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5217	0006146	5216	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5218	0006147	5217	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5219	0006148	5218	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5220	0006149	5219	160	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	I0489	93	59	1	35	1605
5221	0006150	5220	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5222	0006151	5221	309	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5223	0006152	5222	307	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5224	0006153	5223	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5225	0006154	5224	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5226	0006155	5225	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5227	0006156	5226	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5228	0006157	5227	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5229	0006158	5228	155	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5230	0006159	5229	369	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5231	0006160	5230	279	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
5232	0006161	5231	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5233	0006163	5232	377	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 255】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5234	0006164	5233	135	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5235	0006165	5234	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5236	0006166	5235	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5237	0006167	5236	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5238	0006168	5237	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5239	0006169	5238	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	Z13009	97	321	1	4457	4778
5240	0006170	5239	393	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5241	0006171	5240	367	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5242	0006172	5241	207	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
5243	0006173	5242	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5244	0006174	5243	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5245	0006175	5244	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5246	0006176	5245	102	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0						
5247	0006177	5246	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5248	0006179	5247	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5249	0006180	5248	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5250	0006181	5249	134	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5251	0006182	5250	59	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5252	0006183	5251	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5253	0006184	5252	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5254	0006185	5253	296	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5255	0006186	5254	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5256	0006187	5255	293	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図257】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5280	0006215	5279	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5281	0006216	5280	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5282	0006217	5281	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5283	0006218	5282	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5284	0006219	5283	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5285	0006220	5284	343	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5286	0006221	5285	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5287	0006222	5286	152	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5288	0006224	5287	129	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5289	0006225	5288	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5290	0006226	5289	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5291	0006227	5290	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5292	0006228	5291	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5293	0006229	5292	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5294	0006230	5293	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5295	0006232	5294	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5296	0006233	5295	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5297	0006234	5296	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5298	0006235	5297	202	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5299	0006236	5298	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5300	0006237	5299	370	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5301	0006238	5300	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5302	0006240	5301	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5303	0006241	5302	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5304	0006243	5303	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5305	0006244	5304	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5306	0006245	5305	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5307	0006246	5306	76	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5308	0006247	5307	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5309	0006248	5308	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5310	0006249	5309	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5311	0006250	5310	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5312	0006251	5311	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5313	0006252	5312	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M26252	92.8	305	1	1817	2306
5314	0006253	5313	362	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5315	0006254	5314	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5316	0006255	5315	348	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5317	0006256	5316	357	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5318	0006257	5317	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5319	0006258	5318	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5320	0006259	5319	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X52056	95.6	68	1	1297	1364
5321	0006260	5320	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5322	0006261	5321	252	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5323	0006262	5322	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5324	0006264	5323	378	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5325	0006267	5324	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【图 2 5 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5326	0006268	5325	321	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5327	0006269	5326	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5328	0006270	5327	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5329	0006271	5328	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5330	0006272	5329	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5331	0006273	5330	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M80359	93.9	181	1	2062	2914
5332	0006274	5331	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5333	0006275	5332	161	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	M90104	95	159	1	1700	1879
5334	0006276	5333	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5335	0006277	5334	176	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5336	0006278	5335	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5337	0006279	5336	296	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5338	0006280	5337	61	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5339	0006281	5338	388	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M64784	95.6	338	1	638	1138
5340	0006282	5339	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5341	0006283	5340	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X52426	99	102	1	1574	1677
5342	0006284	5341	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5343	0006286	5342	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5344	0006288	5343	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5345	0006289	5344	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5346	0006290	5345	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5347	0006291	5346	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5348	0006292	5347	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5349	0006293	5348	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5350	0006294	5349	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5351	0006295	5350	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5352	0006296	5351	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5353	0006297	5352	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M86400	92.4	197	1	11.96	2834
5354	0006299	5353	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M74002	99.1	229	1	2508	2736
5355	0006300	5354	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	J05448	98.9	176	1	1256	1766
5356	0006301	5355	158	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
5357	0006302	5356	374	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5358	0006303	5357	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5359	0006304	5358	378	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5360	0006305	5359	376	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5361	0006306	5360	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5362	0006307	5361	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5363	0006308	5362	204	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
5364	0006309	5363	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5365	0006310	5364	259	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1						
5366	0006311	5365	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5367	0006313	5366	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5368	0006314	5367	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5369	0006315	5368	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M659039	99	100	1	1130	1240
5370	0006316	5369	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5371	0006317	5370	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 261】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5372	0006318	5371	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5373	0006319	5372	198	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	MS9287	99.5	198	1	1549	1750
5374	0006320	5373	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5375	0006321	5374	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5376	0006322	5375	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5377	0006323	5376	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5378	0006324	5377	326	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5379	0006325	5378	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5380	0006326	5379	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5381	0006327	5380	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5382	0006328	5381	337	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	5	0	MS2352	93	327	1	1817	2306
5383	0006329	5382	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5384	0006330	5383	293	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5385	0006331	5384	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5386	0006332	5385	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5387	0006333	5386	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5388	0006334	5387	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5389	0006335	5388	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	DI3638	96	124	1	1571	5167
5390	0006337	5389	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5391	0006338	5390	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5392	0006339	5391	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5393	0006341	5392	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5394	0006342	5393	366	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5395	0006343	5394	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5396	0006344	5395	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5397	0006345	5396	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5398	0006346	5397	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5399	0006347	5398	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5400	0006348	5399	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5401	0006350	5400	181	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5402	0006351	5401	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5403	0006352	5402	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5404	0006353	5403	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5405	0006354	5404	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5406	0006355	5405	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5407	0006356	5406	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5408	0006357	5407	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5409	0006358	5408	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5410	0006359	5409	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5411	0006360	5410	161	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5412	0006361	5411	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5413	0006362	5412	145	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5414	0006363	5413	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5415	0006364	5414	347	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5416	0006365	5415	220	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X02994	96.8	217	1	1282	1498
5417	0006366	5416	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

【図 2 6 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
5418	0006367	5417	91	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3							
5419	0006368	5418	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5420	0006369	5419	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5421	0006370	5420	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5422	0006371	5421	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5423	0006372	5422	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5424	0006373	5423	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5425	0006374	5424	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5426	0006376	5425	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5427	0006377	5426	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5428	0006378	5427	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5429	0006379	5428	296	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1103
5430	0006380	5429	88	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5431	0006381	5430	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5432	0006382	5431	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5433	0006383	5432	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5434	0006384	5433	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5435	0006385	5434	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5436	0006386	5435	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
5437	0006387	5436	201	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1766
5438	0006388	5437	409	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
5439	0006389	5438	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
5440	0006390	5439	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							

【图 264】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5441	0006392	5440	106	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	X05232	99	103	1	1699	1801
5442	0006393	5441	382	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5443	0006394	5442	354	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5444	0006395	5443	79	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5445	0006396	5444	238	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M92287	98.3	238	1	1794	2042
5446	0006397	5445	321	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5447	0006398	5446	408	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5448	0006399	5447	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5449	0006400	5448	75	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5450	0006401	5449	354	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5451	0006402	5450	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5452	0006403	5451	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5453	0006404	5452	292	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5454	0006405	5453	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X56134	94.8	193	1	430	1766
5455	0006407	5454	72	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M62403	100	70	1	1157	1955
5456	0006408	5455	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5457	0006409	5456	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5458	0006410	5457	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5459	0006411	5458	206	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	M13509	97	203	1	1769	1970
5460	0006412	5459	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5461	0006413	5460	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5462	0006414	5461	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5463	0006415	5462	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 265】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5464	0006416	5463	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5465	0006417	5464	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5466	0006418	5465	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5467	0006419	5466	260	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5468	0006420	5467	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5469	0006421	5468	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	059040	99.3	296	1	934	1794
5470	0006422	5469	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5471	0006423	5470	302	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5472	0006424	5471	300	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5473	0006425	5472	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5474	0006426	5473	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5475	0006427	5474	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5476	0006428	5475	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5477	0006429	5476	246	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5478	0006430	5477	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5479	0006431	5478	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5480	0006432	5479	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5481	0006433	5480	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5482	0006434	5481	378	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5483	0006435	5482	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	059184	95.9	268	1	2791	3088
5484	0006436	5483	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5485	0006437	5484	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5486	0006438	5485	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 2 6 6】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5487	0006439	5486	91	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0					
5488	0006440	5487	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5489	0006441	5488	320	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5490	0006442	5489	390	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5491	0006443	5490	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5492	0006444	5491	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5493	0006445	5492	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5494	0006446	5493	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5495	0006447	5494	196	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
5496	0006448	5495	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5497	0006449	5496	119	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5498	0006450	5497	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5499	0006451	5498	302	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5500	0006452	5499	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5501	0006453	5500	99	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5502	0006454	5501	209	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5503	0006455	5502	246	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5504	0006456	5503	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5505	0006457	5504	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5506	0006458	5505	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5507	0006459	5506	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5508	0006460	5507	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M59465	100	183	1	4244	4426
5509	0006461	5508	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図267】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5510	0006462	5509	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5511	0006463	5510	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5512	0006464	5511	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5513	0006465	5512	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5514	0006466	5513	357	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5515	0006467	5514	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5516	0006468	5515	175	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5517	0006469	5516	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5518	0006470	5517	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5519	0006471	5518	310	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5520	0006472	5519	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5521	0006473	5520	228	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5522	0006474	5521	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5523	0006475	5522	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5524	0006476	5523	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5525	0006477	5524	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X63657	94.5	235	1	1738	2272
5526	0006478	5525	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5527	0006481	5526	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X12510	95.6	250	1	760	1041
5528	0006482	5527	242	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5529	0006483	5528	394	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5530	0006484	5529	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5531	0006485	5530	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5532	0006486	5531	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5533	0006487	5532	274	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5534	0006488	5533	183	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5535	0006489	5534	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5536	0006490	5535	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5537	0006491	5536	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5538	0006492	5537	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5539	0006493	5538	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5540	0006496	5539	56	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5541	0006498	5540	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5542	0006499	5541	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5543	0006500	5542	98	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5544	0006501	5543	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5545	0006502	5544	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5546	0006503	5545	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5547	0006504	5546	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5548	0006505	5547	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5549	0006506	5548	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5550	0006507	5549	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5551	0006508	5550	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5552	0006509	5551	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5553	0006510	5552	466	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5554	0006511	5553	327	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5555	0006512	5554	70	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図269】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5556	0006513	5555	414	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5557	0006514	5556	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5558	0006515	5557	52	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	M36981	100	49	1	622	670
5559	0006516	5558	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5560	0006517	5559	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5561	0006518	5560	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5562	0006519	5561	168	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5563	0006520	5562	395	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5564	0006521	5563	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5565	0006522	5564	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5566	0006523	5565	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5567	0006524	5566	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5568	0006525	5567	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5569	0006526	5568	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5570	0006527	5569	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5571	0006528	5570	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5572	0006529	5571	421	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5573	0006530	5572	192	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5574	0006531	5573	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5575	0006532	5574	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5576	0006533	5575	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5577	0006536	5576	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5578	0006537	5577	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 270】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5579	0006538	5578	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5580	0006539	5579	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5581	0006540	5580	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5582	0006541	5581	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X02761	94.9	313	1	4357	7680
5583	0006542	5582	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5584	0006544	5583	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5585	0006545	5584	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5586	0006546	5585	87	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5587	0006547	5586	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5588	0006548	5587	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5589	0006549	5588	98	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5590	0006550	5589	64	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5591	0006551	5590	359	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5592	0006552	5591	357	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5593	0006553	5592	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5594	0006555	5593	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5595	0006556	5594	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5596	0006557	5595	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5597	0006558	5596	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5598	0006559	5597	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5599	0006560	5598	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5600	0006561	5599	314	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5601	0006563	5600	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 2 7 1】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5602	0005564	5601	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5603	0005565	5602	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5604	0005566	5603	271	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X07820	94.4	269	1	1374	1743
5605	0005567	5604	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5606	0005569	5605	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5607	0005570	5606	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5608	0005571	5607	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5609	0005572	5608	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5610	0005573	5609	63	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5611	0005574	5610	207	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5612	0005576	5611	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5613	0005577	5612	340	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5614	0005578	5613	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5615	0005579	5614	224	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	ML3509	98	203	1	1410	1970
5616	0005580	5615	344	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5617	0005581	5616	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	MS8460	98.9	177	1	1364	1542
5618	0005582	5617	148	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5619	0005583	5618	282	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5620	0005584	5619	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5621	0005585	5620	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5622	0005586	5621	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5623	0005587	5622	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5624	0005588	5623	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5625	0006590	5624	106	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5626	0006591	5625	358	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5627	0006592	5626	268	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M98479	92.4	250	1	1311	1557
5628	0006593	5627	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5629	0006594	5628	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5630	0006595	5629	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5631	0006596	5630	410	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5632	0006597	5631	79	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5633	0006598	5632	131	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5634	0006599	5633	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5635	0006600	5634	166	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M16006	90.1	162	1	2350	2876
5636	0006601	5635	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5637	0006602	5636	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	L12146	95.1	102	1	2123	2338
5638	0006603	5637	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5639	0006604	5638	78	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5640	0006605	5639	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5641	0006606	5640	102	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5642	0006607	5641	135	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
5643	0006608	5642	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5644	0006609	5643	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M10036	95	80	43	1483	1835
5645	0006610	5644	154	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5646	0006611	5645	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M14221	90	130	1	1709	2002
5647	0006612	5646	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 2 7 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5648	0006613	5647	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5649	0006614	5648	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5650	0006615	5649	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5651	0006616	5650	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5652	0006617	5651	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5653	0006618	5652	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	II1005	97.4	78	1	447	4524
5654	0006619	5653	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5655	0006620	5654	188	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5656	0006621	5655	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5657	0006623	5656	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5658	0006624	5657	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5659	0006625	5658	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5660	0006626	5659	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M20471	95.4	131	1	375	1105
5661	0006627	5660	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5662	0006628	5661	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5663	0006630	5662	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X66363	95.1	184	1	1479	1745
5664	0006631	5663	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5665	0006632	5664	66	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5666	0006633	5665	122	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5667	0006634	5666	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5668	0006635	5667	275	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5669	0006636	5668	170	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	X53743	97.6	167	1	1991	2156
5670	0006637	5669	115	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 2 7 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5671	0006638	5670	254	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5672	0006639	5671	305	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M38258	94.9	253	1	2320	2571
5673	0006640	5672	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5674	0006641	5673	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5675	0006642	5674	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5676	0006643	5675	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5677	0006645	5676	170	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5678	0006646	5677	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M59916	95.8	96	1	2074	2373
5679	0006647	5678	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5680	0006649	5679	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5681	0006650	5680	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5682	0006651	5681	393	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5683	0006652	5682	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5684	0006653	5683	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M81757	98.6	69	17	432	510
5685	0006654	5684	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5686	0006655	5685	224	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5687	0006656	5686	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5688	0006659	5687	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5689	0006660	5688	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5690	0006661	5689	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5691	0006662	5690	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5692	0006664	5691	289	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5693	0006666	5692	216	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	J05016	91.6	215	1	1912	2865

【図 2 7 5】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5694	000667	5693	350	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5695	000668	5694	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5696	000669	5695	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5697	000670	5696	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5698	000672	5697	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5699	000673	5698	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5700	000674	5699	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5701	000675	5700	267	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5702	000676	5701	61	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
5703	000677	5702	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5704	000678	5703	84	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5705	000679	5704	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5706	000680	5705	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5707	000681	5706	71	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5708	000682	5707	269	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5709	000683	5708	375	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
5710	000684	5709	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5711	000685	5710	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5712	000686	5711	366	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5713	000687	5712	336	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5714	000688	5713	363	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5715	000689	5714	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5716	000690	5715	318	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5717	0006691	5716	185	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5718	0006692	5717	130	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5719	0006693	5718	123	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5720	0006694	5719	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5721	0006696	5720	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5722	0006697	5721	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5723	0006698	5722	58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5724	0006699	5723	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5725	0006700	5724	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5726	0006701	5725	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5727	0006702	5726	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5728	0006703	5727	264	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5729	0006704	5728	247	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5730	0006705	5729	248	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5731	0006706	5730	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5732	0006707	5731	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5733	0006709	5732	371	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	01A5388	95.7	369	1	1826	2557
5734	0006710	5733	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5735	0006711	5734	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5736	0006712	5735	176	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5737	0006713	5736	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5738	0006714	5737	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0X15187	97.8	231	1	2537	2780
5739	0006715	5738	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 277】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5740	0006716	5739	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5741	0006717	5740	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5742	0006718	5741	331	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
5743	0006719	5742	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5744	0006720	5743	408	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5745	0006721	5744	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5746	0006722	5745	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5747	0006723	5746	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5748	0006724	5747	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5749	0006725	5748	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5750	0006726	5749	326	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
5751	0006727	5750	227	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5752	0006728	5751	324	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5753	0006730	5752	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5754	0006731	5753	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5755	0006732	5754	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5756	0006733	5755	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5757	0006734	5756	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5758	0006735	5757	222	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5759	0006736	5758	86	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5760	0006737	5759	391	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5761	0006739	5760	210	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5762	0006740	5761	223	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5763	0006742	5762	390	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5764	0006743	5763	271	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5765	0006744	5764	166	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
5766	0006745	5765	386	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5767	0006746	5766	260	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	I08488	100	253	1	1453	1705
5768	0006747	5767	183	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00815	98.8	172	1	7531	7702
5769	0006749	5768	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5770	0006750	5769	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5771	0006751	5770	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5772	0006752	5771	221	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5773	0006753	5772	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5774	0006754	5773	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5775	0006755	5774	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	U03548	94.6	129	1	1335	1463
5776	0006756	5775	244	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5777	0006757	5776	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5778	0006758	5777	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5779	0006759	5778	292	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5780	0006760	5779	313	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5781	0006762	5780	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5782	0006763	5781	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5783	0006764	5782	337	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M18217	91.4	336	1	292	946
5784	0006765	5783	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5785	0006766	5784	393	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

【図 2 7 9】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5786	0006767	5785	176	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5787	0006768	5786	178	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5788	0006769	5787	233	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5789	0006770	5788	374	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5790	0006771	5789	452	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5791	0006772	5790	257	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5792	0006773	5791	77	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5793	0006774	5792	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5794	0006775	5793	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5795	0006776	5794	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5796	0006777	5795	137	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5797	0006778	5796	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5798	0006780	5797	126	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1					
5799	0006781	5798	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5800	0006783	5799	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5801	0006784	5800	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5802	0006785	5801	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5803	0006786	5802	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
5804	0006787	5803	253	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1					
5805	0006788	5804	332	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5806	0006789	5805	284	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5807	0006790	5806	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
5808	0006791	5807	368	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					

【図280】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AE	AC	AD
5809	0006792	5808	174	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
5810	0006794	5809	366	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5811	0006795	5810	311	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5812	0006796	5811	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5813	0006797	5812	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5814	0006798	5813	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5815	0006800	5814	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5816	0006801	5815	333	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5817	0006802	5816	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5818	0006803	5817	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5819	0006804	5818	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5820	0006805	5819	243	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5821	0006806	5820	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5822	0006807	5821	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5823	0006808	5822	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5824	0006809	5823	275	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5825	0006810	5824	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5826	0006811	5825	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5827	0006812	5826	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5828	0006813	5827	127	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	107956	98.4	127	1	2780	2955
5829	0006815	5828	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5830	0006816	5829	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X06985	93.3	195	1	1175	1550
5831	0006817	5830	325	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

【図 281】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5832	0006818	5831	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5833	0006819	5832	167	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5834	0006820	5833	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5835	0006821	5834	349	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5836	0006823	5835	331	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5837	0006824	5836	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5838	0006825	5837	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5839	0006826	5838	129	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5840	0006827	5839	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5841	0006828	5840	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5842	0006829	5841	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5843	0006830	5842	323	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5844	0006831	5843	274	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5845	0006832	5844	344	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5846	0006833	5845	328	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5847	0006834	5846	239	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	005481	92.8	237	1	2363	2620
5848	0006835	5847	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5849	0006836	5848	32	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5850	0006837	5849	316	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5851	0006838	5850	308	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	003202	95.3	299	1	5002	5306
5852	0006839	5851	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5853	0006840	5852	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5854	0006841	5853	319	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5855	0006842	5854	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5856	0006843	5855	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5857	0006844	5856	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5858	0006845	5857	253	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5859	0006846	5858	137	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5860	0006848	5859	370	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5861	0006850	5860	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5862	0006851	5861	254	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5863	0006852	5862	345	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5864	0006854	5863	335	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5865	0006855	5864	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5866	0006856	5865	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5867	0006857	5866	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5868	0006858	5867	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5869	0006859	5868	171	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5870	0006863	5869	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5871	0006864	5870	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5872	0006865	5871	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5873	0006866	5872	117	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5874	0006867	5873	80	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6						
5875	0006868	5874	250	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	X13585	90.6	233	1	254	518
5876	0006869	5875	110	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5877	0006870	5876	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図 2 8 3】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5878	0006871	5877	388	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5879	0006872	5878	342	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5880	0006873	5879	330	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5881	0006874	5880	265	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5882	0006875	5881	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5883	0006876	5882	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5884	0006878	5883	237	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5885	0006879	5884	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5886	0006880	5885	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5887	0006881	5886	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5888	0006882	5887	247	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5889	0006883	5888	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5890	0006884	5889	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5891	0006885	5890	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5892	0006886	5891	339	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5893	0006887	5892	124	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5894	0006888	5893	380	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5895	0006889	5894	150	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5896	0006890	5895	276	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5897	0006891	5896	219	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5898	0006893	5897	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5899	0006894	5898	206	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5900	0006895	5899	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図 2 8 4】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5901	0006896	5900	197	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5902	0006897	5901	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5903	0006898	5902	111	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5904	0006899	5903	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5905	0006900	5904	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5906	0006901	5905	271	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M7378	94.8	269	1	1762	2155
5907	0006902	5906	317	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5908	0006903	5907	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5909	0006904	5908	263	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5910	0006906	5909	199	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5911	0006909	5910	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5912	0006910	5911	343	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5913	0006911	5912	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5914	0006912	5913	349	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5915	0006913	5914	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5916	0006915	5915	180	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5917	0006916	5916	247	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5918	0006917	5917	169	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5919	0006918	5918	226	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5920	0006919	5919	268	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5921	0006920	5920	214	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	J04569	97.6	210	1	2807	3017
5922	0006922	5921	153	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5923	0006923	5922	172	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図 285】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5924	0006927	5923	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X52203	92.3	91	1	816	906
5925	0006928	5924	228	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5926	0006929	5925	109	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5927	0006930	5926	160	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	I20046	96.8	158	1	3545	3702
5928	0006931	5927	77	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5929	0006932	5928	137	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	M27110	97.1	137	1	2343	2777
5930	0006933	5929	401	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5931	0006934	5930	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5932	0006935	5931	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5933	0006936	5932	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5934	0006937	5933	232	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5935	0006938	5934	290	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5936	0006939	5935	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5937	0006941	5936	255	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5938	0006942	5937	318	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5939	0006943	5938	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5940	0006945	5939	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5941	0006946	5940	211	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5942	0006947	5941	213	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5943	0006948	5942	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5944	0006949	5943	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5945	0006951	5944	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5946	0006952	5945	102	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図286】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5947	0006953	5946	97	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5948	0006954	5947	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5949	0006955	5948	128	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5950	0006956	5949	143	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5951	0006957	5950	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5952	0006958	5951	208	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5953	0006959	5952	258	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5954	0006960	5953	309	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M/2709	100	84	1	1634	1717
5955	0006961	5954	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5956	0006963	5955	341	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5957	0006964	5956	60	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5958	0006965	5957	358	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5959	0006966	5958	170	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5960	0006967	5959	187	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5961	0006969	5960	57	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5962	0006971	5961	288	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M/26066	94.6	279	1	2451	2815
5963	0006972	5962	345	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	T/4482	98.6	209	1	1691	1899
5964	0006973	5963	187	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5965	0006975	5964	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5966	0006976	5965	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5967	0006977	5966	138	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5968	0006978	5967	189	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5969	0006979	5968	98	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図 2 8 7】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5970	0006980	5969	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5971	0006981	5970	182	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5972	0006982	5971	87	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2					
5973	0006983	5972	315	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5974	0006984	5973	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5975	0006985	5974	322	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5976	0006986	5975	247	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5977	0006987	5976	51	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5978	0006988	5977	276	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5979	0006989	5978	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5980	0006990	5979	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5981	0006991	5980	267	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5982	0006992	5981	164	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5983	0006993	5982	340	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5984	0006994	5983	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5985	0006995	5984	204	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5986	0006996	5985	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5987	0006997	5986	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5988	0006998	5987	100	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5989	0006999	5988	65	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5990	0007000	5989	94	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5991	0007001	5990	89	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
5992	0007002	5991	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					

【図 288】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
5993	0007003	5992	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5994	0007004	5993	293	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5995	0007005	5994	113	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5996	0007006	5995	171	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5997	0007007	5996	74	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5998	0007008	5997	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5999	0007009	5998	185	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6000	0007011	5999	134	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6001	0007012	6000	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6002	0007013	6001	254	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6003	0007014	6002	120	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6004	0007015	6003	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6005	0007016	6004	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6006	0007017	6005	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6007	0007018	6006	110	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6008	0007020	6007	157	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6009	0007021	6008	329	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6010	0007022	6009	299	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6011	0007023	6010	85	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6012	0007025	6011	189	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6013	0007026	6012	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6014	0007027	6013	100	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6015	0007028	6014	163	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図289】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6016	0007029	6015	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6017	0007030	6016	249	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6018	0007031	6017	191	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6019	0007032	6018	236	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6020	0007033	6019	101	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6021	0007034	6020	193	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6022	0007035	6021	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6023	0007036	6022	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6024	0007037	6023	90	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6025	0007038	6024	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6026	0007039	6025	251	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6027	0007040	6026	76	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6028	0007041	6027	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6029	0007042	6028	199	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	X5699	92	199	1	300	501
6030	0007043	6029	231	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6031	0007044	6030	278	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6032	0007046	6031	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6033	0007047	6032	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6034	0007048	6033	213	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6035	0007049	6034	147	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6036	0007050	6035	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6037	0007052	6036	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6038	0007053	6037	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6039	0007054	6038	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6040	0007055	6039	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6041	0007056	6040	116	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6042	0007057	6041	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6043	0007058	6042	166	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6044	0007059	6043	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6045	0007060	6044	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	E12020	96.2	52	1	2320	2372
6046	0007061	6045	96	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6047	0007062	6046	191	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6048	0007063	6047	109	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6049	0007065	6048	216	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6050	0007066	6049	105	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6051	0007067	6050	298	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6052	0007068	6051	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M34671	94	248	1	1332	1671
6053	0007069	6052	135	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6054	0007071	6053	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6055	0007072	6054	272	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6056	0007074	6055	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6057	0007075	6056	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6058	0007076	6057	262	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6059	0007079	6058	294	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6060	0007080	6059	159	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6061	0007081	6060	91	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図 291】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6062	0007082	6061	194	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6063	0007083	6062	266	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6064	0007084	6063	256	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6065	0007085	6064	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6066	0007086	6065	146	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6067	0007087	6066	203	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6068	0007088	6067	72	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6069	0007089	6068	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6070	0007090	6069	133	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6071	0007091	6070	212	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6072	0007093	6071	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6073	0007094	6072	140	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6074	0007095	6073	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6075	0007096	6074	165	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6076	0007097	6075	114	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6077	0007098	6076	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6078	0007099	6077	131	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6079	0007100	6078	126	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6080	0007101	6079	79	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6081	0007102	6080	270	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6082	0007103	6081	125	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6083	0007104	6082	73	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
6084	0007105	6083	265	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2					

【図 2 9 2】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6085	0007106	6084	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6086	0007107	6085	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6087	0007108	6086	83	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6088	0007110	6087	157	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6089	0007111	6088	280	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6090	0007112	6089	205	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6091	0007113	6090	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04767	96	124	1	1743	1866
6092	0007114	6091	240	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6093	0007115	6092	328	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6094	0007116	6093	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6095	0007117	6094	132	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6096	0007118	6095	71	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6097	0007119	6096	118	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6098	0007120	6097	80	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6099	0007121	6098	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6100	0007122	6099	195	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6101	0007123	6100	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6102	0007124	6101	177	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6103	0007125	6102	304	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6104	0007126	6103	306	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6105	0007127	6104	215	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6106	0007128	6105	273	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6107	0007129	6106	250	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04882	91.6	227	1	669	1216

【図 293】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD	
6108	0007130	6107	106	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6109	0007131	6108	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6110	0007132	6109	335	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6111	0007133	6110	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6112	0007134	6111	279	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6113	0007135	6112	119	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6114	0007136	6113	315	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6115	0007137	6114	218	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6116	0007138	6115	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6117	0007139	6116	231	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6118	0007140	6117	379	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6119	0007141	6118	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6120	0007142	6119	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6121	0007143	6120	355	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6122	0007144	6121	122	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6123	0007145	6122	162	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6124	0007146	6123	179	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6125	0007147	6124	402	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6126	0007148	6125	214	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	J02611	90.8	217	1	502	809
6127	0007149	6126	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X13710	93.8	65	1	1039	1100
6128	0007150	6127	198	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6129	0007151	6128	190	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6130	0007152	6129	217	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図295】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6154	0007181	6153	259	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6155	0007182	6154	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6156	0007183	6155	92	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6157	0007185	6156	93	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6158	0007186	6157	155	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6159	0007187	6158	138	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6160	0007188	6159	158	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6161	0007189	6160	52	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6162	0007190	6161	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6163	0007191	6162	53	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6164	0007192	6163	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6165	0007193	6164	362	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6166	0007194	6165	149	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6167	0007195	6166	184	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6168	0007196	6167	196	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6169	0007199	6168	295	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6170	0007200	6169	312	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6171	0007201	6170	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6172	0007202	6171	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6173	0007204	6172	127	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6174	0007206	6173	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6175	0007209	6174	108	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6176	0007210	6175	120	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6177	0007211	6176	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6178	0007212	6177	186	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6179	0007213	6178	229	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6180	0007214	6179	50	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6181	0007215	6180	297	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6182	0007216	6181	191	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6183	0007217	6182	235	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6184	0007218	6183	181	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6185	0007219	6184	54	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
6186	0007220	6185	225	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6187	0007221	6186	291	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6188	0007222	6187	107	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X68148	92.3	104	1	1502	3031
6189	0007223	6188	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X65024	93.6	172	1	3234	3455
6190	0007224	6189	327	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6191	0007225	6190	156	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6192	0007226	6191	276	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6193	0007227	6192	151	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6194	0007228	6193	372	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6195	0007229	6194	174	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6196	0007230	6195	142	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6197	0007231	6196	139	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6198	0007232	6197	230	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6199	0007233	6198	173	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

【図297】

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U	V	W	X	Y	Z	AA	AB	AC	AD
6200	0007235	6199	103	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6201	0007238	6200	245	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6202	0007241	6201	136	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6203	0007243	6202	112	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6204	0007244	6203	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	05032	98.8	81	1	1573	2271
6205	0007245	6204	104	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
6206	GS	patent	size	F	hm	mm	pm	mp	40x	19xal	lg	ap	ae	cb	cm	sm	re	cc	ed	sq	hc	fc	za							

【書類名】 要約書

【要約】

【目的】 細胞の識別や異常の検出のためのプローブあるいはプライマーとして用いることができるDNAを提供する。

【構成】 種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3' 指向cDNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれるcDNA群を無作為に配列決定し、組織毎の各cDNAの出現頻度を調べた。

【効果】 各cDNAにはmRNA濃度に対応する組織毎の出現頻度情報が付加されているので、該cDNAは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

【選択図】 なし

【書類名】 職権訂正データ
【訂正書類】 特許願

<認定情報・付加情報>

【特許出願人】

【識別番号】 594082279
【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804
【氏名又は名称】 松原 謙一

【特許出願人】

【識別番号】 594082280
【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26
【氏名又は名称】 大久保 公策

【代理人】

申請人
【識別番号】 100075258
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 吉田 研二

【代理人】

申請人
【識別番号】 100081503
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 金山 敏彦

【代理人】

申請人
【識別番号】 100096976
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 石田 純

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号 [594082279]

1. 変更年月日 1993年11月12日
[変更理由] 新規登録
住 所 大阪府吹田市山田東3-18-1-804
氏 名 松原 謙一

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号 [594082280]

1. 変更年月日	1993年11月12日
[変更理由]	新規登録
住 所	大阪府箕面市瀬川2-11-26
氏 名	大久保 公策

